

International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances (INN)

Notice is hereby given that, in accordance with article 3 of the Procedure for the Selection of Recommended International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances, the names given in the list on the following pages are under consideration by the World Health Organization as Proposed International Nonproprietary Names. The inclusion of a name in the lists of Proposed International Nonproprietary Names does not imply any recommendation of the use of the substance in medicine or pharmacy.

Lists of Proposed (1–113) and Recommended (1–74) International Nonproprietary Names can be found in *Cumulative List No. 16, 2015* (available in CD-ROM only). The statements indicating action and use are based largely on information supplied by the manufacturer. **This information is merely meant to provide an indication of the potential use of new substances at the time they are accorded Proposed International Nonproprietary Names.** WHO is not in a position either to uphold these statements or to comment on the efficacy of the action claimed. Because of their provisional nature, these descriptors will neither be revised **nor included in the Cumulative Lists of INNs.**

Dénominations communes internationales des Substances pharmaceutiques (DCI)

Il est notifié que, conformément aux dispositions de l'article 3 de la Procédure à suivre en vue du choix de Dénominations communes internationales recommandées pour les Substances pharmaceutiques les dénominations ci-dessous sont mises à l'étude par l'Organisation mondiale de la Santé en tant que dénominations communes internationales proposées. L'inclusion d'une dénomination dans les listes de DCI proposées n'implique aucune recommandation en vue de l'utilisation de la substance correspondante en médecine ou en pharmacie.

On trouvera d'autres listes de Dénominations communes internationales proposées (1–113) et recommandées (1–74) dans la *Liste récapitulative No. 16, 2015* (disponible sur CD-ROM seulement). Les mentions indiquant les propriétés et les indications des substances sont fondées sur les renseignements communiqués par le fabricant. **Elles ne visent qu'à donner une idée de l'utilisation potentielle des nouvelles substances au moment où elles sont l'objet de propositions de DCI.** L'OMS n'est pas en mesure de confirmer ces déclarations ni de faire de commentaires sur l'efficacité du mode d'action ainsi décrit. En raison de leur caractère provisoire, ces informations **ne figureront pas dans les listes récapitulatives de DCI.**

Denominaciones Comunes Internacionales para las Sustancias Farmacéuticas (DCI)

De conformidad con lo que dispone el párrafo 3 del "Procedimiento de Selección de Denominaciones Comunes Internacionales Recomendadas para las Sustancias Farmacéuticas", se comunica por el presente anuncio que las denominaciones detalladas en las páginas siguientes están sometidas a estudio por la Organización Mundial de La Salud como Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas. La inclusión de una denominación en las listas de las DCI Propuestas no supone recomendación alguna en favor del empleo de la sustancia respectiva en medicina o en farmacia.

Las listas de Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (1–113) y Recomendadas (1–74) se encuentran reunidas en *Cumulative List No. 16, 2015* (disponible sólo en CD-ROM). Las indicaciones sobre acción y uso que aparecen se basan principalmente en la información facilitada por los fabricantes. **Esta información tiene por objeto dar una idea únicamente de las posibilidades de aplicación de las nuevas sustancias a las que se asigna una DCI Propuesta.** La OMS no está facultada para respaldar esas indicaciones ni para formular comentarios sobre la eficacia de la acción que se atribuye al producto. Debido a su carácter provisional, esos datos descriptivos **no deben incluirse en las listas recapitulativas de DCI.**

Proposed International Nonproprietary Names: List 117

Comments on, or formal objections to, the proposed names may be forwarded by any person to the INN Programme of the World Health Organization within four months of the date of their publication in *WHO Drug Information*, i.e., for **List 117 Proposed INN not later than 6 November 2017**.

Publication date: 7 July 2017

Dénominations communes internationales proposées: Liste 117

Des observations ou des objections formelles à l'égard des dénominations proposées peuvent être adressées par toute personne au Programme des Dénominations communes internationales de l'Organisation mondiale de la Santé dans un délai de quatre mois à compter de la date de leur publication dans *WHO Drug Information*, c'est à dire pour la **Liste 117 de DCI Proposées le 6 novembre 2017 au plus tard**.

Date de publication: 7 juillet 2017

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas: Lista 117

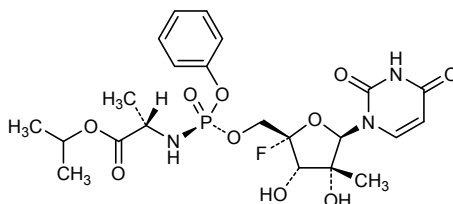
Cualquier persona puede dirigir observaciones u objeciones respecto de las denominaciones propuestas, al Programa de Denominaciones Comunes Internacionales de la Organización Mundial de la Salud, en un plazo de cuatro meses, contados desde la fecha de su publicación en *WHO Drug Information*, es decir, para la **Lista 117 de DCI Propuestas el 6 de Noviembre de 2017 a más tardar**.

Fecha de publicación: 7 de Julio de 2017

Proposed INN (Latin, English, French, Spanish)	Chemical name or description: Action and use: Molecular formula Chemical Abstracts Service (CAS) registry number: Graphic formula
DCI Proposée	
DCI Propuesta	Nom chimique ou description: Propriétés et indications: Formule brute Numéro dans le registre du CAS: Formule développée Nombre químico o descripción: Acción y uso: Fórmula molecular Número de registro del CAS: Fórmula desarrollada
adafosbuvirum adafosbuvir	propan-2-yl N-[(P ^{5'} S)-4'-fluoro-2'-C-methyl-P-O-phenyl-5'-uridylyl]-L-alaninate <i>antiviral</i>
adafosbuvir	N-[(P ^{5'} S)-4'-fluoro-2'-C-méthyl-P-O-phényl-5'-uridylyl]-L-alaninate de propan-2-yle <i>antiviral</i>
adafosbuvir	N-[(P ^{5'} S)-4'-fluoro-2'-C-metil-P-O-fenil-5'-uridilil]-L-alaninato de propan-2-ilo <i>antiviral</i>

C₂₂H₂₉FN₃O₁₀P

1613589-09-5

**adarigilinum**

adarigiline

(4-hydroxypiperidin-1-yl){5-[4-methyl-5-(trifluoromethyl)-1,2-oxazol-3-yl]thiophen-2-yl}methanone
monoamine oxidase B inhibitor

adarigiline

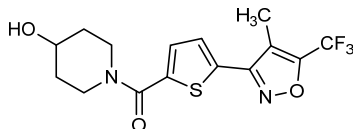
(4-hydroxypipéridin-1-yl){5-[4-méthyl-5-(trifluorométhil)-1,2-oxazol-3-yl]thiophén-2-yl}méthanone
inhibiteur de la monoamine oxydase de type B

adarigilina

(4-hidroxi-piperidin-1-il){5-[4-metil-5-(trifluorometil)-1,2-oxazol-3-il]tíofeno-2-il}metanona
inhibidor de la monoamina oxidasa de tipo B

C₁₅H₁₅F₃N₂O₃S

1124197-79-0

**adavivintum**

adavivint

N-(5-{3-[7-(3-fluorophenyl)-1H-imidazo[4,5-c]pyridin-2-yl]-1H-indazol-5-yl}pyridin-3-yl)-3-methylbutanamide
Wnt pathway inhibitor, immunomodulator

adavivint

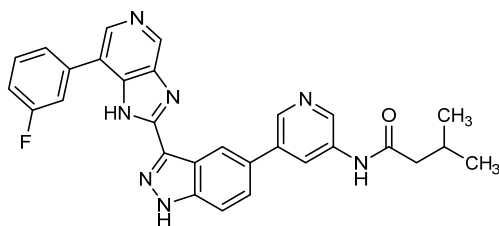
N-(5-{3-[7-(3-fluorophényl)-1H-imidazo[4,5-c]pyridin-2-yl]-1H-indazol-5-yl}pyridin-3-yl)-3-méthylbutanamide
inhibiteur de la voie Wnt, immunomodulateur

adavivint

N-(5-{3-[7-(3-fluorofenil)-1H-imidazo[4,5-c]piridin-2-il]-1H-indazol-5-il}piridin-3-il)-3-metilbutanamida
inhibidor de la vía Wnt, inmunomodulador

C₂₉H₂₄FN₇O

1467013-03-3



adavosertibum

adavosertib

1-[6-(2-hydroxypropan-2-yl)pyridin-2-yl]-6-[4-(4-methylpiperazin-1-yl)anilino]-2-(prop-2-en-1-yl)-1,2-dihydro-3*H*-pyrazolo[3,4-*d*]pyrimidin-3-one
antineoplastic

adavosertib

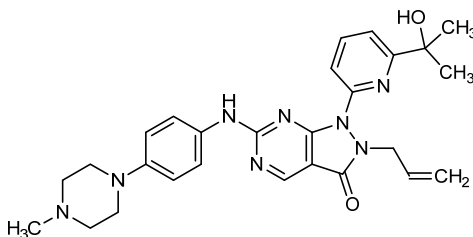
1-[6-(2-hydroxypropan-2-yl)pyridin-2-yl]-6-[4-(4-méthylpipérazin-1-yl)anilino]-2-(prop-2-én-1-yl)-1,2-dihydro-3*H*-pyrazolo[3,4-*d*]pyrimidin-3-one
antinéoplasique

adavosertib

1-[6-(2-hidroxiopropan-2-il)piridin-2-il]-6-[4-(4-metilpiperazin-1-il)anilino]-2-(prop-2-en-1-il)-1,2-dihidro-3*H*-pirazolo[3,4-*d*]pirimidin-3-ona
antineoplásico

C₂₇H₃₂N₈O₂

955365-80-7

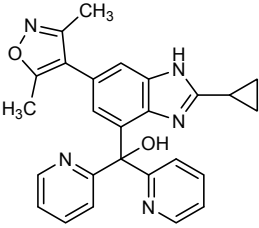
**adimlecleucelum**

adimlecleucel

Human culture enriched allogenic Cytomegalovirus-specific cytotoxic T cells (CMV-CTL) for cell-based therapy. Cells are isolated from blood of CMV seropositive healthy human donors. CMV-CTLs exhibit human leukocyte antigen (HLA)-restricted cytotoxic activity against CMV+ cells in allogeneic hematopoietic cell or solid organ transplant patients with CMV infection.
cell therapy substance (transplantation)

adimlecleucel

Lymphocytes T cytotoxiques spécifiques du cytomégalovirus (CMV-CTL), allogéniques, humains, enrichis en culture pour thérapie cellulaire. Les cellules sont isolées à partir du sang de donneurs humains sains séropositifs au CMV. Les CMV-CTL montrent une activité cytotoxique restreinte à l'antigène leucocytaire humain (HLA) contre les cellules CMV+ chez des patients transplantés avec des cellules hématopoïétiques allogéniques ou avec un organe solide, et souffrants d'une infection à CMV.
substance pour thérapie cellulaire (transplantation)

adimlecleucel	Linfocitos T citotóxicos específicos del virus de Citomegalovirus (CMV-CTL), alogénicos, humanos, enriquecidos en cultivo para terapia celular. Las células están asiladas a partir de sangre de donantes humanos sanos seropositivo para CMV. Los CMV-CTLs muestran actividad citotóxica restringida por HLA contra células CMV+ en pacientes trasplantados con células hematopoyéticas alogénicas u órgano sólido con infección por CMV. <i>sustancia de terapia celular (trasplante)</i>
alirinetidum alirinetide	L-phenylalanyl-L-seryl-L-arginyl-L-tyrosyl-L-alanyl-L-arginine <i>neurological agent</i>
alirinétide	L-phénylalanyl-L-séryl-L-arginyl-L-tyrosyl-L-alanyl-L-arginine <i>agent neurologique</i>
alirinetida	L-fenilalanil-L-seril-L-arginil-L-tirosil-L-alanil-L-arginina <i>agente neurológico</i>
	$C_{36}H_{54}N_{12}O_9$ 725715-18-4 H-Phe-Ser-Arg-Tyr-Ala-Arg-OH
alobresibum alobresib	[2-cyclopropyl-6-(3,5-dimethyl-1,2-oxazol-4-yl)-1H-benzimidazol-4-yl]di(pyridin-2-yl)methanol <i>antineoplastic</i>
alobrésib	[2-cyclopropyl-6-(3,5-diméthyl-1,2-oxazol-4-yl)-1H-benzimidazol-4-yl]di(pyridin-2-yl)méthanol <i>antinéoplasique</i>
alobresib	[2-ciclopropil-6-(3,5-dimetil-1,2-oxazol-4-il)-1H-benzimidazol-4-il]di(piridin-2-il)metanol <i>antineoplásico</i>
	$C_{26}H_{23}N_5O_2$ 1637771-14-2
	
arfolitixorinum arfolitixorin	N-{4-[(6aR)-3-amino-1-oxo-1,2,5,6,6a,7-hexahydroimidazo[1,5-f]pteridin-8(9H)-yl]benzoyl}-L-glutamic acid <i>antifolate modulator</i>

arfolitixorine

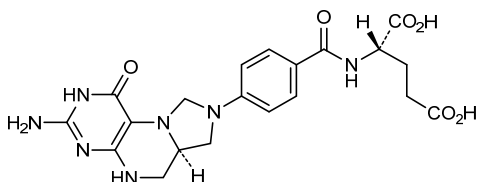
acide *N*-{4-[(6a*R*)-3-amino-1-oxo-1,2,5,6,6a,7-hexahydroimidazo[1,5-*f*]ptéridin-8(9*H*)-yl]benzoyl}-L-glutamique
modulateur antifolate

arfolitixorina

ácido *N*-{4-[(6a*R*)-3-amino-1-oxo-1,2,5,6,6a,7-hexahidroimidazo[1,5-*f*]pteridin-8(9*H*)-il]benzoil}-L-glutámico
modulador antifolato

C₂₀H₂₃N₇O₆

31690-111-6



asivatrepum

asivatrep

(2*E*)-*N*-{[(1*R*)-1-[3,5-difluoro-4-(methanesulfonamido)phenyl]ethyl]-3-[2-propyl-6-(trifluoromethyl)pyridin-3-yl]prop-2-enamide
transient receptor potential vanilloid 1 (TRPV1) antagonist

asivatrep

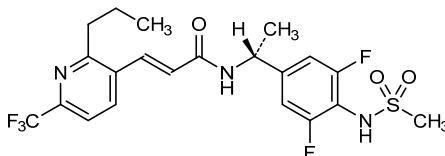
(2*E*)-*N*-{[(1*R*)-1-[3,5-difluoro-4-(méthanesulfonamido)phényl]éthyl]-3-[2-propyl-6-(trifluorométhyl)pyridin-3-yl]prop-2-énamide
antagoniste des récepteurs membranaires vanilloïdes sous-type 1

asivatrep

(2*E*)-*N*-{[(1*R*)-1-[3,5-difluoro-4-(metanosulfonamido)fenil]etil]-3-[2-propil-6-(trifluorometil)piridin-3-il]prop-2-enamida
Antagonista de los receptores membranarios vaniloïdes subtipo 1

C₂₁H₂₂F₅N₃O₃S

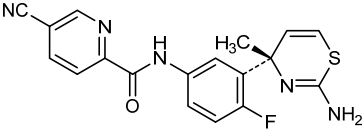
1005168-10-4



atabecestatum

atabecestat

N-{3-[(4*S*)-2-amino-4-methyl-4*H*-1,3-thiazin-4-yl]-4-fluorophenyl}-5-cyanopyridine-2-carboxamide
beta-secretase inhibitor

atabécestat	<i>N</i> -{3-[(4 <i>S</i>)-2-amino-4-méthyl-4 <i>H</i> -1,3-thiazin-4-yl]-4-fluorophényl}-5-cyanopyridine-2-carboxamide <i>inhibiteur de la sécrétase bêta</i>
atabecestat	<i>N</i> -{3-[(4 <i>S</i>)-2-amino-4-metil-4 <i>H</i> -1,3-tiazin-4-il]-4-fluorofenil}-5-cianopiridina-2-carboxamida <i>inhibidor de la secretasa beta</i>
	C ₁₈ H ₁₄ FN ₅ OS 1200493-78-2
	
atidortoxumabum # atidortoxumab	immunoglobulin G1-kappa, anti-[<i>Staphylococcus aureus</i> alpha toxin (AT, alpha-hemolysin, alpha-HL, hly, hla) and bi-component leukocidins (HlgAB, HlgCB, LukED, and LukSF (Panton-Valentine leukocidin, PVL))], <i>Homo sapiens</i> monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-448) [<i>Homo sapiens</i> VH (IGHV4-38-2*01 (92.90%) -(IGHD) -IGHJ6*03) [9.7.12] (1-119) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), hinge (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS K2>del (448)) (120-448)], (222-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [<i>Homo sapiens</i> V-KAPPA (IGKV1-12*01 (95.80%) -IGKJ4*01) [6.3.9] (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide <i>immunomodulator</i>
atidortoxumab	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Staphylococcus aureus</i> toxine alpha (AT, hémolysine alpha, HL-alpha, hly, hla) et leucocidines à deux composants (HlgAB, HlgCB, LukED, LukSF (leucocidine de Panton-Valentine, PVL))], <i>Homo sapiens</i> anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-448) [<i>Homo sapiens</i> VH (IGHV4-38-2*01 (92.90%) -(IGHD) -IGHJ6*03) [9.7.12] (1-119) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), charnière (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS K2>del (448)) (120-448)], (222-214')-disulfure avec la chaîne légère (1'-214') [<i>Homo sapiens</i> V-KAPPA (IGKV1-12*01 (95.80%) -IGKJ4*01) [6.3.9] (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure <i>immunomodulateur</i>
atidortoxumab	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Staphylococcus aureus</i> toxina alfa (AT, hemolisina alfa, HL-alfa, hly, hla) y leucocidinas con dos componentes (HlgAB, HlgCB, LukED, LukSF (Panton-Valentine leukocidina, PVL))], <i>Homo sapiens</i> anticuerpo monoclonal;

cadena pesada gamma1 (1-448) [*Homo sapiens* VH (IGHV4-38-2*01 (92.90%) -(IGHD) -IGHJ6*03) [9.7.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), bisagra (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS K2>del (448)) (120-448)], (222-214')-disulfuro con la cadena ligera (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-12*01 (95.80%) -IGKJ4*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro
inmunomodulador

1939108-95-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLQESGPG LVRPSETLSL TCAVSGYSIS SGMGWGWIRQ PPGKGLEWIG 50
SIDQRGSTYY NPSLKSRTVI SVDTSKNQFS LKLSSVTAAD TAVYYCARD 100
GHAVDMDVWG KGTTVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPVAVLQSSG LYSLSSTVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHHKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCP CPAPPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTPE VTCVVDVSH EDEPVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREQYNS 300
TYRVVSVLTIV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTIK AKGQPREPQV 350
YTLFPPSRDEL TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCVM HEALHNYTQ KSLSLSPG 448
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS VASVSGDRVIT ITCRASQGIS RFLAWYQQKF GKAPKLLIYA 50
ASSLQSGVPS RFGSGSGTD FTLTISLQP EDFATYYCQQ GYVFPPLTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGE 214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427
22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-214' 222"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires

complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados

G0F 46%, G1F 39.9%

avadomidum

avadomide

rac-(3*R*)-3-(5-amino-2-methyl-4-oxoquinazolin-3(4*H*)-yl)piperidine-2,6-dione
antineoplastic

avadomide

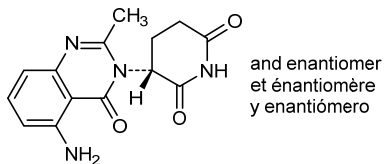
rac-(3*R*)-3-(5-amino-2-méthyl-4-oxoquinazolin-3(4*H*)-yl)pipéridine-2,6-dione
antineoplasique

avadomida

rac-(3*R*)-3-(5-amino-2-metil-4-oxoquinazolin-3(4*H*)-il)piperidina-2,6-diona
antineoplásico

C₁₄H₁₄N₄O₃

1015474-32-4



avalglucosidasum alfa #
avalglucosidase alfa

mutated human acid α -glucosidase produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa, conjugated to a synthetic branched hexasaccharide containing two terminal mannose-6-phosphate (M6P), via aminoxy linkers;

[His¹⁴³>Arg,Arg¹⁶⁷>His,Val⁷²⁴>Ile]prepro-lysosomal α -glucosidase (EC=3.2.1.20) (human) (57-952)-peptide, expressed in CHO cells, glycoform alfa, with 5~9 sialyl end groups of glycan residues being oxidized and chemically modified to 5-acetamido-3,5,7-trideoxy-7-[(E)-(2-oxo-2-{2-[4-({O-(6-O-phosphono- α -D-mannopyranosyl)-(1 $\rightarrow$ 2)-O- α -D-mannopyranosyl-(1 $\rightarrow$ 6)-O- α -D-mannopyranosyl-(1 $\rightarrow$ 6)-O-[O-(6-O-phosphono- α -D-mannopyranosyl)-(1 $\rightarrow$ 2)-O- α -D-mannopyranosyl-(1 $\rightarrow$ 3)]- β -D-mannopyranosyl]oxy)butanoyl]hydrazinyl]ethoxy)imino]- β -L-arabino-2-heptulo-2,6-pyranosylonic acid groups
enzyme replacement therapy

avalglucosidase alfa

α -glucosidase acide humaine modifiée, produite dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa, liée à un hexasaccharide de synthèse dont les résidus terminaux sont deux mannose-6-phosphates via un groupe aminoxy;

[His¹⁴³>Arg,Arg¹⁶⁷>His,Val⁷²⁴>Ile]prépro- α -glucosidase lysosomale (EC=3.2.1.20) (humaine) (57-952)-peptide, exprimé dans des cellules CHO, glycoforme alfa: 5~9 résidus sialyl terminaux sont oxydés et chimiquement modifiés en acide 5-acétamido-3,5,7-tridésoxy-7-[(E)-(2-oxo-2-{2-[4-({O-(6-O-phosphono- α -D-mannopyranosyl)-(1 $\rightarrow$ 2)-O- α -D-mannopyranosyl-(1 $\rightarrow$ 6)-O- α -D-mannopyranosyl-(1 $\rightarrow$ 6)-O-[O-(6-O-phosphono- α -D-mannopyranosyl)-(1 $\rightarrow$ 2)-O- α -D-mannopyranosyl-(1 $\rightarrow$ 3)]- β -D-mannopyranosyl]oxy)butanoyl]hydrazinyl]éthoxy)imino]- β -L-arabino-2-heptulo-2,6-pyranosylonique
traitement enzymatique substitutif

avalglucosidasa alfa

α -glucosidasa ácida humana modificada, producida en las células ováricas de hamster chino (CHO), glicofoma alfa, conjugada con un glicano hexasacáridico sintético que contiene dos manosa-6-fosfatos (M6Ps) terminales, vía un grupo aminoxy;

[His¹⁴³>Arg,Arg¹⁶⁷>His,Val⁷²⁴>Ile]prepro- α -glucosidasa lisosomal (EC=3.2.1.20) (humana) (57-952)-péptido, expresada en las células CHO, glicoforma alfa: con los 5~9 restos sialil terminales están oxidados y químicamente modificados en ácido 5-acetamido-3,5,7-tridesoxi-7-[(E)-(2-oxo-2-{2-[4-({O-(6-O-fosfono- α -D-manopiranosil)-(1 $\rightarrow$ 2)-O- α -D-manopiranosil-(1 $\rightarrow$ 6)-O- α -D-manopiranosil-(1 $\rightarrow$ 6)-O-[O-(6-O-fosfono- α -D-manopiranosil)-(1 $\rightarrow$ 2)-O- α -D-manopiranosil-(1 $\rightarrow$ 3)]- β -D-manopiranosil}oxi)butanoil]hidrazinil]etoxi]imino]- β -L-arabino-2-heptulo-2,6-piranosilónico
tratamiento enzimático de sustitución

1802558-87-7

Sequence / Séquence / Secuencia

```

QQGASRPGPR DAQAHGPRPR AVPTQCDVPP NSRFDCAPOK AITQEQCEAR 50
GCCYIPAKQG LQAQMGQPW CFFPPSPSY KLENLSSEM GYTATLTRTT 100
PTFFPKDILT LRLDVMMETE NRLHFTIKDP ANRRYEVPLE TPRVHSRAPS 150
PLYSVEFSEE PFGVIVHRQL DGRVLLNTTV APLFFADQFL QLSTSLPSQY 200
ITGLAEHLSP LMLSTSWTRI TLWNRDLAPT PGANLYGSHF FYLALEDGGS 250
AHGVFLLNSN AMDVVLQPSF ALSWRSTGGI LDVYIFLGPE PKSVVQQYLD 300
VVGVPFMPFY WGLGFHLCRW GYSSTAITRQ VVENMTRAHF PLDVQWNDLD 350
YMDSRDFTF NKDGFDFPA MVQELHQGR RYMMIVDPAI SSSGPAGSYR 400
PYDEGLRRGV FITNETGQPL IGKVWPGSTA FPDFTNPTAL AWWEDMVAEF 450
HDQVPFDGMW IDMNPSNFI RGSDEGCPNN ELENPPYVPG VVGGLQAAT 500
ICASSHQFLS THYNLHNLGY LTAIAASHRA LVKARGTRPF VISRSTFAGH 550
GRYAGHWTGD VWSSWEQLAS SVPEILQFNL LGVPLVGADV CGFLGNTSEE 600
LCVRWTQLGA FYPFMRNHSN LLSLPQEPYS FSEPAQQAMR KALTLRYALL 650
PHLYTLFHQA HVAGETVARP LFLEFPKDS TWTVDHQLLW GEALLITPVL 700
QAGKAETVGY FPLGTWYDLQ TVPIEALGSL PPPPAAPREP AIHSEGWVWT 750
LPAPLDTINV HLRAGYIIPL QGFGLTTTES RQQPMALAVA LTKGGEARGE 800
LFWDDGESLE VLREGAYTQV IFLARNTTIV NELVRVTSEG AGLQLQKVTV 850
LGVATAPQQV LSNQVPVSNF TYSPTDKVLD ICVSLLMGEQ FLVSWC 896

```

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
26-53 36-52 47-71 477-502 591-602 882-896

Glycosylation sites (N) / Sites de glycosylation (N) / Posiciones de glicosilación (N)
Asn-84 Asn-177 Asn-334 Asn-414 Asn-596 Asn-826 Asn-869

Methionine S-oxide / S-Oxide de méthionine / S-Óxido de metionina (~50 %)
Met-66 Met-90 Met-116 Met-117

avapritinibum

avapritinib

(1S)-1-(4-fluorophenyl)-1-(2-{4-[6-(1-methyl-1H-pyrazol-4-yl)pyrrolo[2,1-f][1,2,4]triazin-4-yl]piperazin-1-yl}pyrimidin-5-yl)ethan-1-amine

tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

avapritinib

(1S)-1-(4-fluorophényl)-1-(2-{4-[6-(1-méthyl-1H-pyrazol-4-yl)pyrrolo[2,1-f][1,2,4]triazin-4-yl]pipérazin-1-yl}pyrimidin-5-yl)éthan-1-amine

inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

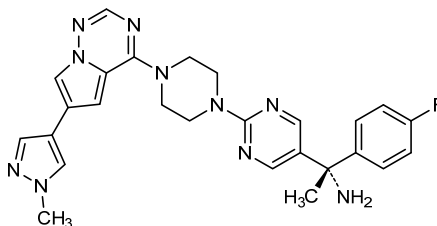
avapritinib

(1S)-1-(4-fluorofenil)-1-(2-{4-[6-(1-metil-1H-pirazol-4-il)pirrolo[2,1-f][1,2,4]triazin-4-il]piperazin-1-il}pirimidin-5-il)etan-1-amina

inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₂₆H₂₇N₁₀

1703793-34-3

**axicabtagenum ciloleucelum #**

axicabtagene ciloleucel

Human culture expanded genetically modified autologous T cells for cell-based gene therapy. Cells are derived from isolated blood of the patient and are transduced with non-replicative retroviral vector encoding the FMC63 anti-CD19 single chain variable fragment (scFv) CD28/CD3zeta chimeric antigen receptor (FMC63-28Z CAR). Cells exhibit anti-tumoral activity in patients with CD19-expressing B cell malignancies.

cell genetically modified (antineoplastic)

axicabtagène ciloleucel

Lymphocytes T humains autologues en culture d'expansion et modifiés génétiquement pour thérapie génique avec cellules. Les cellules sont dérivées du sang prélevé chez le patient et sont transduites avec un vecteur rétroviral non-répliquant codant pour le récepteur de l'antigène chimérique FMC63 anti-CD-19 fragment de la chaîne simple de la région variable de l'anticorps (scFv) CD28/CD3zêta (FMC63-28Z CAR). Les cellules montrent une activité anti-tumorale chez les patients présentant des lymphocytes B malins exprimant le CD19.

cellule génétiquement modifiée (antineoplasique)

axicabtagén ciloleucel

Linfocitos T autólogos, humanos, expandidos en cultivo y modificados genéticamente, para terapia génica con células. Las células se derivan a partir de sangre aislada del paciente y están transducidas con un vector retroviral no replicativo que codifica para el receptor de antígenos quimérico FMC63 anti-CD19 fragmento de cadena simple de la región variable del anticuerpo (scFv) CD28/CD3zeta (FMC63-28Z CAR). Las células muestran actividad anti-tumoral en pacientes con malignidades de linfocitos B que expresan CD19.

célula modificada genéticamente (antineoplásico)

beinaglutidum

beinaglutide

human glucagon-like peptide-1 (7-36)-peptide (GLP-1-(7-36))

antidiabetic

béinaglutide

peptide 1 semblable au glucagon humain (7-36) (GLP-1-(7-36))

antidiabétique

beinaglutida	péptido tipo 1 similar al glucagón humano (7-36) (GLP-1-(7-36)) <i>hipoglucemiante</i> $C_{149}H_{225}N_{39}O_{46}$ 123475-27-4 HAEGTFTSDV SSYLEGQAAK EFWALVKGR 30
bemarituzumabum # bemarituzumab	immunoglobulin G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> FGFR2 (fibroblast growth factor receptor 2, keratinocyte growth factor receptor, KGFR, bacteria-expressed kinase, BEK, craniofacial dysostosis I, CFDI, Jackson-Weiss syndrome, JWS, CD332) isoform b (FGFR2b)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-444) [humanized VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-46*01 (80.60%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.7] (1-114) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (211) (115-212), hinge (213-227), CH2 (228-337), CH3 E12 (353), M14 (355) (338-442), CHS (443-444)) (115-444)], (217-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [humanized V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-33*01 (85.30%) -IGKJ2*01) [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (223-223":226-226")-bisdisulfide <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
bémarituzumab	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> FGFR2 (récepteur 2 du facteur de croissance des fibroblastes, récepteur du facteur de croissance des kératinocytes, KGFR, kinase exprimée dans des bactéries, BEK, dysostose craniofaciale I, CFDI, syndrome de Jackson-Weiss, JWS, CD332) isoforme b (FGFR2b)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma1 (1-444) [VH humanisé (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-46*01 (80.60%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.7] (1-114) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (211) (115-212), charnière (213-227), CH2 (228-337), CH3 E12 (353), M14 (355) (338-442), CHS (443-444)) (115-444)], (217-214')-disulfure avec la chaîne légère (1'-214') [V-KAPPA humanisé (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-33*01 (85.30%) -IGKJ2*01) [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (223-223":226-226")-bisdisulfure <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
bemarituzumab	immunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> FGFR2 (receptor 2 del factor de crecimiento de fibroblastos, receptor del factor de crecimiento de keratinocitos, KGFR, kinasa expresada en bacterias, BEK, disostosa craneofacial I, CFDI, síndrome de Jackson-Weiss, JWS, CD332) isoforma b (FGFR2b)], anticuerpo monoclonal humanizado;

cadena pesada gamma1 (1-444) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (80.60%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.7] (1-114) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (211) (115-212), bisagra (213-227), CH2 (228-337), CH3 E12 (353), M14 (355) (338-442), CHS (443-444)) (115-444)], (217-214')-disulfuro con la cadena ligera (1'-214') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (85.30%) -IGKJ2*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (223-223":226-226")-bisdisulfuro
inmunomodulador, antineoplásico

1952272-74-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SKKASGYIFT TYNVHWVRQA PGQGLEWIGS 50
IYPDNGDTSY NQNFKGRATI TADKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCARGD 100
FAYWQCGTLV TVSSASTKGP SVFELAPSSK STSGGTALG CLVKDYFPEP 150
VTVSWSNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSLS SVTVTPSSSL CTQTYICNVN 200
HKPSNTKVDK RVEPKSCDKT HTCPPCPAPE LLGGPSVFLF PPKPKDTLMI 250
SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV KFNWYVDGVE VHNAKTKPRE EQYNSTYRVV 300
SVLTFLHQDW LNGKEYKCKV SNKALPAPIE KTISKARGQP REPQVYTLPP 350
SREEMTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES NGQPENNYKT TPPVLDSDGS 400
FFLYSKLTVD KSRWQQGNVF SCSVMHEALH NHYTQKLSLS SPGR 444

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCKASQGVN NDVAWYQQKPK GKAPKLLIYS 50
ASYRYTGVPS RFGSGSGTD FTFTISSLQP EDIATYYCQQ HSTTPYTFGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 141-197 258-318 364-422

22"-96" 141"-197" 258"-318" 364"-422"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"

23'"-88'" 134'"-194'"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 217-214' 217"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 223-223" 226-226"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

294, 294"

Afucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes afucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos afucosilados

bemcentinibum

bemcentinib

1-(6,7-dihidro-5*H*-benzo[6,7]ciclohepta[1,2-*c*]piridazin-3-yl)-*N*³-[(7*S*)-7-(pyrrolidin-1-yl)-6,7,8,9-tetrahidro-5*H*-benzo[7]annulen-2-yl]-1*H*-1,2,4-triazole-3,5-diamine
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

bemcentinib

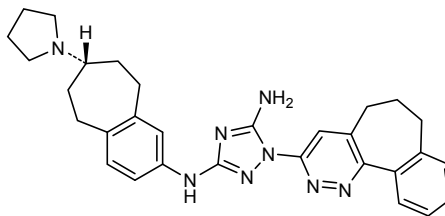
1-(6,7-dihidro-5*H*-benzo[6,7]ciclohepta[1,2-*c*]piridazin-3-yl)-*N*³-[(7*S*)-7-(pyrrolidin-1-yl)-6,7,8,9-tétrahidro-5*H*-benzo[7]annulén-2-yl]-1*H*-1,2,4-triazole-3,5-diamine
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

bemcentinib

1-(6,7-dihidro-5*H*-benzo[6,7]ciclohepta[1,2-*c*]piridazin-3-il)-*N*³-[(7*S*)-7-(pirrolidin-1-il)-6,7,8,9-tetrahidro-5*H*-benzo[7]anulen-2-il]-1*H*-1,2,4-triazol-3,5-diamina
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₃₀H₃₄N₈

1037624-75-1



berdazimerum natricum
berdazimer sodium

polysodium poly{[3-(methylamino)propyl]silasesquioxane}-
co-[[3-(1-methyl-2-nitroso-2-oxidohydrazin-1-
yl)propyl]silasesquioxane]-co-silicate (1:3:6 x)], partially
hydrolysed (Si : OH ~ 10 : 5)
antimicrobial

berdazimère sodique

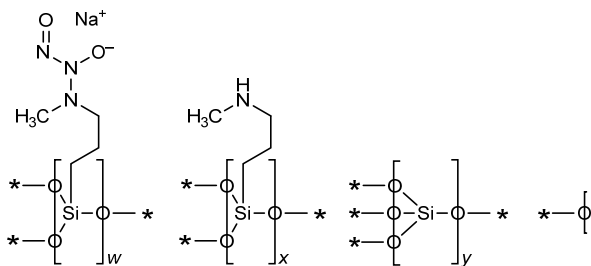
poly{[3-(méthylamino)propyl]silasesquioxane}-co-[[3-(1-
méthyl-2-nitroso-2-oxidohydrazin-1-
yl)propyl]silasesquioxane]-co-silicate (1:3:6 x)]
polysodique, partiellement hydrolysé (Si : OH ~ 10 : 5)
antimicrobien

berdazímero de sodio

poli{[3-(metilamino)propil]silasesquioxano}-co-[[3-(1-metil-
2-nitroso-2-oxidohidrazin-1-il)propil]silasesquioxano]-co-
silicato (1:3:6 x)] polisódico, parcialmente hidrolizado (Si :
OH ~ 10 : 5)
antimicrobiano

[(C₄ H₉ N₃ Na O_{3.5} Si)₃ (C₄ H₁₀ N O_{1.5} Si) (Si O₂)₆ (H O_{0.5})₅]_{0.1n}

1846565-00-1



w : x : y : z = 3 : 1 : 6 : ~5

berlimatoxumabum #

berlimatoxumab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Staphylococcus aureus* LukGH (LukAB) bi-component leukocidin], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain (1-448) [*Homo sapiens* VH (IGHV4-39*01 (94.90%) -(IGHD) -IGHJ6*04) [10.7.11] (1-119) - *Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), hinge (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS K2>del (448)) (120-448)], (222-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-39*01 (94.70%) -IGKJ4*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide
immunomodulator

berlimatoxumab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Staphylococcus aureus* LukGH (Luk AB) leucocidine à deux composants], *Homo sapiens* anticorps monoclonal;
 chaîne lourde gamma1 (1-448) [*Homo sapiens* VH (IGHV4-39*01 (94.90%) -(IGHD) -IGHJ6*04) [10.7.11] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (216) (CH1 (120-217), charnière (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS K2>del (448)) (120-448)], (222-214')-disulfure avec la chaîne légère (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-39*01 (94.70%) -IGKJ4*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure
immunomodulateur

berlimatoxumab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Staphylococcus aureus* LukGH (Luk AB) leucocidina con dos componentes], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal;
 cadena pesada gamma1 (1-448) [*Homo sapiens* VH (IGHV4-39*01 (94.90%) -(IGHD) -IGHJ6*04) [10.7.11] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (216) (CH1 (120-217), bisagra(218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS K2>del (448)) (120-448)], (222-214')-disulfuro con la cadena ligera (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-39*01 (94.70%) -IGKJ4*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro
inmunomodulador

1939109-24-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

ELQLQESGPG LVKPSSETLSL TCTVSGGSIS SGSYYWDWIR QPPGKGLEWI 50
GNIYKSGSTY YNPGLKSRVT ISVDTSKNQF SLKLSSVTAA DTAVYYCARE 100
RGMHYMDVWG KGTTVTVSSA STKGPSVFLP APSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPVQLQSSG LYSLSVVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDKKVEPK SCDKHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTPF VTCVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQVNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLFPSSRDEL TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFCSVM HEALHNYHTQ KSLSLSPG 448

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCRASQSN SYLNWYQKPK GKAPKLLIYA 50
ASLQSGVPS RFGSGSGTD FTLTISLQF EDFATYYCQQ QFDPPFTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22'-97' 146'-202' 263'-323' 369'-427'
 22''-97'' 146''-202'' 263''-323'' 369''-427''

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
 23'''-88''' 134'''-194'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 222'-214' 222''-214''

Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228'' 231-231''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

299, 299''

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires

complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

G0F 42.5%, G1F 39.8%

berzosertibum

berzosertib

3-(3-{4-[(methylamino)methyl]phenyl}-1,2-oxazol-5-yl)-
 5-[4-(propane-2-sulfonyl)phenyl]pyrazin-2-amine
antineoplastic

berzosertib

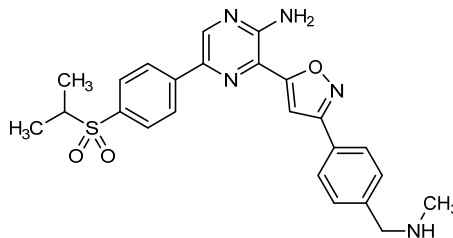
3-(3-{4-[(méthylamino)méthyl]phényl}-1,2-oxazol-5-yl)-
 5-[4-(propane-2-sulfonyl)phényl]pyrazin-2-amine
antineoplasique

berzosertib

3-(3-{4-[(metilamino)metil]fenil}-1,2-oxazol-5-il)-
 5-[4-(propano-2-sulfonyl)fenil]pirazin-2-amina
antineoplásico

C₂₄H₂₅N₅O₃S

1232416-25-9

**brexanolonum**

brexanolone

3 α -hydroxy-5 α -pregnan-20-one
antiepileptic

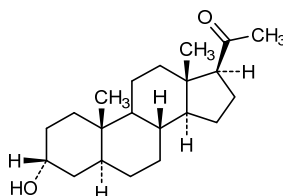
brexanolone

3 α -hydroxy-5 α -prègnan-20-one
antépiléptique

brexanolona

3 α -hidroxi-5 α -pregnano-20-ona
*antiepiléptico*C₂₁H₃₄O₂

516-54-1

**camidanlumabum #**
camidanlumab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL2RA (interleukin 2 receptor alpha subunit, IL-2RA, TAC, p55, CD25)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-445) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-69*02 (94.90%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (212) (116-213), hinge (214-228), CH2 (229-338), CH3 E12 (354), M14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20*01 (99.00%) -IGKJ4*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'))]; dimer (224-224'':227-227'')-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

camidanlumab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL2RA (sous-unité alpha du récepteur de l'interleukine 2, IL-2RA, TAC, p55, CD25)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-445) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-69*02 (94.90%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (212) (116-213), charnière (214-228), CH2 (229-338), CH3 E12 (354), M14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-214')-disulfure avec la chaîne légère (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20*01 (99.00%) -IGKJ4*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'))]; dimère (224-224'':227-227'')-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

camidanlumab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL2RA (subunidad alfa del receptor de la interleukina 2, IL-2RA, TAC, p55, CD25)], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal;

cadena pesada gamma1 (1-445) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-69*02 (94.90%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (212) (116-213), bisagra (214-228), CH2 (229-338), CH3 E12 (354), M14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-214')-disulfuro con la cadena ligera (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20*01 (99.00%) -IGKJ4*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (224-224":227-227")-bisdisulfuro
immunomodulador, antineoplásico

921618-45-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGGTFS RYIINWVRQA PGQGLEWMGR 50
 IIPILGVENY AQKFQGRVTI TADKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCARKD 100
 WFDYWGQGT LVTSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAAL GCLVKDYFPE 150
 PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYS LSSVTVTPSSS LGTQTYICNV 200
 NHKPSNTKVD KRVEPKSCDK THTCPPCPAP ELLGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
 ISRTPEVTCV VVDVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQYNSTYRV 300
 VSVLTVLHQD WLNGKEYKCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ PREPQVYTLF 350
 PSREEMTKNQ VSLTCLVKG FYPDI AVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
 SFFFLYKLT VDKSRWQQGNV FSCVMHEAL HNHYTKQSL SLP GK 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SYLAWYQQK QGAPRLLIYG 50
 ASSRATGIPD RFSGSGSGTD FTLTISRLEP EDFAVYYCQ YGSSPLTFGG 100
 GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLNNFY PREAKVQWKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
 LSSPVTKSFN RGEC 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 142-198 259-319 365-423
 22"-96" 142"-198" 259"-319" 365"-423"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
 23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 218-214' 218"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 224-224" 227-227"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
 H CH2 N84.4:
 295, 295"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
 complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

camidanlumabum tesirinum #
 camidanlumab tesirine

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL2RA (interleukin 2 receptor alpha subunit, IL-2RA, TAC, p55, CD25)], *Homo sapiens* monoclonal antibody conjugated to the pyrrolobenzodiazepine (PBD) dimer SCX; gamma1 heavy chain (1-445) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-69*02 (94.90%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (212) (116-213), hinge (214-228), CH2 (229-338), CH3 E12 (354), M14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20*01 (99.00%) -IGKJ4*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (224-224":227-227")-bisdisulfide; conjugated, on an average of 2 cysteines, to the pyrrolobenzodiazepine (PBD) dimer SCX, via a cleavable (valine-alanine dipeptide as cathepsin B cleavage site) maleimide type linker containing a spacer PEG (n=8)

For the *tesirine* part, please refer to the prop.INN List 113, published in the *WHO Drug Information*, Vol.29, No.2, 2015.

immunomodulator, antineoplastic

camidanlumab tésirine

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL2RA (sous-unité alpha du récepteur de l'interleukine 2, IL-2RA, TAC, p55, CD25)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal conjugué au dimère de pyrrolobenzodiazépine (PDB) SCX; chaîne lourde gamma1 (1-445) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-69*02 (94.90%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (212) (116-213), charnière (214-228), CH2 (229-338), CH3 E12 (354), M14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-214')-disulfure avec la chaîne légère (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20*01 (99.00%) -IGKJ4*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'))]; dimère (224-224'':227-227'')-bisdisulfure; conjugué, sur 2 cystéines en moyenne, au dimère de pyrrolobenzodiazépine (PBD) SCX, via un linker clivable (dipeptide valine-alanine clivable par la cathepsine B) de type maléimide et comprenant un espaceur PEG (n=8)

Pour la partie *tésirine*, veuillez vous référer à la Liste 113 des DCI prop. publiée dans le *WHO Drug Information*, Vol.29, No.2, 2015.

immunomodulateur, antinéoplasique

camidanlumab tesirina

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL2RA (subunidad alfa del receptor de la interleukina 2, IL-2RA, TAC, p55, CD25)], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal conjugado con el dímero de pirrolobenzodiazepina (PDB) SCX; cadena pesada gamma1 (1-445) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-69*02 (94.90%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (212) (116-213), bisagra (214-228), CH2 (229-338), CH3 E12 (354), M14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-214')-disulfuro con la cadena ligera (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20*01 (99.00%) -IGKJ4*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'))]; dímero (224-224'':227-227'')-bisdisulfuro; conjugado, en una media de 2 cisteínas, al dímero de pirrolobenzodiazepina (PBD) SCX, mediante un espaciador escindible (dipéptido valina-alanina escindible por la catepsina B) de tipo maleimida que comprende un espaciador PEG (n=8)

Para la fracción *tesirina* se puede referir a la Lista 113 de DCI prop., publicada en el *WHO Drug Information*, Vol.29, No.2, 2015.

inmunomodulador, antineoplásico

1853239-04-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGGTFS RYIINWVRQA PGQGLEWMGR 50
 IIPILGVENY AQKFQGRVTI TADKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCARKD 100
 WFDYWGQGTLL VTVSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL GCLVKDYFPE 150
 PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVPSSS LGTQTYICNV 200
 NHKPSNTKVD KRVEPKSCDK THTCPPCPAP ELLGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
 ISRTPEVTCV VVDVSHEDPE VKENWYVDGV EVHNAKTKPR EEQYNSTYRV 300
 VSVLTVLHQD WLNKKEYKCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ PREPQVYTLF 350
 PSREEMTRNQ VSLTCLVKG F YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
 SFFLYSKLTV DKSRWQQGNV FSCSVMEAL HNHYTQKSL S LSPGK 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SYLAWYQQKP GQAPRLLIYG 50
 ASSRATGIPD RFGSGSGSTD FTLTISRLEP EDFAVYYCQQ YGSSPLTFGG 100
 GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWVKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
 LSSPVTKSFN RGEC 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 142"-198" 259"-319" 365"-423"
 22"-96" 142"-198" 259"-319" 365"-423"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
 23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) * 218"-214" 218"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) * 224"-224" 227"-227"

*One or two of the inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 2 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

*Un ou deux des ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 2 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

*Faltan uno o dos puentes disulfuro inter-catenarios, una media de 2 cisteinil están conjugados con sendos enlaces tioéter, a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

295, 295"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

canerpaturevum

canerpaturev

Replication-competent, spontaneously occurring mutant of Herpes Simplex Virus type 1 (HSV-1) with a number of deletions and insertions in the genome, resulting in the lack of functional expression of UL43, UL49.5, UL55 and UL56

antineoplastic

canerpaturev

mutant spontané de Virus Herpes Simplex type 1 (HSV-1) capable de se répliquer, avec un nombre de délétions et d'insertions dans le génome, résultant en l'absence de l'expression fonctionnelle des gènes UL43, UL49.5, UL55 et UL56.

antineoplásico

canerpaturev

Virus Herpes Simplex tipo 1 (HSV-1) competente de replicación, mutado espontáneamente, con un número de deleciones e inserciones en el genoma que dan como resultado la ausencia de expresión funcional de los genes UL43, UL49.5, UL55 y UL56.

antineoplásico

1662666-66-1

capivasertibum

capivasertib

4-amino-*N*-[(1*S*)-1-(4-chlorophenyl)-3-hydroxypropyl]-1-(1*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-4-yl)piperidine-4-carboxamide
antineoplastic

capivasertib

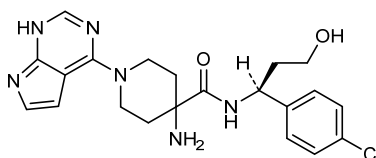
4-amino-*N*-[(1*S*)-1-(4-chlorophényl)-3-hydroxypropyl]-1-(1*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-4-yl)pipéridine-4-carboxamide
antineoplasique

capivasertib

4-amino-*N*-[(1*S*)-1-(4-chlorofenil)-3-hidroxiopropil]-1-(1*H*-pirrolo[2,3-*d*]pirimidin-4-il)piperidina-4-carboxamida
antineoplásico

C₂₁H₂₅ClN₆O₂

1143532-39-1

**cobomarsenum**

cobomarsen

all-P-ambo-5-methyl-2'-*O*,4'-*C*-methylene-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-5-methyl-2'-*O*,4'-*C*-methylene-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-5-methyl-2'-*O*,4'-*C*-methylene-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-5-methyl-2'-*O*,4'-*C*-methylene-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-methylene-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-methylene-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-5-methyl-2'-*O*,4'-*C*-methylene-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-5-methyl-2'-*O*,4'-*C*-methylene-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-methylenadenosine
antineoplastic

cobomarsen

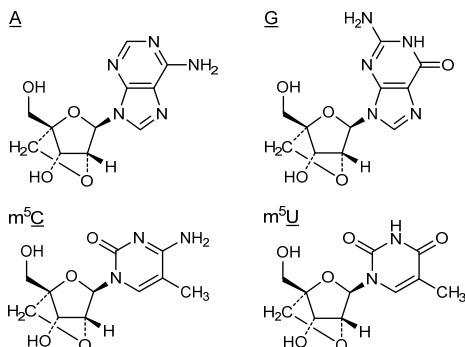
tout-P-ambo-5-méthyl-2'-*O*,4'-*C*-méthylène-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-5-méthyl-2'-*O*,4'-*C*-méthylène-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-5-méthyl-2'-*O*,4'-*C*-méthylène-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-5-méthyl-2'-*O*,4'-*C*-méthylène-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-méthylène-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-méthylène-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-5-méthyl-2'-*O*,4'-*C*-méthylène-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-5-méthyl-2'-*O*,4'-*C*-méthylène-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-méthylèneadénosine
antineoplasique

cobomarsén

todo-P-ambo-5-metil-2'-O,4'-C-metileno-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-5-metil-2'-O,4'-C-metileno-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-5-metil-2'-O,4'-C-metileno-P-tiouridilil-(3'→5')-5-metil-2'-O,4'-C-metileno-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-metileno-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-metileno-P-tioadenilil-(3'→5')-5-metil-2'-O,4'-C-metileno-P-tiouridilil-(3'→5')-5-metil-2'-O,4'-C-metileno-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-metileneadenosina
antineoplásico

C₁₄₈H₁₇₇N₅₂O₇₇P₁₃S₁₃

1848257-52-2

(3'-5')(P-thio)(m⁵C-dA-m⁵C-dG-dA-m⁵U-m⁵U-dA-G-dC-A-m⁵U-m⁵U-A)

dX : 2'-deoxy-X / dX : 2'-désoxy-X / dX: 2'-desoxi-X

cofetuzumabum #
 cofetuzumab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PTK7 (protein tyrosine kinase 7, colon carcinoma kinase 4, CCK4) extracellular domain], humanized monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain (1-448) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (81.60%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), hinge (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS K>del (448)) (120-448)], (222-218')-disulfide with kappa light chain (1'-218') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (83.80%) -IGKJ4*01) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

cofétuzumab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PTK7 (protéine tyrosine kinase 7, kinase du cancer du côlon, CCK4) domaine extracellulaire], anticorps monoclonal humanisé;

cofetuzumab

chaîne lourde gamma1 (1-448) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (81.60%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), charnière (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS K>del (448)) (120-448)], (222-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-218') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (83.80%) -IGKJ4*01) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PTK7 (proteína tirosina quinasa 7, quinasa del cáncer de colon, CCK4) dominio extracelular], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada gamma1 (1-448) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (81.60%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), bisagra (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS K>del (448)) (120-448)], (222-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-218') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (83.80%) -IGKJ4*01) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro
inmunomodulador, antineoplásico

1869928-62-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGPE VVKPGASVKV SCKASGYTFT DYAVHWVRQA PGKRLIEWIGV 50
ISTYNDYTYN NQDFKGRVTM TRDTSASTAY MELSLRLSED TAVYYCARGN 100
SYFYALDYWG QGTSVTVSSA STKGPSVFPPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTISW NSGALTSGVH TTPAVLQSSG LYSLSVVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTPE VTCVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIETISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSRDEL TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTPPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNYHTQ KSLSLSPG 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASESVD SYGKSFMHWWY QQKPGQAPRL 50
LIYRASNLSE GIPARFSGSG SGTDFTLTIS SLEPEDFAVY YCQQSNEDFW 100
TFGGGTKLEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK GTASVVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLT STLTLTKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC 218

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427
22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427"

Intra-L (C23-C104) 23'-92' 138"-198"
23'"-92'" 138'"-198'"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-218" 222"-218"

Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

cofetuzumabum pelidotinum #
cofetuzumab pelidotin

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PTK7 (protein tyrosine kinase 7, colon carcinoma kinase 4, CCK4) extracellular domain], humanized monoclonal antibody, conjugated to auristatin-0101; gamma1 heavy chain (1-448) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (81.60%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), hinge (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS K>del (448)) (120-448)], (222-218')-disulfide with kappa light chain (1'-218') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (83.80%) -IGKJ4*01) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide; conjugated, on an average of 4 cysteinyl, to auristatin-0101 (Aur0101), via a cleavable maleimidocaproyl-valyl-citrullinyl-*p*-aminobenzyloxycarbonyl (mc-val-cit-PABC) type linker *immunomodulator, antineoplastic*

cofétuzumab pélidotine

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PTK7 (protéine tyrosine kinase 7, kinase du cancer du côlon, CCK4) domaine extracellulaire], anticorps monoclonal humanisé, conjugué à l'auristatine-0101; immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PTK7 (protéine tyrosine kinase 7, kinase du cancer du côlon, CCK4) domaine extracellulaire], anticorps monoclonal humanisé, conjugué à l'auristatine-0101; chaîne lourde gamma1 (1-448) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (81.60%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), charnière (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS K>del (448)) (120-448)], (222-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-218') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (83.80%) -IGKJ4*01) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure; conjugué, sur 4 cystéinyl en moyenne, à l'auristatine-0101 (Aur0101), via un linker clivable de type maléimidocaproyl-valyl-citrullinyl-*p*-aminobenzyloxycarbonyl (mc-val-cit-PABC) *immunomodulateur, antinéoplasique*

cofetuzumab pelidotina

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PTK7 (proteína tirosina kinasa 7, kinasa de cáncer de colon, CCK4) dominio extracelular], anticuerpo monoclonal humanizado, conjugado con la auristatina-0101; cadena pesada gamma1 (1-448) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (81.60%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), bisagra (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS K>del (448)) (120-448)], (222-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-218') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (83.80%) -IGKJ4*01) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro;

conjugado, en una media de 3 a 4 restos cisteinil, con la auristatina-0101 (Aur0101), mediante un conector escindible de tipo maleimidocaproil-valil-citrulinil-*p*-aminobenziloxycarbonil (mc-val-cit-PABC) *inmunomodulador, antineoplásico*

1869937-48-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGPE VKKPGASVKV SCASGYTFT DYAVHWVRQA PGKRLIEWIGV 50
ISTYNDYTYN NQDFKGRVTM TRDTSASTAY MELSLRSED TAVVYCARGN 100
SYFYALDYWG QGTSVTYSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPFPTVSW NSGALTSGVH TFPVILQSSG LYSLSVTVV FSSSLGTQTY 200
ICNVNKHPSN TKVDKVEPK SCRDTHCP CPAPELLGCP SVLFEPKPK 250
DTLMIISRPPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDCVEVHNAK TKPREEQVNS 300
TYRVVSVLTV LQDWMNGKE YKCKVSNKAL PAPIETKISK AKQGPREFQV 350
YTLPPSDEL TKNQVSLTCL VKGFPYSIA VEMESNGQPE NNYKTTFPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFCSCVM HEALHNHYTQ KSLSLSPG 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASEVD SYGKSFMHYV QQKPGQAPRL 50
LIYRASNLIS GIPARFSGSG SGTDFTLTIS SLEPEDFAVY YCQQSNEDPW 100
TFGGGTGLEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREKAV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLT STLTLKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC 218

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427
22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427"

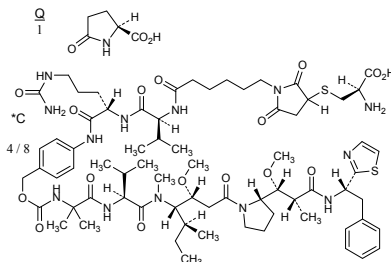
Intra-L (C23-C104) 23'-92' 138'-198'

23"-92" 138"-198"

Inter-H-L (h 5-CL 126) * 222-218' 222"-218"

Inter-H-H (h 11, h 14) * 228-228" 231-231"

Modified residues / résidus modifiés / restos modificados



N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

crenigacestatum

crenigacestat

4,4,4-trifluoro-*N*-[(2*S*)-1-[[[(7*S*)-5-(2-hydroxyethyl)-6-oxo-6,7-dihydro-5*H*-pyrido[3,2-*a*][3]benzoxazepin-7-yl]amino]-1-oxopropan-2-yl]butanamide

gamma-secretase inhibitor, antineoplastic

crénigacestat

4,4,4-trifluoro-*N*-[(2*S*)-1-[[[(7*S*)-5-(2-hydroxyéthyl)-6-oxo-6,7-dihydro-5*H*-pyrido[3,2-*a*][3]benzoxazépin-7-yl]amino]-1-oxopropan-2-yl]butanamide

inhibiteur de la sécrétase gamma, antinéoplasique

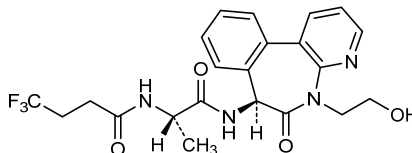
crenigacestat

4,4,4-trifluoro-*N*-[(2*S*)-1-[[[(7*S*)-5-(2-hidroxietyl)-6-oxo-6,7-dihidro-5*H*-pirido[3,2-*a*][3]benzoxazepin-7-il]amino]-1-oxopropan-2-il]butanamida

inhibidor de la secretasa gamma, antineoplásico

C₂₂H₂₃F₃N₄O₄

1421438-81-4



danvatirsenum
danvatirsén

all-P-ambo-2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-P-thioadenylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-5-methylcytidine
antineoplastic

danvatirsén

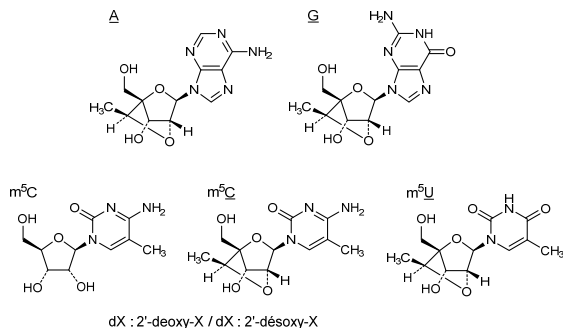
tout-P-ambo-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-P-thioadénylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-5-méthylcytidine
antineoplasique

danvatirsén

todo-P-ambo-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-5-metil-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-P-tioadenilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-5-metilcitidina
antineoplásico

C₁₇₂H₂₁₇N₅₆O₈₈P₁₅S₁₅

1402100-56-4

(3'-5')(P-thio)(m⁵C-m⁵U-A-dT-dT-dG-dG-dA-dT-dG-dT-dm⁵C-A-G-m⁵C)**darvadstrocelum**

darvadstrocel

Human culture expanded allogeneic adipose stromal progenitor cells (eASC) for cell-based therapy. Cells are derived from isolated adipose tissue of healthy living donors. eASC express cell surface markers CD29, CD73, CD90 and CD105 and are capable to express factors such as vascular endothelial growth factor (VEGF), transforming growth factor-beta 1 (TGF-β1), interleukin-6 (IL-6), matrix metalloproteinase inhibitor-1 (TIMP-1), and interferon-gamma (IFN-γ) inducible indoleamine 2,3-dioxygenase (IDO).

cell therapy substance (immunomodulator)

darvadstrocel

Cellules progénitrices humaines allogéniques du stroma adipeux (eASC), en culture d'expansion, pour thérapie à base de cellules. Les cellules sont dérivées d'un tissu adipeux isolé à partir de donneurs vivants sains. Les eASC expriment les marqueurs de surface CD29, CD73, CD90 et CD105 et sont capables d'exprimer les facteurs comme le facteur de croissance de l'endothélium vasculaire (VEGF), le facteur de croissance transformant beta 1 (TGF-β1), l'interleukine 6 (IL-6), l'inhibiteur tissulaire des métalloprotéases 1 (TIMP-1) et l'indoléamine 2,3-dioxygénase (IDO) induite par l'interféron gamma (IFN-γ).

substance pour thérapie cellulaire (immunomodulateur)

darvadstrocel

Células progenitoras del estroma adiposo alogénicas, humanas, expandidas en cultivo (eASC) para terapia celular. Las células se derivan a partir tejido adiposo aislado de donantes sanos vivos. Las eASC expresan los marcadores de superficie CD29, CD73, CD90 y CD105, y pueden expresar factores como el factor de crecimiento del endotelio vascular (VEGF), factor transformador del crecimiento beta 1 (TGF-β1), interleukina 6 (IL-6), inhibidor de metaloproteínasa de la matriz 1 (TIMP-1), e indoleamina 2,3- dioxigenasa (IDO) inducible por interferón gamma (IFN-γ).

sustancia de terapia génica (inmunomodulador)

davamotecanum pegadexamerum

davamotecan pegadexamer

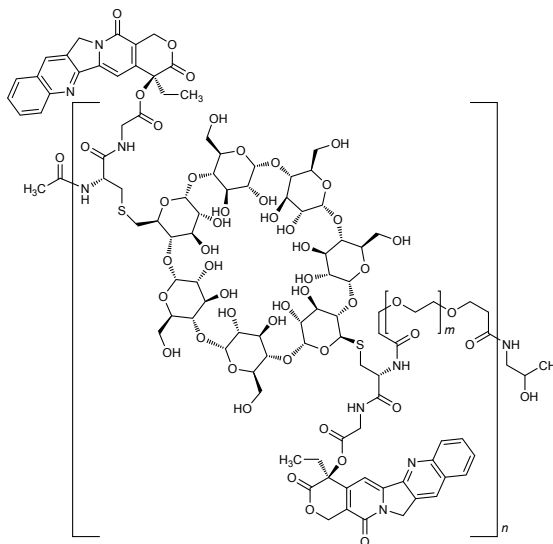
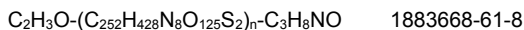
α -acetyl- ω -[[(2*RS*)-2-hydroxypropyl]amino]poly[[{bis[(4*S*)-4-ethyl-3,4'-dioxo-4,4',12,14-tetrahydro-1*H*-pyran[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-4-yl)] S,S'-(6',6'^{IV}-dideoxycyclomolheptaose-6',6'^{IV}-diyl)bis[(L-cysteinylglycinate)]-N^{2,1},N^{2,1}-diyl](1-oxopropane-1,3-diyl)poly(oxyethyleneoxy(3-oxopropane-1,3-diyl)]
antineoplastic

davamotécan pégadexamère

α -acetyl- ω -[[(*2R*)-2-hydroxypropyl]amino]poly[[{bis[(4*S*)-4-éthyl-3,14-dioxo-4,12,14-tétrahydro-1*H*-pyrano[3,4':6'']indolizino[1,2-*b*]quinolin-4-yl] *S,S'*-(6'^{IV}-didésoxyoxycylomaltoheptaose-6',6'^{IV}-diyl)bis-(L-cystéinyglycinate))-*N*^{2,1},*N*^{2,1}-diyl](1-oxopropane-1,3-diyl)poly(oxyéthylèneoxy(3-oxopropane-1,3-diyl)]
antineoplasique

davamotecán pegadexámero

α-acetil-ω-[(2*RS*)-2-hidroxiopropil]amino}poli{[bis[(4*S*)-4-
etil-3,14-dioxo-3,4,12,14-tetrahidro-1*H*-
pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-4-il] S,S'-(6^I,6^{IV}-
dideoxiciclomaltoheptaosa-6^I,6^{IV}-diil)bis(L-
cisteinilglicinato)-*N*^{2,1},*N*^{2,1}-diil](1-oxopropano-1,3-
diil)poli(oxietileno)oxi(3-oxopropano-1,3-diil)]
antineoplasico



delgocitinibum

delgocitinib

3-[(3*S*,4*R*)-3-methyl-6-(7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-4-yl)-1,6-diazaspiro[3.4]octan-1-yl]-3-oxopropanenitrile
immunomodulator

delgocitinib

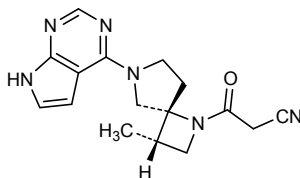
3-[(3*S*,4*R*)-3-méthyl-6-(7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-4-yl)-1,6-diazaspiro[3.4]octan-1-yl]-3-oxopropanenitrile
immunomodulateur

delgocitinib

3-[(3*S*,4*R*)-3-metil-6-(7*H*-pirrolo[2,3-*d*]pirimidin-4-il)-1,6-diazaspiro[3.4]octan-1-il]-3-oxopropanenitrilo
immunomodulador

C₁₆H₁₈N₆O

1263774-59-9



demplatinum pegraglumerum
demplatin pegraglumer

{[α-3-[α-*N*-hidropoli(L-glutamyl-κO⁵)_m-ω-amino]propil]-ω-metoxipoli(oxyethane-1,2-diil)_n]poliato}poly[*cis*-(*SP*-4)-aquadiammineplatino(II)/*cis*-(*SP*-4)-diammineplatino(II) (x:y)], with *m* ~ 40, *n* ~ 268, *x* ~ 8, (*m*+*x*)/2 = 24
antineoplástico

demplatine péraglumère

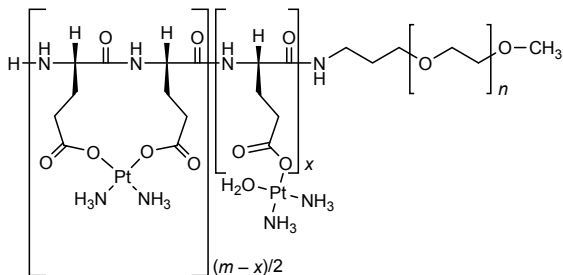
{[α-3-[α-*N*-hidropoli(L-glutamyl-κO⁵)_m-ω-amino]propil]-ω-méthoxipoli(oxyéthane-1,2-diil)_n]poliato}poly[*cis*-(*SP*-4)-aquadiammineplatine(II)/*cis*-(*SP*-4)-diammineplatine(II) (x:y)], avec *m* ~ 40, *n* ~ 268, *x* ~ 8, (*m*+*x*)/2 = 24
antineoplasique

demplatino pegraglúmero

{[α-3-[α-*N*-hidropoli(L-glutamyl-κO⁵)_m-ω-amino]propil]-ω-metoxipoli(oxietano-1,2-diil)_n]poliato}poli[*cis*-(*SP*-4)-aquadiammineplatino(II)/*cis*-(*SP*-4)-diammineplatino(II) (x:y)], con *m* ~ 40, *n* ~ 268, *x* ~ 8, (*m*+*x*)/2 = 24
antineoplástico

C₄H₁₁NO(C₅H₆NO₃)_m(CH₂CH₂O)_n(H₆N₂Pt)_{(m+x)/2}(H₂O)_x

1009838-50-9

*m* ~ 40, *n* ~ 268, *x* ~ 8, (*m* + *x*)/2 = 24

desidustatum
desidustat

N-[1-(cyclopropylmethoxy)-4-hydroxy-2-oxo-1,2-dihydroquinoline-3-carbonyl]glycine
antianaemic

désidustat

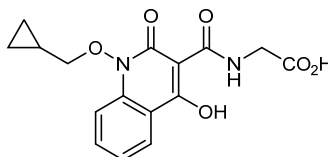
N-[1-(cyclopropylméthoxy)-4-hydroxy-2-oxo-1,2-dihydroquinoléine-3-carbonyl]glycine
antianémique

desidustat

N-[1-(ciclopropilmetoxi)-4-hidroxi-2-oxo-1,2-dihidroquinoléina-3-carbonil]glicina
antianémico

C₁₆H₁₆N₂O₆

1616690-16-4



desmetramadolum
desmetramadol

rac-3-[(1*R*,2*R*)-2-[(diméthylamino)méthyl]-1-hydroxycyclohexyl]phénol
central analgesic

desmétramadol

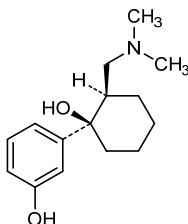
rac-3-[(1*R*,2*R*)-2-[(diméthylamino)méthyl]-1-hydroxycyclohexyl]phénol
analgésique central

desmetramadol

rac-3-[(1*R*,2*R*)-2-[(dimetilamino)metil]-1-hidroxiciclohexil]fenol
analgésico central

C₁₅H₂₃NO₂

80456-81-1



and enantiomer
et énantiomère
y enantiómero

efepoetinum alfa #
efepoetin alfa

human erythropoietin (epoetin alfa) fused to a hybrid human immunoglobulin (Ig), consisting of the Fc fragment of the IgG4 fused to the hinge and amino-terminus of the IgD heavy chain isotype 2, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa;

[human erythropoietin (EPO) (1-166)]-[immunoglobulin heavy chain delta (IGHD) isoform 2 constant region (133-170)-peptide (C-terminal hinge region and N-terminal CH2 domain) (167-204)]-[immunoglobulin heavy chain gamma 4 (IGHG4) constant region (121-327)-peptide (CH2 and CH3 domains) (205-411)]-fusion protein, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
antianaemic

éfépoétine alfa

érythropoïétine humaine (époétine alfa) fusionnée à une immunoglobuline (Ig) humaine hybride, consistant en un fragment Fc de l'IgG4 fusionné à la région charnière et à la chaîne lourde isotope 2 de l'IgD sur la partie N-terminale, produite par des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa;

[érythropoïétine humaine (EPO) (1-166)]-[région constante de la chaîne lourde delta de l'immunoglobuline (IGHD) isoforme 2 (133-170)-peptide (région charnière C-terminale et domaine CH2 N-terminal) (167-204)]-[région constante de la chaîne lourde de l'immunoglobuline gamma 4 (IGHG4) (121-327)-peptide (domaines CH2 et CH3) (205-411)]- protéine de fusion, produite par des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa *antianémique*

efepoetina alfa

eritropoyetina humana (epoetina alfa) fusionada con una inmunoglobulina (Ig) humana híbrida, consistente en un fragmento Fc de la IgG4 fusionada con la región bisagra y con la cadena pesada isótopo 2 de la IgD sobre la parte N-terminal, producida por las células ováricas de hamster chino (CHO), glicofoma alfa;

[eritropoyetina humana (EPO) (1-166)]-[región constante de la cadena pesada delta de la inmunoglobulina (IGHD) isoforma 2 (133-170)-péptido (región bisagra C-terminal y dominio CH2 N-terminal) (167-204)]-[región constante de la cadena pesada de la inmunoglobulina gamma 4 (IGHG4) (121-327)-péptido (dominios CH2 et CH3) (205-411)]- proteína de fusión, producida por las células ováricas de hamster chinos (CHO), glicofoma alfa *antianémico*

1905452-78-9

Monomer sequence / Séquence du monomère / Secuencia del monómero

```

APRLICDSR VLERYLLEAK EAENITTGCA EHC SLNENIT VPD TKVNFYA 50
WKRMEVQQQA VEVWQGLALL SEAVLRGQAL LVNSSQWEP LQLHVDKAVS 100
GERSLTTLLR ALGAQKEAIS PPDAASAAPL RTITADTERK LFRVYSNFLR 150
GKLKLYTGEA CRTGDRRNTG RGGEKKKKEK EKEEQEERET KTPBCPSHTQ 200
PLGVFLFPFK PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SQEDPEVQFN WYVDGVEVHN 250
AKTKPREEQF NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK GLPSSIEKTI 300
SKAKGQPREP QVYTLPPSQE EMTKNQVSLT CLVKGFPYPSD IAVEWESNGQ 350
PENNYKTTTP VLDSDGSFFL YSRLTVDKSR WQEGNVFSCS VMHEALHNHY 400
TQKSLSLSLG K 411

```

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-chain disulfide bridges: 7-161 29-33 225-285 331-389
7-161' 29'-33' 225'-285' 331'-389'

Inter-chain disulfide bridges: 195-195'

Glycosylation sites (N) / Sites de glycosylation (N) / Posiciones de glicosilación (N)

Asn-24 Asn-38 Asn-83 Asn-261

Glycosylation sites (O) / Sites de glycosylation (O) / Posiciones de glicosilación (O)

Ser-126

efizonerimodum alfa #

efizonerimod alfa

modified human immunoglobulin G4 Fc fragment fused to tumor necrosis factor receptor-associated factor TRAF2 (human C-C domain fragment) and to the CD252 antigen (human extracellular domain fragment), hexamer, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa;

modified human immunoglobulin G4 Fc fragment (1-229) [*Homo sapiens*IGHG4*01 del-CH1, [10-proline (S>P)]hinge] fusion protein with human TNF receptor-associated factor 2 (TRAF2)-(310-349)-peptide (230-269) fusion protein with des-(1-50)-human tumor necrosis factor ligand superfamily member 4 (TNFSF4, also known as CD252 or OX40L) (270-402), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, non-covalent trimer of (8-8',11-11')-bisdisulfide dimers, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

éfizonérimod alfa

fragment Fc modifié de l'immunoglobuline G4 humaine, fusionné au facteur associé au récepteur du facteur de nécrose tumorale TRAF2 (fragment du domaine C-C humain) et à l'antigène CD252 (fragment du domaine extracellulaire humain), hexamère, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa;

fragment Fc modifié de l'immunoglobuline G4 humaine (1-229) [*Homo sapiens*IGHG4*01 del-CH1, [10-proline (S>P)]charnière] protéine de fusion avec le facteur 2 associé au récepteur du TNF humain (TRAF2)-(310-349)-peptide (230-269) protéine de fusion avec le des-(1-50)-membre 4 de la superfamille des ligands du facteur de nécrose tumorale humain (TNFSF4, CD252, OX40L) (270-402), produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), trimère non-covalent de dimères (8-8',11-11')-bisdisulfure, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

efizonerimod alfa

fragmento Fc modificado de la inmunoglobulina G4 humana, fusionada con el factor asociado al receptor del factor de necrosis tumoral TRAF2 (fragmento del dominio C-C humano) y al antígeno CD252 (fragmento del dominio extracelular humano), hexámero, producido en las células ováricas de hámsters chinos (CHO), glicoforma alfa;

fragmento Fc modificado de la inmunoglobulina G4 humana (1-229) [*Homo sapiens*IGHG4*01 del-CH1, [10-prolina (S>P)]bisagra] proteína de fusión con el factor 2 asociado al receptor del TNF humano (TRAF2)-(310-349)-péptido (230-269) proteína de fusión con el des-(1-50)-miembro 4 de la superfamilia de los ligandos del factor de necrosis tumoral humano (TNFSF4, CD252, OX40L) (270-402), producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), trimero no-covalente de dímeros (8-8',11-11')-bisdisulfuro dímero, glicoforma alfa
immunomodulador, antineoplásico

1635395-27-5

Monomer sequence / Séquence du monomère / Secuencia del monómero
 ESKYGPCCPP CPAPEFLGGP SVFLFPKPK DTLMSRTPE VTCVVVDVSQ 50
 EDPEVQFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQFNS TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE 100
 YKCKVSNKGL PSSIEKTISK AKGQPREPQV YTLPPSQEEM TKNQVSLTCL 150
 VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL DSDGSFFLYS RLTVDKSRWQ 200
 EGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSLGKD QDKIEALSSK VQQLERSIGL 250
 KDLAMADLEQ KVLEMEASTQ VSHRYPRIQS IKVQFTEYKK EKGFIILTSQK 300
 EDEIMKVQNN SVIINCDFY LISLKGYSQ EVNISLHYQK DEEPLFQLKK 350
 VRSVNSLMVA SLTYKDKVYL NVTTDNTSLD DFHVNGGELI LIHQNPGEFC 400
 VL 402

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
 8-8' 11-11' 43-103 149-207 316-400

Glycosylation sites (N) / Sites de glycosylation (N) / Posiciones de glicosilación (N)
 Asn-79 Asn-309 Asn-333 Asn-371 Asn-376

eflenograstimum alfa #
 eflenograstim alfa

human granulocyte-colony stimulating factor (G-CSF) fused to a hybrid human immunoglobulin consisting of the Fc fragment of the IgG4 fused to the hinge region and amino-terminus of the IgD heavy chain isotype 2, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa;

[human granulocyte-colony stimulating factor (G-CSF) short isoform (1-174)]-[immunoglobulin heavy chain delta (IGHD) constant region isoform 2 (133-170)-peptide (C-terminal hinge and N-terminal CH2 domains) (175-212)]-[immunoglobulin heavy chain gamma 4 (IGHG4) constant region (121-327)-peptide (CH2 and CH3 domains) (213-419)]-fusion protein, (203-203')-disulfide dimer, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
granulocyte colony stimulating factor

éflénograstim alfa

facteur stimulant les colonies de granulocytes humain (G-CSF) fusionné à une immunoglobuline (Ig) humaine hybride, consistant en un fragment Fc de l'IgG4 fusionné à la région charnière et à la chaîne lourde isotype 2 de l'IgD sur la partie N-terminale, produit par des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa;

[facteur stimulant les colonies de granulocytes humain (G-CSF) isoforme courte (1-174)]-[région constante de la chaîne lourde delta de l'immunoglobuline (IGHD) isoforme 2 (133-170)-peptide (région charnière C-terminale et domaine CH2 N-terminal) (175-212)]-[région constante de la chaîne lourde de l'immunoglobuline gamma 4 (IGHG4) (121-327)-peptide (domaines CH2 et CH3) (213-419)]-protéine de fusion, (203-203')-disulfure dimère, produit par des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
facteur de stimulation des colonies de granulocytes

eflenograstim alfa

factor estimulante de las colonias de granulocitos humanos (G-CSF) fusionado con una inmunoglobulina (Ig) humana híbrida, consistente en un fragmento Fc de la IgG4 fusionado con la región bisagra y con la cadena pesada isotopo 2 de la IgD sobre la parte N-terminal, producido por las células ováricas de hamster chino (CHO), glicofoma alfa;

[factor estimulante de las colonias de granulocitos humanos (G-CSF) isoforma corta (1-174)]-[región constante de la cadena pesada delta de la inmunoglobulina (IGHD) isoforma 2 (133-170)-péptido (región bisagra C-terminal y dominio CH2 N-terminal) (175-212)]-[región constante de la cadena pesada de la inmunoglobulina gamma 4 (IGHG4) (121-327)-péptido (dominios CH2 y CH3) (213-419)]-proteína de fusión, (203-203')-disulfuro dímero, producido por las células ováricas de hamster chino (CHO), glicoforma alfa
factor estimulante de las colonias de granulocitos

1905459-83-7

Monomer sequence / Séquence du monomère / Secuencia del monómero

```

TFLCPASSLP QSFLLKCLEQ VRKIQGDGAA LQEKLCATYK LCHPEELVLL 50
GHSLGIPWAP LSSCPSQALQ LAGCLSQLHS GLFLYQGLLQ ALEGISPELG 100
PTLDTLQLDV ADFATTIWQQ MEELGMAPAL QPTQGAMPAP ASAFQRRAGG 150
VLVASHLQSF LEVSYRVLRLH LAQPRNTGRG GEEKKKEKEK EEQEERETKT 200
PECPSTHTQPL GVFLFPFKPK DTLMISRTPE VTCVVVDVSQ EDPEVQFNWY 250
VDGVEVHNAK TKPREEQFNS TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKGL 300
PSSIEKTISK AKGQPREPQV YTLPPSQEEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA 350
VEWESNGQPE NNYKTTPPVL DSDGSFFLYS RLTVDKSRWQ EGNVFSQSV 400
HEALHNYHTQ KSLSLSLGK 419

```

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-chain disulfide bridges: 36-42 64-74 233-293 339-397
 36-42' 64'-74' 233'-293' 339'-397'

Inter-chain disulfide bridges: 203-203'

Glycosylation sites (N) / Sites de glycosylation (N) / Posiciones de glicosilación (N)

Asn-269

Glycosylation sites (O) / Sites de glycosylation (O) / Posiciones de glicosilación (O)

Thr-133

elenbecestatum

elenbecestat

N-{3-[(4a*S*,5*R*,7a*S*)-2-amino-5-methyl-4a,5-dihydro-4*H*-furo[3,4-*d*][1,3]thiazin-7a(7*H*)-yl]-4-fluorophenyl}-5-(difluoromethyl)pyrazine-2-carboxamide
beta-secretase inhibitor

élenbécestat

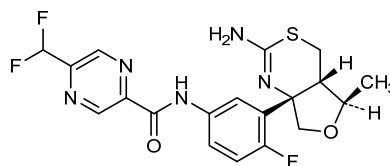
N-{3-[(4a*S*,5*R*,7a*S*)-2-amino-5-méthyl-4a,5-dihydro-4*H*-furo[3,4-*d*][1,3]thiazin-7a(7*H*)-yl]-4-fluorophényl}-5-(difluorométhyl)pyrazine-2-carboxamide
inhibiteur de la sécrétase bêta

elenbecestat

N-{3-[(4a*S*,5*R*,7a*S*)-2-amino-5-metil-4a,5-dihidro-4*H*-furo[3,4-*d*][1,3]tiazin-7a(7*H*)-il]-4-fluorofenil}-5-(difluorometil)pirazina-2-carboxamida
inhibidor de la secretasa beta

C₁₉H₁₈F₃N₅O₂S

1388651-30-6



elsulfavirinum

elsulfavirine

N-(4-{2-[4-bromo-3-(3-chloro-5-cyanophenoxy)-2-fluorophenyl]acetamido}-3-chlorobenzenesulfonyl)propanamide
antiviral

elsulfavirine

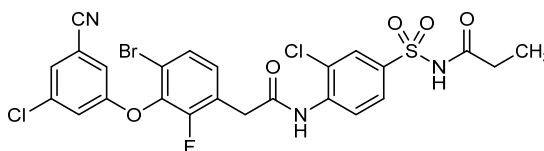
N-(4-{2-[4-bromo-3-(3-chloro-5-cyanophénoxy)-2-fluorophényl]acétamido}-3-chlorobenzènesulfonyl)propanamide
antiviral

elsulfavirina

N-(4-{2-[4-bromo-3-(3-cloro-5-cianofenoxi)-2-fluorofenil]acetamido}-3-clorobencenosulfonyl)propanamida
antiviral

C₂₄H₁₇BrCl₂FN₃O₅S

868046-19-9

**emiplacelum**

emiplacel

Human culture expanded allogenic adherent mesenchymal stromal-like cells for cell-based therapy. Cells are derived from isolated placenta of healthy living donors following a cesarean section. Cells express cell surface markers CD29, CD73, and CD105 and exhibit immunomodulatory and pro-angiogenic effects.

cell therapy substance (ischemic conditions)

émiplacel

Cellules mésenchymales adhérentes humaines allogéniques semblables au stroma, en culture d'expansion, pour thérapie cellulaire. Les cellules sont obtenues à partir du placenta de donneuses saines et vivantes suivant une césarienne. Les cellules expriment les marqueurs de surface CD29, CD73, and CD105 et montrent des propriétés immunomodulatrices et des effets pro-angiogéniques.

substance pour thérapie cellulaire (conditions ischémiques)

emiplacel

Células adherentes mesenquimales similares al estroma alogénicas, humanas, expandidas en cultivo para terapia celular. Las células se derivan a partir de la placenta de donantes sanos vivos tras una sección por cesárea. Las células expresan los marcadores de superficie CD29, CD73 y CD105, y muestran efectos inmunomoduladores y angiogénicos.

sustancia de terapia celular (condiciones isquémicas)

enarodustatum

enarodustat

N-[7-hydroxy-5-(2-phenylethyl)[1,2,4]triazolo[1,5-*a*]pyridine-8-carbonyl]glycine
antianaemic

énarodustat

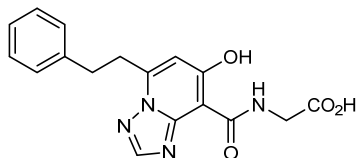
N-[7-hydroxy-5-(2-phényléthyl)[1,2,4]triazolo[1,5-*a*]pyridine-8-carbonyl]glycine
antianémique

enarodustat

N-[7-hidroxi-5-(2-feniletíl)[1,2,4]triazolo[1,5-*a*]piridina-8-carbonil]glicina
antianémico

C₁₇H₁₆N₄O₄

1262132-81-9

**exebacasum #**

exebacase

Streptococcus suis bacteriophage-derived lysin, produced in *Escherichia coli*;

des-Met¹-phage lysin (endolysin, lysozyme, murein hydrolase, EC 3.2.1.17) of *Streptococcus suis* phage φ891591 (PlySs2), produced in *Escherichia coli*
enzyme, antibacterial

exébacase

lysine dérivée du bactériophage *Streptococcus suis*, produite par *Escherichia coli*;

lysine du dès-Mét¹-phage *Streptococcus suis* φ891591 (PlySs2) (endolysine, lysozyme, muréine hydrolase, EC 3.2.1.17), produite par *Escherichia coli*
enzyme, antibactérien

exebacasa

lisina derivada del bacteriófago *Streptococcus suis*, producido por *Escherichia coli*;

lisina del des-Met¹-fago *Streptococcus suis* φ891591 (PlySs2) (endolisina, lisozioma, mureína hidrolasa, EC 3.2.1.17), producida por *Escherichia coli*
enzima, antibacteriano

1404122-92-4

Sequence / Séquence / Secuencia

```

TTVNEALNNV RAQVGSGVSV GNGECYALAS WYERMISPD A TVGLGAGVGW 50
VSGAIGDTIS AKNIGSSYNW QANGWTVSTS GPFKAGQIVT LGATPGNPYG 100
HVVIVEAVDG DRLTILEQNY GKKRYPVRNY YSAASYRQV VHYITPPGT V 150
AQSAPNLAGS RSYRETGTMT VTVDALNVR A PNTSGEIVA VYKRGESEFDY 200
DTVIIDVNGY VVVS YIGSGG KRNYVATGAT KDGKRFNGAW GTFK 244

```

fenebrutinibum

fenebrutinib

(6²S)-2³-(hydroxymethyl)-1⁷,1⁷,3¹,6²-tetramethyl-1³,1⁴,1⁷,1⁸-tetrahydro-4-aza-1(2)-cyclopenta[4,5]pyrrolo[1,2-a]pyrazina-5(1,4)-piperazina-2(2,4),3(3,5),5(2,5)-tripyridina-7(3)-oxetanaheptaphane-1¹(1⁶H),3⁶(3¹H)-dione
tyrosine kinase inhibitor

fénébrutinib

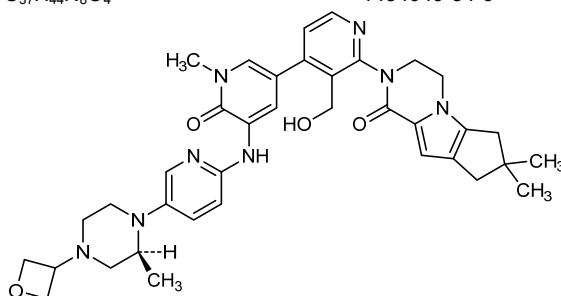
(6²S)-2³-(hydroxyméthyl)-1⁷,1⁷,3¹,6²-tétraméthyl-1³,1⁴,1⁷,1⁸-tétrahydro-4-aza-1(2)-cyclopenta[4,5]pyrrolo[1,2-a]pyrazina-5(1,4)-pipérazina-2(2,4),3(3,5),5(2,5)-tripyridina-7(3)-oxétanaheptaphane-1¹(1⁶H),3⁶(3¹H)-dione
inhibiteur de tyrosine kinase

fenebrutinib

(6²S)-2³-(hidroximetil)-1⁷,1⁷,3¹,6²-tetrametil-1³,1⁴,1⁷,1⁸-tetrahidro-4-aza-1(2)-ciclopenta[4,5]pirrolo[1,2-a]pirazina-5(1,4)-piperazina-2(2,4),3(3,5),5(2,5)-tripiridina-7(3)-oxetanaheptafano-1¹(1⁶H),3⁶(3¹H)-diona
inhibidor de tirosina kinasa

C₃₇H₄₄N₈O₄

1434049-34-6

**firibastatum**

firibastat

4,4'-disulfanediyibis[(3S)-3-aminobutane-1-sulfonic] acid
antihypertensive

firibastat

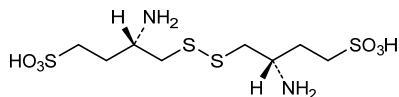
acide 4,4'-disulfanediyibis[(3S)-3-aminobutane-1-sulfonique]
antihypertenseur

firibastat

ácido 4,4'-disulfanodiilbis[(3S)-3-aminobutano-1-sulfónico]
antihipertensivo

C₈H₂₀N₂O₆S₄

648927-86-0

**foligluraxum**

foliglurax

N-{6-[3-(morpholin-4-yl)propyl]-2-(thieno[3,2-c]pyridin-6-yl)-4H-1-benzopyran-4-ylidene}hydroxylamine
glutamate receptor positive modulator

foliglurax

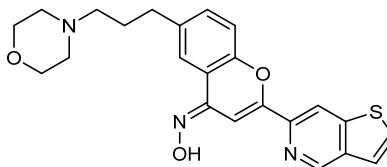
N-[6-[3-(morpholin-4-yl)propyl]-2-(thieno[3,2-*c*]pyridin-6-yl)-4*H*-1-benzopyran-4-ylidène]hydroxylamine
modulateur positif du récepteur glutamate

foliglurax

N-[6-[3-(morfolin-4-il)propil]-2-(tieno[3,2-*c*]piridin-6-il)-4*H*-1-benzopiran-4-ilideno]hidroxilamina
modulador positivo del receptor glutamato

C₂₃H₂₃N₃O₃S

1883329-51-8

**fulacimstatum**

fulacimstat

1-(3-methyl-2-oxo-2,3-dihydro-1,3-benzoxazol-6-yl)-2,4-dioxo-3-[(1*R*)-4-(trifluoromethyl)-2,3-dihydro-1*H*-inden-1-yl]-1,2,3,4-tetrahydropyrimidine-5-carboxylic acid
chymase inhibitor, antifibrotic

fulacimstat

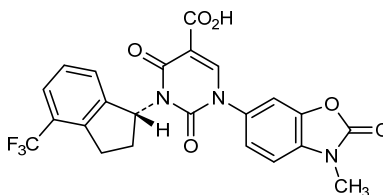
acide 1-(3-méthyl-2-oxo-2,3-dihydro-1,3-benzoxazol-6-yl)-2,4-dioxo-3-[(1*R*)-4-(trifluorométhyl)-2,3-dihydro-1*H*-indén-1-yl]-1,2,3,4-tétrahydropyrimidine-5-carboxylique
inhibiteur de la chymase, antifibrotique

fulacimstat

ácido 1-(3-metil-2-oxo-2,3-dihidro-1,3-benzoxazol-6-il)-2,4-dioxo-3-[(1*R*)-4-(trifluorometil)-2,3-dihidro-1*H*-inden-1-il]-1,2,3,4-tetrahidropirimidina-5-carboxílico
inhibidor de la quimasa, antifibrótico

C₂₃H₁₆F₃N₃O₆

1488354-15-9

**garvagliptinum**

garvagliptin

(2*R*,3*S*,5*R*)-2-(2,5-difluorophenyl)-5-[5-(methanesulfonyl)-3,4,5,6-tetrahydropyrrolo[3,4-*c*]pyrrol-2(1*H*)-yl]oxan-3-amine
antidiabetic

garvagliptine

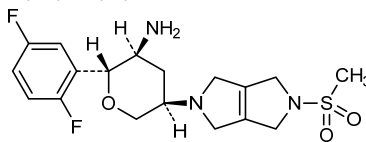
(2*R*,3*S*,5*R*)-2-(2,5-difluorophényl)-5-[5-(méthanesulfonyl)-3,4,5,6-tétrahydropyrrolo[3,4-*c*]pyrrol-2(1*H*)-yl]oxan-3-amine
antidiabétique

garvagliptina

(2*R*,3*S*,5*R*)-2-(2,5-difluorofenil)-5-[5-(metanosulfonil)-3,4,5,6-tetrahidropirrol[3,4-*c*]pirrol-2(1*H*)-il]oxan-3-amina
hipoglucemiante

C₁₈H₂₃F₂N₃O₃S

1601479-87-1



gimsilumabum #
gimsilumab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CSF2 (colony stimulating factor 2 (granulocyte-macrophage), granulocyte-macrophage colony stimulating factor, GM-CSF)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-451) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-74*03 (84.70%) -(IGHD) -IGHJ4*01, L123>P (116) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (218) (122-219), hinge (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362), M107>V (432) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-15*01 (89.50%) -IGKJ2*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (159), V101 (197) (108'-214')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide
immunomodulator

gimsilumab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CSF2 (facteur 2 stimulant de colonies (granulocyte-macrophage), facteur stimulant des colonies de granulocytes et macrophages, GM-CSF)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-451) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-74*03 (84.70%) -(IGHD) -IGHJ4*01, L123>P (116) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1 (CH1 K120 (218) (CH1 (122-219), charnière (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362), M107>V (432) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfure avec la chaîne légère (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-15*01 (89.50%) -IGKJ2*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (159), V101 (197) (108'-214')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure
immunomodulateur

gimsilumab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CSF2 (factor 2 estimulante de colonias (granulocito-macrófago), factor estimulante de colonias de granulocitos y macrófagos, GM-CSF)], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-451) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-74*03 (84.70%) -(IGHD) -IGHJ4*01, L123>P (116) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1 (CH1 K120 (218) (CH1 (122-219), bisagra (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362), M107>V (432) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfuro con la

cadena ligera (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-15*01 (89.50%) -IGKJ2*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (159), V101 (197) (108'-214')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro
inmunomodulador

1648796-29-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS RHHMHWLRQV PGKGPVWVSR 50
INGAGTSITY ADSVRGRFTI SRDNANNTLF LQMNSLRADD TALYFCARAN 100
SVWFRGLFDY WQGGTPVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAAALGCLV 150
KDYFPEPFTV SWNSGALTSG VHTFFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVDKKEV PKSCDKHTC PPCAPELLG GPSVFLFPPK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSRD ELTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTTP 400
VLDSDGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFCSS VVHEALHNNH TQKSLSLSPG 450
K
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
EIVLTQSPVT LSVSPGERVT LSCRASQSVS TNLAWYQQKL QGGPRLLIYG 50
ASTRATDIPA RFGSGGSETE FTLTISSLQS EDFAVYYCQQ YDKWPDFTGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGECC
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22°-96' 148"-204" 265°-325' 371"-429"
22°-96" 148"-204" 265°-325" 371"-429"

Intra-L (C23-C104) 23°-88' 134°-194"
23°-88" 134°-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 224-214' 224"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 230-230" 233-233"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

HVHN84

76, 76"

HCH2N84.4:

301, 301"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

ianalumabum #
ianalumab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF13C (tumor necrosis factor receptor (TNFR) superfamily member 13C, BAFFR, BAFF-R, BR3, B cell activating factor receptor, CD268)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-454) [*Homo sapiens* VH (IGHV6-1*01 (96.00%) -(IGHD) -IGHJ5*01) [10.9.14] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (221) (125-222), hinge (223-237), CH2 (238-347), CH3 E12 (363), M14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3D-11*01 (86.80%) -IGKJ1*01) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimer (233-233":236-236")-bisdisulfide
immunomodulator

ianalumab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF13C (membre 13C de la super famille du récepteur du facteur de nécrose tumorale (TNFR), BAFFR, BAFF-R, BR3, récepteur du facteur d'activation des lymphocytes B], *Homo sapiens* anticorps monoclonal;

ianalumab

chaîne lourde gamma1 (1-454) [*Homo sapiens* VH (IGHV6-1*01 (96.00%) -(IGHD) -IGHJ5*01) [10.9.14] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (221) (125-222), charnière (223-237), CH2 (238-347), CH3 E12 (363), M14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-215')-disulfure avec la chaîne légère (1'-215') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3D-11*01 (86.80%) -IGKJ1*01) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimère (233-233":236-236")-bisdisulfure
immunomodulateur

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF13C (miembro 13C de la super familia del receptor del factor de necrosis tumoral (TNFR), BAFFR, BAFF-R, BR3, receptor del factor de activación de los linfocitos B], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-454) [*Homo sapiens* VH (IGHV6-1*01 (96.00%) -(IGHD) -IGHJ5*01) [10.9.14] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (221) (125-222), bisagra (223-237), CH2 (238-347), CH3 E12 (363), M14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-215')-disulfuro con la cadena ligera (1'-215') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3D-11*01 (86.80%) -IGKJ1*01) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dímero (233-233":236-236")-bisdisulfuro
inmunomodulador

1929549-92-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLQQSGPG LVKPSQTLTL TCAISGDSVS SNSAANGWIR QSPGRGLEWL 50
GRIYYRSKMY NSYAVSVKSR ITINPDTSKN QFSLQLNSVT PEDTAVYYCA 100
RYQWVPKIGV FDSWGQGTTLV TVSSASTKGP SVFPLAPSSK STSGGTAALG 150
CLVKDYFFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPFV LQSSGLYLSL SVVTVPSSSL 200
GTQTYICNVN HKPSNTKVDK RVEPKSCDKT HTCPGPCAPE LLGGPSVFLF 250
PPKPKDTLMI SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV KFNWYVDGVE VHNATKPRE 300
EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW LNKKEYKCKV SNKALPAPIE KTISKAKGP 350
REPQVYTLFP SREEMTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES NGQFENNYKT 400
TPPVLDSDGS FFLYSKLTVD KSRWQQGNVF SCSVMHEALH NHYTQKSLSL 450
SPGK 454

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQFIL PEYLSWYQQK PGQAPRLLIY 50
GSSSRATGVP ARFSGSGSGT DFTLTISSE PEDFAVYYCQ QFYSSPLTFG 100
QGTKVEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNNF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYLSSTLT TSKADYEKH KVVACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEK 215

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-99 151-207 268-328 374-432
22"-99" 151"-207" 268"-328" 374"-432"

Intra-L (C23-C104) 23'-89' 135'-195'
23'''-89''' 135'''-195'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 227-215' 227"-215"

Inter-H-H (h 11, h 14) 233-233" 236-236"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

304, 304"

Afucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes afucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos afucosilados

N-terminal glutamine cyclization

H VH Q1: 1, 1"

C-terminal lysine clipping

H CHS K2: 454, 454"

iberdomidum

iberdomide

(3*S*)-3-[4-({4-[(morpholin-4-yl)méthyl]phényl}méthoxy)-1-oxo-1,3-dihydro-2*H*-isoindol-2-yl]piperidine-2,6-dione
anti-inflammatory

iberdomide

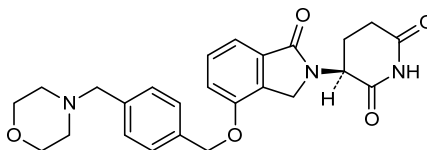
(3*S*)-3-[4-({4-[(morpholin-4-yl)méthyl]phényl}méthoxy)-1-oxo-1,3-dihydro-2*H*-isoindol-2-yl]pipéridine-2,6-dione
anti-inflammatoire

iberdomida

(3*S*)-3-[4-({4-[(morfolin-4-il)metil]fenil}metoxi)-1-oxo-1,3-dihidro-2*H*-isoindol-2-il]piperidina-2,6-diona
antiinflamatorio

C₂₅H₂₇N₃O₅

1323403-33-3

**iladatuzumabum #**

iladatuzumab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD79B (immunoglobulin-associated CD79 beta)], humanized monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-447) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (76.50%) -(IGHD)-IGHJ4*01) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 A1.4>C (118), R120>K (214) (118-215), hinge (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (119-447)], (220-218')-disulfide with kappa light chain (1'-218') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (85.90%) -IGKJ1*01) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

iladatuzumab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD79B (CD79 bêta associé à l'immunoglobuline)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma1 (1-447) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (76.50%) -(IGHD)-IGHJ4*01) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 A1.4>C (118), R120>K (214) (118-215), charnière (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (119-447)], (220-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-218') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (85.90%) -IGKJ1*01) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

iladatuzumab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD79B (CD79 beta asociado a la inmunoglobulina)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada gamma1 (1-447) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (76.50%) -(IGHD)-IGHJ4*01) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 A1.4>C (118), R120>K (214) (118-215), bisagra (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (119-447)], (220-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-218') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (85.90%) -IGKJ1*01) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro
inmunomodulador, antineoplásico

1906205-76-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGYTFS SYWIEWVRQA PGKGLEWIGE 50
ILPGGGDTNY NEIFKGRATF SADTSKNTAY LQMNSLRAED TAVYYCTRRV 100
PIRLDYWGQG TLVTYSSCST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVMWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVTPS SSLGTQTYIC 200
NVNHKPSNTK VDKKVEPKSC DKHTCTPCPCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT 250
LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY 300
RVVSVLTIVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTIKAK GPPEPQVYT 350
LPSSREEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPVLDS 400
DGSFFLYSKL TVDKSRWQGG NVFSCSVMEH ALHNHYTQKS LSLSPGK 447
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQLTQSPSS LSASVGRDVT ITCKASQSDV YEGDSFLNMY QKPKGKAPKL 50
LIYAASNLSE GVPSRFRSGG SGTDTTLTIS SLQPEDFATY YCQQSNEDPL 100
TFGQGTKVEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK GTASVVCVLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLT STLTLSKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSPVPT KSFNRGEC 218
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 144-200 261-321 367-425
22"-96" 144"-200" 261"-321" 367"-425"

Intra-L (C23-C104) 23'-92' 138'-198'
23'''-92''' 138'''-198'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 220-218" 220"-218"

Inter-H-H (h 11, h 14) 226-226" 229-229"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

297, 297"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

iladatuzumabum vedotinum

iladatuzumab vedotin

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD79B (immunoglobulin-associated CD79 beta)], humanized monoclonal antibody conjugated to auristatin E;
gamma1 heavy chain (1-447) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (76.50%) -(IGHD)-IGHJ4*01) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 A1.4>C (118), R120>K (214) (118-215), hinge (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (119-447)], (220-218')-disulfide with kappa light chain (1'-218') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (85.90%) -IGKJ1*01) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide; conjugated on 2 cysteinyl (at the position gamma1 CH1 1.4 (118, 118")), to

	monomethylauristatin E (MMAE), via a cleavable maleimidocaproyl-valyl-citrullinyl-p-aminobenzyloxycarbonyl (mc-val-cit-PABC) type linker For the <i>vedotin</i> part, please refer to the document "<i>INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others</i>". <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
iladatuzumab védotine	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> CD79B (CD79 bêta associé à l'immunoglobuline)], anticorps monoclonal humanisé conjugué à l'auristatine E; chaîne lourde gamma1 (1-447) [VH humanisé (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*04 (76.50%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.10] (1-117) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 A1.4>C (118), R120>K (214) (118-215), charnière (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (119-447)], (220-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-218') [V-KAPPA humanisé (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-39*01 (85.90%) -IGKJ1*01) [10.3.9] (1'-111') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure; conjugué sur 2 cystéinyl (à la position gamma1 CH1 1.4 (118, 118")), au monométhylauristatine E (MMAE), via un linker clivable de type maléimidocaproyl-valyl-citrullinyl-p-aminobenzyloxycarbonyl (mc-val-cit-PABC) Pour la partie <i>védotine</i>, veuillez-vous référer au document "<i>INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others</i>". <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
iladatuzumab vedotina	immunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> CD79B (CD79 beta asociado a la inmunoglobulina)], anticuerpo monoclonal humanizado conjugado con la auristatina E; cadena pesada gamma1 (1-447) [VH humanizado (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*04 (76.50%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.10] (1-117) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 A1.4>C (118), R120>K (214) (118-215), bisagra (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (119-447)], (220-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-218') [V-KAPPA humanizado (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-39*01 (85.90%) -IGKJ1*01) [10.3.9] (1'-111') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro; conjugado con 2 restos cisteinil (en la posición gamma1 CH1 1.4 (118, 118")), con la monometilauristatina E (MMAE), mediante el espaciador escindible de tipo maleimidocaproyl-valil-citrulinil-p-aminobenciloxicarbonil (mc-val-cit-PABC) Para la fracción <i>vedotina</i>, pueden referirse al documento "<i>INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others</i>". <i>immunomodulador, antineoplásico</i>

1906205-77-3

Heavy chain / chaîne lourde / cadena pesada

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGYTFS SYWIEWVRQA PGKGLEWIGE 50
 ILPGGGDTNY NEIFKGRATF SADTSKNTAY LQMNSLRAD TAVYYCTRRV 100
 PIRLDYWGQG TLVTVSSCST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
 PEPVTYSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPS SSLGTQTYIC 200
 NVNHKPSNTK VDKKVEPKSC DKTHTCPCP APPELLGGPSV FLFPKPKDT 250
 LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKENWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY 300
 RVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT 350
 LPPSREEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPPVLD 400
 DGSFFLYSKL TVDKSRWQGG NVFSCSVMEH ALHNHYTQKS LSLSPGK 447

Light chain / chaîne légère / cadena ligera

DIQLTQSPSS LSASVGDRTV ITCKASQSDV YEGDSFLNMY QPKPGKAPKL 50
 LIYAASNLES GVPSRFSGSG SGTDFTLTIS SLQPEDFATY YCQSQSNEDPL 100
 TFGQCTKVEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTSVVCLL NNFYPREAKV 150
 QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLT STLTLSKADY EKHKVYACEV 200
 THQGLSSPVT KSFNRGEC 218

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / position des ponts disulfure / posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 144"-200" 261"-321" 367"-425"
 22"-96" 144"-200" 261"-321" 367"-425"

Intra-L (C23-C104) 23"-92" 138"-198"
 23"-92" 138"-198"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 220-218" 220"-218"

Inter-H-H (h 11, h 14) 226-226" 229-229"

Two cysteinyl (at the position gamma1 CH1 1.4 (118, 118")) are conjugated to a drug linker, each via a thioether bond / Deux cystéinyl (en position gamma1 CH1 1.4 (118, 118")) sont conjugués via une liaison thioéther à un linker-principe actif / Dos cisteinil (en posición gamma1 CH1 1.4 (118, 118")) están conjugados via un enlace tioéter a connector-principio activo.

N-glycosylation sites:

H CH2 N84.4:

297, 297"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

imlifidasum

imlifidase

human immunoglobulin G-degrading cysteine protease from *Streptococcus pyogenes* (IdeS, residues 30-339), produced in *Escherichia coli*;
 L-methionyl-immunoglobulin G-degrading protease (*Streptococcus pyogenes*) (IdeS) pro-protein (30-339)-peptide, produced by *Escherichia coli*
enzyme, immunosuppressant

imlifidase

cystéine protéase de *Streptococcus pyogenes* dégradant l'immunoglobuline G humaine (IdeS, résidus 30-339), produite par *Escherichia coli*;
 L-méthionyl- protéase dégradant l'immunoglobuline G (*Streptococcus pyogenes*) (IdeS) pro-protéine (30-339)-peptide, produite par *Escherichia coli*
enzyme, immunosuppresseur

imlifidasa

cisteína proteasa de *Streptococcus pyogenes* que degrada a la inmunoglobulina G humana (IdeS, residuos 30-339), producido por *Escherichia coli*;
 L-metionil- proteasa que degrada la inmunoglobulina G (*Streptococcus pyogenes*) (IdeS) pro-proteína (30-339)-péptido, producido por *Escherichia coli*
enzima, inmunosupresor

1947415-68-0

Sequence / Séquence / Secuencia

MDSFSANQEI RYSEVTPYHV TSVWTKGVTP PANFTQGEDV FHAPYVANQG 50
 WYDITKTFNG KDDLCCGAAT AGNMLHWWFD QNKDQIKRYL EEHPKQKIN 100
 FNGEQMFDVK EADITKNHQL DSKLFEYFKE KAPPYLSTKH LGVFDPDHVID 150
 MFINGYRLSL TNHGPTEVKE GSKDPRGGIF DAVFTRGDQS KLLTSRHDFF 200
 EKNLKEISDL IKKELTEGKA LGLSHTYANV RINHVINLWG ADFDSNGNLK 250
 AIYVTDSDSN ASIGMKKYFV GVNSAGKVAI SAKEIKEDNI GAQVLGLFTL 300
 STGQDSWNQT N 311

istiratumabum #

istiratumab

immunoglobulin G1-kappa anti-[*Homo sapiens* IGF1R (insulin-like growth factor 1 receptor, IGF1-R, IGF-1R, CD221)], each heavy chain being fused to a scFv anti-[*Homo sapiens*ERBB3 (receptor tyrosine-protein kinase erbB-3, HER3)], *Homo sapiens* monoclonal antibody, bispecific tetravalent;
 gamma1 heavy chain anti-IGFR1 fused to a scFv anti-ERBB3 (1-720) [*Homo sapiens* gamma1 heavy chain {(*Homo sapiens* VH (IGHV3-23*01 (90.80%) -(IGHD) -IGHJ4*01 L123>T (117))[8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens*IGHG1*03v,G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (219) (123-220), hinge (221-235), CH2 (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS K2>del (451))(123-451))(1-451)-15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (452-466) -scFv {(*Homo sapiens* VH (IGHV3-9*01 (92.90%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.15] (467-588) -23-mer alanyl-seryl-threonyl-tetrakis(tetraglycyl-seryl) linker (589-611) -*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV3-19*01 (94.80%) -IGLJ3*02 L124>V (716)) [6.3.11] (612-719) -glycyl (720))(467-720)), (225-214')-disulfide with kappa light chain anti-IGFR1 (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA(IGKV1-12*01 (90.50%) -IGKJ4*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (231-231":234-234")-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

istiratumab

immunoglobuline G1-kappa anti-[*Homo sapiens* IGF1R (récepteur du facteur de croissance 1 analogue à l'insuline, IGF1-R, IGF-1R, CD221)], chaque chaîne lourde étant fusionnée à un scFv anti-[*Homo sapiens* ERBB3 (récepteur à activité tyrosine kinase erbB-3, HER3)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal, bispécifique tétravalent;
 chaîne lourde gamma1 anti-IGFR1 fusionnée à un scFv anti-ERBB3 (1-720) [chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* {(*Homo sapiens* VH (IGHV3-23*01 (90.80%) -(IGHD) -IGHJ4*01 L123>T (117))[8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (219) (123-220), charnière (221-235), CH2 (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS K2>del (451))(123-451))(1-451) -15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (452-466)-scFv {(*Homo sapiens* VH (IGHV3-9*01 (92.90%) -(IGHD) -IGHJ4-01) [8.8.15](467-588) -23-mer alanyl-séryl-thréonyl-tétrakis(tétraglycyl-séryl) linker (589-611) -*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV3-19*01 (94.80%) -IGLJ3*02 L124>V (716)) [6.3.11] (612-719) -glycyl (720))(467-720)), (225-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-IGFR1 (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-12*01 (90.50%) -IGKJ4*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (231-231":234-234")-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

istiratumab

inmunoglobulina G1-kappa anti-[*Homo sapiens* IGF1R (receptor del factor de crecimiento 1 análogo a la insulina, IGF1-R, IGF-1R, CD221)], cada cadena pesada estando fusionada con un scFv anti-[*Homo sapiens* ERBB3 (receptor tirosina-proteína kinasa erbB-3, HER3)], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal, biespecífico tetravalente; cadena pesada gamma1 anti-IGFR1 fusionada con un scFv anti-ERBB3 (1-720) [cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* {(Homo sapiens VH (IGHV3-23*01 (90.80%) - (IGHD) -IGHJ4*01 L123>T (117))[8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (219)(123-220), bisagra (221-235), CH2 (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS K2>del (451))(123-451))(1-451) -15-mer tris(tetraglicil-seril) espaciador (452-466)-scFv {(Homo sapiens VH (IGHV3-9*01 (92.90%) - (IGHD) -IGHJ4-01) [8.8.15](467-588) -23-mer alanil-seril-treonil-tetrakis(tetraglicil-seril) espaciador (589-611) -*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV3-19*01 (94.80%) -IGLJ3*02 L124>V (716)) [6.3.11] (612-719) -glicil (720))(467-720)], (225-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-IGFR1 (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-12*01 (90.50%) -IGKJ4*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (231-231":234-234")-bisdisulfuro
inmunomodulador, antineoplásico

1509928-04-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLLQSGGG LVQPGGSLRL SCAASGFMS RYPMHWRQA PGKLEWVGS 50
ISGSGGATPY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAKDF 100
YQILTGNAPD YWGQGTITVTV SSASTKGPSV FFLAPSSKST SGGTAALGCL 150
VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFFAVLG SSGLYSLSSV VTPSSSLGT 200
QTYICNVNHH PSNTKVDKVK EPKSCDKTHT CPPCPAPELL GGPSVFLFPP 250
KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
YNSTYRVVSV LTVLHQDWLNL GKEYKCKVSN KALPAPIEKT ISKAKGQPRE 350
POVYTLPPSR EEMTKNQVSL TCVLKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTP 400
PVLDSGSGFF LYSKLTVDKS RWQGGNVFSC SVMHEALHNN YTQKSLSLSP 450
GGGGGSGGGG SGGGGSQVQL VQSGGGLVQP GGSRLRSCAA SGFTFDDYAM 500
HWVRQAPGKG LEWVAGISWD SGSTGYADSV KGRFTISRDN AKNSLYLQMN 550
SLRAEDTALY YCARDLGAYQ WVEGFDYWGQ GTLTVTVSSA TGGGGSGGGG 600
SGGGGSGGGG SSYELTQDPA VSVLALQTVR ITCQGDLSLR YYASWYQKPK 650
GQAPVLVIYG KNNRPSGIPD RFGSGTSGNS ASLTITGAQA EDEADYYCNS 700
RDSFGNQWVF GGGTKVTVLG 720
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS LSASLGDRVT ITCRASQGIS SYLAWYQKPK GKAPKLLIYA 50
KSTLQSGVPS RFGSGSGSDT FTLTISSLQP EDSATYYCQQ YWTFPLTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205 266-326 372-430 488-562 633-698
22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430" 488"-562" 633"-698"

Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134"-194"
23'''-88''' 134'''-194'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 225-214' 225"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 231-231" 234-234"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

302, 302"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

ladiratuzumabum #

ladiratuzumab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLC39A6 (solute carrier family 39 member 6, solute carrier family 39 (metal ion transporter) member 6, solute carrier family 39 (zinc transporter) member 6, LIV-1)], humanized monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain (1-450) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (87.60%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (89.00%) -IGKJ4*01) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

ladiratuzumab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLC39A6 (membre 6 de la famille 39 des transporteurs de soluté, membre 6 de la famille 39 (transporteur d'ion métal) des transporteurs de soluté, membre 6 de la famille 39 (transporteur du zinc) des transporteurs de soluté, LIV-1)], anticorps monoclonal humanisé;
 chaîne lourde gamma1 (1-450) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (87.60%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (89.00%) -IGKJ4*01) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

ladiratuzumab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLC39A6 (miembro 6 de la familia 39 de los transportadores de soluto, miembro 6 de la familia 39 (transportador del ión metal) de los transportadores de soluto, miembro 6 de la familia 39 (transportador de zinc) de los transportadores de soluto, LIV-1)], anticuerpo monoclonal humanizado;
 cadena pesada gamma1 (1-450) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (87.60%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (89.00%) -IGKJ4*01) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro
immunomodulador, antineoplásico

1629760-28-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SKKASGLTIE DYYMHWRQA PGQGLEWMGW 50
IDPENGDTFY GPKFQGRVTM TRDTSINTAY MELSLRSDD TAVVYCAVHN 100
AHYGTWFAYW GQGTLLTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKEP KSCDKHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLGQDNLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSRDE LTKNQVSLTLC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTPPV 400
LSDSGSFYLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNYT QKSLSLSPGK 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DVVMTQSFSL LPVTLGQPAS ISCRSSQSLH HSSGNTYLEW YQQRPGQSPR 50
PLIYKISTRF SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDGVV YYCFQGSHPV 100
YTFGGGTKEV IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCV LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'
23'''-93''' 139'''-199'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-219' 223"-219"

Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

ladiratuzumabum vedotinum #
ladiratuzumab vedotin

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLC39A6 (solute carrier family 39 member 6, solute carrier family 39 (metal ion transporter) member 6, solute carrier family 39 (zinc transporter) member 6, LIV-1)], humanized monoclonal antibody conjugated to auristatin E; gamma1 heavy chain (1-450) [humanized VH (*Homo sapiens*IGHV1-2*02 (87.60%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (89.00%) -IGKJ4*01) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide; conjugated, on an average of 4 cysteinyl, to monomethylauristatin E (MMAE), via a cleavable maleimidocaproyl-valyl-citrullinyl-p-aminobenzyloxycarbonyl (mc-val-cit-PABC) type linker
For the vedotin part, please refer to the document "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others".
immunomodulator, antineoplastic

ladiratuzumab védotine

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLC39A6 (membre 6 de la famille 39 des transporteurs de soluté, membre 6 de la famille 39 (transporteur d'ion métal) des transporteurs de soluté, membre 6 de la famille 39 (transporteur du zinc) des transporteurs de soluté, LIV-1)], anticorps monoclonal humanisé conjugué à l'auristatine E; chaîne lourde gamma1 (1-450) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (87.60%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (89.00%) -IGKJ4*01) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure; conjugué, sur 4 cystéinyl en moyenne, au monométhylauristatine E (MMAE), via un linker clivable de type maléimidocaproil-valyl-citrullinyl-p-aminobenzoyloxycarbonyl (mc-val-cit-PABC)

Pour la partie *védotine*, veuillez-vous référer au document "*INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others*".
immunomodulateur, antinéoplasique

ladiratuzumab vedotina

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLC39A6 (miembro 6 de la familia 39 de los transportadores de soluto, miembro 6 de la familia 39 (transportador del ion metal) de los transportadores del soluto, miembro 6 de la familia 39 (transportador del zinc) de los transportadores del soluto, LIV-1)], anticuerpo monoclonal humanizado conjugado con la auristatina E; cadena pesada gamma1 (1-450) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (87.60%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (89.00%) -IGKJ4*01) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro; conjugado, con 4 restos cisteinil, por término medio, con monometilauristatina E (MMAE), mediante un enlace de tipo maleimidocaproil-valil-citrulinil-p-aminobenziloxycarbonil (mc-val-cit-PABC)

Para la fracción *vedotina*, pueden referirse al documento "*INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others*".
immunomodulador, antineoplásico

1629760-29-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGLTIE DYYMHWVQA PGQGLEWMGW 50
 IDPENGDEY GPKFQGRVTM TRDTSINTAY MELSRRLSDD TAVYCAVHN 100
 AHYGTWFAYW GQGTLTVTSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
 DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
 YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
 KDTLMISRTF EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
 STYRVVSVLT VLNQDNLNGK EYKCKVSNKA LPAPIERTIS KAKGQPREPQ 350
 VYTLPPSRDE LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
 LQSDGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DVVMTQSPSL LPVTLGQPAS ISCRSSQSLL HSSGNTYLEW YQQRPGQSPR 50
 PLIYKISTRF SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDGV YYCFQGSHPV 100
 YTFGGGKTVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVCL LNNFYPREAK 150
 VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDYSTSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
 VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
 22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199"
 23'''-93''' 139'''-199'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) * 223-219' 223"-219"

Inter-H-H (h 11, h 14) * 229-229" 232-232"

*Two or three of the inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 4 cysteinyI being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

*Deux ou trois des ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 4 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

*Faltan dos o tres puentes disulfuro inter-catenarios, una media de 4 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

lanacogenum vosiparovecum #

lanacogene vosiparovec

Non-replicating recombinant adeno-associated virus type 5 (AAV5) vector containing a codon-optimised of the wild type human coagulation factor IX (F9, FIX) gene under the control of the liver promoter 1 (LP1).
gene therapy substance (hemophilia B)

lanacogène vosiparovec

vecteur viral adéno-associé recombinant de type 5 (AAV5) non-répliquant contenant une version avec des codons optimisés du gène du facteur IX de coagulation de type sauvage (F9, FIX) humain sous le contrôle du promoteur LP1 des cellules hépatiques.
substance pour thérapie génique (hémophilie B)

lanacogén vosiparovec

Vector del Virus Adeno-asociado de serotipo 5 (AAV5) recombinante, no replicativo, que contiene una versión con codones optimizados del gen del factor de coagulación IX humano (F9, FIX) bajo el control del promotor hepático 1 (LP1).
sustancia de terapia génica (hemofilia B)

1939139-26-0

lazertinibum

lazertinib

N-{5-[(4-{4-[(dimethylamino)methyl]-3-phenyl-1*H*-pyrazol-1-yl}pyrimidin-2-yl)amino]-4-methoxy-2-(morpholin-4-yl)phenyl}prop-2-enamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

lazertinib

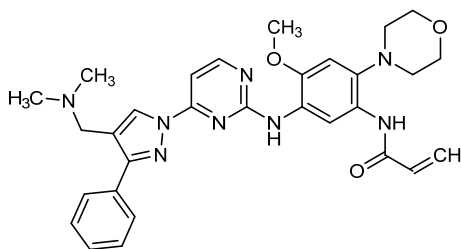
N-{5-[(4-{4-[(diméthylamino)méthyl]-3-phényl-1*H*-pyrazol-1-yl}pyrimidin-2-yl)amino]-4-méthoxy-2-(morpholin-4-yl)phényl}prop-2-enamide
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

lazertinib

N-{5-[(4-{4-[(dimetilamino)metil]-3-fenil-1*H*-pirazol-1-il}pirimidin-2-il)amino]-4-metoxi-2-(morfolin-4-il)fenil}prop-2-enamida
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₃₀H₃₄N₈O₃

1903008-80-9

**leflutrozolum**

leflutrozole

4,4'-[fluoro(1*H*-1,2,4-triazol-1-yl)methylene]dibenzonitrile
aromatase inhibitor, antineoplastic

léflutrozole

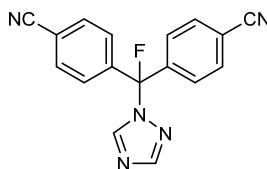
4,4'-[fluoro(1*H*-1,2,4-triazol-1-yl)méthylène]dibenzonitrile
inhibiteur de l'aromatase, antinéoplasique

leflutrozol

4,4'-[fluoro(1*H*-1,2,4-triazol-1-il)metileno]dibenzonitrilo
inhibidor de la aromatasa, antineoplásico

C₁₇H₁₀FN₅

143030-47-1

**lifirafenibum**

lifirafenib

5-((1*R*,1*aS*,6*bR*)-1-[5-(trifluoromethyl)-1*H*-benzimidazol-2-yl]-1*a*,6*b*-dihydro-1*H*-cyclopropa[*b*][1]benzofuran-5-yl]oxy)-3,4-dihydro-1,8-naphthyridin-2(1*H*)-one
antineoplastic

lifirafénib

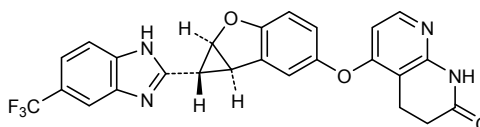
5-(((1*R*,1*aS*,6*bR*)-1-[5-(trifluorométhyl)-1*H*-benzimidazol-2-yl]-1*a*,6*b*-dihydro-1*H*-cyclopropa[*b*][1]benzofuran-5-yl}oxy)-3,4-dihydro-1,8-naphthyridin-2(1*H*)-one
antineoplasique

lifirafenib

5-(((1*R*,1*aS*,6*bR*)-1-[5-(trifluorometil)-1*H*-benzimidazol-2-il]-1*a*,6*b*-dihidro-1*H*-ciclopropa[*b*][1]benzofuran-5-il}oxi)-3,4-dihidro-1,8-naftiridin-2(1*H*)-ona
antineoplásico

C₂₅H₁₇F₃N₄O₃

1446090-79-4



lonapegsomatropinum #
lonapegsomatropin

human somatotropin (growth hormone, GH) produced in *Escherichia coli*, conjugated to a multi-arm polyethylene glycol carrier molecule;

somatotropin (human), produced by *Escherichia coli*, N^{6.Lys}-substitued with one (((1*RS*)-5-[bis(6-(((3*RS*)-1-{3-[[3-((2*RS*)-2,3-bis[ω-methoxypoly(oxyethylene)_n-α-yl]propoxy)propyl)amino]-3-oxopropyl)-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl]sulfanyl)hexyl)amino]-1-[4-((3-(dimethylamino)propyl)(methyl)carbamoyl)oxy)phenyl]-5-oxopentyl)oxy)carbonyl group
growth hormone derivative

lonapegsomatropine

somatotropine humaine (hormone de croissance, GH) produite par *Escherichia coli*, conjuguée à une molécule transporteur multi-bras de polyéthylène glycol;

somatotropine (humaine), produite par *Escherichia coli*, substituée en N^{6.Lys} par un groupe (((1*RS*)-5-[bis(6-(((3*RS*)-1-{3-[[3-((2*RS*)-2,3-bis[ω-méthoxypoly(oxyéthylène)_n-α-yl]propoxy)propyl)amino]-3-oxopropyl)-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl]sulfanyl)hexyl)amino]-1-[4-((3-(diméthylamino)propyl)(méthyl)carbamoyl)oxy)phényl]-5-oxopentyl)oxy)carbonyle
dérivé de l'hormone de croissance

lonapegsomatropina

somatotropina humana (hormona de crecimiento, GH) producida por *Escherichia coli*, conjugada a una molécula transportadora multi-bras de polietileno glicol;

somatotropina (humana), producida por *Escherichia coli*, sustituida en N^{6.Lys} por un grupo (((1*RS*)-5-[bis(6-(((3*RS*)-1-{3-[[3-((2*RS*)-2,3-bis[ω-metoxipoli(oxietileno)_n-α-il]propoxi)propil)amino]-3-oxopropil)-2,5-dioxopirrolidin-3-il]sulfanil)hexil)amino]-1-[4-((3-(dimetilamino)propil)(metil)carbamoil)oxi]fenil]-5-oxopentil)oxi)carbonilo
derivado del factor de crecimiento

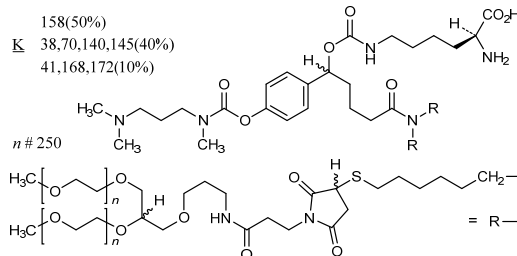
1934255-39-6

Sequence / Séquence / Secuencia

FPTIPLSRRLF DNAMLRARHL HQLAFDTYQE FEEAYIPKEQ KYSFLQNPQT 50
 SLCFSESIPT PSNREETQOK SNLELLRISL LLIQSWLEPV QFLRSVFANS 100
 LVYGASDSNV YDLLKDLEEG IQTLMGRLED GSPRTGQIFK QTYSKFDTNS 150
 HNDDALLKNY GLLYCFRKDM DKVETFLRIV QCRSVEGSCG F 191

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posición de los puentes disulfuro
 53-165 182-189

Potential modified residues / Résidus modifiés potentiels / Restos modificados potenciales



loncastuximabum #
 loncastuximab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD19 (B lymphocyte surface antigen B4, Leu-12)], chimeric monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain (1-449) [*Mus musculus* VH (IGHV1-69*02 (85.70%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.13] (1-120) - *Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), hinge (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-211')-disulfide with kappa light chain (1'-211') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV4-70*01 (91.40%) -IGKJ1*01) [5.3.7] (1'-104') - *Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (150), V101 (188) (105'-211')]; dimer (229-229'':232-232'')-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

loncastuximab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD19 (antigène de surface B4 des lymphocytes B, Leu-12)], anticorps monoclonal chimérique;
 chaîne lourde gamma1 (1-449) [*Mus musculus* VH (IGHV1-69*02 (85.70%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.13] (1-120) - *Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), charnière (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-211')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-211') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV4-70*01 (91.40%) -IGKJ1*01) [5.3.7] (1'-104') - *Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (150), V101 (188) (105'-211')]; dimère (229-229'':232-232'')-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

loncastuximab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD19 (antígeno de superficie B4 de los linfocitos B, Leu-12)], anticuerpo monoclonal quimérico;

cadena pesada gamma1 (1-449) [*Mus musculus* VH (IGHV1-69*02 (85.70%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), bisagra (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-211')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-211') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV4-70*01 (91.40%) -IGKJ1*01) [5.3.7] (1'-104') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (150), V101 (188) (105'-211')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro
inmunomodulador, antineoplásico

1875032-68-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

QVQLVQPGAE VVKPGASVKL SCTSGYTFT SNMHWVKQA PGQGLEWIGE 50
IPSPDSYTNV NQNFQGKAKL TVDKSTSTAY MEVSSLRSDD TAVYYCARGS 100
NPYYYAMDYV QGGTSVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTPFAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVSVLT VLNQDNLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLT LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPPV 400
LDSGGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFCSCV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 449

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

EIVLTQSPAI MSASPGERVV MTCASASSGVN YHWYQQKPG TSPRRWIYDT 50
SKLASGVPAR FSGSGSGTSY SLTISSMEPE DAATYYCHQR GSYTFGGGTK 100
LEIKRTVAAP SVFIFFPSDE QLKSGTASVV CLLNFPYPRE AKVQWKVDNA 150
LQSGNSQESV TEQDSKDSST SLSSTLTLSK ADYKHKVYA CEVTHQGLSS 200
PVTSTFNRGE C 211

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428

22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23"-87" 131"-191"

23'"-87'" 131'"-191'"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-211' 223"-211'"

Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

loncastuximabum tesirinum #
loncastuximab tesirine

immunoglobulin G1-kappa, anti-*[Homo sapiens* CD19 (B lymphocyte surface antigen B4, Leu-12)], chimeric monoclonal antibody conjugated to the pyrrolobenzodiazepine (PBD) dimer SCX;
gamma1 heavy chain (1-449) [*Mus musculus* VH (IGHV1-69*02 (85.70%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), hinge (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-211')-disulfide with kappa light chain

loncastuximab tésirine

(1'-211') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV4-70*01 (91.40%) -IGKJ1*01) [5.3.7] (1'-104') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (150), V101 (188) (105'-211')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide; conjugated, on an average of 2 cysteines, to the pyrrolobenzodiazepine (PBD) dimer SCX, via a cleavable (valine-alanine dipeptide as cathepsine B cleavage site) maleimide type linker containing a spacer PEG (n=8)

For the *tesirine* part, please refer to the prop.INN List 113, published in the *WHO Drug Information*, Vol.29, No.2, 2015.

immunomodulator, antineoplastic

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD19 (antigène de surface B4 des lymphocytes B, Leu-12)], anticorps monoclonal chimérique conjugué au dimère de pyrrolobenzodiazépine (PDB) SCX; chaîne lourde gamma1 (1-449) [*Mus musculus* VH (IGHV1-69*02 (85.70%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), charnière (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-211')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-211') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV4-70*01 (91.40%) -IGKJ1*01) [5.3.7] (1'-104') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3(105'-211')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure ; conjugué, sur 2 cystéines en moyenne, au dimère de pyrrolobenzodiazépine (PBD) SCX, via un linker clivable (dipeptide valine-alanine clivable par la cathepsine B) de type maléimide et comprenant un espaceur PEG (n=8)

Pour la partie *tesirine*, veuillez vous référer à la Liste 113 des DCI prop., publiée dans le *WHO Drug Information*, Vol.29, No.2, 2015.

immunomodulateur, antinéoplasique

loncastuximab tesirina

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD19 (antígeno de superficie B4 de los linfocitos B, Leu-12)], anticuerpo monoclonal quimérico conjugado con el dímero de pirrolobenzodiazepina (PDB) SCX; cadena pesada gamma1 (1-449) [*Mus musculus* VH (IGHV1-69*02 (85.70%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), bisagra (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-211')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-211') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV4-70*01 (91.40%) -IGKJ1*01) [5.3.7] (1'-104') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3(105'-211')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro ; conjugado, en una media de 2 cisteinil, con el dímero de pirrolobenzodiazepina (PBD) SCX, mediante un conector escindible (dipéptido valina-alanina escindible por la catepsina B) de tipo maleimida y comprende un espaciador PEG (n=8)

Para la fracción *tesirina* se puede referir a la Lista 113 de DCI prop., publicada en el *WHO Drug Information*, Vol.29, No.2, 2015.

immunomodulador, antineoplásico

1879918-31-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQPGAE VVKPGASVKL SCTSGYTFT SNWMHWVKQA PGQGLEWIGE 50
 IDPSDSYTNV NQNFQGKAKL TVDKSTSTAY MEVSSLSRSD TAVYYCARGS 100
 NPYYYAMDYW GQCTSVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
 DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTPFAVLQSS GLYSLSVVT VPSSSLGTQT 200
 YICNVNHKPS NTKVDKKVEF KSCDKHTTCP PCPAPELLGG PSVFLFFPKP 250
 KDTLMISRTF EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
 VYTLPPSREE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPPV 400
 LDSGGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

EIVLTQSPAI MSASPGERV MTCSASSGVN YMHVYQOKPG TSPRRWIYDT 50
 SKLASGVPAR FSGSGSGTSY SLTISSMEPE DAATYYCHQR GSYTFGGGTK 100
 LEIKRTVAAP SVFIFFPSDE QLKSGTASVV CLLNNFYPRE AKVQWKVDNA 150
 LQSGNSQESV TEQDSKDSY SLSSTLTLSK ADYEKHKVYA CEVTHQGLSS 200
 PVTKSFNRGE C 211

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
 22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23'-87' 131'-191'
 23'''-87''' 131'''-191'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) * 223-211' 223"-211"

Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

*One or two of the inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 2 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

*Un ou deux des ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 2 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

*Faltan dos o tres puentes disulfuro inter-catenarios, una media de 2 cisteinil conjugados con sendos enlaces tioéter, a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

loxicodegolum

loxicodegol

4,5 α -epoxy-6 α -[(2,5,8,11,14,17-hexaoxonadecan-19-yl)oxy]-3-methoxy-17-methylmorphinan-14-ol
 μ -opioid receptor agonist

loxicodégol

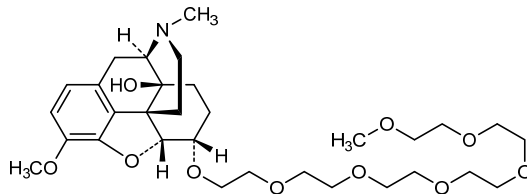
4,5 α -époxy-6 α -[(2,5,8,11,14,17-hexaoxonadécan-19-yl)oxy]-3-méthoxy-17-méthylmorphinan-14-ol
agoniste des récepteurs opioïdes μ

loxicodegol

4,5 α -epoxi-6 α -[(2,5,8,11,14,17-hexaoxonadecan-19-il)oxy]-3-metoxi-17-metilmorfinan-14-ol
agonista de los receptores μ opioïdes

C₃₁H₄₉NO₁₀

1211231-76-3



lumasiranum
lumasiran

{(2*S*,4*R*)-1-[1-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis-({3-[3-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}propyl)amino]-3-oxopropoxy)methyl]-5,11,18-trioxo-14-oxa-6,10,17-triazanonacosan-29-oyl]-4-hydroxypyrrolidin-2-yl)methyl hydrogen *all-P-ambo*-2'-O-methyl-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-methyl-*P*-thioadenyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidyl-(3'→5')-2'-O-methyluridyl-(3'→5')-2'-O-methyluridyl-(3'→5')-2'-O-methyluridyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidyl-(3'→5')-2'-O-methyladenyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidyl-(3'→5')-2'-O-methyluridyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenyl-(3'→5')-2'-O-methyladenyl-(3'→5')-2'-O-methyladenyl-(3'→5')-2'-O-methyluridyl-(3'→5')-2'-O-methyladenyl-(3'→5')-2'-O-methyluridyl-(3'→5')-2'-O-methyl-3'-adenylate duplex with *all-P-ambo*-2'-O-methyl-*P*-thioadenyl-(5'→3')-2'-O-methyl-*P*-thiocytidyl-(5'→3')-2'-O-methylcytidyl-(5'→3')-2'-O-methyluridyl-(5'→3')-2'-O-methylguanylyl-(5'→3')-2'-O-methyladenyl-(5'→3')-2'-O-methyladenyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenyl-(5'→3')-2'-O-methylguanylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorouridyl-(5'→3')-2'-O-methyladenyl-(5'→3')-2'-O-methylguanylyl-(5'→3')-2'-O-methyladenyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorocytidyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorocytidyl-(5'→3')-2'-O-methyluridyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorouridyl-(5'→3')-2'-O-methyluridyl-(5'→3')-2'-O-methyladenyl-(5'→3')-2'-O-methyl-*P*-thiouridyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thioadenyl-(5'→3')-2'-O-methyluridine
glycolate oxidase synthesis inhibitor

lumasiran

hydrogéno-*tout-P-ambo*-2'-O-méthyl-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thioadényl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidyl-(3'→5')-2'-O-méthyladényl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladényl-(3'→5')-2'-O-méthyladényl-(3'→5')-2'-O-méthyluridyl-(3'→5')-2'-O-méthyladényl-(3'→5')-2'-O-méthyluridyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-3'-adénylate de {(2*S*,4*R*)-1-[1-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis-({3-[3-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}propyl)amino]-3-oxopropoxy)méthyl]-6,10,18-trioxo-14-oxa-6,10,17-triazanonacosan-29-oyl]-4-hydroxypyrrolidin-2-yl)méthyle

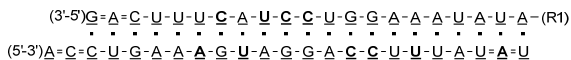
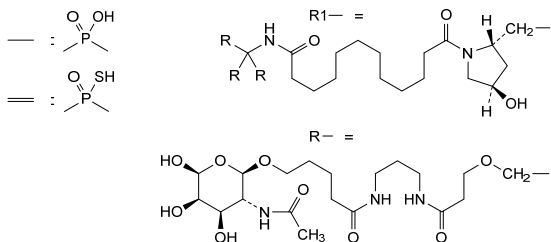
duplex avec *tout-P-ambo-2'-O-méthyl-P-thioadénylyl-(5'→3')-2'-O-méthyl-P-thiocytidylyl-(5'→3')-2'-O-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-O-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-O-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-O-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-O-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-O-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-O-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-O-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-O-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-O-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-O-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-O-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-O-méthyl-P-thiouridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoro-P-thioadénylyl-(5'→3')-2'-O-méthyluridine*
inhibiteur de la synthèse de la glycolate oxydase

lumasirán

hidrógeno-*todo-P-ambo-2'-O-metil-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-metil-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-metil-3'-adenilato de {(2S,4R)-1-{1-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]-16,16-bis-[(3-{(3-{5-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]pentanamido}propil)amino]-3-oxopropoxi}metil)-6,10,18-trioxo-14-oxa-6,10,17-triazanonacosan-29-ol}-4-hidroxipirrolidin-2-il}metilo*
dúplex con todo-P-ambo-2'-O-metil-P-tioadenilil-(5'→3')-2'-O-metil-P-tiocitidilil-(5'→3')-2'-O-metilcitidilil-(5'→3')-2'-O-metiluridilil-(5'→3')-2'-O-metilguanilil-(5'→3')-2'-O-metiladenilil-(5'→3')-2'-O-metiladenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-O-metilguanilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(5'→3')-2'-O-metiladenilil-(5'→3')-2'-O-metilguanilil-(5'→3')-2'-O-metilguanilil-(5'→3')-2'-O-metiladenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(5'→3')-2'-O-metiluridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(5'→3')-2'-O-metiluridilil-(5'→3')-2'-O-metiladenilil-(5'→3')-2'-O-metil-P-thiouridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoro-P-tioadenilil-(5'→3')-2'-O-metiluridina
inhibidor de la síntesis de la glicolato oxidasa

$C_{530}H_{712}F_{10}N_{173}O_{320}P_{43}S_6$

1834610-13-7

 $\bar{X}$: 2'-deoxy-2'-fluoro-X / $\bar{X}$: 2'-désoxy-2'-fluoro-X $\underline{X}$: 2'-O-methyl-X / $\underline{X}$: 2'-O-méthyl-X**mardepodectum**

mardepodect

2-({4-[1-methyl-4-(pyridin-4-yl)-1H-pyrazol-3-yl]phenoxy}methyl)quinoline
phosphodiesterase 10A (PDE10A) inhibitor

mardépodect

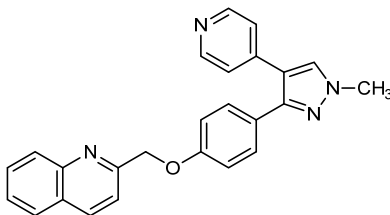
2-({4-[1-méthyl-4-(pyridin-4-yl)-1H-pyrazol-3-yl]phénoxy}méthyl)quinoléine
inhibiteur de la phosphodiesterase 10A (PDE10A)

mardepodect

2-({4-[1-metil-4-(piridin-4-il)-1H-pirazol-3-il]fenoksi}metil)quinoleína
inhibidor de la fosfodiesterasa 10A (PDE10A)

 $C_{25}H_{20}N_4O$

898562-94-2

**milademetanum**

milademetan

(3'R,4'S,5'R)-N-[(3R,6S)-6-carbamoyloxan-3-yl]-6"-chloro-4'-(2-chloro-3-fluoropyridin-4-yl)-4,4-dimethyl-2"-oxo-1",2"-dihydrodispiro[cyclohexane-1,2'-pyrrolidine-3',3"-indole]-5'-carboxamide
antineoplastic

miladémétan

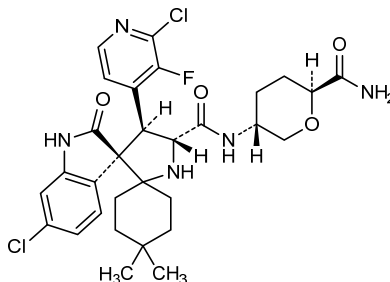
(3'R,4'S,5'R)-N-[(3R,6S)-6-carbamoyloxan-3-yl]-6"-chloro-4'-(2-chloro-3-fluoropyridin-4-yl)-4,4-diméthyl-2"-oxo-1",2"-dihydrodispiro[cyclohexane-1,2'-pyrrolidine-3',3"-indole]-5'-carboxamide
antinéoplasique

milademetán

(3*R*,4'*S*,5'*R*)-*N*-[(3*R*,6*S*)-6-carbamoyloxan-3-yl]-6"-cloro-4'-(2-cloro-3-fluoropiridin-4-yl)-4,4-dimetil-2"-oxo-1",2"-dihidrodispiro[ciclohexano-1,2'-pirrolidina-3',3"-indol]-5'-carboxamida
antineoplásico

C₃₀H₃₄Cl₂FN₅O₄

1398568-47-2



minesapridum
minesapride

4-amino-5-chloro-*N*-{[(2*S*)-4-{[1-(hydroxyacetyl)piperidin-4-yl]methyl}morpholin-2-yl]methyl}-2-methoxybenzamide
serotonin receptor agonist, prokinetic agent

minésapride

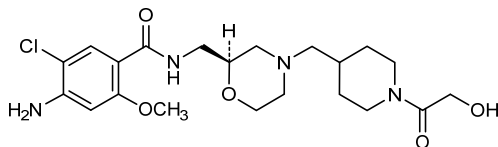
4-amino-5-chloro-*N*-{[(2*S*)-4-{[1-(hydroxyacetyl)pipéridin-4-yl]méthyl}morpholin-2-yl]méthyl}-2-méthoxybenzamide
agoniste des récepteurs de la sérotonine, prokinétique

minesaprida

4-amino-5-cloro-*N*-{[(2*S*)-4-{[1-(hidroxiacetil)piperidin-4-il]metil}morfolin-2-il]metil}-2-metoxibenzamida
agonista del receptor de la serotonina

C₂₁H₃₁ClN₄O₅

1184662-54-1



miralimogenum ensolisbacum #
miralimogene ensolisbac

Recombinant live-attenuated double-deleted (LADD) strain of *Listeria monocytogenes* (*Lm* Δ*actA*/Δ*inlB*) expressing a fusion protein comprising the N-terminal 100 amino acids of the *Lm* ActA protein (ActAN100) and amino acids 35-622 of human mesothelin (MSLN) protein, under the control of the *Lm actA* (actin-assembly inducing protein precursor) promoter, and contained within an expression cassette of 2306 bp inserted at the *Lm inlB* (internalin B) locus
bacteria genetically modified (antineoplastic)

miralimogène ensolisbac	souche vivante atténuée recombinante de <i>Listeria monocytogenes</i> (<i>Lm ΔactA/ΔinlB</i>) avec double deletion, exprimant une protéine de fusion qui consiste en les 100 acides aminés à l'extrémité N-terminale de la protéine <i>Lm</i> ActA (<i>ActAN100</i>) et les acides aminés 35-622 de la mésothéline humaine (<i>MSLN</i>), sous le contrôle du promoteur de <i>Lm actA</i> (précurseur de la protéine induisant l'assemblage de l'actine), et contenu dans une cassette d'expression de 2306 paires de bases insérée sur le locus de <i>Lm inlB</i> (internaline B). <i>bactérie génétiquement modifiée (antinéoplasique)</i>
miralimogén ensolisbac	Cepa viva atenuada recombinante, con doble deleción, de <i>Listeria monocytogenes</i> (<i>Lm ΔactA/ΔinlB</i>) que expresa una proteína de fusión consistente en los 100 amino ácidos N-terminales de la proteína <i>Lm</i> ActA (<i>ActAN100</i>) y los amino ácidos 35-622 de la mesotelina humana (<i>MSLN</i>), bajo el control del promotor de <i>Lm actA</i> (precursor de la proteína inductora del ensamblaje de la actina), y contenido dentro de un casete de expresión de 2306 pares de bases insertado en el locus de <i>Lm inlB</i> (internalina B). <i>bacteria modificada genéticamente (antineoplásico)</i>
mirikizumabum # mirikizumab	immunoglobulin G4-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> IL23A (interleukin 23 subunit alpha, IL-23A, IL-23 subunit p19, IL23p19)], humanized monoclonal antibody; gamma4 heavy chain (1-441) [humanized VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-2*02 (82.70%) -(IGHD) -IGHJ6*01) [8.8.8] (1-115) - <i>Homo sapiens</i> IGHG4*01 (CH1 (116-213), hinge S10>P (223) (214-225), CH2 F1.3>A (229), L1.2>A (230) (226-335), CH3 (336-440), CHS K>del (441)) (116-441)], (129-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [humanized V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-39*01 (85.30%) -IGKJ4*01) [6.3.9] (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (221-221":224-224")-bisdisulfide <i>immunomodulator</i>
mirikizumab	immunoglobuline G4-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> IL23A (interleukine 23 sous-unité alpha, IL-23A, IL-23 sous-unité p19, IL23p19)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma4 (1-441) [VH humanisé (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-2*02 (82.70%) -(IGHD) -IGHJ6*01) [8.8.8] (1-115) - <i>Homo sapiens</i> IGHG4*01 (CH1 (116-213), charnière S10>P (223) (214-225), CH2 F1.3>A (229), L1.2>A (230) (226-335), CH3 (336-440), CHS K>del (441)) (116-441)], (129-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA humanisé (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-39*01 (85.30%) -IGKJ4*01) [6.3.9] (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (221-221":224-224")-bisdisulfure <i>immunomodulateur</i>

mirikizumab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL23A (interleukina 23 subunidad alfa, IL-23A, IL-23 subunidad p19, IL23p19)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma4 (1-441) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (82.70%) -(IGHD) -IGHJ6*01) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (116-213), bisagra S10>P (223) (214-225), CH2 F1.3>A (229), L1.2>A (230) (226-335), CH3 (336-440), CHS K>del (441)) (116-441)], (129-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (85.30%) -IGKJ4*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (221-221":224-224")-bisdisulfuro
immunomodulador

1884201-71-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGYKFT RYVMHWVRQA PGQGLEWMGY 50
INPYNDGTNY NEKFKGRVTI TADKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCARNW 100
DTGLWGQGT VTVSSASTKG PSVFPLAPCS RSTSESTAAL GCLVKDYFPE 150
PVTISWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVPSSS LGTKTYTCNV 200
DHKPSNTKVD KRVSKEYGPP CPPCPAPEAA GGPSVFLFPP KPKDTLMISR 250
TPEVTCVVVD VSQEDPEVQF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ FNSTYRVVSV 300
LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KGLPSSIEKT ISKAKGPPE PQVYTLPPSQ 350
EEMTKNQVSL TCLVKGFPYS DIAVEWESNG QPENNYKTF PVLDSGGSFF 400
LYSLRLTVDKS RWQEGNVFSC SVMHEALHNN YTQKSLSLSL G 441

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCKASDHIL KFLTWYQQKP GKAPKLLIYG 50
ATSLTGVPSS RFGSGSGSDT FTLTISLQPD EDFATYCCQM YWSTPFTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 142-198 256-316 362-420
22"-96" 142"-198" 256"-316" 362"-420"

Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194"
23'''-88''' 134'''-194'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 129-214' 129"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 221-221" 224-224"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

292, 292"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenários complexos fucosilados

mosunetuzumabum #
mosunetuzumab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon) and *Homo sapiens* MS4A1 (membrane-spanning 4-domains subfamily A member 1, CD20)], humanized monoclonal antibody, bispecific; gamma1 heavy chain anti-CD3E (1-449) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (82.70%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (216) (120-217), hinge (218-232), CH2 N84.4>G (299) (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360), T22>S (368) / L24>A (370) / Y86>V (409) (hole) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-219')-disulfide with kappa light chain anti-CD3E (1'-219') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (91.80%) -IGKJ1*01) [12.3.8] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')];

	gamma1 heavy chain anti-MS4A1 (1-452) [humanized VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*04 (81.60%) -(IGHD)-IGHJ4*01) [8.8.15] (1-122) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (219) (123-220), hinge (221-235), CH2 N84.4>G (302) (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363), T22>W (371) (knob) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-213')-disulfide with kappa light chain anti-MS4A1 (1'-213') [humanized V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-39*01 (86.50%) -IGKJ1*01) [5.3.9] (1'-106') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dimer (228-231":231-234")-bisdisulfide <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
mosunétuzumab	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> CD3E (CD3 epsilon) et <i>Homo sapiens</i> MS4A1 (membre 1 de la sous-famille A à 4 domaines transmembranaires, CD20)], anticorps monoclonal humanisé, bispécifique; chaîne lourde gamma1 anti-CD3E (1-449) [VH humanisé (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-3*01 (82.70%) -(IGHD)-IGHJ4*01) [8.8.12] (1-119) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (216) (120-217), charnière (218-232), CH2 N84.4>G (299) (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360), T22>S (368) / L24>A (370) / Y86>V (409) (hole) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-CD3E (1'-219') [V-KAPPA humanisé (<i>Homo sapiens</i> IGKV4-1*01 (91.80%) -IGKJ1*01) [12.3.8] (1'-112') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; chaîne lourde gamma1 anti-MS4A1 (1-452) [VH humanisé (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*04 (81.60%) -(IGHD)-IGHJ4*01) [8.8.15] (1-122) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (219) (123-220), charnière (221-235), CH2 N84.4>G (302) (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363), T22>W (371) (knob) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-MS4A1 (1'-213') [V-KAPPA humanisé (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-39*01 (86.50%) -IGKJ1*01) [5.3.9] (1'-106') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dimère (228-231":231-234")-bisdisulfure <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
mosunetuzumab	immunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> CD3E (CD3 epsilon) y <i>Homo sapiens</i> MS4A1 (miembro 1 de la subfamilia A con 4 dominios transmembranarios, CD20)], anticuerpo monoclonal humanizado, biespecífico; cadena pesada gamma1 anti-CD3E (1-449) [VH humanizado (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-3*01 (82.70%) -(IGHD)-IGHJ4*01) [8.8.12] (1-119) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (216) (120-217), bisagra (218-232), CH2 N84.4>G (299) (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360), T22>S (368) / L24>A (370) / Y86>V (409) (hole) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-CD3E (1'-219') [V-KAPPA humanizado (<i>Homo sapiens</i> IGKV4-1*01 (91.80%) -IGKJ1*01) [12.3.8] (1'-112') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')];

cadena pesada gamma1 anti-MS4A1 (1-452) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (81.60%) - (IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (219) (123-220), bisagra (221-235), CH2 N84.4>G (302) (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363), T22>W (371) (knob) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-MS4A1 (1'-213') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.50%) -IGKJ1*01) [5.3.9] (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]]; dímero (228-231":231-234")-bisdisulfuro
inmunomodulador, antineoplásico

1905409-39-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-CD3E)

```
EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT NYYIHWVRQA PGQGLEWIGW 50
IYPGDGNTKY NEKFKGRATL TADTSTSTAY LELSLRSED TAVYYCARD 100
YSNYYFDYWG QGTLVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEFVTVSW NSGALTSGVH TTPAVLQSSG LYSLSVTVV PSSLGQTQY 200
ICNVNHHKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTPF VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNK TKPREEQYGS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIETISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSREEM TKNQVSLSCA VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
DSGSGFFLV S KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-CD3E)

```
DIVMTQSPDS LAVSLGERAT INCKSSQSL NSRTRKNYLA WYQKPGQPP 50
KLLIYWASTR ESGVDFRFSG SSGSDFTLT ISSLQAEDVA VYYCTQSFIL 100
RTFGQGTKE IRTVAAPS FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREK 150
VQWKVDNALQ SGNQSQSVTE QDSKDSYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219
```

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-MS4A1)

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGYTFT SYNHWVRQA PGKLEWVGA 50
IYPNGDTSY NQKFKGRFTI SVDKSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARV 100
YYSNSYWFYD VWQGTLTVT SSASTKGPSV FPLAPSSKST SGGTAALGCL 150
VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTFVSSSLGT 200
QTYICNVNHH PSNTKVDKKV EPKSCDKTHT CPPCPAPELL GGPVFLFPP 250
KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSHEDPEVK NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
YGSTYRVVSV LTVLHQDWLN GREYKCKVSN KALPAPIEKT ISKAKGPRE 350
PQVYTLPPSR EEMTKNQVSL WCLVKGFPYPS DIAVEWESNG QPENNYKTP 400
PVLDSGDSFF LYSKLTVDKS RWQQGNVFSC SVMHEALHNH YTKSLSLSP 450
GK 452
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-MS4A1)

```
DIQMTQSPSS LSAVSGDRVIT ITCRASSSVS YMHWYQQKPG KAPKPLIYAP 50
SNLASGVPSR FSGSGSGTDF LTISSLQPE DFATYYCQW SFNPPTFGQ 100
TKVEIKRTVA APSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLLNNFYP REAKVQWKVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSSTLT SKADYEKHKV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFN R GEC 213
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427
22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"

Intra-L (C23-C104) 23'-94" 139"-199"
23"-87" 133"-193"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-219" 225"-213"

Inter-H-H (h 11, h 14) 228-231" 231-234"

nadofaragenum firadenovecum #
nadofaragene firadenovec

Replication-deficient adenovirus type 5 (Ad5) vector encoding the human interferon alpha 2 (IFNA2, interferon alpha-2b) gene under the control of the cytomegalovirus (CMV) immediate-early enhancer/promoter.
gene therapy substance (antineoplastic)

nadofaragène firadénovec

Vecteur adénoviral de type 5 (Ad5) à la réplication déficiente, codant pour le gène de l'interféron alpha 2 (IFNA2, interféron alpha-2b) humain sous le contrôle de l'activateur/promoteur immédiat-précoce du cytomegalovirus (CMV).
substance pour thérapie génique (antinéoplasique)

nadofaragén firadenovec

Vector de adenovirus tipo 5 (Ad5) deficiente de replicación, que codifica para el gen del interferón alfa 2 humano (IFNA2, interferón alfa-2b) bajo el control del promotor/*enhancer* inmediato-temprano del citomegalovirus (CMV).
sustancia de terapia génica (antineoplásico)

1823059-12-6

namodenosonum

namodenoson

1-(2-chloro-6-[[[(3-iodophenyl)methyl]amino]-9*H*-purin-9-yl]-1-deoxy-*N*-methyl-β-D-ribofuranuronamide
adenosine receptor agonist

namodénoson

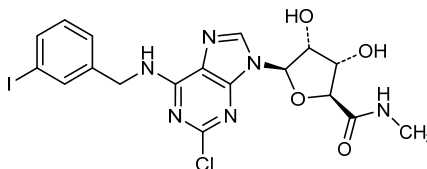
1-(2-chloro-6-[[[(3-iodophényl)methyl]amino]-9*H*-purin-9-yl]-1-désoxy-*N*-méthyl-β-D-ribofuranuronamide
agoniste du récepteur de l'adénosine

namodenosón

1-(2-cloro-6-[[[(3-iodofenil)metil]amino]-9*H*-purin-9-il]-1-desoxi-*N*-metil-β-D-ribofuranuronamida
agonista del receptor de la adenosina

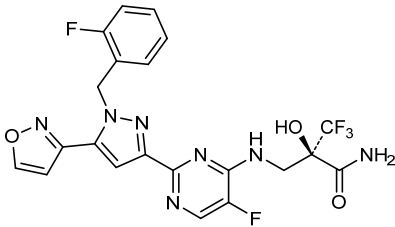
C₁₈H₁₈ClIN₆O₄

163042-96-4

**nangibotidum**

nangibotide

human trem-like transcript 1 protein (TLT-1, triggering receptor expressed on myeloid cells-like protein 1) (79-90)-peptide 12-amide:
 L-leucyl-L-glutaminy-L-α-glutamyl-L-α-glutamyl-
 L-α-aspartyl-L-alanylglycyl-L-α-glutamyl-L-tyrosylglycyl-
 L-cysteiny-L-methioninamide
TREM-1 (Triggering receptor expressed on myeloid cells-1)-activation inhibitor

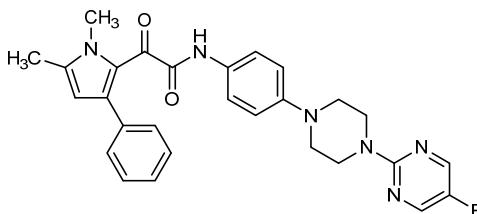
nangibotide	protéine transcrit 1 semblable au trem humain (TLT-1, protéine 1 semblable au récepteur déclenchant exprimé par les cellules myéloïdes) (79-90)-peptide 12-amide: L-leucyl-L-glutaminy-L-α-glutamyl-L-α-glutamyl-L-α-aspartyl-L-alanylglycyl-L-α-glutamyl-L-tyrosylglycyl-L-cystéinyl-L-méthioninamide <i>inhibiteur de l'activation du récepteur TREM-1</i>
nangibotida	proteína transcrito 1 parecido al trem humano (TLT-1, proteína 1 parecida al receptor desencadenante expresado por las células mieloides) (79-90)-péptido 12-amida: L-leucil-L-glutaminil-L-α-glutamyl-L-α-glutamyl-L-α-aspartil-L-alanilglicil-L-α-glutamyl-L-tirosilglicil-L-cisteinil-L-metioninamida <i>inhibidor de la activación del receptor TREM-1</i> $C_{54}H_{82}N_{14}O_{22}S_2$ 2014384-91-7 H-Leu-Gln-Glu-Glu-Asp-Ala-Gly-Glu-Tyr-Gly-Cys-Met-NH₂ 12
olinciguatum	(2<i>R</i>)-3,3,3-trifluoro-2-[[[(5-fluoro-2-{1-[(2-fluorophenyl)methyl]-5-(1,2-oxazol-3-yl)-1<i>H</i>-pyrazol-3-yl]pyrimidin-4-yl)amino]methyl]-2-hydroxypropanamide <i>guanylate cyclase activator</i>
olinciguat	(2<i>R</i>)-3,3,3-trifluoro-2-[[[(5-fluoro-2-{1-[(2-fluorophényl)méthyl]-5-(1,2-oxazol-3-yl)-1<i>H</i>-pyrazol-3-yl]pyrimidin-4-yl)amino]méthyl]-2-hydroxypropanamide <i>activateur de la guanylate cyclase</i>
olinciguat	(2<i>R</i>)-3,3,3-trifluoro-2-[[[(5-fluoro-2-{1-[(2-fluorofenil)metil]-5-(1,2-oxazol-3-il)-1<i>H</i>-pirazol-3-il]pirimidin-4-il)amino]metil]-2-hidroxiopropanamida <i>activador de la guanilato ciclase</i> $C_{21}H_{16}F_5N_7O_3$ 1628732-62-6
olorofimum	
olorofim	2-(1,5-dimethyl-3-phenyl-1<i>H</i>-pyrrol-2-yl)-<i>N</i>-{4-[4-(5-fluoropyrimidin-2-yl)piperazin-1-yl]phenyl}-2-oxoacetamide <i>antifungal</i>
olorofim	2-(1,5-diméthyl-3-phényl-1<i>H</i>-pyrrol-2-yl)-<i>N</i>-{4-[4-(5-fluoropyrimidin-2-yl)pipérazin-1-yl]phényl}-2-oxoacétamide <i>antifongique</i>

olorofim

2-(1,5-diméthyl-3-phényl-1H-pyrrol-2-yl)-N-[4-(5-fluoropyrimidin-2-yl)piperazin-1-yl]phényl]-2-oxoacétamida
antifúngico

C₂₈H₂₇FN₆O₂

1928707-56-5

**omberacetamum**

omberacetam

ethyl 1-phenylacetyl-L-prolylglycinate
nootropic

ombéracétam

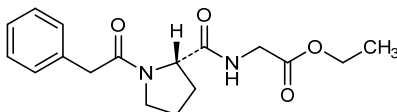
1-phénylacétyl-L-prolylglycinate d'éthyle
nootrope

omberacetam

1-fenilacetil-L-prolilglicinato de etilo
nootropo

C₁₇H₂₂N₂O₄

157115-85-0

**onasemnogenum abeparvovec**

onasemnogene abeparvovec

Non-replicating recombinant self-complementary (sc) adeno-associated virus serotype 9 (AAV9) vector containing the cDNA of the survival of motor neuron 2 (SMN2) gene under the control of the hybrid cytomegalovirus (CMV) enhancer/chicken beta-actin promoter (CBA).

gene therapy substance (spinal muscular atrophy)

onasemnogène abéparvovec

vecteur viral adéno-associé recombinant de sérotype 9 (rAAV9) non-répliquant et auto-complémentaire, contenant l'ADNc du gène de survie des motoneurones 2 (SMN2) sous le contrôle de l'hybride de l'activateur du cytomégalo virus (CMV) et du promoteur de l'actine bêta du poulet (ABP, CBA).

substance pour thérapie génique (amyotrophie spinale)

onasemnógen abeparvovec

vector viral adeno-asociado de serotipo 9 (AAV9) recombinante, no replicativo y auto complementario, que contiene el cADN del gen de la supervivencia de neuronas motoras 2 (SMN2) bajo el control del híbrido del *enhancer* de citomegalovirus (CMV) y el promotor de la beta-actina de pollo (CBA).

sustancia de terapia génica (atrofia muscular espinal)

1922968-73-7

opaganibum

opaganib

3-(4-chlorophenyl)-*N*-[(pyridin-4-yl)methyl]adamantane-1-carboxamide

antineoplastica

opaganib

3-(4-chlorophényl)-*N*-[(pyridin-4-yl)méthyl]adamantane-1-carboxamide

antineoplasique

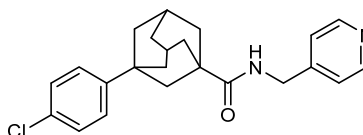
opaganib

3-(4-clorofenil)-*N*-[(piridin-4-il)metil]adamantano-1-carboxamida

antineoplásico

C₂₃H₂₅ClN₂O

915385-81-8

**opiranserinum**

opiranserín

4-butoxy-*N*-{[4-(dimethylamino)oxan-4-yl]methyl}-3,5-dimethoxybenzamide

glycine transporter inhibitor and serotonin receptor antagonist

opiransérine

4-butoxy-*N*-{[4-(diméthylamino)oxan-4-yl]méthyl}-3,5-diméthoxybenzamide

inhibiteur du transporteur de la glycine et antagoniste des récepteurs sérotoninergiques

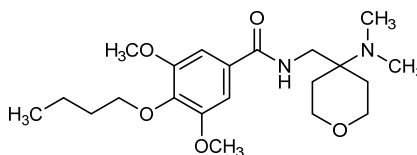
opiranserina

4-butoxi-*N*-{[4-(dimetilamino)oxan-4-il]metil}-3,5-dietoxibenzamida

inhibidor del transportador de la glicina y antagonista de los receptores de serotonina

C₂₁H₃₄N₂O₅

1441000-45-8



opolimogenum capmilibacum #

opolimogene capmilibac

Recombinant live-attenuated double-deleted (LADD) strain of *Listeria monocytogenes* (*Lm ΔactA/ΔinlB*) expressing three recombinant fusion proteins as follows:

- (i) the N-terminal 100 amino acids of the *Lm* ActA (actin-assembly inducing protein precursor) protein (ActAN100), 5 tandem copies of a 21 amino acid fragment of human epidermal growth factor receptor variant III (EGFRvIII) and human protein SSX2 (synovial sarcoma, X breakpoint 2, also known as cancer/testis antigen 5.2 (CT5.2), tumor antigen HOM-MEL-40), under the control of the *Lm actA* promoter, and contained within an expression cassette of 1434 bp inserted at the *actA* locus;
- (ii) the N-terminal 100 amino acids of the *Lm* ActA protein (ActAN100), 5 tandem copies of a 21 amino acid fragment of human epidermal growth factor receptor variant III (EGFRvIII) and amino acids 33-386 of human prostatic acid phosphatase (PAP), under the control the *Lm actA* promoter, and contained within an expression cassette of 2057 bp inserted at the *inlB* (internalin B) locus;
- (iii) the N-terminal 100 amino acids of the *Lm* ActA protein (ActAN100), 5 tandem copies of a 21 amino acid fragment of human epidermal growth factor receptor variant III (EGFRvIII) and amino acids 11-234 of human homeobox protein Nkx-3.1 (NKX3-1) plus amino acids 1-20, 44-138 and 169-750 of human glutamate carboxypeptidase 2 (also known as folate hydrolase 1 (FOLH1), prostate-specific membrane antigen (PSMA)), under the control the *Lm actA* promoter, and contained within an expression cassette of 4984 bp at the *tRNA^{Arg}* locus.

bacteria genetically modified (antineoplastic)

opolimogène capmilibac

Souche vivante atténuée recombinante de *Listeria monocytogenes* (*Lm ΔactA/ΔinlB*) avec double délétion, exprimant les trois protéines de fusion suivantes:

- (i) les 100 acides aminés à l'extrémité N-terminale de la protéine *Lm actA* (précurseur de la protéine induisant l'assemblage de l'actine) (ActAN100), 5 copies en tandem d'un fragment de 21 acides aminés de la variante III du récepteur du facteur de croissance épidermique humain (EGFRvIII) et la protéine humaine SSX2 (sarcome synovial, point de cassure X2, aussi connu comme antigène cancer/testicule 5.2 (CT5.2), antigène tumoral HOM-MEL-40), sous le contrôle du promoteur *Lm actA*, et contenu dans une cassette d'expression de 1434 paires de bases insérée sur le locus de *actA*;
- (ii) les 100 acides aminés à l'extrémité N-terminale de la protéine *Lm actA* (ActAN100), 5 copies en tandem d'un fragment de 21 acides aminés de la variante III du récepteur du facteur de croissance épidermique humain (EGFRvIII) et les acides aminés 33-386 de la phosphatase acide prostatique (PAP) humaine, sous le contrôle du promoteur *Lm actA*, contenu dans une cassette d'expression de 2057 paires de bases insérée sur le locus de *inlB* (internaline B);
- (iii) les 100 acides aminés à l'extrémité N-terminale de la protéine *Lm actA* (ActAN100), 5 copies en tandem d'un fragment de 21 acides aminés de la variante III du récepteur du facteur de croissance épidermique humain (EGFRvIII) et les acides aminés 11-234 de la protéine homéoboîte humaine Nkx-3.1 (NKX3-1) plus les acides aminés 1-20, 44-138, 169-750 de la glutamate carboxypeptidase 2 humaine (folate hydrolase 1, FOLH1, antigène membranaire spécifique de la prostate, PSMA) sous le contrôle du promoteur *Lm actA*, contenu dans une cassette d'expression de 4984 paires de bases insérée sur le locus de *Lm tRNA^{Arg}*.

bactérie génétiquement modifiée (antineoplasique)

opolimogén capmilibac

Cepa viva atenuada recombinante, con doble delección, de *Listeria monocytogenes* (*Lm* $\Delta actA/\Delta inlB$) que expresa las siguientes tres proteínas recombinantes de fusión:

- (i) los 100 amino ácidos N-terminales de la proteína *Lm* ActA (precursor de la proteína inductora del ensamblaje de la actina) (ActAN100), 5 copias en tándem de un fragmento de 21 amino ácidos de la variante III del receptor para el factor de crecimiento epidérmico humano (EGFRvIII) y la proteína humana SSX2 (synovial sarcoma, X breakpoint 2, also known as cancer/testis antigen 5.2 (CT5.2), tumor antigen HOM-MEL-40), bajo el control del promotor de *Lm actA*, y contenido dentro de un casete de expresión de 1434 pares de bases insertado en el locus de *actA*;
- (ii) los 100 amino ácidos N-terminales de la proteína *Lm* ActA (ActAN100), 5 copias en tándem de un fragmento de 21 amino ácidos de la variante III del receptor para el factor de crecimiento epidérmico humano (EGFRvIII) y los amino ácidos 33-386 de la fosfatasa ácida prostática (PAP) humana, bajo el control del promotor de *Lm actA*, y contenido dentro de un casete de expresión de 2057 pares de bases insertado en el locus de *inlB* (internalina B);
- (iii) los 100 amino ácidos N-terminales de la proteína *Lm* ActA (ActAN100), 5 copias en tándem de un fragmento de 21 amino ácidos de la variante III del receptor para el factor de crecimiento epidérmico humano (EGFRvIII) y los amino ácidos 11-234 de la proteína *homeobox* humana Nkx-3.1 (NKX3-1) más los amino ácidos 1-20, 44-138 y 169-750 de la glutamato carboxipeptidasa 2 humana (también conocida como folato hidrolasa 1 (FOLH1), antígeno de membrana específico de próstata (PSMA)), bajo el control del promotor de *Lm actA* y contenido dentro de un casete de expresión de 4984 pares de bases insertado en el locus de *Lm tRNA^{Arg}*.

bacteria modificada genéticamente (antineoplásico)

pamiparibum

pamiparib

(10a*R*)-2-fluoro-10a-methyl-5,8,9,10,10a,11-hexahidro-5,6,7a,11-tetraazaciclohepta[*def*]ciclopenta[*a*]fluoren-4(7*H*)-one
antineoplastic

pamiparib

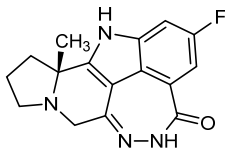
(10a*R*)-2-fluoro-10a-méthyl-5,8,9,10,10a,11-hexahidro-5,6,7a,11-tétrazaciclohepta[*def*]ciclopenta[*a*]fluorén-4(7*H*)-one
antinéoplasique

pamiparib

10a*R*)-2-fluoro-10a-metil-5,8,9,10,10a,11-hexahidro-5,6,7a,11-tetraazaciclohepta[*def*]ciclopenta[*a*]fluoren-4(7*H*)-ona
antineoplásico

C₁₆H₁₅FN₄O

1446261-44-4



parsaclisibum

parsaclisib

(4*R*)-4-{3-[(1*S*)-1-(4-amino-3-méthyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*d*]pyrimidin-1-yl)éthyl]-5-chloro-2-éthoxy-6-fluorophényl}pyrrolidin-2-one
antineoplastic

parsaclisib

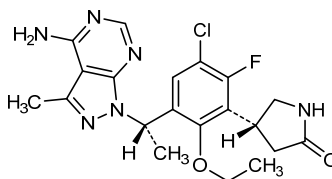
(4*R*)-4-{3-[(1*S*)-1-(4-amino-3-méthyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*d*]pyrimidin-1-yl)éthyl]-5-chloro-2-éthoxy-6-fluorophényl}pyrrolidin-2-one
antinéoplasique

parsaclisib

(4*R*)-4-{3-[(1*S*)-1-(4-amino-3-metil-1*H*-pirazolo[3,4-*d*]pirimidin-1-il)etil]-5-cloro-2-etoxi-6-fluorofenil}pirrolidin-2-ona
antineoplásico

C₂₀H₂₂ClFN₆O₂

1426698-88-5

**pegdarbepoetinum beta #**

pegdarbepoetin beta

N-terminal pegylated human erythropoietin fragment, mutated, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform beta;

[Ala³⁰>Asn,His³²>Thr,Pro⁸⁷>Val,Trp⁸⁸>Asn,Pro⁹⁰>Thr]érythropoïétine (humaine)-(1-165)-peptide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform beta, chemically modified on Ala¹-N with a 4-[ω-methoxypoly(oxyethylene)_n-α-yl]butyl group (n ~ 680).
antianaemic

pegdarbépoétine bêta

fragment d'érythropoïétine humaine pégylé à l'extrémité N-terminale, modifié, produit par des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme bêta;

[Ala³⁰>Asn,His³²>Thr,Pro⁸⁷>Val,Trp⁸⁸>Asn,Pro⁹⁰>Thr]érythropoïétine (humaine)-(1-165)-peptide, produit par des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme bêta, chimiquement modifié sur l'Ala¹-N avec un groupe 4-[ω-méthoxypoly(oxyéthylène)_n-α-yl]butyle (n ~ 680).
antianémique

pegdarbepoetina beta

fragmente de eritropoyetina humana pegilado en la extremidad N-terminale, modificado, producido por las células ováricas de hamster chino (CHO), glicoforma beta;

[Ala³⁰>Asn,His³²>Thr,Pro⁸⁷>Val,Trp⁸⁸>Asn,Pro⁹⁰>Thr]eritropoyetina (humana)-(1-165)-péptido, producido por las células ováricas de hamster chino (CHO), glicoforma beta, químicamente modificado sobre la Ala¹-N con un grupo 4-[ω-metoxipoli(oxietileno)_n-α-il]butilo (n ~ 680).
antianémico

C₈₀₅H₁₃₁₀N₂₂₈O₂₄₅S₅(C₂H₄O)_n

1865718-54-2

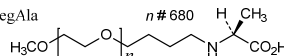
Sequence / Séquence / Secuencia

APRLICDSR VLERYLLEAK EAENITTCGN ETCSLNENIT VPDTKVNIFYA 50
WKRMEVGQQA VEVWQGLALL SEAVLRGQAL LVNSSQVNET LQLHVDKAVS 100
GLRSLITLLR ALGAQKEAIS PPDAA^{SA}APL RTITADTFRK LFRVYSNFLR 150
GKLLYTGEA CRTGD 165

Disulfide bridge location / Position du pont disulfure / Posición del puente disulfuro
7-161 29-33

Modified residue / Résidu modifié / Resto modificado

Δ (1) = N-pegAla



Glycosylation site (N, S) / Site de glycosylation (N, S) / Posición de glicosilación (N, S)
Asn-24 Asn-30 Asn-38 Asn-88 Asn-80 Ser-126

pegilodecakinum # pegilodecakin

N-terminal pegylated human interleukin 10 (IL10) analogue, with an added methionine at the N-terminus, dimer, produced in recombinant *Escherichia coli*; N-{3-[ω-methoxypoly(oxyethylene)-α-yl]propyl}-L-methionyl-interleukin 10 (human), homodimer (non-covalent), produced in recombinant *Escherichia coli*
interleukin derivative

pégilodécakine

analogue de l'interleukine 10 humaine, pégylé en position N-terminale, avec l'ajout d'une méthionine en position N-terminale, dimère, produit par *Escherichia coli*; N-{3-[ω-méthoxypoly(oxyéthylène)-α-yl]propyl}-L-méthionyl-interleukine 10 (humaine), homodimère (non covalent), produit par *Escherichia coli*
dérivé d'interleukine

pegilodecakina

análogo de la interleukina 10 humano, pegilado en posición N-terminal, con la ayuda de una metionina en posición N-terminal, dímero, producido por *Escherichia coli*; N-{3-[ω-metoxipoli(oxietileno)-α-il]propil}-L-metionil-interleukina 10 (humano), homodímero (no covalente), producido por *Escherichia coli*
derivado de la interleukina

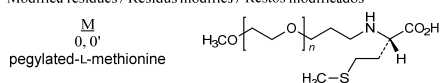
1966111-35-2

Monomer sequence / Séquence du monomère / Secuencia del monómero

SPGQGTQSEN SCTHFPGNLP NMLRDLRDAF SRVKTFFQMK DQLDNLLLKE 50
SLEEDFKGYL GCQALSEMIQ FYLEEVPQA ENQDPDIKAH VNSLGENLKT 100
LRLRLRRCHR FLPCENKSKA VEQVKNAFNK LQEKGIYKAM SEFDIFINYI 150
EAYMTMKIRN 160

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
12-108 62-114

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados



pegzilarginasum #

pegzilarginase

pegylated human arginine amidinase (arginase I, EC=3.5.3.1), mutated, cobalt ions replacing native manganese ions, trimer, produced in *Escherichia coli*;

des-Met¹-arginase-1 (human) dicobalt(II) complex, trimer, produced by *Escherichia coli*, substituted on an average of 8 to 16 primary amino groups of each protein monomer with [ω -methoxypoly(oxyethylene)_n- α -yl]acetyl groups (n ~ 120)

enzyme replacement therapy, antineoplastic

pegzilarginase

arginine amidinase humaine pégylée (arginase I, EC=3.5.3.1), modifiée, dans laquelle le manganèse est remplacé par du cobalt, trimère, produit par *Escherichia coli*;

dès-Mét¹-arginase-1 (humaine) dicobalt(II) complexe, trimère, produit par *Escherichia coli*, substituée sur une moyenne de 8 sur 16 groupes amines primaires de chaque monomère de la protéine avec des groupes [ω -méthoxypoly(oxyéthylène)_n- α -yl]acétyles (n ~ 120)
traitement enzymatique substitutif, antinéoplasique

pegzilarginasa

arginina amidinasa humana pegilada (arginasa I, EC=3.5.3.1), modificada, iones de cobalto que reemplazan iones de manganeso nativos, trimero, producido por *Escherichia coli*;

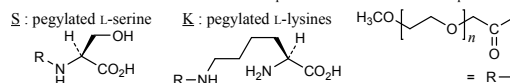
des-Met¹-arginasa-1 (humana) dicobalto(II) complejo, trimero, producido por *Escherichia coli*, sustituida por una media de 8 a 16 grupos aminas primarias de cada monómero de la proteína con los grupos [ω -metoxipoli(oxietileno)_n- α -il]acetilos (n ~ 120)
tratamiento enzimático de sustitución, antineoplásico

1659310-95-8

Monomer sequence / Séquence du monomère / Secuencia del monómero

```
SAKSRTIGII GAPFSKGQPR GGVEEGPTVL RKAGLLEKLK EQECDVKDYG 50
DLFFADIPND SPFQIVKNPR SVGKASEQLA GKVAEVKKNG RISLVLGGDH 100
SLAIGSISGH ARVHPDLGVI WVDADTDINT PLTTTSGNLH GQPVSFLLKE 150
LKGKIPDVPG FSWVTPCISA KDIVYIGLRD VDPGEHYILK TLGIKYFSMT 200
EVDRLGIGKV MEETLSYLLG RKKRPIHLSF DVDGLDPSFT PATGTFVVG 250
LTYREGLYIT EEIYKTGLLS GLDIMEVNPS LGKTPEEVTR TVNTAVAITL 300
ACFGLAREGN HKPIDYLNPP K 321
```

Potential modified residues / Résidus modifiés potentiels / Restos modificados potenciales



pemlimogenum merolisbacum #

pemlimogene merolisbac

Recombinant live-attenuated double-deleted (LADD) strain of *Listeria monocytogenes* (*Lm ΔactA/ΔinlB*) expressing a fusion protein comprising the N-terminal 100 amino acids of the Lm ActA protein (ActAN100), 5 tandem copies of a 21 amino acid fragment of human epidermal growth factor receptor variant III (EGFRvIII) and amino acids 35-622 of human mesothelin (MSLN), under the control the *Lm actA* (actin-assembly inducing protein precursor) promoter, and contained within an expression cassette of 3874 bp inserted at the *Lm tRNA^{Arg}* locus.

bacteria genetically modified (antineoplastic)

pemlimogène mérolisbac

Souche vivante atténuée recombinante de *Listeria monocytogenes* (*Lm ΔactA/ΔinlB*) avec double délétion, exprimant une protéine de fusion qui consiste en les 100 acides aminés à l'extrémité N-terminale de la protéine Lm ActA (ActAN100), 5 copies en tandem d'un fragment de 21 acides aminés de la variante III du récepteur du facteur de croissance épidermique humain (EGFRvIII) et les acides aminés 35-622 de la mésothéline humaine (MSLN), sous le contrôle du promoteur de *Lm actA* (précurseur de la protéine induisant l'assemblage de l'actine), et contenu dans une cassette d'expression de 3874 paires de bases insérée sur le locus de *Lm tRNA^{Arg}*.

bactérie génétiquement modifiée (antineoplasique)

pemlimogén merolisbac

Cepa viva atenuada recombinante, con doble delección, de *Listeria monocytogenes* (*Lm ΔactA/ΔinlB*) que expresa una proteína de fusión consistente en los 100 amino ácidos N-terminales de la proteína Lm ActA (ActAN100), 5 copias en tándem de un fragmento de 21 amino ácidos de la variante III del receptor para el factor de crecimiento epidérmico humano (EGFRvIII) y los amino ácidos 35-622 de la mesotelina humana (MSLN), bajo el control del promotor de *Lm actA* (precursor de la proteína inductora del ensamblaje de la actina), y contenido dentro de un casete de expresión de 3874 pares de bases insertado en el locus de *Lm tRNA^{Arg}*.

bacteria modificada genéticamente (antineoplásico)

petesicatibum

petesicatib

(2*S*,4*R*)-*N*-(1-cyanocyclopropyl)-4-[4-(1-methyl-1*H*-pyrazol-4-yl)-2-(trifluoromethyl)benzenesulfonyl]-

1-[1-(trifluoromethyl)cyclopropane-1-carbonyl]pyrrolidine-2-carboxamide

cathepsin inhibitor

pétésicatib

(2*S*,4*R*)-*N*-(1-cyanocyclopropyl)-4-[4-(1-méthyl-1*H*-pyrazol-4-yl)-2-(trifluorométhyl)benzènesulfonyl]-

1-[1-(trifluorométhyl)cyclopropane-1-carbonyl]pyrrolidine-2-carboxamide

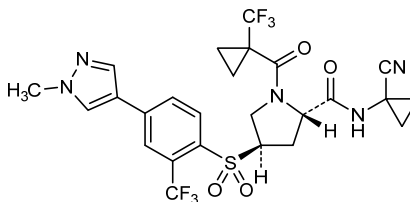
inhibiteur de cathepsine

petesicatib

2*S*,4*R*)-*N*-(1-cianociclopropil)-4-[4-(1-metil-1*H*-pirazol-4-il)-2-(trifluorometil)bencenosulfonil]-1-[1-(trifluorometil)ciclopropano-1-carbonil]pirrolidina-2-carboxamida
inhibidor de catepsina

C₂₅H₂₃F₆N₅O₄S

1252637-35-6



pixatimodum
 pixatimod

5α-cholestan-3β-yl 2,3,4,6-tetra-*O*-sulfo-α-D-glucopyranosyl-(1→4)-2,3,6-tri-*O*-sulfo-α-D-glucopyranosyl-(1→4)-2,3,6-tri-*O*-sulfo-α-D-glucopyranosyl-(1→4)-2,3,6-tri-*O*-sulfo-β-D-glucopyranoside
immunomodulator, antineoplastic

pixatimod

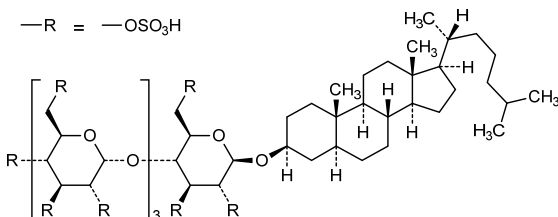
2,3,4,6-tétra-*O*-sulfo-α-D-glucopyranosyl-(1→4)-2,3,6-tri-*O*-sulfo-α-D-glucopyranosyl-(1→4)-2,3,6-tri-*O*-sulfo-α-D-glucopyranosyl-(1→4)-2,3,6-tri-*O*-sulfo-β-D-glucopyranoside de 5α-cholestan-3β-yle
immunomodulateur, antinéoplasique

pixatimod

2,3,4,6-tetra-*O*-sulfo-α-D-glucopiranosil-(1→4)-2,3,6-tri-*O*-sulfo-α-D-glucopi-ranosil-(1→4)-2,3,6-tri-*O*-sulfo-α-D-glucopiranosil-(1→4)-2,3,6-tri-*O*-sulfo-β-D-glucopiranosída de 5α-colestan-3β-ilo
immunomodulador, antineoplásico

C₅₁H₈₈O₆₀S₁₃

1144617-49-1



plocabulinum
 plocabulin

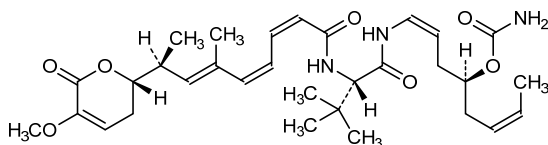
(1*Z*,4*S*,6*Z*)-1-[(2*S*)-2-[(2*Z*,4*Z*,6*E*,8*S*)-8-[(2*S*)-5-methoxy-6-oxo-3,6-dihydro-2*H*-pyran-2-yl]-6-methylnona-2,4,6-trienamido]-3,3-dimethylbutanamido]octa-1,6-dien-4-yl carbamate
antineoplastic

plocabuline carbamate de (1Z,4S,6Z)-1-[(2S)-2-[(2Z,4Z,6E,8S)-8-[(2S)-5-méthoxy-6-oxo-3,6-dihydro-2H-pyran-2-yl]-6-méthylnona-2,4,6-triénamido]-3,3-diméthylbutanamido]octa-1,6-dien-4-yle
antineoplasique

plocabulina carbamato de (1Z,4S,6Z)-1-[(2S)-2-[(2Z,4Z,6E,8S)-8-[(2S)-5-metoxi-6-oxo-3,6-dihidro-2H-piran-2-il]-6-metilnona-2,4,6-trienamido]-3,3-dimetilbutanamido]octa-1,6-dien-4-ilo
antineoplásico

C₃₁H₄₅N₃O₇

920210-99-5



prasinezumabum #
prasinezumab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SNCA (synuclein alpha, PARK1, PARK4, Parkinson disease (autosomal dominant, Lewy body) 4, alpha-synuclein, aSyn, non A4 component of amyloid precursor, NACP)], humanized monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-446) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (87.80%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120(213) (117-214), hinge (215-229), CH2 (230-339), CH3 E12 (355), M14(357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-220')-disulfide with kappa light chain (1'-220') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (81.20%) -IGKJ4*01) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide
immunomodulator, antiparkinsonian

prasinezumab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SNCA (synucléine alpha, PARK1, PARK4, maladie de Parkinson (autosomique dominante, corps de Lewy) 4, synucléine-alpha, aSyn, composant non A4 du précurseur amyloïde, NACP)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma1 (1-446) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (87.80%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120(213) (117-214), charnière (215-229), CH2 (230-339), CH3 E12 (355), M14(357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-220')-disulfure avec la chaîne légère (1'-220') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (81.20%) -IGKJ4*01) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure
immunomodulateur, antiparkinsonien

prasinezumab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SNCA (sinucleína alfa, PARK1, PARK4, enfermedad de Parkinson (autosómica dominante, cuerpos de Lewy) 4, sinucleína-alfa, aSyn, componente no A4 del precursor amiloide, NACP)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 (1-446) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (87.80%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120(213) (117-214), bisagra (215-229), CH2 (230-339), CH3 E12 (355), M14(357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-220')-disulfuro con la cadena ligera (1'-220') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (81.20%) -IGKJ4*01) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro
inmunomodulador, antiparkinsoniano

1960462-19-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGTFPS NYGMSWVRQA PGKGLEWVAS 50
ISSGGGSTYY PDNVKGRFTI SRDDAKNSLY LQMNSLRAED TAVYYCARGG 100
AGIDYWGQGT LVTVSSASTK GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVTVFPSS SLGTQTYICN 200
VNHKPSNTKV DKRVEPKSCD KTHTCPPCPA PELLGGPSVF LFPKPKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVSHEDP EVKFNWVVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR 300
VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNAKLPAP IEKTISKAKG QPREPQVYTL 350
PPSREEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQPPENNY KTTTPVLDS 400
GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMEHA LHNHYTQKSL SLSPGK 446
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCKSIQTLT YSSNQKNYLA WFQKPGKAP 50
KLLIYWASIR KSGVPSRFSG SSGTDFTLT ISSLPEDLA TYCQQYYYS 100
PLTFGGGTKL EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNFPYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDSSTYS LSSTLTLSKA DYEKHKVYAC 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 220
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 143-199 260-320 366-424
22"-96" 143"-199" 260"-320" 366"-424"

Intra-L (C23-C104) 23'-94' 140'-200'
23'''-94''' 140'''-200'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 219-220' 219"-220"

Inter-H-H (h 11, h 14) 225-225" 228-228"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

296, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

ralanitenum

ralaniten

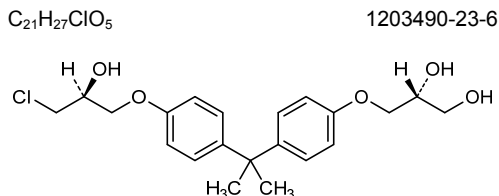
(2*R*)-3-[4-(2-{4-[(2*S*)-3-chloro-2-hydroxypropoxy]phenyl}propan-2-yl)phenoxy]propane-1,2-diol
antiandrogen

ralaniten

(2*R*)-3-[4-(2-{4-[(2*S*)-3-chloro-2-hydroxypropoxy]phényl}propan-2-yl)phénoxy]propane-1,2-diol
antiandrogène

ralaniten

(2*R*)-3-[4-(2-{4-[(2*S*)-3-cloro-2-hidroxipropoxi]fenil}propan-2-il)fenoxi]propano-1,2-diol
antiandrógeno



ravulizumabum #
ravulizumab

immunoglobulin G2-4-kappa, anti-[*Homo sapiens* C5 (complement 5)], humanized monoclonal antibody; gamma2-4 heavy chain (1-448) [humanized VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (81.60%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens*IGHG2*01 (CH1 (123-220), hinge (221-232), CH2 1.6-1.1 (233-237)) (123-237) -*Homo sapiens*IGHG4*01 (CH2 1-125 (238-341), CH3 M107>L (429), N114>S (435) (342-446), CHS (447-448)) (238-448)], (146-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (84.20%) -IGKJ1*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (224-224'':225-225'':228-228'':231-231'')-tetrakisdisulfide
immunomodulator

ravulizumab

immunoglobuline G2-4-kappa, anti-[*Homo sapiens* C5 (complément 5)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma2-4 (1-448) [VH humanisé (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (81.60%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens*IGHG2*01 (CH1 (123-220), charnière (221-232), CH2 1.6-1.1 (233-237)) (123-237) -*Homo sapiens*IGHG4*01 (CH2 1-125 (240-341), CH3 M107>L (429), N114>S (435) (342-446), CHS (447-448)) (240-448)], (146-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (84.20%) -IGKJ1*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*0, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (224-224'':225-225'':228-228'':231-231'')-tétrakisdisulfure
immunomodulateur

ravulizumab

inmunoglobulina G2-4-kappa, anti-[*Homo sapiens* C5 (complemento 5)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma2-4 (1-448) [VH humanizado (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (81.60%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens*IGHG2*01 (CH1 (123-220), bis (221-232), CH2 1.6-1.1 (233-237)) (123-237) -*Homo sapiens*IGHG4*01 (CH2 1-125 (240-341), CH3 M107>L (429), N114>S (435) (342-446), CHS (447-448)) (240-448)], (146-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (84.20%) -IGKJ1*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*0, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (224-224'':225-225'':228-228'':231-231'')-tetrakisdisulfuro
inmunomodulador

1803171-55-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGHIES NYWIQWVRQA PGQGLEWMGE 50
 ILFGSGHTEY TENFKDRVTM TRDTSTSTVY MELSSLRSED TAVYYCARYF 100
 FGSSPNWYFD VWGQGLTLTV SSASTKGPSV FPLAPCSRST SESTAALGCL 150
 VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTFVPSNFGT 200
 QTYTCNVDPK PSNTKVDKTV ERKCCVECP CPAPPVAGPS VFLFPPKPKD 250
 TLMISRTPEV TCVVVDVSQE DPEVQFNWYV DGEVHNNAKT KPREEQFNST 300
 YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKGLP SSIEKTSKA KGQPREPQVY 350
 TLPDSQEEMT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQFEN NYKTTTPVLD 400
 SDGSFFLYSR LTVDKSRWQE GNVFSCSVLH EALHSHYTQK SLSLSLGK 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCGASENIY GALNWYQKPK GKAPKLLIYG 50
 ATNLDAGVPS RFGSGSGGTD FTLTISLQPF EDFATYYCQN VLNTPLTFGQ 100
 GTRKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSSTLT LSKADYEHKK VYACEVTHQG 200
 LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22'-96" 149'-205" 262'-322" 368'-426"
 22''-96'' 149''-205'' 262''-322'' 368''-426''

Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194"
 23''-88'' 134''-194''

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 136'-214" 136''-214''

Inter-H-H (h 4, h 5, h 8, h 11) 224'-224" 225'-225" 228'-228" 231'-231"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

298, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

redasemtium
 redasemtide

human high mobility group protein B1 (HMG-1)-(1-44)-
 peptide (including Met¹), chemically synthesized (without
 any modified residues)
high mobility group (HMG) protein B1 analogue

rédasemtide

protéine B1 du groupe à haute mobilité humaine (HMGB1)-
 (1-44)-peptide (incluant Met¹), synthétisé chimiquement
 (sans aucun résidu modifié)
analogue de la protéine B1 du groupe à haute mobilité

redasemtida

proteína B1 del grupo de alta movilidad humana (HMGB1)-
 (1-44)-péptido (incluyendo Met¹), sintetizado químicamente
 (sin restos modificados)
análogo de la proteína B1 del grupo de alta movilidad

C₂₂₄H₃₅₁N₆₅O₆₄S₃

1606186-88-2

Sequence / Séquence / Secuencia

MGKGDPPKPR GKMSYAFFV QTCREEHKKK HPDASVNFSE FSKK 44

relmapirazinum
 relmapirazin

N,N'-(3,6-diaminopyrazine-2,5-dicarbonyl)di-D-serine
diagnostic agent

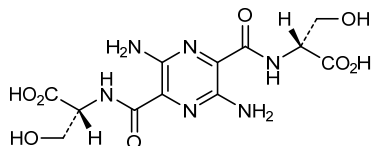
relmapirazine

N,N'-(3,6-diaminopyrazine-2,5-dicarbonyl)di-D-sérine
substance à usage diagnostique

relmapirazina

N,N'-(3,6-diaminopirazina-2,5-dicarbonil)di-D-serina
agente de diagnóstico $C_{12}H_{16}N_6O_8$

1313706-17-0



reloxaliasum #

reloxaliase

oxalate decarboxylase (OxdC, EC=4.1.1.2, *Bacillus subtilis* gene *yvrK*), hexamer, produced in *Escherichia coli* enzyme

réloxaliase

oxalate décarboxylase (OxdC, EC=4.1.1.2, gène *yvrK* de *Bacillus subtilis*), hexamère, produit par *Escherichia coli* enzyme

reloxaliasa

oxalate decarboxilasa (OxdC, EC=4.1.1.2, gén *yvrK* de *Bacillus subtilis*), hexámero, producido por *Escherichia coli* enzima $C_{1961}H_{2991}N_{519}O_{588}S_{10}$ (monomer) 202011-67-4

Monomer sequence / Séquence du monomère / Secuencia del monómero

```

MKKQNDIPQP IRGDKGATVK IPRNIERDRQ NPDMLVPPET DHGTVSNMKF 50
SFSDTHNRLE KGGYAREVTV RELPISENLA SVNMLRKPGA IRELHWHKEA 100
EWAYMIYGSA RVTIVDEKGR SFIDDVGEED LWYFPSGLPH SIQALEEGAE 150
FLLVFDDGSF SENSTFQLTD WLAHTPKEVI AANFGVTKEE ISNLPGKEYK 200
IFENQLPGSL KDDIVEGPNQ EVYPPTYRL LEQEPSESEG GKVYIADSTN 250
FKVSKTIASA LVTVEPGAMR ELHWHPTHE WQYISGKAR MTFVASFQHA 300
RTFNYQAGDV GYVPFAMGHY VENIGDEPLV FLEIFKDDHY ADVSLNQWLA 350
MLPETFVQAH LDLGKDFETDV LSKEKHPVVK KKCSK 385

```

remlarsenum

remlarsen

(2*RS*)-3-[[6-(cholest-5-en-3 β -yloxy)hexyl]oxy]-2-hydroxypropyl hydrogen 2'-O-methyladenylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-2'-O-methyladenylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-2'-O-methylcytidylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-adenylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-2'-O-methylcytidylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-2'-O-methyluridylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-guanylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-2'-O-methyluridylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-2'-O-methyluridylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-2'-O-methyluridylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-adenylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-2'-O-methylcytidylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-adenylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-adenylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-adenylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-2'-O-methyluridylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-guanylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-guanylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-2'-O-methyluridylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-2'-O-methylcytidylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-2'-O-methylcytidylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-2'-O-methyluridylyl-(3' $\rightarrow$ 5')-3'-adenylate duplex with *all-P-ambo-P*-thiouridylyl-(5' $\rightarrow$ 3')-*P*--thiouridylyl-(5' $\rightarrow$ 3')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(5' $\rightarrow$ 3')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(5' $\rightarrow$ 3')-guanylyl-(5' $\rightarrow$ 3')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(5' $\rightarrow$ 3')-guanylyl-(5' $\rightarrow$ 3')-adenylyl-(5' $\rightarrow$ 3')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(5' $\rightarrow$ 3')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(5' $\rightarrow$ 3')-adenylyl-(5' $\rightarrow$ 3')-adenylyl-(5' $\rightarrow$ 3')-adenylyl-(5' $\rightarrow$ 3')-guanylyl-(5' $\rightarrow$ 3')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(5' $\rightarrow$ 3')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(5' $\rightarrow$ 3')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(5' $\rightarrow$ 3')-adenylyl-(5' $\rightarrow$ 3')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(5' $\rightarrow$ 3')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(5' $\rightarrow$ 3')-adenylyl-(5' $\rightarrow$ 3')-

2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-adenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorouridine
collagen synthesis reducer

remlarsen

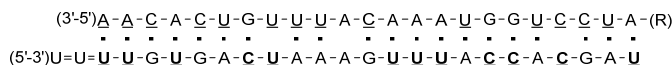
hydrogéno-2'-O-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidilyl-(3'→5')-adénylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidilyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-adénylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidilyl-(3'→5')-adénylyl-(3'→5')-adénylyl-(3'→5')-adénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidilyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidilyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-3'-adénylate de (2RS)-3-[[6-(cholest-5-én-3β-yloxy)hexyl]oxy]-2-hydroxypropyle duplex avec *tout-P-ambo-P*-thiouridylyl-(5'→3')-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-adénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-adénylyl-(5'→3')-adénylyl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-adénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-adénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridine
réducteur de synthèse du collagène

remlarsén

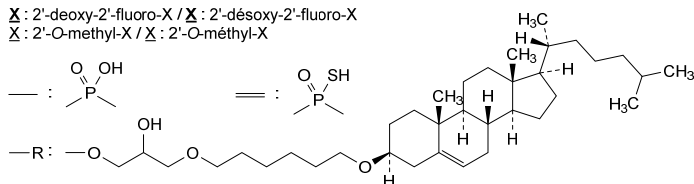
hidrógeno-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-adenilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-adenilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-adenilil-(3'→5')-adenilil-(3'→5')-adenilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-guanilil-(3'→5')-guanilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-3'-adenilato de (2RS)-3-[[6-(colest-5-en-3β-iloxy)hexil]oxi]-2-hidroxi-propilo dúplex con *todo-P-ambo-P*-tiouridilil-(5'→3')-*P*-tiouridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(5'→3')-guanilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(5'→3')-guanilil-(5'→3')-adenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(5'→3')-adenilil-(5'→3')-adenilil-(5'→3')-guanilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(5'→3')-guanilil-(5'→3')-adenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridina
reductor de la síntesis de colágeno

C₅₀₄H₆₄₀F₁₂N₁₇₁O₃₂₆P₄₇S₂

1848266-71-6



X : 2'-deoxy-2'-fluoro-X / X : 2'-désoxy-2'-fluoro-X
 X : 2'-O-methyl-X / X : 2'-O-méthyl-X



rezafungini acetat

rezafungin acetate

$N^{5,1}$,6-anhydro[(4*R*,5*R*)-4-hydroxy-2-[3⁴-(pentyloxy)[1¹,2¹:2⁴,3¹-terphenyl]-1⁴-carboxamido]-5-[2-(trimethylazaniumyl)ethyl]-L-ornithyl-L-threonyl-*trans*-4-hydroxy-L-prolyl-(4*S*)-4-hydroxy-4-(4-hydroxyphenyl)-L-threonyl-L-threonyl-(3*S*,4*S*)-3-hydroxy-4-methyl-L-proline] acetate
antifungal

acétate de rézafungine

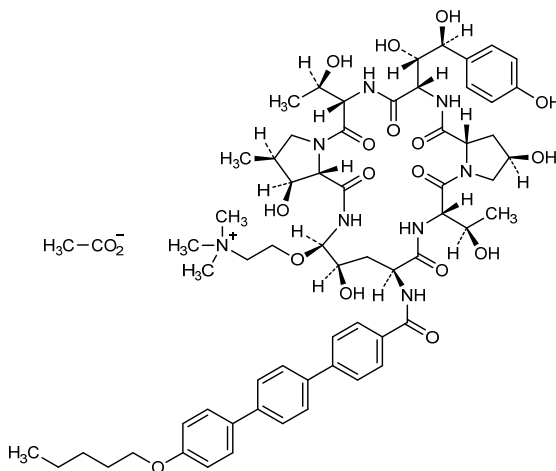
acétate de $N^{5,1}$,6-anhydro[(4*R*,5*R*)-4-hydroxy-2-[3⁴-(pentyloxy)[1¹,2¹:2⁴,3¹-terphenyl]-1⁴-carboxamido]-5-[2-(triméthylazaniumyl)éthyl]-L-ornithyl-L-thréonyl-*trans*-4-hydroxy-L-prolyl-(4*S*)-4-hydroxy-4-(4-hydroxyphényl)-L-thréonyl-L-thréonyl-(3*S*,4*S*)-3-hydroxy-4-méthyl-L-proline] *antifongique*

acetato de rezafungina

acetato de $N^{5,1}$,6-anhidro[(4*R*,5*R*)-4-hidroxi-2-[3⁴-(pentiloxi)[1¹,2¹:2⁴,3¹-terfenil]-1⁴-carboxamido]-5-[2-(trimetilazaniumil)etil]-L-ornitil-L-treonil-*trans*-4-hidroxi-L-prolil-(4*S*)-4-hidroxi-4-(4-hidroxifenil)-L-treonil-L-treonil-(3*S*,4*S*)-3-hidroxi-4-metil-L-prolina] *antifúngico*

 $C_{63}H_{85}N_8O_{17} \cdot C_2H_3O_2$

1631754-41-0

**riamilovirum**

riamilovir

7-(methylsulfanyl)-3-nitro[1,2,4]triazolo[5,1-*c*][1,2,4]triazin-4(1*H*)-one
antiviral

riamilovir

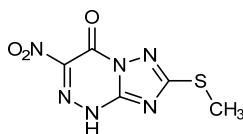
7-(méthylsulfanyl)-3-nitro[1,2,4]triazolo[5,1-*c*][1,2,4]triazin-4(1*H*)-one
antiviral

riamilovir

7-(metilsulfanil)-3-nitro[1,2,4]triazolo[5,1-c][1,2,4]triazin-4(1*H*)-ona
antiviral

C₅H₄N₆O₃S

123606-06-4

**rivoceranibum**

rivoceranib

N-[4-(1-cyanocyclopentyl)phenyl]-2-[[pyridin-4-yl)methyl]amino}pyridine-3-carboxamide
angiogenesis inhibitor, antineoplastic

rivocéranib

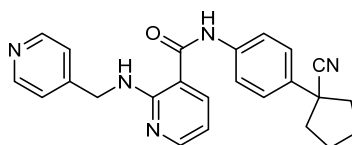
N-[4-(1-cyanocyclopentyl)phényl]-2-[[pyridin-4-yl)méthyl]amino}pyridine-3-carboxamide
inhibiteur de l'angiogénèse, antinéoplasique

rivoceranib

N-[4-(1-cianociclopentil)fenil]-2-[[piridin-4-il)metil]amino}piridina-3-carboxamida
inhibidor de la angiogénesis, antineoplásico

C₂₄H₂₃N₅O

811803-05-1

**rivogenlecleucelum #**

rivogenlecleucel

Human culture expanded genetically modified allogenic T cells for cell-based therapy. Cells are derived from isolated blood of a healthy human donor chosen by available HLA match (haploidentical up to fully matched) and are transduced with a Gibbon ape leukemia virus (GαV) pseudotyped gammaretroviral vector carrying an inducible caspase 9 suicide transgene and a truncated CD19 marker gene allowing selection, and a drug binding domain consisting of human FK506 (tacrolimus)-binding protein (FKBP12) with an F36V mutation. Cells exhibit anti-infective activity as adjunctive T-cell therapy in combination with allogenic hematopoietic stem cell transplantation, in combination with an inducible suicide mechanism in the event of donor T-cell induced graft versus host disease (GvHD).

cell therapy substance (antineoplastic)

rivogenlecleucel	Lymphocytes T humains allogéniques, en culture d'expansion et modifiés génétiquement en vue d'une thérapie cellulaire. Les cellules sont dérivées du sang prélevé chez un donneur sain choisi pour sa compatibilité HLA (de haploidentique à correspondant totalement) et sont transduites avec un vecteur rétroviral gamma pseudotypé virus de la leucémie du singe Gibbon (GalV) transportant un transgène suicide inductible de la caspase 9 et un gène CD19 tronqué comme marqueur permettant la sélection, ainsi qu'un domaine de liaison médicamenteuse consistant en la protéine humaine (FKBP12) se liant au tacrolimus (FK506) avec une mutation F36V. Les cellules montrent une activité anti-infectieuse comme thérapie adjuvante de lymphocytes T en association avec la transplantation de cellules souches hématopoïétiques allogéniques, en association aussi avec un mécanisme suicide inductible en cas de réaction du greffon contre l'hôte (GVH) induit par les lymphocytes T du donneur. <i>substance de thérapie cellulaire (antinéoplasique)</i>
rivogenlecleucel	Linfocitos T alogénicos, humanos, expandidos en cultivo y modificados genéticamente para terapia celular. Las células se derivan a partir de sangre aislada de un donante humano sano elegido por su compatibilidad HLA (desde haploidentico hasta totalmente coincidente) y están transducidas con un vector gamma-retroviral seudotipado del virus de la leucemia de monos Gibbon (GalV) que porta un transgen inducible suicida de caspasa 9 y un gen CD19 truncado como marcador que permite la selección, y un dominio de unión a drogas consistente en la proteína de unión al tacrólimus (FK506) humana (FKBP12) con una mutación F36V. Las células muestran actividad anti-infecciosa en terapia adyuvante de linfocitos T en combinación con trasplante alogénico de células madre hematopoyéticas, en combinación con un mecanismo suicida inducible en caso de enfermedad injerto contra huésped (EICH) inducida por los linfocitos T del donante. <i>sustancia de terapia celular (antineoplásico)</i>
rovazolacum rovazolac	ethyl {5-[3'-(methanesulfonyl)[1,1'-biphenyl]-4-yl]-3-(trifluoromethyl)-1H-pyrazol-1-yl}acetate <i>anti-inflammatory</i>
rovazolac	{5-[3'-(méthanesulfonyl)[1,1'-biphényl]-4-yl]-3-(trifluorométhyl)-1H-pyrazol-1-yl}acétate d'éthyle <i>anti-inflammatoire</i>
rovazolac	{5-[3'-(metanosulfonyl)[1,1'-bifenil]-4-il]-3-(trifluorometil)-1H-pirazol-1-il}acetato de etilo <i>antiinflamatorio</i>

setrusumab

immunoglobulina G2-lambda, anti-[*Homo sapiens* SOST (esclerostina)], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma2 (1-443) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-66*01 (89.80%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.10] (1-117) -IGHG2*01, G2m.. (CH1 (118-215), bisagra (216-227), CH2 V45.1 (278) (228-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (118-443)], (131-216')-disulfuro con la cadena ligera lambda (1'-217') [*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV2-23*02 (92.60%) -IGLJ2*01) [9.3.11] (1'-111') -IGLC2*01 (112'-217')]; dímero (219-219":220-220":223-223":226-226")-tetrakisdisulfuro

immunomodulador

1847394-95-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
QVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFR SHWLSWRQA PGKLEWVSN 50
INVDGSSTYY ADSVKGRTFI SRDNSKNTLY LQMSLRRAED TAVYYCARDT 100
YLHFDYWGQG TLVTVSSAST KGPSVFPLAP CSRSTSESTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVMNSN GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVP SNFGTQTYTC 200
NVDHKPSNTK VDKTVERKCC VECPPCPAPP VAGPSVFLFP PKPKDTLMIS 250
RTPETVTCVVV DVSHEDDEVQ FNWYVDGVEV HNAKTKPREE OFNSTERVVS 300
VLTVVHQDWL NGKEYKCKVS NKGLPAIEK TISKTKGQPR EPQVYTLPPS 350
REEMTKNQVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN GQPENNYKTT PPLDSDGSGF 400
FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSMHEALHN HYTKSLSLS PGK 443
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIALTPASV SGSPGQSITI SCTGTSSDVG DINDVSWYQQ HPGKAPKLM 50
YDVNNRPSGV SNRFGSKSG NTASLTISGL QAEDEADYYC QSYAGSYLSE 100
VFGGGTKLTV LGQPKAAPSV TLFPSSSEEL QANKATLVCL ISDFYPGAVT 150
VAWKADSSPV KAGVETTPS KQSNKYAAS SYLSLTPEQW KSHRSYSCQV 200
THEGSTVEKT VAPTECS 217
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 144"-200" 257"-317" 363"-421"
 22"-96" 144"-200" 257"-317" 363"-421"
 Intra-L (C23-C104) 22"-90" 139"-198"
 22"-90" 139"-198"
 Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 131"-216" 131"-216"
 Inter-H-H (h 4, h 5, h 8, h 11) 219-219" 220-220" 223-223" 226-226"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

HCH2 N84.4:

293, 293"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

sirtratumabum #

sirtratumab

immunoglobulin G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLITRK6 (SLIT and NTRK like family member 6)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma2 heavy chain (1-446) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-33*01 (96.90%) -(IGHD) -IGHJ6*01) [8.8.13] (1-120) -IGHG2*01, G2m.. (CH1 (121-218), hinge (219-230), CH2 V45.1 (281) (231-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (121-446)], (134-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV2-28*01 (93.00%) -IGKJ1*01) [11.3.9] (1'-112') -IGKC*01, Km3 A45.1 (158) V101 (196) (113'-219')]; dimer (222-222":223-223":226-226":229-229")-tetrakisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

sirtratumab

immunoglobuline G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLITRK6 (membre 6 de la famille des analogues de SLIT et NTRK)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal;

sirtratumab

chaîne lourde gamma2 (1-446) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-33*01 (96.90%) -(IGHD) -IGHJ6*01) [8.8.13] (1-120) -IGHG2*01, G2m.. (CH1 (121-218), charnière (219-230), CH2 V45.1 (281) (231-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (121-446)], (134-219')-disulfure avec la chaîne légère (1'-219') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV2-28*01 (93.00%) -IGKJ1*01) [11.3.9] (1'-112') -IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (222-222":223-223":226-226":229-229")-tétrakisdisulfure immunomodulateur, antinéoplasique

inmunoglobulina G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLITRK6 (miembro 6 de la familia de los análogos de SLIT y NTRK)], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma2 (1-446) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-33*01 (96.90%) -(IGHD) -IGHJ6*01) [8.8.13] (1-120) -IGHG2*01, G2m.. (CH1 (121-218), bisagra (219-230), CH2 V45.1 (281) (231-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (121-446)], (134-219')-disulfuro con la cadena ligera (1'-219') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV2-28*01 (93.00%) -IGKJ1*01) [11.3.9] (1'-112') -IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (222-222":223-223":226-226":229-229")-tetraakisdisulfuro inmunomodulador, antineoplásico

1824663-82-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVESGGG VVQPGRSRLR SCAASGFTFS SYGMHWVRQA PGKGLEWVAV 50
IWYDGSNQYY ADSVKGRFTI SRNSKNTLF LQMHSRLAED TAVYYCARGL 100
TSGRYGMDFV GQCTTVTVSS ASTKGPSVFP LAPCSRSTSE STAAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSNFGTQT 200
YTCNVDHKPS NTKVDKTVR KCCVECPPCP APPVAGPSVF LFPPKPKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVSHEDF EVQFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQFNSTFR 300
VSVLTIVVHQ DWLNGKEYKC KVSNGKLPAP IEKTIISKTKG QPREPQVYTL 350
PPSREEMTKN QVSLTCLVKG FYPSPDIAVEW ESNQGPENNY KTTTPMLDS 400
GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCVMHEA LHNHYTQKSL SLSPGK 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIVMTQSPLS LPVTPGEPAS ISCRSSQSL LSHGFNYLDW YLQKPGQSPQ 50
LLIYLGSRA SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGL YYCMQPLQIP 100
WTFGQGTKVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC 219

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 260-320 366-424
22"-96" 147"-203" 260"-320" 366"-424"

Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'
23'''-93''' 139'''-199'''

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 134-219' 134"-219"

Inter-H-H (h 4, h 5, h 8, h 11) 222-222" 223-223" 226-226" 229-229"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:
296, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados
G0 to G2 (G0F predominant / prédominant / predominante)

sirtratumabum vedotinum #
sirtratumab vedotin

immunoglobulin G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLITRK6 (SLIT and NTRK like family member 6)], *Homo sapiens* monoclonal antibody conjugated to auristatin E;

sirtratumab védotine

gamma2 heavy chain (1-446) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-33*01 (96.90%) -(IGHD) -IGHJ6*01) [8.8.13] (1-120) -IGHG2*01, G2m.. (CH1 (121-218), hinge (219-230), CH2 V45.1 (281) (231-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (121-446)], (134-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV2-28*01 (93.00%) -IGKJ1*01) [11.3.9] (1'-112') -IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (222-222":223-223":226-226":229-229")-tetrakisdisulfide; conjugated, on an average of 4 cysteinyl, to monomethylauristatin E (MMAE), via a cleavable maleimidocaproyl-valyl-citrullinyl-*p*-aminobenzoyloxycarbonyl (mc-val-cit-PABC) type linker
For the vedotin part, please refer to the document "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others".
immunomodulator, antineoplastic

immunoglobuline G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLITRK6 (membre 6 de la famille des analogues de SLIT et NTRK)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal conjugué à l'auristatine E;
chaîne lourde gamma2 (1-446) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-33*01 (96.90%) -(IGHD) -IGHJ6*01) [8.8.13] (1-120) -IGHG2*01, G2m.. (CH1 (121-218), charnière (219-230), CH2 V45.1 (281) (231-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (121-446)], (134-219')-disulfure avec la chaîne légère (1'-219') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV2-28*01 (93.00%) -IGKJ1*01) [11.3.9] (1'-112') -IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (222-222":223-223":226-226":229-229")-tétrakisdisulfure; conjugué, sur 4 cystéinyl en moyenne, au monométhylauristatine E (MMAE), via un linker clivable de type maléimidocaproyl-valyl-citrullinyl-*p*-aminobenzoyloxycarbonyl (mc-val-cit-PABC)
Pour la partie védotine, veuillez vous référer au document "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others".
immunomodulateur, antinéoplasique

sirtratumab vedotina

inmunoglobulina G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLITRK6 (miembro 6 de la familia de los análogos de SLIT y NTRK)], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal conjugado con la auristatina E;
cadena pesada gamma2 (1-446) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-33*01 (96.90%) -(IGHD) -IGHJ6*01) [8.8.13] (1-120) -IGHG2*01, G2m.. (CH1 (121-218), bisagra (219-230), CH2 V45.1 (281) (231-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (121-446)], (134-219')-disulfuro con la cadena ligera (1'-219') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV2-28*01 (93.00%) -IGKJ1*01) [11.3.9] (1'-112') -IGKC*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (222-222":223-223":226-226":229-229")-tetrakisdisulfuro; conjugado, con 4 grupos cisteinil por término medio, con la monometilauristatina E (MMAE), mediante un enlace escindible de tipo maleimidocaproyl-valil-citrulinil-*p*-aminobenziloxycarbonil (mc-val-cit-PABC)
Para la fracción vedotina se puede referir al documento "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others".
immunomodulador, antineoplásico

1824663-83-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVESGGG VVQPGKSLRL SCAASGFTFS SYGMHWVRQA PGKLEWVAV 50
 IWYDGSNQYY ADSVKGRFTI SRDKNKTLF LQMHSLEAED TAVYICARGL 100
 TSGRYGNDWV GGGTTVTYSS ASTKGPSVFP LAPCSRSTSE STAAAGCLVK 150
 DYFPEPTVS WNSGALTSEV HTPFAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSNFGTQT 200
 YTCNVDHKPS NTKVDKTVET KCCVECPFCF APFVAGPSVF LFPKPKDTL 250
 MISRTPEVTC VVVDVSHEDP EVQFNWIVDG VEVHNAKTRP REEQFNSTFR 300
 VVSVLTVVHQ DWLNGKEYK KVSNGLPAP IEKTIKTRG QREPPQVITL 350
 PPSREMTKN QVSLTCLVKG FYPFDIAVEW ESNQPFENNY KTFPPMLDSD 400
 GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMEHA LNNHYTQKSL SLSPGK 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIVMTQSPLS LPVTFGEFAS ISCRSSQSLL LSHGFNYLDW YLQKPGQSPQ 50
 LLILYGSSRA SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGL YYCMQPIQIP 100
 WTFQGQTKVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCCL LNNFYPREAK 150
 VQWVKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKOSTYSL SSSLTSLKAD YEKHKVYACE 200
 VTHQGLSSPV TKSFNREGEC 219

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22°-96° 147°-203° 260°-320° 366°-424°
 22°-96° 147°-203° 260°-320° 366°-424°

Intra-L (C23-C104) 23°-93° 139°-199°
 23°-93° 139°-199°

Inter-H-L (CH1 I0-CL 126) * 134°-219° 134°-219°

Inter-H-H (h 4, h 5, h 8, h 11) * 222°-222° 223°-223° 226°-226° 229°-229°

*Two or three of the inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 4 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

*Deux ou trois des ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 4 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

*Faltan dos o tres puentes disulfuro inter-catenarios, una media de 4 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

296, 296°

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos predominant) fucosilados G0 to G2 (G0F predominant / prédominant / predominante)

spartalizumabum

spartalizumab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1

(programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)],

humanized monoclonal antibody;

gamma4 heavy chain (1-443) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (75.00%) -(IGHD) -IGHJ6*01)[8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (118-215), hinge S10>P (225) (216-227), CH2 (228-337), CH3

(338-442), CHS K2>del (443)) (118-443)], (131-220')-disulfide with kappa light chain (1'-220') [humanized V-

KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*03 (75.80%) -IGKJ1*01) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (114'-220')]; dimer (223-223":226-

226")-bisdisulfide

immunomodulator, antineoplastic

spartalizumab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1

(protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal humanisé;

chaîne lourde gamma4 (1-443) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (75.00%) -(IGHD) -IGHJ6*01)[8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (118-215), charnière S10>P (225) (216-227), CH2 (228-337), CH3

(338-442), CHS K2>del (443)) (118-443)], (131-220')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-220') [V-KAPPA

humanisé (*Homo sapiens* IGKV3D-11*03 (75.80%) -IGKJ1*01) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (114'-220')]; dimère (223-

223":226-226")-bisdisulfure

immunomodulateur, antinéoplasique

espantalizumab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma4 (1-443) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (75.00%) -(IGHD) -IGHJ6*01) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (118-215), bisagra S10>P (225) (216-227), CH2 (228-337), CH3 (338-442), CHS K2>del (443)) (118-443)], (131-220')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-220') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV3D-11*03 (75.80%) -IGKJ1*01) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (114'-220')]; dímero (223-223":226-226")-bisdisulfuro
inmunomodulador, antineoplásico

1935694-88-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVQSGAE VKKPGESLRI SCKGSGYTFT TYWMHWVRQA TGQGLEWMGN 50
IYPGTGGSNF DEKFKNRVTI TADKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCTRWT 100
TGTGAYWGQG TTVTVSSAST KGPSVFPLAP CSRSTSESTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSNNNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVVPS SSLGKTKYTC 200
NVDHKPSNTK VDKRVESEKY PPCCPPCPAPE FLGGPSVFLP PPKPKDTLMI 250
SRTEPEVTCVV VDVQSQEDPEV QFNWYVDGVE VHNAKTKPRE EQFNSTYRVV 300
SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV SNKGLPSSIE KTISKAKGQP REPQVYTLFP 350
SQEEMTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES NGQFENNYKT TPFVLDSGDS 400
FFLYSRLTVD KSRWQEGNVF SCSVMHEALH NHYTQKSLSL SLG 443
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCSSSQSL DSGNQKNFLT WYQQKPGQAP 50
RLLIYWASTR ESGVPSRFSG SGSGTDFTF ISSLEAEDAA TYQCNDYSY 100
PYTFGQGTKV EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNMFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKSTYS LSSTLTLSKA DYEKKHVKYAC 200
EVTHQGLSP VTKSFNRGEC 220
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22"-96" 144"-200" 258"-318" 364"-422"

22"-96" 144"-200" 258"-318" 364"-422"
Intra-L (C23-C104) 23"-94" 140"-200"
23"-94" 140"-200"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 131-220' 131"-220"

Inter-H-H (h 11, h 14) 223-223" 226-226"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

294, 294"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

sultimotidium alfa

sultimotide alfa

a fusion protein consisting of fragments of hepatitis B virus transcription factor X, large S-protein antigen (envelope antigen), B antigen (core antigen) and of a C-terminal six-histidine tag, expressed by engineered whole heat-killed *Saccharomyces cerevisiae*, glycoform alfa;

Met-Ala-Asp-Glu-Ala-Pro-Thr-Ser-[des-(69-83)-[P⁵⁹>F]protein X (hepatitis B virus)-(52-127)-peptide (9-69)]-
{[M¹>E,G³>Q,Q¹⁰>K,P¹⁹S,G³⁵>R,N³⁹>A,H⁵¹>T,P⁶⁵>L,T⁸⁶>Q,
A⁹¹>N]}large S protein (hepatitis B virus) (70-243)]-
{[T⁴>I,V²⁵>I,N²⁰⁷>S,L²⁰⁹>V,L²¹³>I]}small S protein (hepatitis B virus) (244-469)]-[des-Met¹-[S¹²>T]capsid protein (hepatitis B virus) (470-651)]-His₆ (652-657) fusion protein, produced in *Saccharomyces cerevisiae*, glycoform alfa
immunological agent for active immunization (antiviral)

sultimotide alfa

protéine de fusion consistant en des fragments du facteur X de transcription du virus de l'hépatite B, de l'antigène de la grande protéine S (antigène de l'enveloppe), antigène B (antigène core) et d'un fragment de 6 histidines, exprimée par une souche de *Saccharomyces cerevisiae* inactivée par la chaleur, glycoforme alfa:

Met-Ala-Asp-Glu-Ala-Pro-Thr-Ser-{dès-(69-83)-[P⁵⁹>F]protéine X (virus de l'hépatite B)-(52-127)-peptide (9-69))-
 {[M¹>E,G³>Q,Q¹⁰>K,P¹⁹S,G³⁵>R,N³⁹>A,H⁵¹>T,P⁶⁵>L,T⁸⁶>Q,
 A⁹¹>N]grande protéine S (virus de l'hépatite B) (70-243))-
 {[T⁴>I,V²⁵>I,N²⁰⁷>S,L²⁰⁹>V,L²¹³>I]petite protéine S (virus de
 l'hépatite B) (244-469))-(dès-Mét¹-[S¹²>T]protéine de la
 capsid (virus de l'hépatite B) (470-651))-His₆ (652-657)
 protéine de fusion, produite par *Saccharomyces cerevisiae*, glycoforme alfa
agent immunologique d'immunisation active (antiviral)

sultimotida alfa

proteína de fusión consistente en los fragmentos del factor X de transcripción del virus de la hepatitis B, del antígeno de la proteína S grande (antígeno de la envoltura), antígeno B (antígeno nuclear) y de un fragmento de 6 histidinas, producida por una cepa de *Saccharomyces cerevisiae* inactivada por el calor, glicofoma alfa:

Met-Ala-Asp-Glu-Ala-Pro-Thr-Ser-{des-(69-83)-
 [P⁵⁹>F]proteína X (virus de la hepatitis B)-(52-127)-
 péptido)-
 {[M¹>E,G³>Q,Q¹⁰>K,P¹⁹S,G³⁵>R,N³⁹>A,H⁵¹>T,P⁶⁵>L,T⁸⁶>Q,
 A⁹¹>N]proteína S grande(virus de la hepatitis B))-
 {[T⁴>I,V²⁵>I,N²⁰⁷>S,L²⁰⁹>V,L²¹³>I]proteína S pequeña (virus
 de la hepatitis B))-(des-Met¹-[S¹²>T]proteína de la cápside
 (virus de la hepatitis B))-His₆ proteína de fusión, producida
 por *Saccharomyces cerevisiae*, glicofoma alfa
agente inmunológico para inmunización activa (antiviral)

1518923-92-6

Sequence / Séquence / Secuencia

```
MADEAPTSHL SLRGLFVCAF SSAGPNAHQF LPKVLHKRTL GLSAMSTDDL 50
EAYFKDCFLK DWEEELGEELE GQWSSKPRKG MGTNLSVSNP LGFFPDHQLD 100
PAFRANSANP DWDFNPNKDT WPEANQVGVG AFGLGFTPPH GLLGWSPQA 150
QGILQTVPAN PFPASTNRQS GRQPTPISTP LRDSHPQAMQ WNSTTFHQAL 200
LDPRVRGLYF PAGGSSSGTV NPVPTTASPI SSIFSRGTDP ALNMENITSG 250
FLGPLLVLQA GFELLTRILT IPQSLDSWWT SLNFLGGTTT CPQNSQSPT 300
SNHSPTSCPP ICPGYRMCL RRFILFLFIL LLCLIFLLVL LDYQGLPVC 350
PLLPGTSTTS TGPKCTCTIP AQGTSMFPSC CCTKPSDGNL TCIPISPSWA 400
FARFLWEWAS VRFSWLSLLV PFVQWFGVLS PTVWLSVIWM MWYWGSPSLYS 450
IVSPFIFLLP IFFCLWYID IDPYKEFGAT VELLFLPSD FFPVSRDLLD 500
TASALYREAL ESPEHCSPHH TALRQAILCW GELMNLATWV GSNLEDPASR 550
ELVSVYVNVN MGLKIRQLLW FHISCLTFGR ETVLEYLVSF GVIWRTPPAY 600
RPPNAPILST LPETTVVRRR GRSPRRRTPS PRRRRSQSPR RRRSQSRESQ 650
CHHHHHHH 657
```

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

18-350 57-308 291-319 312-529 333-380
 364-367 381-390 382-392 464-651 516-575

Glycosylation sites (N) / Sites de glycosylation (N) / Posiciones de glicosilación (N)

Asn-84 Asn-192 Asn-246 Asn-302 Asn-389

tabelecleucelum

tabelecleucel

Human culture enriched allogenic Epstein-Barr virus-specific cytotoxic T cells (EBV-CTL) for cell-based therapy. Cells are isolated from blood of EBV seropositive healthy human donors. EBV-CTLs exhibit human leukocyte antigen (HLA)-restricted cytotoxic activity against EBV+ cells in allogeneic hematopoietic cell transplant patients with EBV associated post-transplant lymphoproliferative disease.

cell therapy substance (transplantation)

tabélecleucel

Lymphocytes T cytotoxiques spécifiques du virus d'Epstein-Barr (EBV-CTL), allogéniques, humains, enrichis en culture pour thérapie cellulaire. Les cellules sont isolées à partir du sang de donneurs humains sains séropositifs à l'EBV. Les EBV-CTL montrent une activité cytotoxique restreinte à l'antigène leucocytaire humain (HLA) contre les cellules EBV+ chez des patients transplantés avec des cellules hématopoïétiques allogéniques souffrants d'un syndrome lymphoprolifératif associé à l'EBV post-transplantation.

substance pour thérapie cellulaire (transplantation)

tabelecleucel

Linfocitos T citotóxicos específicos del virus de Epstein-Barr (EBV-CTL), alogénicos, humanos, enriquecidos en cultivo para terapia celular. Las células están aisladas a partir de sangre de donantes humanos sanos seropositivo para EBV. Los EBV-CTLs muestran actividad citotóxica restringida por HLA contra células EBV+ in pacientes trasplantados con células hematopoyéticas alogénicas con enfermedad linfoproliferativa post-trasplante asociada a EBV.

sustancia de terapia celular (trasplante)

talacotuzumabum #

talacotuzumab

immunoglobulin G1-2-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL3RA (interleukin 3 receptor subunit alpha, interleukin 3 receptor alpha (low affinity), CD123)], humanized monoclonal antibody;

gamma1-2 heavy chain (1-450) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (82.70%) -(IGHD) -IGHJ3*01) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (CH1 G1m17, K120 (217) (121-218) -hinge (219-233) -CH2 1.6-1.1 (234-239)) (121-239) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (CH2 1-125, S3>D (242), G2m.. V45.1 (285), G110>A (330), I117>E (335) (240-343) -CH3 nG1m1 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450))] (240-450)], (223-220')-disulfide with kappa light chain (1'-220') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (90.10%) -IGKJ2*01) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

talacotuzumab

immunoglobuline G1-2-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL3RA (sous-unité alpha du récepteur de l'interleukine 3, récepteur alpha (faible affinité) de l'interleukine 3, CD123)], anticorps monoclonal humanisé;

talacotuzumab

chaîne lourde gamma1-2 (1-450) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (82.70%) -(IGHD) -IGHJ3*01) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (CH1 G1m17, K120 (217) (121-218) -charnière (219-233) -CH2 1.6-1.1 (234-239))(121-239) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (CH2 1-125, S3>D (242), G2m.. V45.1 (285), G110>A (330), I117>E (335) (240-343) -CH3 nG1m1 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (240-450)], (223-220')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-220') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (90.10%) -IGKJ2*01) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1, V101 (114'-220')]; dimère (229-229'':232-232'')-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

inmunoglobulina G1-2-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL3RA (subunidad alfa del receptor de la interleukina 3, receptor alfa (baja afinidad) de la interleukina 3, CD123)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1-2 (1-450) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (82.70%) -(IGHD) -IGHJ3*01) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (CH1 G1m17, K120 (217) (121-218) -bisagra (219-233) -CH2 1.6-1.1 (234-239)) (121-239) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (CH2 1-125, S3>D (242), G2m.. V45.1 (285), G110>A (330), I117>E (335) (240-343) -CH3 nG1m1 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (240-450)], (223-220')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-220') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (90.10%) -IGKJ2*01) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1, V101 (114'-220')]; dímero (229-229'':232-232'')-bisdisulfuro
immunomodulador, antineoplásico

1826831-79-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVQSGAE VKKPGESLKI SCKSGSYSTF DYYMKWARQM PGKGLEWMGD 50
IIPSNQATFY NQKFKGQVTI SADKSISTTY LQWSSLKASD TAMYCARSH 100
LLRASWFAYW GQGTMTVTSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTSV WNSGALTSKV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTHCP PCPAPELLGG PDVFLFPPKP 250
KDTLMISRTF EVTCVVVDVS HEDPEVQFNV YVDGVEVHNA KTKPREEQFN 300
STFRVSVLT VVHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPAEKTIIS KTKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPM 400
LDSGGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNYT QKSLSLSPGK 450
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIVMTQSPDS LAVSLGERAT INCESSQSLL NSGNQKNYLT WYQQKPGQPP 50
KPLIYWASTR ESGVPDRFSG SGSGTDFTLT ISSLQAEDVA VYYCQNDYSY 100
PYTFGQGTKL EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDSITYS LSSTLTLSKA DYKHKVYAC 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 220
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23-94" 140"-200"
23"-94" 140"-200"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-220" 223"-220"

Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

tasadenoturevum #

tasadenoturev

conditionally replicating adenovirus (CRAd) serotype 5 carrying a 24-bp deletion in early E1A gene and insertion of an integrin-binding motif (Arg-Gly-Asp) (RGD) motif into the H1 loop of the fiber knob.

antineoplastic

tasadénoturev

adénovirus de sérotype 5 dont la réplication est conditionnelle et portant une délétion de 24 paires de bases sur le gène précoce E1A et l'insertion d'un motif d'union à l'intégrine dans la boucle H1 du *knob* de la fibre

antinéoplasique

tasadenoturev

adenovirus de serotipo 5, con replicación condicionada, portando una delección de 24 pares de bases en el gen temprano E1A y la inserción de un motivo de unión a integrina (Arg-Gly-Asp) (RGD) en el bucle H1 del *knob* de la fibra

antineoplásico

1448774-00-2

tasipimidinum

tasipimidine

rac-2-[(1*R*)-5-methoxy-3,4-dihydro-1*H*-2-benzopyran-1-yl]-4,5-dihydro-1*H*-imidazole

α2 adrenoreceptor agonist (veterinary drug)

tasipimidine

rac-2-[(1*R*)-5-méthoxy-3,4-dihydro-1*H*-2-benzopyran-1-yl]-4,5-dihydro-1*H*-imidazole

agoniste des récepteurs α2-adrénergiques (usage vétérinaire)

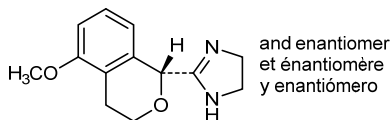
tasipimidina

rac-2-[(1*R*)-5-metoxi-3,4-dihidro-1*H*-2-benzopiran-1-il]-4,5-dihidro-1*H*-imidazol

agonista de los receptores α 2-adrenérgicos (uso veterinario)

C₁₃H₁₆N₂O₂

1465908-70-6

**telacebecum**

telacebec

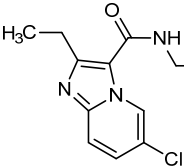
6-chloro-2-ethyl-*N*-[(4-{4-[4-(trifluoromethoxy)phenyl]piperidin-1-yl}phenyl)methyl]imidazo[1,2-*a*]pyridine-3-carboxamide

antituberculosis

télacébec

6-chloro-2-éthyl-*N*-[(4-{4-[4-(trifluorométhoxy)phényl]pipéridin-1-yl}phényl)méthyl]imidazo[1,2-*a*]pyridine-3-carboxamide

antituberculeux

telacebec	6-cloro-2-etil-N-[[4-{4-[(trifluorometoxi)fenil]piperidin-1-il}fenil]metil]imidazo[1,2-a]piridina-3-carboxamida <i>antituberculoso</i>
	$\text{C}_{29}\text{H}_{28}\text{ClF}_3\text{N}_4\text{O}_2$ $1334719-95-7$ 
temavirsenum	
temavirsen	[(2<i>S</i>,4<i>R</i>)-1-{1-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis({3-[(3-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}propyl)amino]-3-oxopropoxy)methyl}-5,11,18-trioxo-14-oxa-6,10,17-triazanonacosan-29-oyl)-4-hydroxypyrrolidin-2-yl)methyl hydrogen <i>all-P-ambo</i>-2'-O-(2-methoxyethyl)-<i>P</i>-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-<i>P</i>-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-<i>P</i>-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-<i>P</i>-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-<i>P</i>-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-<i>P</i>-thiouridylyl-(3'→5')-<i>P</i>-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-<i>P</i>-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1<i>S</i>)-ethane-1,1-diyl]-<i>P</i>-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1<i>S</i>)-ethane-1,1-diyl]-<i>P</i>-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-<i>P</i>-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1<i>S</i>)-ethane-1,1-diyl]-<i>P</i>-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-<i>P</i>-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1<i>S</i>)-ethane-1,1-diyl]-<i>P</i>-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1<i>S</i>)-ethane-1,1-diyl]-<i>P</i>-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1<i>S</i>)-ethane-1,1-diyl]-<i>P</i>-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1<i>S</i>)-ethane-1,1-diyl]cytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-3'-adenylate <i>antiviral</i>
témavirsen	hidrogéno-<i>tout-P-ambo</i>-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-<i>P</i>-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-<i>P</i>-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-<i>P</i>-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-<i>P</i>-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-<i>P</i>-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-<i>P</i>-thiouridylyl-(3'→5')-<i>P</i>-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-<i>P</i>-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1<i>S</i>)-éthane-1,1-diyl]-<i>P</i>-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1<i>S</i>)-éthane-1,1-diyl]-<i>P</i>-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-<i>P</i>-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-<i>P</i>-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1<i>S</i>)-éthane-1,1-diyl]-<i>P</i>-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-<i>P</i>-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1<i>S</i>)-éthane-1,1-diyl]-<i>P</i>-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1<i>S</i>)-éthane-1,1-diyl]-<i>P</i>-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1<i>S</i>)-éthane-1,1-diyl]-<i>P</i>-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1<i>S</i>)-éthane-1,1-diyl]cytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-3'-adénylate

temavirsén

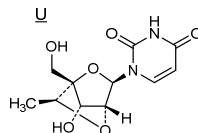
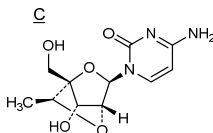
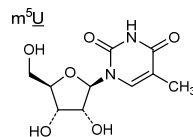
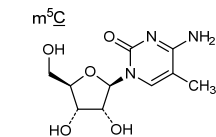
de [(2*S*,4*R*)-1-{1-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis{[(3-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}propyl)amino]-3-oxopropoxy}méthyl)-5,11,18-trioxo-14-oxa-6,10,17-triazanonacosan-29-oyl]-4-hydroxypyrrolidin-2-yl]méthyle
antiviral

hidrógeno-*todo-P-ambo*-2'-O-(2-metoxietil)-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1*S*)-etano-1,1-diil]-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1*S*)-etano-1,1-diil]-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1*S*)-etano-1,1-diyl]-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1*S*)-etano-1,1-diil]-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1*S*)-etano-1,1-diil]-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1*S*)-etano-1,1-diil]-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-3'-adenilato de [(2*S*,4*R*)-1-{1-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]-16,16-bis{[(3-{5-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]pentanamido}propil)amino]-3-oxopropoxi}metil)-5,11,18-trioxo-14-oxa-6,10,17-triazanonacosan-29-oi]-4-hidroxi-pirrolidin-2-il]metilo
antiviral

C₂₉₅H₄₂₉N₇₈O₁₄₆P₁₉S₁₇

1637599-57-5

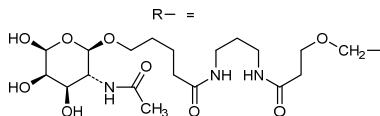
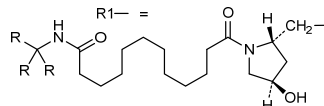
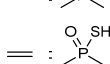
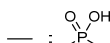
(3'→5')Amoe=m⁵Cmoe=Amoe=m⁵Cmoe=m⁵Cmoe=Amoe=m⁵Umoe=
=dT=dG=U=C=dA=C=dA=C=dT=C=C-dA-(R1)



dX : 2'-deoxy-X / dX : 2'-désoxy-X / dX : 2'-desoxy-X

Xmoe : 2'-O-(2-methoxyethyl)-X / Xmoe : 2'-O-(2-méthoxyéthyl)-X /

Xmoe : 2'-O-(2-metoxietil)-X



tibulizumabum #

tibulizumab

immunoglobulin G4-kappa anti-[*Homo sapiens* TNFSF13B (tumor necrosis factor (TNF) superfamily member 13B, BAFF, THANK, TALL1, TALL-1, BLYS, BLyS, B cell activating factor, B lymphocyte activator, CD257)], each heavy chain being fused to a scFv anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukin 17A, IL-17A)], humanized monoclonal antibody, bispecific tetravalent; gamma4 heavy chain anti-TNFSF13B fused to a scFv anti-IL17A (1-714) [gamma4 heavy chain {(*Homo sapiens* VH (IGHV4-34*01 (100.00%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.7.17] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (124-221), hinge S10>P (231) (222-233), CH2 (234-343), CH3L125>del (344-447), CHS G1>del, K2>del) (124-447)) (1-447) -16-mer linker (448-463) -scFv {(humanized VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (83.70%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.12] (464-582) -20-mer tetra(tetraglycyl-seryl) linker (583-602) -humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2D-29*02 (89.00%) -IGKJ2*02) [11.3.9] (603-714)) (464-714)], (137-214')-disulfide with kappa light chain anti-TNFSF13B (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-11*01 (97.90%) -IGKJ1*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*05, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'))]; dimer (229-229'':232-232'')-bisdisulfide
immunomodulator

tibulizumab

immunoglobuline G4-kappa anti-[*Homo sapiens* TNFSF13B (membre 13B de la superfamille des facteurs de nécrose tumorale (TNF), BAFF, THANK, TALL1, TALL-1, BLYS, BLyS, facteur d'activation des lymphocytes B, activateur des lymphocytes B, CD257)], chaque chaîne lourde étant fusionnée à un scFv anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukine 17A, IL-17A)], anticorps monoclonal humanisé, bispécifique tétravalent; chaîne lourde gamma4 anti-TNFSF13B fusionnée à un scFv anti-IL17A (1-714) [chaîne lourde gamma4 {(*Homo sapiens* VH (IGHV4-34*01 (100.00%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.7.17] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (124-221), charnière S10>P (231) (222-233), CH2 (234-343), CH3 L125>del (344-447), CHS G1>del, K2>del) (124-447)) (1-447) -16-mer linker (448-463) -scFv {(VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (83.70%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.12] (464-582) -20-mer tétra(tétraglycyl-séryl) linker (583-602) -V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV2D-29*02 (89.00%) -IGKJ2*02) [11.3.9] (603-714)) (464-714)], (137-214')-disulfure avec la chaîne légère anti-TNFSF13B (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-11*01 (97.90%) -IGKJ1*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*05, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'))]; dimère (229-229'':232-232'')-bisdisulfure
immunomodulateur

tibulizumab

inmunoglobulina G4-kappa anti-[*Homo sapiens* TNFSF13B (miembro 13B de la superfamilia de los factores de necrosis tumoral (TNF), BAFF, THANK, TALL1, TALL-1, BLYS, BLyS, factor de activación de linfocitos B, activador de linfocitos B, CD257)], cada cadena pesada estando fusionada con un scFv anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukina 17A, IL-17A)], anticuerpo monoclonal humanizado, biespecífico tetravalente; cadena pesada gamma4 anti-TNFSF13B fusionada con un scFv anti-IL17A (1-714) [cadena pesada gamma4 {(Homo sapiens VH (IGHV4-34*01 (100.00%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.7.17] (1-123) -Homo sapiens IGHG4*01 (CH1 (124-221), bisagra S10>P (231) (222-233), CH2 (234-343), CH3 L125>del (344-447), CHS G1>del, K2>del) (124-447)) (1-447) -16-mer de conexión (448-463) -scFv {(VH humanizado (Homo sapiens IGHV1-69*01 (83.70%) - (IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.12] (464-582) -20-mer tetra(tetraglicil-seril) linker (583-602) -V-KAPPA humanizado (Homo sapiens IGKV2D-29*02 (89.00%) - IGKJ2*02) [11.3.9] (603-714)) (464-714)], (137-214')-disulfuro con la cadena ligera anti-TNFSF13B (1'-214') [Homo sapiens V-KAPPA (IGKV3-11*01 (97.90%) - IGKJ1*01) [6.3.9] (1'-107') -Homo sapiens IGKC*05, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro
inmunomodulador

1849636-24-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

QVQLQQWAG LLKPSETLSL TCAVYGGSF S GYVSWIRQP PGKGLEWIGE 50
INHSGSTNYN PSLKSRVTIS VDTSKNQFSL KLSSTVAADT AVYYCARGYY 100
DILTGYYYF DYWGQGLT VSSASTRGPS VFPLAPCSRS TSESTAALGC 150
LVKDYFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYLSLS VVTVPSSSLG 200
TKTYTCNVDH KPSNTRKVDKR VESKYGGPPCP PCPAPEFLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTPEVTCVVVDVS QEDPEVQFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQFN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKG LPSSIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSQEE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTPPV 400
LDSGGSFFLY SRLTVDKSRW QEGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGG 450
GGSGGGGTGG GGSQVQLVQS GAEVKKPGSS VKVSCKASGY KFTDYHIHWV 500
RQAPGQCLEW MGVINPTYGT TDYNQRFKGR VTIITADESTS TAYMELSSLR 550
SEDTAVYYCA RYDYFTGTGV YWQGTTLTV SSGGGSGGG GSGGGSGGG 600
GSDIVMTQTP LSLSVTPGQP ASISCRSSRS LVHSRGETYL HWYLQKPGQS 650
PQLLIYKVS N RFIGVPDRFS GSGSGTDFTL KISRVEADV GVYYCSQSTH 700
LPFTFGCGTK LEIK 714

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSVS RYLAWYQQKP GQAPRLLIYD 50
ASNRTATGIPA RFGSGSGTDL STLTISLEP EDFAVYYCQ RSNWPRTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSNLT LSKADYKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104, except for *) 22-95 150-206 264-324 370-428
 485-559 507-707 * 625-695
 22"-95" 150"-206" 264"-334" 370"-428"
 485"-559" 507"-707" * 625"-695"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
 23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 137-214' 137"-214"

Inter-H-H (h 8, h 11) 229-229" 232-232"

*Disulfide bridge between the scFv VH C49 (507, 507") and V-KAPPA C120 (707, 707")

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

tigilanolli tiglas

tigilanol tiglate

(1*aR*,1*bR*,1*cS*,2*aR*,3*S*,3*aS*,6*aS*,6*bR*,7*R*,8*R*,8*aS*)-3,3*a*,6*b*-trihydroxy-2*a*-(hydroxyméthyl)-1,1,5,7-tétraméthyl-4-oxo-1,1*a*,1*b*,1*c*,2*a*,3,3*a*,4,6*a*,6*b*,7,8-dodécahydro-8*aH*-cyclopropa[5',6']benzo[1',2':-7,8]azuleno[5,6-*b*]oxirène-8,8*a*-diyl 8*a*-[(2*S*)-2-méthylbutanoate] 8-[(2*E*)-2-méthylbut-2-énoate]

antineoplastic

tiglate de tigilanol

8-[(2*E*)-2-méthylbut-2-énoate] et 8*a*-[(2*S*)-2-méthylbutanoate] de

(1*aR*,1*bR*,1*cS*,2*aR*,3*S*,3*aS*,6*aS*,6*bR*,7*R*,8*R*,8*aS*)-3,3*a*,6*b*-trihydroxy-2*a*-(hydroxyméthyl)-1,1,5,7-tétraméthyl-4-oxo-1,1*a*,1*b*,1*c*,2*a*,3,3*a*,4,6*a*,6*b*,7,8-dodécahydro-8*aH*-cyclopropa[5',6']benzo[1',2':7,8]azuleno[5,6-*b*]oxirène-8,8*a*-diyle]

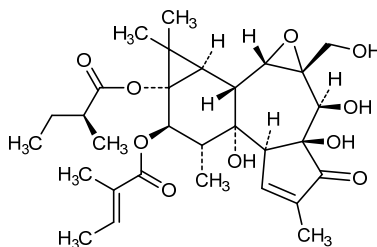
antineoplasique

tiglato de tigilanol

8*a*-[(2*S*)-2-méthylbutanoate] y 8-[(2*E*)-2-méthylbut-2-énoate] de (1*aR*,1*bR*,1*cS*,2*aR*,3*S*,3*aS*,6*aS*,6*bR*,7*R*,8*R*,8*aS*)-3,3*a*,6*b*-trihydroxy-2*a*-(hydroxyméthyl)-1,1,5,7-tétraméthyl-4-oxo-1,1*a*,1*b*,1*c*,2*a*,3,3*a*,4,6*a*,6*b*,7,8-dodécahydro-8*aH*-cyclopropa[5',6']benzo[1',2':7,8]azuleno[5,6-*b*]oxirène-8,8*a*-diilo

*antineoplásico*C₃₀H₄₂O₁₀

943001-56-7

**tigolanerum**

tigolaner

2-chloro-*N*-(1-cyanocyclopropyl)-5-[2'-methyl-5'-(pentafluoroéthyl)-4'-(trifluorométhyl)-2'-*H*-[1,3'-bipyrázol]-4-yl]benzamide

antiparasitic (veterinary use)

tigolaner

2-chloro-*N*-(1-cyanocyclopropyl)-5-[2'-méthyl-5'-(pentafluoroéthyl)-4'-(trifluorométhyl)-2'-*H*-[1,3'-bipyrázol]-4-yl]benzamide

antiparasitaire (usage vétérinaire)

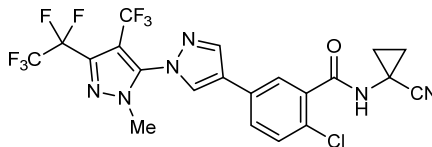
tigolaner

2-cloro-*N*-(1-cianociclopropil)-5-[2'-metil-5'-(pentafluoroetil)-4'-(trifluorometil)-2'-*H*-[1,3'-bipirázol]-4-il]benzamida

antiparasitario (uso veterinario)

C₂₁H₁₃ClF₈N₆O

1621436-41-6

**tilsotolimodum**

tilsotolimod

O,O'-(2-hydroxypropane-1,3-diyl) bis(hydrogen *all-P-ambo-P*-thiothymidyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-deoxy-7-carba-*P*-thioguanyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-deoxy-7-carba-*P*-thioguanyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-deoxy-7-carba-*P*-thio-3'-guanylate) de O,O'-(2-hydroxypropane-1,3-diyle)
immunomodulator, antineoplastic

tilsotolimod

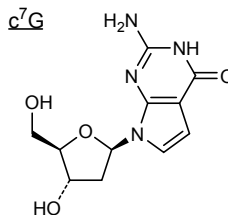
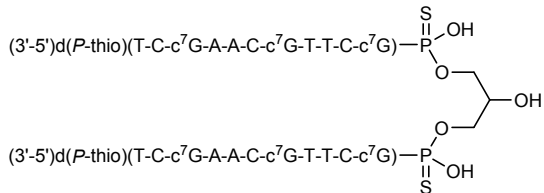
bis(hydrog no-*tout-P-ambo-P*-thiothymidyl-(3'→5')-2'-d soxy-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-d soxy-7-carba-*P*-thioguanyl-(3'→5')-2'-d soxy-*P*-thioad nyl-(3'→5')-2'-d soxy-*P*-thioad nyl-(3'→5')-2'-d soxy-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-d soxy-7-carba-*P*-thioguanyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-2'-d soxy-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-d soxy-7-carba-*P*-thio-3'-guanylate) de O,O'-(2-hydroxypropane-1,3-diyle)
immunomoduleur, antin oplasique

tilsotolimod

bis(hidr geno-*todo-P-ambo-P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-7-carba-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-7-carba-*P*-tioguanilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-7-carba-*P*-tio-3'-guanilato) de O,O'-(2-hidroxiopropano-1,3-diilo)
immunomodulador, antineopl sico

C₂₂₃H₂₈₄N₇₄O₁₁₅P₂₂S₂₂

1948266-37-2



timrepigenum emparvovecum #

timrepigene emparvovec

Non-replicating recombinant adeno-associated virus serotype 2 (rAAV2) vector encoding the cDNA of human Rab escort protein 1 (CHM, REP-1), driven by the hybrid cytomegalovirus (CMV) enhancer/chicken beta-actin promoter (CBA).

gene therapy substance (choroideremia)

timrépigène emparvovec

Vecteur viral adéno-associé recombinant de sérotype 2 (rAAV2) non-répliquant codant pour l'ADN cyclique (ADNc) de la protéine escorte Rab 1 (CHM, REP-1) humaine sous le contrôle de l'hybride de l'activateur du cytomégalo virus (CMV) et du promoteur de l'actine bêta du poulet (ABP, CBA).

substance pour thérapie génique (choroïdérémie)

timrepigén emparvovec

Vector no replicativo del Virus Adeno-asociado de serotipo 2 (rAAV2) que codifica el cDNA de la proteína escolta Rab 1 (CHM, REP-1) humana, impulsado por el híbrido del *enhancer* de citomegalovirus (CMV) y el promotor de la beta-actina de pollo (CBA).

sustancia de terapia génica (coroideremia)

1905415-02-2

tiragolumabum #

tiragolumab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TIGIT (T-cell immunoreceptor with Ig domain and ITIM, V-set Ig member 9, VSIG9, V-set and transmembrane member 3, VSTM3)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-456) [*Homo sapiens* VH (IGHV6-1*01 (93.10%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [10.9.16] (1-126) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (223) (127-224), hinge (225-239), CH2 (240-349), CH3 E12 (365), M14 (367) (350-454), CHS (455-456)) (127-456)], (229-220')-disulfide with kappa light chain (1'-220') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV4-1*01 (97.00%) -IGKJ3*01) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dimer (235-235":238-238")-bisdisulfide

immunomodulator, antineoplastic

tiragolumab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TIGIT (immunorécepteur des lymphocytes T avec domaine Ig et ITIM, membre 9 de l'Ig V-set, VSIG9, membre 3 de l'Ig V-set et région transmembrane, VSTM3)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma 1 (1-456) [*Homo sapiens* VH (IGHV6-1*01 (93.10%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [10.9.16] (1-126) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (223) (127-224), charnière (225-239), CH2 (240-349), CH3 E12 (365), M14 (367) (350-454), CHS (455-456)) (127-456)], (229-220')-disulfure avec la chaîne légère (1'-220') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV4-1*01 (97.00%) -IGKJ3*01) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dimère (235-235":238-238")-bisdisulfure

immunomodulateur, antinéoplasique

tiragolumab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-*[Homo sapiens* TIGIT (inmunoreceptor de linfocitos T con dominio Ig e ITIM, miembro 9 de la Ig V-set, VSIG9, miembro 3 de la Ig V-set y región transmembrana, VSTM3)], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-456) [*Homo sapiens* VH (IGHV6-1*01 (93.10%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [10.9.16] (1-126) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (223) (127-224), bisagra (225-239), CH2 (240-349), CH3 E12 (365), M14 (367) (350-454), CHS (455-456)) (127-456)], (229-220')-disulfuro con la cadena ligera (1'-220') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV4-1*01 (97.00%) -IGKJ3*01) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dímero (235-235":238-238")-bisdisulfuro
inmunomodulador, antineoplásico

1918185-84-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLQQSGPG LVKPSQTLSTL TCAISGDSVS SNSAAWNWR QSPSRGLEWL 50
GKTYIRFKWY SDYAVSVKGR ITINPDTSKN QFSLQLNSVT PEDTAVFYCT 100
RETTYRDLA GPFYDWGGT LVTVSSASTK GPSVFPLAPS SKTSGGTAA 150
LGCLVKDYFP EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVTVFSS 200
SLGTQTYICN VNHKPSNTKV DKKVEPKSCD KTHTCPPCPA PELLGGPSVF 250
LFPKPKDTL MISRTPEVTC VVVDVSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP 300
REEQYNSTYR VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNAKLPAP IEKTISKAKG 350
QPREPQVYTL PPSREEMTKN QVSLTCLVKG FYPSTIAVEW ESNQGPENNY 400
KTTTPVLDSG GSFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMEHA LHNHYTQKSL 450
SLSPGK 456
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIVMTQSPDS LAVSLGERAT INCKSSQTVL YSSNNKKYLA WYQQKPGQPP 50
NLLIYWASTR ESGVPDRFSG SGSGTDFTLT ISSLQAEDVA VYCCQYYST 100
PFTFGPGTKV EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDSITYS LSSTLTLSKA DYEKKHKVYAC 200
EVTHQGLSP VTKSFNRGEC 220
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-99 153-209 270-330 376-434
22"-99" 153"-209" 270"-330" 376"-434"

Intra-L (C23-C104) 23'-94' 140"-200"
23"-94" 140"-200"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 229-220' 229"-220"

Inter-H-H (h 11, h 14) 235-235" 238-238"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

306, 306"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

tirvalimogenum teraplasmidum #
tirvalimogene teraplasmid

plasmid DNA vector encoding E6 and E7 antigens of human papillomavirus types 16 and 18 (HPV 16/18), the extracellular domain of fms-like tyrosine kinase-3 ligand (FLT3L) and signal sequences of tissue plasminogen activator (tpa) driven by a cytomegalovirus promoter.
gene therapy substance (anti-HPV)

tirvalimogène téraplasme	vecteur constitué d'ADN plasmidique codant pour les antigènes E6 et E7 des papillomavirus humains de types 16 et 18 (VPH 16/18), le domaine extracellulaire du ligand de la tyrosine kinase 3 semblable au <i>fms</i> (FLT3L) et les séquences signal de l'activateur tissulaire du plasmogène (tpa) sous le contrôle d'un promoteur de cytomégalovirus. <i>substance pour thérapie génique (anti-VPH)</i>
tirvalimogén teraplásmido	Vector de DNA plasmídico que codifica los antígenos E6 y E7 de los tipos 16 y 18 del virus del papiloma humano (VPH 16/18), el dominio extracelular del ligando de la tirosina quinasa-3 similar a <i>fms</i> (FLT3L) y secuencias señal del activador de plasminógeno tisular (tpa) impulsado por un promotor de citomegalovirus. <i>sustancia de terapia génica (anti-VPH)</i>
	1905430-26-3
tisagenlecleucel # tisagenlecleucel	Human culture expanded genetically modified autologous T cells for cell-based gene therapy. Cells are derived from isolated blood of the patient and are transduced with non-replicative lentiviral vector encoding an FMC63 anti-CD19 single chain variable fragment (scFv) 4-1BB/CD3zeta chimeric antigen receptor (CAR) under the control of the EF-1 alpha promoter. Cells exhibit anti-tumoral activity in patients with CD19-expressing B cell malignancies. <i>cell genetically modified (antineoplastic)</i>
tisagenlecleucel	Lymphocytes T autologues humains en culture d'expansion, modifiés génétiquement en vue d'une thérapie génique avec cellules. Les cellules sont isolées à partir du sang prélevé chez le patient et sont transduites avec un vecteur lentiviral non-répliquant codant pour le récepteur de l'antigène chimérique (CAR) FMC63 anti-CD-19 fragment de la chaîne simple de la région variable de l'anticorps (scFv) 4-1BB/CD3zêta (SFG-1928z CAR) sous le contrôle du promoteur EF-1 alpha. Les cellules montrent une activité anti-tumorale chez les patients présentant des lymphocytes B malins exprimant le CD19. <i>cellule génétiquement modifiée (antineoplasique)</i>
tisagenlecleucel	Linfocitos T autólogos, humanos, expandidos en cultivo y modificados genéticamente, para terapia génica con células. Las células se derivan a partir de sangre aislada del paciente y están transducidas con un vector lentiviral no replicativo que codifica para el receptor de antígenos quimérico (CAR) FMC63 anti-CD19 fragmento de cadena simple de la región variable del anticuerpo (scFv) 4-1BB/CD3zeta bajo el control del promotor EF-1 alfa. Las células muestran actividad anti-tumoral en pacientes con malignidades de linfocitos B que expresan CD19. <i>célula modificada genéticamente (antineoplásico)</i>

tislelizumabum #

tislelizumab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], humanized monoclonal antibody; gamma4 heavy chain (1-445) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (88.70%) -(IGHD) -IGHJ3*01 M123>T (113)) [8.7.12] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (119-216), hinge S10>P (226) (217-228), CH2 E1.4>P (231), F1.3>V (232), L1.2>A (233), D27>A (263) (229-338), CH3 R88>K (407) (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (81.20%) -IGKJ2*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (224-224":227-227")-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

tislélizumab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma4 (1-445) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (88.70%) -(IGHD) -IGHJ3*01 M123>T (113)) [8.7.12] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (119-216), charnière S10>P (226) (217-228), CH2 E1.4>P (231), F1.3>V (232), L1.2>A (233), D27>A (263) (229-338), CH3 R88>K (407) (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (81.20%) -IGKJ2*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (224-224":227-227")-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

tislelizumab

immunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma4 (1-445) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (88.70%) -(IGHD) -IGHJ3*01 M123>T (113)) [8.7.12] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (119-216), bisagra S10>P (226) (217-228), CH2 E1.4>P (231), F1.3>V (232), L1.2>A (233), D27>A (263) (229-338), CH3 R88>K (407) (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (81.20%) -IGKJ2*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (224-224":227-227")-bisdisulfuro
immunomodulador, antineoplásico

1858168-59-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLQESGPG LVKPSSETLSL TCTVSGFSLT SYGVHWIRQP PGKGLEWIGV 50
 IYADGSTNYN PSLKSRVTIS KDTSKNQVSL KLSSTAAADT AVYYCARAYG 100
 NYWYIDVWGQ GTTIVTSSAS TKGPSVFPLA PCSRSTSEST AALGCLVKDY 150
 FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVTP SSSLGKTITYT 200
 CNVDHKPSNT KVDKRVESKY GPPCPPCPAP PVAGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
 ISRTPEVTCV VVAVSQEDPE VQFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQFNSTYRV 300
 VSVLTVVHQD WLNGKEYKCK VSNKGLPSSI EKTISKAKGQ PREPQVYTL 350
 PSQEEMTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
 SFFLYSKLTV DKSRWQEGNV FSCSVMEAL HNHYTQKSL LSLGK 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIVMTQSPDS LAVSLGERAT INCKSSSEVS NDVAWYQQK GPPKLLINY 50
 AFHRFTGVPD RFGSGGYGTD FTLTISSLQA EDVAVYYCHQ AYSSPYTFGQ 100
 GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
 LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-95" 145"-201" 259"-319" 365"-423"
 22"-95" 145"-201" 259"-319" 365"-423"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
 23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 132"-214" 132"-214"
 Inter-H-H (h 8, h 11) 224"-224" 227"-227"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84,4;

295,295"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

tralesinidasum alfa #
 tralesinidase alfa

human α -N-acetylglucosaminidase fused to truncated human insulin-like growth factor II (IGF2) via a peptide linker, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa;

human α -N-acetylglucosaminidase (NAG, EC=3.2.1.50) (1-720) fusion protein with glycyl-L-alanyl-L-prolyl-triglycyl-L-seryl-bis(L-prolyl-L-alanyl-L-prolyl-L-alanyl-L-prolyl-L-threonyl)-bis(L-prolyl-L-alanyl)-triglycyl-L-prolyl-L-seryl-glycyl-L-alanyl-L-prolyl-[37-L-alanine(R³⁷>A₍₇₈₁₎)]human insulin-like growth factor II (somatomedin-A, T3M-11-derived growth factor, IGF-II) (8-67)-peptide (752-811), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
enzyme replacement therapy

tralésinidase alfa

alpha-N-acétylglucosaminidase humaine fusionnée au facteur II de croissance humaine analogue à l'insuline (IGF2) tronqué, via un peptide de liaison, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa;

alpha-N-acétylglucosaminidase humaine (NAG, EC=3.2.1.50) (1-720) protéine de fusion avec glycyl-L-alanyl-L-prolyl-triglycyl-L-séryl-bis(L-prolyl-L-alanyl-L-prolyl-L-alanyl-L-prolyl-L-thréonyl)-bis(L-prolyl-L-alanyl)-triglycyl-L-prolyl-L-sérylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-[37-L-alanine(R³⁷>A₍₇₈₁₎)]facteur II de croissance analogue à l'insuline humaine (somatomédine-A, T3M-11-facteur de croissance dérivé, IGF-II) (8-67)-peptide (752-811), produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
traitement enzymatique substitutif

tralesinidasa alfa

alfa-*N*-acetilglucosaminidasa humana fusionada con el factor II de crecimiento humano análogo a la insulina (IGF2) truncada, vía un péptido de unión, producida en las células ováricas de hamster chino (CHO), glicofoma alfa;

alfa-*N*-acetilglucosaminidasa humana (NAG, EC=3.2.1.50) (1-720) proteína de fusión con glicil-L-alanil-L-prolil-triglicil-L-seril-bis(L-prolil-L-alanil-L-prolil-L-alanil-L-prolil-L-treonil-bis(L-prolil-L-alanil)-triglicil-L-prolil-L-serilglicil-L-alanil-L-prolil-[37-L-alanina(R³⁷>A₍₇₈₁₎))]factor II de crecimiento análogo a la insulina humano (somatomedina-A, T3M-11-factor de crecimiento derivado, IGF-II) (8-67)-péptido (752-811), producido en las células ováricas de hamster chino (CHO), glicofoma alfa

tratamiento enzimático de sustitución

1808916-28-0

Sequence / Séquence / Secuencia

```
DEAREAAAVR ALVARLLGPG PAADFSVSVE RALAAKPGLD TYSLGGGGAA 50
RVRVRGSGTV AAAAGLHRYL RDFCGCHVAW SGSQRLRPRP LPAVPGELTE 100
ATPNRYRYQ NVCTQSYSEFV WNDWARWERE IDWMLNGIN LALAWSGQEA 150
IWQRVYALG LTQAEINEFF TGPAFLAWGR MGNLHTWDGP LPPSWHIKQL 200
YLQHRVLDQM RSGMTFVLP AFAGHVEAV TRVFPQVNVV KMGSWGHEHC 250
SYSCSFLLAP EDPIFPIIGS LFLRELIKEF GTDHIYGADT FNEMQPPSSE 300
PSYLAATAA VYEAMTAVDT EAVWLLQGWL FQHQPQFWGP AQIRAVLGAV 350
PRGRLLVLDL FAESQPVYTR TASFGQQPF1 WCMLHNFGGN HGLFGALEAV 400
NGGPPEARLF PNSTMVGTGM APEGISQNEV VYSLMAELGW RKPVPVDLAA 450
WVTSFAARRY GVSHPDAGAA WRLLRSVYN CSGEACRGNH RSPVLRPSL 500
QMNTSIWYNR SDVFEAWRL LSTAPSLATS PAFRYDLDDL TRQAVQELVS 550
LYYEEARSAY LSKELASLLR AGGVLAYELL PALDEVLASD SRFLGSLWE 600
QARAAVSEA EADFYEQNSR YQLTLWGPEG NILDYANKQL AGLVANYTTP 650
RWRLFLEALV DSVAGGIPFQ QHQFDKNVQ LEQAFVLSKQ RYPSQPRGDT 700
VDLAKKIFLK YYPRWVAGSW GAPGGGSPAP APTPAPAPT APAGGGPSGA 750
PLCGGELVDT LQFVCGDRGF YFSRPASRV ARSRGIVEEC CFRSCDLALL 800
ETYCATAKPS E 811
```

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
74-76 250-254 481-486 753-791 765-804 790-795

Glycosylation sites (N) / Sites de glycosylation (N) / Posiciones de glicosilación (N)
Asn-238 Asn-249 Asn-412 Asn-480 Asn-490 Asn-503 Asn-509

Glycosylation sites (O) / Sites de glycosylation (O) / Posiciones de glicosilación (O)
Ser-727 Thr-733 Thr-739 Ser-748

trilaciclibum

trilaciclib

2'-[5-(4-methylpiperazin-1-yl)pyridin-2-yl]amino}-7',8'-dihydro-6'*H*-spiro[cyclohexane-1,9'-pyrazino[1',2':1,5]pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin]-6'-one
cyclin dependent kinase inhibitor

trilaciclib

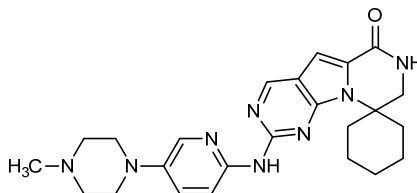
2'-[5-(4-méthylpipérazin-1-yl)pyridin-2-yl]amino}-7',8'-dihydro-6'*H*-spiro[cyclohexane-1,9'-pyrazino[1',2':1,5]pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin]-6'-one
inhibiteur de la kinase dépendante de la cycline

trilaciclib

2'-[5-(4-metilpiperazin-1-il)piridin-2-il]amino}-7',8'-dihidro-6'*H*-spiro[ciclohexano-1,9'-pirazino[1',2':1,5]pirrolo[2,3-*d*]pirimidin]-6'-ona
inhibidor de la quinasa dependente de la ciclina

C₂₄H₃₀N₈O

1374743-00-6



vactosertibum
vactosertib

2-fluoro-*N*-{[4-(6-méthylpyridin-2-yl)-5-([1,2,4]triazolo[1,5-*a*]pyridin-6-yl)-1*H*-imidazol-2-yl]méthyl}aniline
antineoplastic

vactosertib

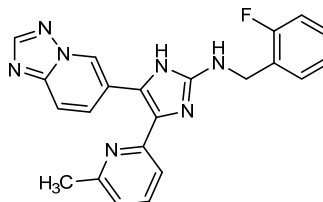
2-fluoro-*N*-{[4-(6-méthylpyridin-2-yl)-5-([1,2,4]triazolo[1,5-*a*]pyridin-6-yl)-1*H*-imidazol-2-yl]méthyl}aniline
antineoplasique

vactosertib

2-fluoro-*N*-{[4-(6-méthylpyridin-2-il)-5-([1,2,4]triazolo[1,5-*a*]pyridin-6-il)-1*H*-imidazol-2-il]méthyl}aniline
antineoplásico

C₂₂H₁₈FN₇

1352608-82-2



vadacabtagenum leraleucelum #
vadacabtagene leraleucel

Human culture expanded genetically modified autologous T cells for cell-based gene therapy. Cells are derived from isolated blood of the patient and are transduced with non-replicative retroviral vector encoding the SJ25C1 anti-CD19 single chain variable fragment (scFv) CD28/CD3zeta chimeric antigen receptor (SFG-1928z CAR). Cells exhibit anti-tumoral activity in patients with CD19-expressing B cell malignancies.
cell genetically modified (antineoplastic)

vadacabtagène léraleucel

Lymphocytes T humains autologues en culture d'expansion et modifiés génétiquement pour thérapie génique avec cellules. Les cellules sont dérivées du sang prélevé chez le patient et sont transduites avec un vecteur rétroviral non-répliquant codant pour le récepteur de l'antigène chimérique SJ25C1 anti-CD-19 fragment de la chaîne simple de la région variable de l'anticorps (scFv) CD28/CD3zêta (SFG-1928z CAR). Les cellules montrent une activité anti-tumorale chez les patients présentant des lymphocytes B malins exprimant le CD19.
cellule génétiquement modifiée (antineoplasique)

vadacabtagén leraleucel

Linfocitos T autólogos, humanos, expandidos en cultivo y modificados genéticamente, para terapia génica con células. Las células se derivan a partir de sangre aislada del paciente y están transducidas con un vector retroviral no replicativo que codifica para el receptor de antígenos quimérico SJ25C1 anti-CD19 fragmento de cadena simple de la región variable del anticuerpo (scFv) CD28/CD3zeta (SFG-1928z CAR). Las células muestran actividad anti-tumoral en pacientes con malignidades de linfocitos B que expresan CD19.

célula modificada genéticamente (antineoplásico)

valzifloceptum #

valziflocept

human immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b (FcγRII-b), extracellular N-terminal fragment, produced in *Escherichia coli*;

human low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b (IgG Fc receptor II-b, CDw32, Fc-gamma RII-b, FcRII-b, antigen CD32)-(4-179) peptide (N-terminal extracellular portion), produced in *Escherichia coli immunomodulator*

valziflocept

récepteur II-b de la région Fc de l'immunoglobuline gamma humaine (FcγRII-b), fragment extracellulaire N-terminal, produit par *Escherichia coli*;

récepteur II-b de faible affinité pour la région Fc de l'immunoglobuline gamma humaine (IgG Fc récepteur II-b, CDw32, Fc-gamma RII-b, FcRII-b, antigène CD32)-(4-179) peptide (partie extracellulaire *immunomodulateur*

valziflocept

receptor II-b de la región Fc de la inmunoglobulina gamma humana (FcγRII-b), fragmento extracelular N-terminal, producido por *Escherichia coli*;

receptor II-b de baja afinidad para la región Fc de la inmunoglobulina gamma humana (IgG Fc receptor II-b, CDw32, Fc-gamma RII-b, FcRII-b, antígeno CD32)-(4-179) péptido (parte extracelular N-terminal), producido por *Escherichia coli immunomodulador*

1804910-11-9

Sequence / Séquence / Secuencia

```

APPKAVLKLE PQWINVLQED SVTLTCRGTH SPESDSIQWF HNGNLIPHT 50
QPSYRPFKANN NDSGEYTCQT GQTSLSDPVH LTVLSEWLVL QTPHLEFQEG 100
ETIVLRCHSW KDKPLVRVTF FQNGKSKKFS RSDPNFSIPQ ANHSHSGDYH 150
CTGNIGYTLY SSKPVTITVQ APSSSP 176

```

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
26-68 107-151

vatinoxanum

vatinoxan

N-{2-[(2*R*,12*bS*)-2'-oxo-1,3,4,6,7,12*b*-hexahydrospiro[[1]benzofuro[2,3-*a*]quinolizine-2,4'-imidazolidin]-3'-yl]ethyl}methanesulfonamide
peripheral α2 adrenoreceptor antagonist (veterinary drug)

vatinoxan

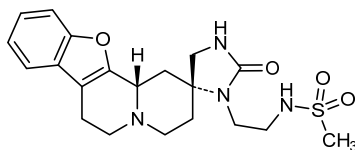
N-{2-[(2*R*,12*bS*)-2'-oxo-1,3,4,6,7,12*b*-hexahydrospiro[[1]benzofuro[2,3-*a*]quinolizine-2,4'-imidazolidin]-3'-yl]ethyl}méthanesulfonamide
antagoniste des récepteurs α2 adrénergiques périphériques (usage vétérinaire)

vatinoxán

N-{2-[(2*R*,12*bS*)-2'-oxo-1,3,4,6,7,12*b*-hexahidrospiro[[1]benzofuro[2,3-*a*]quinolizina-2,4'-imidazolidin]-3'-il]etil}metanosulfonamida
antagonista de los receptores α2 adrenérgicos periféricos(uso veterinario)

C₂₀H₂₆N₄O₄S

114914-42-0

**vecabrutinibum**

vecabrutinib

(3*R*,3'*R*,4'*S*)-1'-(6-amino-5-fluoropyrimidin-4-yl)-3-[3-chloro-5-(trifluoromethyl)anilino]-2-oxo[1,3'-bipiperidine]-4'-carboxamide
antineoplastic

vécabrutinib

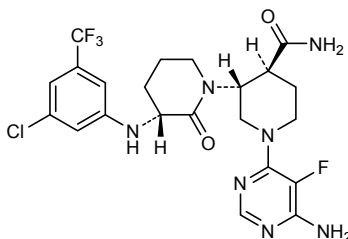
(3*R*,3'*R*,4'*S*)-1'-(6-amino-5-fluoropyrimidin-4-yl)-3-[[3-chloro-5-(trifluorométhyl)phényl]amino]-2-oxo-[1,3'-bipipéridine]-4'-carboxamide
antinéoplasique

vecabrutinib

(3*R*,3'*R*,4'*S*)-1'-(6-amino-5-fluoropirimidin-4-il)-3-[[3-cloro-5-(trifluorometil)fenil]amino]-2-oxo-[1,3'-bipiperidina]-4'-carboxamida
antineoplásico

C₂₂H₂₄ClF₃N₇O₂

1510829-06-7



veldoreotidum

veldoreotide

$N^{4,1},C^{\alpha,8}$ -anhydro[*N*-(2-amino-2-oxoethyl)-4-aminobutanoyl-4-aminobutanoyl-L-phenylalanyl-L-tryptophyl-D-tryptophyl-L-lysyl-L-threonyl-L-phenylalanine]
somatostatin analogue

veldoréotide

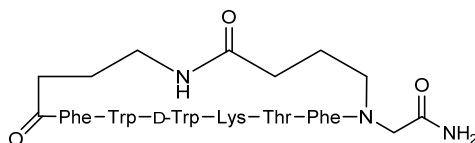
$N^{4,1},C^{\alpha,8}$ -anhydro[*N*-(2-amino-2-oxoéthyl)-4-aminobutanoyl-4-aminobutanoyl-L-phénylalanyl-L-tryptophyl-D-tryptophyl-L-lysyl-L-thréonyl-L-phénylalanine]
analogue de la somatostatine

veldoreotida

$N^{4,1}$ -(2-amino-2-oxoetil)-1,8-anhidro(4-aminobutanoil-4-aminobutanoil-L-fenilalanil-L-triptofil-D-triptofil-L-lisil-L-treonil-L-fenilalanina)
análogo de la somatostatina

 $C_{60}H_{74}N_{12}O_{10}$

252845-37-7

**vorasidenibum**

vorasidenib

6-(6-chloropyridin-2-yl)- N^2,N^4 -bis[(2*R*)-1,1,1-trifluoropropan-2-yl]-1,3,5-triazine-2,4-diamine
antineoplastic

vorasidénib

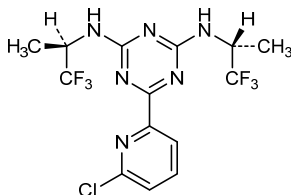
6-(6-chloropyridin-2-yl)- N^2,N^4 -bis[(2*R*)-1,1,1-trifluoropropan-2-yl]-1,3,5-triazine-2,4-diamine
antineoplasique

vorasidenib

6-(6-cloropiridin-2-il)- N^2,N^4 -bis[(2*R*)-1,1,1-trifluoropropan-2-il]-1,3,5-triazina-2,4-diamina
antineoplásico

 $C_{14}H_{13}ClF_6N_6$

1644545-52-7

**votrisiranum**

votrisiran

{(2*S*,4*R*)-1-{1-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis-({3-[3-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}propyl)amino]-3-oxopropoxy)methyl}-5,11,18-trioxo-14-oxa-6,10,17-triazanonacosan-29-oyl)-4-hydroxypyrrolidin-2-yl)methyl

hydrogen *all-P-ambo-2'-O-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-methyl-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenilyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenilyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenilyl-(3'→5')-2'-O-methyladenilyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidilyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidilyl-(3'→5')-2'-O-methyladenilyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methyl-3'-adenylate duplex with *all-P-ambo-2'-O-methyl-P-thiocytidylyl-(5'→3')-2'-O-methyl-P-thiouridylyl-(5'→3')-2'-O-methyladenilyl-(5'→3')-2'-O-methylcytidilyl-(5'→3')-2'-O-methylcytidilyl-(5'→3')-2'-O-methylcytidilyl-(5'→3')-2'-O-methylcytidilyl-(5'→3')-2'-O-methyluridylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenilyl-(5'→3')-2'-O-methyladenilyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenilyl-(5'→3')-2'-O-methylguanylyl-(5'→3')-2'-O-methyluridylyl-(5'→3')-2'-O-methyladenilyl-(5'→3')-2'-O-methylcytidilyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenilyl-(5'→3')-2'-O-methyluridylyl-(5'→3')-2'-O-methyladenilyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroguanilyl-(5'→3')-2'-O-methylguanylyl-(5'→3')-2'-O-methyluridylyl-(5'→3')-2'-O-methyl-P-thiouridylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoro-P-thiocytidylyl-(5'→3')-2'-O-methyluridine*
*transthyretin synthesis inhibitor**

votrisiran

hydrogéno-*tout-P-ambo-2'-O-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladenilyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroadényl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladenilyl-(3'→5')-2'-O-méthyladenilyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidilyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidilyl-(3'→5')-2'-O-méthyladenilyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-3'-adénylate de {(2*S*,4*R*)-1-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis-[(3-[(3-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}propyl)amino]-3-oxopropoxy)méthyl]-5,11,18-trioxo-14-oxa-6,10,17-triazanonacosan-29-oyl}-4-hydroxypyrrolidin-2-yl)méthyle duplex avec *tout-P-ambo-2'-O-méthyl-P-thiocytidylyl-(5'→3')-2'-O-méthyl-P-thiouridylyl-(5'→3')-2'-O-méthyladenilyl-(5'→3')-2'-O-méthylcytidilyl-(5'→3')-2'-O-méthylcytidilyl-(5'→3')-2'-O-méthylcytidilyl-(5'→3')-2'-O-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadényl-(5'→3')-2'-O-méthyladenilyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadényl-(5'→3')-2'-O-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-O-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-O-méthyladenilyl-(5'→3')-2'-O-méthylcytidilyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadényl-(5'→3')-2'-O-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-O-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroguanilyl-(5'→3')-2'-O-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-O-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-O-méthyl-P-thiouridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoro-P-thiocytidylyl-(5'→3')-2'-O-méthyluridine*
*inhibiteur de la synthèse de la transthyréine**

zanubrutinibum

zanubrutinib

(7S)-2-(4-phenoxyphenyl)-7-[1-(prop-2-enoyl)piperidin-4-yl]-4,5,6,7-tetrahydropyrazolo[1,5-a]pyrimidine-3-carboxamide
antineoplastica

zanubrutinib

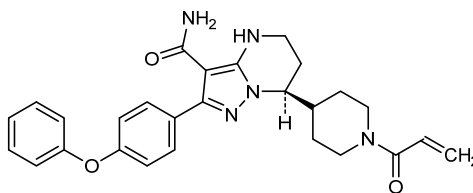
(7S)-2-(4-phénoxyphényl)-7-[1-(prop-2-enoyl)pipéridin-4-yl]-4,5,6,7-tétrahydropyrazolo[1,5-a]pyrimidine-3-carboxamide
antineoplasique

zanubrutinib

(7S)-2-(4-fenoxifenil)-7-[1-(prop-2-enoil)piperidin-4-il]-4,5,6,7-tetrahidropirazolo[1,5-a]pirimidina-3-carboxamida
antineoplásico

C₂₇H₂₉N₅O₃

1691249-45-2

**zenocutuzumabum #**

zenocutuzumab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB3 (receptor tyrosine-protein kinase erbB-3, HER3) and *Homo sapiens* ERBB2 (epidermal growth factor receptor 2, receptor tyrosine-protein kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], humanized monoclonal antibody, bispecific;
 gamma1 heavy chain anti-ERBB3 (1-453) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-2*02 (100.00%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.17] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (221) (125-222), hinge (223-237), CH2 (238-347), CH3 L7>K (358), E12 (363), M14 (365), T22>K (373) (348-452), CHS K>del (453)) (125-453)], (227-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214')] [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-39*01 (100.00%) -IGKJ1*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 gamma1 heavy chain anti-ERBB2 (1-450) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (83.70%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), hinge (220-234), CH2 (235-344), CH3 L7>D (355), E12 (360), M14 (362), L24>E (372) (345-449), CHS K>del (450)) (122-450)] (224-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214')] [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-39*01 (100.00%) -IGKJ1*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 dimer (233-230":236-233")-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

zénocutuzumab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB3 (récepteur à activité tyrosine kinase erbB-3, HER3) et *Homo sapiens*ERBB2 (récepteur 2 du facteur de croissance épidermique, récepteur tyrosine-protéine kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticorps monoclonal humanisé, bispécifique; chaîne lourde gamma1 anti-ERBB3 (1-453) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-2*02 (100.00%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.17] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (221) (125-222), charnière (223-237), CH2 (238-347), CH3 L7>K (358), E12 (363), M14 (365), T22>K (373) (348-452), CHS K>del (453)) (125-453)], (227-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-39*01 (100.00%) -IGKJ1*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; chaîne lourde gamma1 anti-ERBB2 (1-450) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (83.70%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), charnière (220-234), CH2 (235-344), CH3 L7>D (355), E12 (360), M14 (362), L24>E (372) (345-449), CHS K>del (450)) (122-450)] (224-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-39*01 (100.00%) -IGKJ1*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (233-230":236-233")-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

zenocutuzumab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB3 (receptor de la actividad tirosina kinasa erbB-3, HER3) y *Homo sapiens*ERBB2 (receptor 2 del factor de crecimiento epidérmico, receptor tirosina-proteína kinasa erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticuerpo monoclonal humanizado, biespecífico; cadena pesada gamma1 anti-ERBB3 (1-453) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-2*02 (100.00%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.17] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (221) (125-222), bisagra (223-237), CH2 (238-347), CH3 L7>K (358), E12 (363), M14 (365), T22>K (373) (348-452), CHS K>del (453)) (125-453)], (227-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-39*01 (100.00%) -IGKJ1*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; cadena pesada gamma1 anti-ERBB2 (1-450) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (83.70%) -(IGHD) -IGHJ4*01) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), bisagra (220-234), CH2 (235-344), CH3 L7>D (355), E12 (360), M14 (362), L24>E (372) (345-449), CHS K>del (450)) (122-450)] (224-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-39*01 (100.00%) -IGKJ1*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (233-230":236-233")-bisdisulfuro
immunomodulador, antineoplásico

1969309-56-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGYKFT RYVMHWVRQA PGQGLEWMGY 50
 INPYNDGTNY NEKFKGRVTI TADKSTSTAY MELSSLRSRD TAVYYCARNW 100
 DTGLWGQGT TTVSSASTKG PSVFPPLAPCS RSTSESTAAL GCLVKDYFPE 150
 PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVPSSS LGTKTYTCNV 200
 DHKPSNTKVD KRVESKYGPP CPPCPAPEAA GGPSVFLFPP KPKDTLMISR 250
 TPEVTCVVVD VSQEDPEVQF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ FNSTYRVVSV 300
 LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KGLPSSIEKT ISKAKGQPRE PQVYTLPPSQ 350
 EEMTKNQVSL TCVLKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTTP PVLDSGGSFF 400
 LYSRLTVDKS RWQEGNVFSC SVMHEALHNN YTQKSLSLSL G 441

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCKASDHIL KFLTWYQQKPK GKAPKLLIYG 50
 ATSLTGVPS RFGSGSGGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQM YWSTPFTFGG 100
 GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLNNFY PREAKVQWKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
 LSSPVTKSEN RGEQ 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 142-198 256-316 362-420
 22"-96" 142"-198" 256"-316" 362"-420"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
 23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 129-214 129"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 221-221" 224-224"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84,4;

292, 292"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
 complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

zolbetuximabum #

zolbetuximab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18
 (claudin 18, claudin-18, SFTPJ, surfactant associated
 protein J) isoform 2, extracellular domain 1 (EC1)],
 chimeric monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain (1-448) [*Mus musculus* VH (IGHV1-
 61*01 (92.90%) -(IGHD) -IGHJ2*01) [8.8.11] (1-118) -
Homo sapiens IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120
 (215) (119-216), hinge (217-231), CH2 (232-341), CH3
 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-
 448)], (221-220')-disulfide with kappa light chain (1'-220')
 [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV8-19*01 (100.00%) -
 IGKJ4*01) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3
 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dimer (227-227":230-
 230")-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

zolbétuximab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18
 (claudine 18, claudine-18, SFTPJ, surfactant associé à la
 protéine J) isoforme 2, domaine extracellulaire 1 (EC1)],
 anticorps monoclonal chimérique;
 chaîne lourde gamma1 (1-448) [*Mus musculus* VH
 (IGHV1-61*01 (92.90%) -(IGHD) -IGHJ2*01) [8.8.11] (1-
 118) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1
 R120 (215) (119-216), charnière (217-231), CH2 (232-
 341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-
 448)) (119-448)], (221-220')-disulfure avec la chaîne légère
 kappa (1'-220') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV8-19*01
 (100.00%) -IGKJ4*01) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens*
 IGKC*01, Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')];
 dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

zolbetuximab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudina 18, claudina-18, SFTPJ, surfactante asociado a la proteína J) isoforma 2, dominio extracelular 1 (EC1)], anticuerpo monoclonal quimérico; cadena pesada gamma1 (1-448) [*Mus musculus* VH (IGHV1-61*01 (92.90%) -(IGHD) -IGHJ2*01) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (215) (119-216), bisagra (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-220') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV8-19*01 (100.00%) -IGKJ4*01) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro
immunomodulador, antineoplásico

1496553-00-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
QVQLQQPGAE LVRPGASVKL SCKASGYTFT SYWINWVKQR PGQGLEWIGN 50
IYPSDSYTNV NQKFKDKATL TVDKSSSTAY MQLSSPTSED SAVYYCTRSW 100
RGNSFDYWGO GTTLTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTWSN SGALTSQVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVF SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVKRVEPKS CDKTHTCPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPFSREEMT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQFEN NYKTPPVLD 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIVMTQSPSS LVTAGEKVT MSCKSSQSLN NSGNQKNYLT WYQKPGQPP 50
KLLIYWASTR ESGVPDRFTG SGSGTDFTLT ISSVQAEDLA VYYCQNDYSY 100
PFTFGSGTKL EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKSTYS LSSTLTLSKA DYEKHKVYAC 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 220
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"

Intra-L (C23-C104) 23"-94" 140"-200"
23"-94" 140"-200"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 221"-220" 221"-220"

Inter-H-H (h 11, h 14) 227"-227" 230"-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

298, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

Electronic structure available on Mednet: <http://mednet.who.int/># Structure électronique disponible sur Mednet: <http://mednet.who.int/># Estructura electrónica disponible en Mednet: <http://mednet.who.int/>* <http://www.who.int/medicines/services/inn/publication/en/>

Names for Radicals and Groups

Some substances for which a proposed international nonproprietary name has been established may be used in the form of salts or esters. The radicals or groups involved may be of complex composition and it is then inconvenient to refer to them in a systematic chemical nomenclature. Consequently, shorter nonproprietary names for some radicals and groups have been devised or selected, and they are suggested for use with the proposed international nonproprietary names.

Dénominations applicables aux radicaux et groupes

Certaines substances pour lesquelles une dénomination commune internationale proposée a été établie sont parfois utilisées sous forme de sels ou d'esters. Les radicaux ou groupes correspondants sont alors quelques fois si complexes qu'il est malcommode de les désigner conformément à la nomenclature chimique systématique. Des dénominations communes abrégées ont donc été formées ou choisies pour certains d'entre eux et il est suggéré de les employer avec les dénominations communes internationales proposées.

Denominaciones para Radicales y Grupos

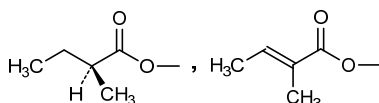
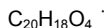
Ciertas sustancias para las cuales hay establecidas una denominación común internacional pueden usarse en forma de sales o de ésteres. Los radicales o grupos correspondientes pueden llegar a tener una composición tan compleja que resulte incómodo referirse a ellos mediante la nomenclatura química sistemática. Las siguientes denominaciones comunes abreviadas han sido ideadas o elegidas para algunos de estos radicales y grupos y se sugiere que se empleen con las denominaciones comunes internacionales propuestas.

tiglas

tiglate (2S)-2-methylbutanoate (ester), (2E)-2-methylbut-2-enoate (ester)

tiglate (2S)-2-méthylbutanoate (ester), (2E)-2-méthylbut-2-énoate (ester)

tiglato (2S)-2-metilbutanoato (éster), (2E)-2-metilbut-2-enoato (éster)

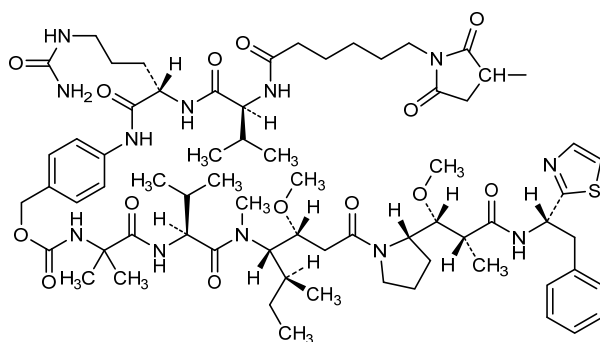
**pelidotinum**

pelidotin (3RS)-1-(6-(((2S)-1-(((2S)-5-(carbamoylamino)-1-[4-(((1-(((2S)-1-(((3R,4S,5S)-3-methoxy-1-((2S)-2-[(1R,2R)-1-methoxy-2-methyl-3-oxo-3-(((1S)-2-phenyl-1-(1,3-thiazol-2-yl)ethyl)amino)propyl]pyrrolidin-1-yl)-5-methyl-1-oxoheptan-4-yl)(methyl)amino)-3-methyl-1-oxobutan-2-yl]amino)-2-methyl-1-oxopropan-2-yl)carbamoyl]oxy)methyl)anilino]-1-oxopentan-2-yl)amino)-3-methyl-1-oxobutan-2-yl]amino)-6-oxohexyl)-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl

pélidotine (3RS)-1-(6-(((2S)-1-(((2S)-5-(carbamoylamino)-1-[4-(((1-(((2S)-1-(((3R,4S,5S)-3-méthoxy-1-((2S)-2-[(1R,2R)-1-méthoxy-2-méthyl-3-oxo-3-(((1S)-2-phényl-1-(1,3-thiazol-2-yl)éthyl)amino)propyl]pyrrolidin-1-yl)-5-méthyl-1-oxoheptan-4-yl)(méthyl)amino)-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl]amino)-2-méthyl-1-oxopropan-2-yl)carbamoi]oxi)méthyl)anilino]-1-oxopentan-2-yl)amino)-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl]amino)-6-oxohexyl)-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle

pelidotina

(3*RS*)-1-(6-({(2*S*)-1-({[(2*S*)-5-(carbamoylamino)-1-[4-({[1-({(2*S*)-1-({(3*R*,4*S*,5*S*)-3-metoxi-1-({(2*S*)-2-[(1*R*,2*R*)-1-metoxi-2-metil-3-oxo-3-({[(1*S*)-2-fenil-1-(1,3-tiazol-2-il)etil]amino}propil]pirrolidin-1-il)-5-metil-1-oxoheptan-4-il](metil)amino)-3-metil-1-oxobutan-2-il]amino)-2-metil-1-oxopropan-2-il)carbamoyl]oxi]metil)anilino]-1-oxopentan-2-il]amino)-3-metil-1-oxobutan-2-il]amino)-6-oxohexil)-2,5-dioxopirrolidin-3-ile

 $C_{69}H_{104}N_{12}O_{14}S$


**AMENDMENTS TO PREVIOUS LISTS
MODIFICATIONS APPORTÉES AUX LISTES ANTÉRIEURES
MODIFICACIONES A LAS LISTAS ANTERIORES**

**Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 91
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 91
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 91
(WHO Drug Information, Vol. 18, No. 2, 2004)**

p. 158	alglucosidasum alfa #	
	alglucosidase alfa	<i>replace the description and the structure by the following ones, delete the molecular formula</i>
	alglucosidase alfa	<i>remplacer la description et la structure par les suivantes, effacer la formule moléculaire brute</i>
	alglucosidasa alfa	<i>sustitúyase la descripción y la estructura por las siguientes, suprimir la fórmula molecular</i>
		human lysosomal prepro- α -glucosidase-(57-952)-peptide 199-arginine- 223-histidine-780-isoleucine variant
		199-arginine-223-histidine-780-isoleucine variant du (57-952)-peptide de la prépro- α -glucosidase lysosomale humaine
		199-arginina-223-histidina-780-isoleucina variante del (57-952)-péptido de la prepro- α -glucosidasa lisosómica humana
		QQGASRPGR DAQAHPRGR AVPTQCDVPP NSRFDCAPDK AITQECCAR GCCYIPAKQG LQGAQMGPW CFFPPSYPSY KLENLSSSEM GYTATLTRTT PTFFPKDILT LRLDVMMETE NRLHFTIKDP ANRRYEVPLE TPRVHSRAPS PLYSVEFSEE PFGVIVHRQL DGRVLLNTTV APLFFADQFL QLSTSLPSQY ITGLAEHLSP LMLSTSWTRI TLWNRDLAPT PGANLYGSHP FYLALEDGGS AHGVFLNSN AMDVVLQSP ALSWRSTGGI LDVYIFLGPE PKSVVQYLD VVGYPFMPPY WGLGFHLCRW GYSSTAITRQ VVENMTRAHF PLDVQWNDLD YMDSRRDFTF NKDGRDFPA MVQELHQGR RYMMIVDPAI SSSGPAJSYR PYDEGLRRGV FITNETGQPL IGKVPWGSTA FPDFTNPTAL AWWEDMVAEF HDQVPFDGMW IDMNEPSNFI RGSDEGCPNN ELENPPYVPG VVGGLQAAT ICASSHQFLS THYNLHNLYG LTEAIAISHRA LVKARGTRPF VISRSTFAGH GRYAGHWTGD VWSSWEQLAS SVPEILQFNL LGVPLVGADV CGFLGNTSEE LCVRWTQLGA FYPFMRNHNH LLSLPQEPYS FSEPAQQAMR KALTLRYALL PHLYTLFHQA HVAGETVARP LFLEFPKDSS TWTVDHQLLW GEALLITPVL QAGKAEVTGY FPLGTWYDLQ TVPIEALGSL PPPPAAPREP AIHSEGWVVT LPAPLDTINV HLRAGYIIPL QGPGLTTES RQQPMALAVA LTKGGGEARGE LFWDGGESE VLERGAYTV IFLARNTIV NELRVVTSYG AGLQLQKVTV LGVATAPQV LSNQVPSNF TYSPDTKVLD ICVSLMGEQ FLVSWC
		* glycosylation sites * sites de glycosylation * posiciones de glicosilación
		Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuros 26-53, 36-52, 47-71, 477-502, 591-602, 882-896

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 115**Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 115****Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 115***(WHO Drug Information, Vol. 30, No. 2, 2016)***p. 251 atuveciclibum**

atuveciclib

atuveciclib

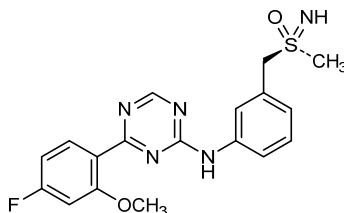
atuveciclib

replace the chemical name and the structure by the following ones
remplacer le nom chimique et la structure par les suivants
sustitúyase el nombre químico y la estructura por los siguientes

(R)-[(3-{[4-(4-fluoro-2-methoxyphenyl)-1,3,5-triazin-2-yl]amino}phenyl)methyl](imino)(methyl)-λ⁶-sulfanone

(R)-[(3-{[4-(4-fluoro-2-méthoxyphényl)-1,3,5-triazin-2-yl]amino}phényl)méthyl](imino)(méthyl)-λ⁶-sulfanone

(R)-[(3-{[4-(4-fluoro-2-metoxifenil)-1,3,5-triazin-2-il]amino}fenil)metil](imino)(metil)-λ⁶-sulfanona

**p. 257 cannabidiolum**

cannabidiol

replace the action and use by the following one
cannabinoid receptor antagonist

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 115**Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 115****Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 115***(WHO Drug Information, Vol. 30, No. 2, 2016)***p. 617 brivolididum**

- 618

brivoligide

brivoligide

brivoligida

replace the chemical name by the following one
remplacer le nom chimique par le suivant
sustitúyase el nombre químico por el siguiente

2'-deoxycytidylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-2'-deoxyadenylyl-(3'→5')-
 2'-deoxycytidylyl-(3'→5')-2'-deoxyguanylyl-(3'→5')-2'-deoxycytidylyl-(3'
 →5')-2'-deoxycytidylyl-(3'→5')-2'-deoxycytidylyl-(3'→5')-2'-
 deoxyadenylyl-(3'→5')-2'-deoxycytidylyl-(3'→5')-2'-deoxycytidylyl-(3'→
 5')-2'-deoxyguanylyl-(3'→5')-2'-deoxycytidylyl-(3'→5')-2'-
 deoxycytidylyl-(3'→5')-2'-deoxycytidylyl-(3'→5')-2'-deoxyadenylyl-(3'→
 5')-2'-deoxycytidylyl-(3'→5')-2'-deoxyguanylyl-(3'→5')-2'-
 deoxycytidylyl-(3'→5')-2'-deoxyadenylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-2'-

p. 622 **dasiglucagonum**
dasiglucagon
dasiglucagon
dasiglucagon

replace the molecular formula by the following one
remplacer la formule moléculaire par la suivante
sustitúyase la fórmula molecular por la siguiente



p. 638 **gatipotuzumabum #**
gatipotuzumab
gatipotuzumab
gatipotuzumab

replace the structure by the following one
remplacer la structure par la suivante
sustitúyase la estructura por la siguiente

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPGGSMRL SCVASGFFFS NYWMNWRQA PGKGLEWVGE 50
IRLKSNNYTT HYAESVKGRF TISRDDSKNS LYLQMNLSKT EDTAVYYCTR 100
HYFDYWGQG TLVTSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTWSNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVPS SSLGTQTYIC 200
NVNHKPSNTK VDKKVEPKSC DKHTCPCPCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT 250
LMSRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT 350
LPFSRDELTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPVLDS 400
DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVME GLHNHYTQKS LSLSPGK 447

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVMTQSPSL NPVTFGEPAS ISCRSSKSLLS HSNGITYYFFW YLQKPGQSPQ 50
LLIYQMSNLA SGVPDRFSGS GSGTDFTLRI SRVEADVG VYCAQNLLEP 100
PTFGQGTKVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
VQWVKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSITYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-98" 144"-200" 261"-321" 367"-425"
22"-98" 144"-200" 261"-321" 367"-425"

Intra-L (C23-C104) 23'-93" 139"-199"
23"-93" 139"-199"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 220"-219" 220"-219"

Inter-H-H (h 11, h 14) 226"-226" 229"-229"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H VH 62:

57, 57"

H CH2 N84.4:

297, 297"

Produced in a cell line glycol-engineered from human erythroleukemia (K562) cell line. Glycans are mostly biantennary complex glycans with <30% high mannose and high degree of galactosylation. They have >5% sialylated glycans, >50% fucosylation, >10% bisecting N-acetylglucosamine bearing glycans and no N-glycolylneuraminic acid./ Produit par une lignée cellulaire modifiée au glycol issue des cellules humaines d'érythroleucémie (K562). Les glycanes sont principalement complexes bi-antennaires avec <30% de mannose de haut poids moléculaire et de haut degré de galactosylation. Ils contiennent >5% de glycanes sialylés, >50% de fucosylation, >10% de glycanes présentant des N-acétylglucosamines bisectionnées et pas d'acide N-glycolylneuraminique./ Producido en la línea celular modificada con glicol derivada de la línea celular humana de eritroleucemia (K562). Los glicanos son principalmente glicanos complejos biantenarios con <30% de manosas de alto peso molecular y alto grado de galactosilación. Contienen >5% de glicanos sialilados, >50% de fucosilación, >10% de glicanos que llevan N-acetilglucosaminas biseccionadas y ningún ácido N-glicolilneuramínico.

p. 638 **gedivumabum #**
gedivumab
gédivumab
gedivumab

replace the structure by the following one
remplacer la structure par la suivante
sustitúyase la estructura por la siguiente

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG VVQPGKSLRL SCAASGLTFS SYAVHWVRQA PGKLEWVTL 50
ISYDGAQYY ADSVGRFTI SRDNSKNTVY LQMNSLRPED TAVYYCAVPG 100
PVFGIFFPWS YFDNWGGGIL VTVSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL 150
GCLVKDYFPE PVTVSNNGSA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSLVTVPSSS 200
LCTQTYICNV NHHKPSNTRVD KKVEPKSCDK THTCPPCPAP ELLGGPSVFL 250
FPPKPKDTLM ISRTPVETCV VVDVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR 300
EEQYNSTYRV VSVLTVLHQD WLNGKEYKCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ 350
PREPQVYTLF PSREEMTRNQ VSLTCLVKG F YPSDIAVEWE SNGQPENNYK 400
TTPPVLDSDG SFFLYSKLTV DKSRRQQGNV FSCSMVHEAL HNHYTQKSL 450
LSPGK 455
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
EIVLTQSPAT LSVSPGERAT LSCRASQVIS HNLAWYQQKP GQAPRLLIY 50
ASTRASGIPA RFGSGSGSTD YTLTITSLQS EDFAVYYCQH YSNWPPRLTF 100
GGGTKEVIKR TVAAPSVFIF PPSDEQLKSG TASVCLLNN FYPREKQVQW 150
KVDNALQSGN SQESVTEQDS KDSYSLSSST LTLKADYEK HKVYACEVTH 200
QGLSSPVTKS FNRGEC 216
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 152-208 269-329 375-433

22"-96" 152"-208" 269"-329" 375"-433"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 136'-196'

23"-88" 136"-196"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 228-216' 228"-216"

Inter-H-H (h 11, h 14) 234-234" 237-237"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

305, 305"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

p. 650 **lesofavumabum #**
lesofavumab
lésfavumab
lesofavumab

replace the structure by the following one
remplacer la structure par la suivante
sustitúyase la estructura por la siguiente

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVQSGAE VKKPGESLKI SCKVSGYSFT SQWIGWVRQM PGKLEWIGM 50
MYFGESEIYI SPSFQSGQVTI SADNISITAY LQWSSLKASD TAIYYCASGP 100
GYSGYHYGWF DTWGQGLTIV VSSASTKGPS VFPLAPSSKS TSGGTAALGC 150
LVKDYFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFFAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG 200
TQTYICNVNH KPSNTKVDKK VEPKSCDKTH TCPPCPAPEL LGGPVFLFP 250
PKPKDTLMIS RTPVETCVV VDSHEDPEVK FNWYVDGVEV HNAKTKPREE 300
QYNSTYRVVS VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKALPAPIEK TISKAGQPR 350
EPQVYTLPPS REEMTKQVS LTCLVKGFPY SDIAVEWESN GQPENNYKTT 400
PPVLDSDGSF FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSMVHEALHN HYTQKSLSL 450
PGK 453
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIVMTQSPLS LPVTPGEFAS ISCRSSQSLL RSNNGYNLDW YLQKFGQSPQ 50
LLIYLGNSRA SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YYCMQALQTP 100
YTFGQGTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDYSL SSSLTSLKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSPV TKSFNREGC 219
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 150-206 267-327 373-431

22"-96" 150"-206" 267"-327" 373"-431"

Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'

23"-93" 139"-199"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 226-219' 226"-219"

Inter-H-H (h 11, h 14) 232-232" 235-235"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

303, 303"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

p. 677 **timigutuzumabum #**

timigutuzumab
timigutuzumab
timigutuzumab

replace the structure by the following one
remplacer la structure par la suivante
sustitúyase la estructura por la siguiente

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFINIK DTYIHWRQA PGKGLEWVAR 50
IYPTNGYTRY ADSVKGRFTI SADTSKNTAY LQMNSLRAED TAVYYCSRWG 100
GDGFYAMDYV GQGTALTIVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GAAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNKKPS NTKVDRKKVEP KSCDKHTHCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSRDE LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTPPV 400
LSDGSEFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEGLHNHYT QKSLSLSPGK 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCRASQDVN TAVANYQQKF GKAPKLLIYS 50
ASFLYSGVPS RFGSGRSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ HYTTPPTFGQ 100
GTRVEIKRTV AAPSVFIPTP SDEQLKSGTA SVVCLLNFTY PREAKVQWKV 150
DIALQSSNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23"-88"" 134""-194""

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214' 223"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229' 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
300, 300"

Produced in a cell line glycol-engineered from human erythroleukemia (K562) cell line. Glycans are mostly biantennary complex glycans with <30% high mannose and high degree of galactosylation. They have >5% sialylated glycans, >50% fucosylation, >10% bisecting N-acetylglucosamine bearing glycans and no N-glycolylneuraminic acid. / Produit par une lignée cellulaire modifiée au glycol issue des cellules humaines d'érythroleucémie (K562). Les glycanes sont principalement complexes bi-antennaires avec <30% de mannose de haut poids moléculaire et de haut degré de galactosylation. Ils contiennent >5% de glycanes sialylés, >50% de fucosylation, >10% de glycanes présentant des N-acetylglucosamines bisectionnées et pas d'acide N-glycolylneuraminique. / Producido en la línea celular modificada con glicol derivada de la línea celular humana de eritroleucemia (K562). Los glicanos son principalmente glicanos complejos biantenarios con <30% de manosas de alto peso molecular y alto grado de galactosilación. Contienen >5% de glicanos sialilados, >50% de fucosilación, >10% de glicanos que llevan N-acetilglucosaminas biseccionadas y ningún ácido N-glicolilneuramínico.

p. 679 **tivanisiranium**

tivanisiran
tivanisiran
tivanisirán

replace the molecular formula by the following one
remplacer la formule moléculaire par la suivante
sustitúyase la fórmula molecular por la siguiente

$C_{361}H_{447}N_{141}O_{262}P_{36}$

p. 680

tomuzotuximabum #

tomuzotuximab

tomuzotuximab

tomuzotuximab

*replace the structure by the following one**remplacer la structure par la suivante**sustitúyase la estructura por la siguiente***Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada**

```

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFNIK DTYIHWVRQA PGKGLEWVAR 50
IYPTNGYTRY ADSVKGRFTI SADTSKNTAY LQMNSLRAED TAVIYCSRWG 100
GDGFYAMDYV GQGTLTVTSS ASTKGFVSFVP LAFSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYEPFPTVS WNSGALTSGV HTPFAVLOSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSRDE LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LSDSGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEGLHNHYT QKSLSLSPGK 450

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCRASQDVN TAVAWYQQKP GKAPKLLIYS 50
ASFLYSGVPS RFGSGRSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ HYTTPTPTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSLTTL LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

```

Post-translational modifications**Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro**

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
 22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
 23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223"-214"
 Inter-H-H (h 11, h 14) 229"-229" 232"-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación**H CH2 N84.4:**

300, 300"

Produced in a cell line glycol-engineered from human erythroleukemia (K562) cell line. Glycans are mostly biantennary complex glycans with <30% high mannose and high degree of galactosylation. They have >5% sialylated glycans, >50% fucosylation, >10% bisecting N-acetylglucosamine bearing glycans and no N-glycolylneuraminic acid./ Produit par une lignée cellulaire modifiée au glycol issue des cellules humaines d'érythroleucémie (K562). Les glycanes sont principalement complexes bi-antennaires avec <30% de mannose de haut poids moléculaire et de haut degré de galactosylation. Ils contiennent >5% de glycanes sialylés, >50% de fucosylation, >10% de glycanes présentant des N-acetylglucosamines bisectionnées et pas d'acide N-glycolylneuraminique./ Producido en la línea celular modificada con glicol derivada de la línea celular humana de eritroleucemia (K562). Los glicanos son principalmente glicanos complejos biantenarios con <30% de manosas de alto peso molecular y alto grado de galactosilación. Contienen >5% de glicanos sialilados, >50% de fucosilación, >10% de glicanos que llevan N-acetilglucosaminas biseccionadas y ningún ácido N-glicolilneuramínico.

ANNEX 1

**PROCEDURE FOR THE SELECTION OF RECOMMENDED
INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL
SUBSTANCES¹**

The following procedure shall be followed by the World Health Organization (hereinafter also referred to as "WHO") in the selection of recommended international nonproprietary names for pharmaceutical substances, in accordance with resolution WHA3.11 of the World Health Assembly, and in the substitution of such names.

Article 1 - Proposals for recommended international nonproprietary names and proposals for substitution of such names shall be submitted to WHO on the form provided therefore. The consideration of such proposals shall be subject to the payment of an administrative fee designed only to cover the corresponding costs of the Secretariat of WHO ("the Secretariat"). The amount of this fee shall be determined by the Secretariat and may, from time to time, be adjusted.

Article 2 - Such proposals shall be submitted by the Secretariat to the members of the Expert Advisory Panel on the International Pharmacopoeia and Pharmaceutical Preparations designated for this purpose, such designated members hereinafter referred to as "the INN Expert Group", for consideration in accordance with the "General principles for guidance in devising International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances", annexed to this procedure². The name used by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical substance shall be accepted, unless there are compelling reasons to the contrary.

Article 3 - Subsequent to the examination provided for in article 2, the Secretariat shall give notice that a proposed international nonproprietary name is being considered.

a) Such notice shall be given by publication in *WHO Drug Information*³ and by letter to Member States and to national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States.

i) Notice shall also be sent to the person who submitted the proposal ("the original applicant") and other persons known to be concerned with a name under consideration.

b) Such notice shall:

i) set forth the name under consideration;

ii) identify the person who submitted the proposal for naming the substance, if so requested by such person;

iii) identify the substance for which a name is being considered;

iv) set forth the time within which comments and objections will be received and the person and place to whom they should be directed;

v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

¹ See Annex 1 in WHO Technical Report Series, No. 581, 1975. The original text was adopted by the Executive Board in resolution EB15.R7 and amended in resolutions EB43.R9 and EB115.R4.

² See Annex 2.

³ Before 1987, lists of international nonproprietary names were published in the *Chronicle of the World Health Organization*.

c) In forwarding the notice, the Secretariat shall request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the proposed name during the period it is under consideration by WHO.

Article 4 - Comments on the proposed name may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

Article 5 - A formal objection to a proposed name may be filed by any interested person within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

Such objection shall:

- i) identify the person objecting;
- ii) state his or her interest in the name;
- iii) set forth the reasons for his or her objection to the name proposed.

Article 6 - Where there is a formal objection under article 5, WHO may either reconsider the proposed name or use its good offices to attempt to obtain withdrawal of the objection. Without prejudice to the consideration by WHO of a substitute name or names, a name shall not be selected by WHO as a recommended international nonproprietary name while there exists a formal objection thereto filed under article 5 which has not been withdrawn.

Article 7 - Where no objection has been filed under article 5, or all objections previously filed have been withdrawn, the Secretariat shall give notice in accordance with subsection (a) of article 3 that the name has been selected by WHO as a recommended international nonproprietary name.

Article 8 - In forwarding a recommended international nonproprietary name to Member States under article 7, the Secretariat shall:

- a) request that it be recognized as the nonproprietary name for the substance; and
- b) request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the name and to prohibit registration of the name as a trademark or trade name.

Article 9

a) In the extraordinary circumstance that a previously recommended international nonproprietary name gives rise to errors in medication, prescription or distribution, or a demonstrable risk thereof, because of similarity with another name in pharmaceutical and/or prescription practices, and it appears that such errors or potential errors cannot readily be resolved through other interventions than a possible substitution of a previously recommended international nonproprietary name, or in the event that a previously recommended international nonproprietary name differs substantially from the nonproprietary name approved in a significant number of Member States, or in other such extraordinary circumstances that justify a substitution of a recommended international nonproprietary name, proposals to that effect may be filed by any interested person. Such proposals shall be submitted on the form provided therefore and shall:

- i) identify the person making the proposal;
 - ii) state his or her interest in the proposed substitution; and
 - iii) set forth the reasons for the proposal; and
 - iv) describe, and provide documentary evidence regarding the other interventions undertaken in an effort to resolve the situation, and the reasons why these other interventions were inadequate.
-

Such proposals may include a proposal for a new substitute international nonproprietary name, devised in accordance with the General principles, which takes into account the pharmaceutical substance for which the new substitute international nonproprietary name is being proposed.

The Secretariat shall forward a copy of the proposal, for consideration in accordance with the procedure described in subsection (b) below, to the INN Expert Group and the original applicant or its successor (if different from the person bringing the proposal for substitution and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations).

In addition, the Secretariat shall request comments on the proposal from:

- i) Member States and national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States (by including a notice to that effect in the letter referred to in article 3(a), and
- ii) any other persons known to be concerned by the proposed substitution.

The request for comments shall:

- i) state the recommended international nonproprietary name that is being proposed for substitution (and the proposed substitute name, if provided);
- ii) identify the person who submitted the proposal for substitution (if so requested by such person);
- iii) identify the substance to which the proposed substitution relates and reasons put forward for substitution;
- iv) set forth the time within which comments will be received and the person and place to whom they should be directed; and
- v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

Comments on the proposed substitution may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of the request for comments.

b) After the time period for comments referred to above has elapsed, the Secretariat shall forward any comments received to the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution. If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received, the INN Expert Group, the person bringing the proposal for substitution and the original applicant or its successor all agree that there is a need to substitute the previously recommended international nonproprietary name, the Secretariat shall submit the proposal for substitution to the INN Expert Group for further processing.

Notwithstanding the foregoing, the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed for substitution.

In the event that a proposal for substitution shall be submitted to the INN Expert Group for further processing, the INN Expert Group will select a new international nonproprietary name in accordance with the General principles referred to in article 2 and the procedure set forth in articles 3 to 8 inclusive. The notices to be given by the Secretariat under article 3 and article 7, respectively, including to the original applicant or its successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), shall in such event indicate that the new name is a substitute for a previously recommended international nonproprietary name and that Member States may

wish to make transitional arrangements in order to accommodate existing products that use the previously recommended international nonproprietary name on their label in accordance with national legislation.

If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received in accordance with the procedure described above, the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution do not agree that there are compelling reasons for substitution of a previously recommended international nonproprietary name, this name shall be retained (provided always that the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event that the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed to be substituted). In such an event, the Secretariat shall advise the person having proposed the substitution, as well as the original applicant or its successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), Member States, national and regional pharmacopoeia commissions, other bodies designated by Member States, and any other persons known to be concerned by the proposed substitution that, despite a proposal for substitution, it has been decided to retain the previously recommended international nonproprietary name (with a description of the reason(s) why the proposal for substitution was not considered sufficiently compelling).

ANNEX 2

GENERAL PRINCIPLES FOR GUIDANCE IN DEVISING INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES¹

1. International Nonproprietary Names (INN) should be distinctive in sound and spelling. They should not be inconveniently long and should not be liable to confusion with names in common use.

2. The INN for a substance belonging to a group of pharmacologically related substances should, where appropriate, show this relationship. Names that are likely to convey to a patient an anatomical, physiological, pathological or therapeutic suggestion should be avoided.

These primary principles are to be implemented by using the following secondary principles:

3. In devising the INN of the first substance in a new pharmacological group, consideration should be given to the possibility of devising suitable INN for related substances, belonging to the new group.

4. In devising INN for acids, one-word names are preferred; their salts should be named without modifying the acid name, e.g. "oxacillin" and "oxacillin sodium", "ibufenac" and "ibufenac sodium".

5. INN for substances which are used as salts should in general apply to the active base or the active acid. Names for different salts or esters of the same active substance should differ only in respect of the name of the inactive acid or the inactive base.

For quaternary ammonium substances, the cation and anion should be named appropriately as separate components of a quaternary substance and not in the amine-salt style.

6. The use of an isolated letter or number should be avoided; hyphenated construction is also undesirable.

7. To facilitate the translation and pronunciation of INN, "f" should be used instead of "ph", "t" instead of "th", "e" instead of "ae" or "oe", and "i" instead of "y"; the use of the letters "h" and "k" should be avoided.

¹ In its Twentieth report (WHO Technical Report Series, No. 581, 1975), the WHO Expert committee on Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances reviewed the general principles for devising, and the procedures for selecting, INN in the light of developments in pharmaceutical compounds in recent years. The most significant change has been the extension to the naming of synthetic chemical substances of the practice previously used for substances originating in or derived from natural products. This practice involves the use of a characteristic "stem" indicative of a common property of the members of a group. The reason for, and the implications of, the change are fully discussed.

The guiding principles were updated during the 13th Consultation on nonproprietary names for pharmaceutical substances (Geneva, 27-29 April 1983) (PHARM S/NOM 928 13 May 1983, revised 18 August 1983).

8. Provided that the names suggested are in accordance with these principles, names proposed by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical preparation, or names already officially in use in any country, should receive preferential consideration.

9. Group relationship in INN (see General principle 2) should if possible be shown by using a common stem. The following list contains examples of stems for groups of substances, particularly for new groups. There are many other stems in active use.¹ Where a stem is shown without any hyphens it may be used anywhere in the name.

Latin	English	
-acum	-ac	anti-inflammatory agents, ibufenac derivatives
-adolum	-adol }	analgesics
-adol-	-adol-}	
-astum	-ast	antiasthmatic, antiallergic substances not acting primarily as antihistaminics
-astinum	-astine	antihistaminics
-azepamum	-azepam	diazepam derivatives
bol	bol	steroids, anabolic
-cain-	-cain-	class I antiarrhythmics, procainamide and lidocaine derivatives
-cainum	-caine	local anaesthetics
cef-	cef-	antibiotics, cephalosporanic acid derivatives
-cillinum	-cillin	antibiotics, 6-aminopenicillanic acid derivatives
-conazolom	-conazole	systemic antifungal agents, miconazole derivatives
cort	cort	corticosteroids, except prednisolone derivatives
-coxibum	-coxib	selective cyclo-oxygenase inhibitors
-entanum	-entan	endothelin receptor antagonists
gab	gab	gabamimetic agents
gado-	gado-	diagnostic agents, gadolinium derivatives
-gatrnum	-gattran	thrombin inhibitors, antithrombotic agents
gest	gest	steroids, progestogens
gli	gli	antihyperglycaemics
io-	io-	iodine-containing contrast media
-metacinum	-metacin	anti-inflammatory, indometacin derivatives
-mycinum	-mycin	antibiotics, produced by <i>Streptomyces</i> strains
-nidazolom	-nidazole	antiprotozoal substances, metronidazole derivatives
-ololum	-olol	β-adrenoreceptor antagonists
-oxacinum	-oxacin	antibacterial agents, nalidixic acid derivatives
-platinum	-platin	antineoplastic agents, platinum derivatives
-poetinum	-poetin	erythropoietin type blood factors
-pril(at)um	-pril(at)	angiotensin-converting enzyme inhibitors
-profenum	-profen	anti-inflammatory substances, ibuprofen derivatives
prost	prost	prostaglandins
-relinum	-relin	pituitary hormone release-stimulating peptides
-sartanum	-sartan	angiotensin II receptor antagonists, antihypertensive (non-peptidic)
-vaptanum	-vaptan	vasopressin receptor antagonists
vin-	vin- }	vinca-type alkaloids
-vin-	-vin-}	

¹ A more extensive listing of stems is contained in the working document WHO/EMP/RHT/TSN/2013.1 which is regularly updated and can be requested from the INN Programme, WHO, Geneva.

ANNEXE 1

**PROCEDURE A SUIVRE EN VUE DU CHOIX DE DENOMINATIONS
COMMUNES INTERNATIONALES RECOMMANDEES POUR LES
SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES¹**

L'Organisation mondiale de la Santé (également désignée ci-après sous l'appellation « OMS ») observe la procédure exposée ci-dessous pour l'attribution de dénominations communes internationales recommandées pour les substances pharmaceutiques, conformément à la résolution WHA3.11 de l'Assemblée mondiale de la Santé, et pour le remplacement de telles dénominations.

Article 1 - Les propositions de dénominations communes internationales recommandées et les propositions de remplacement de telles dénominations sont soumises à l'OMS sur la formule prévue à cet effet. L'examen de telles propositions est soumis au paiement d'une taxe administrative destinée uniquement à couvrir les coûts correspondants assumés par le Secrétariat de l'OMS (« le Secrétariat »). Le montant de cette taxe est déterminé par le Secrétariat et peut être modifié de temps à autre.

Article 2 - Ces propositions sont soumises par le Secrétariat aux experts désignés à cette fin parmi les personnalités inscrites au Tableau d'experts de la Pharmacopée internationale et des Préparations pharmaceutiques, ci-après désignés sous l'appellation « le Groupe d'experts des DCI » ; elles sont examinées par les experts conformément aux « Directives générales pour la formation de dénominations communes internationales pour les substances pharmaceutiques » reproduites ci-après². La dénomination acceptée est la dénomination employée par la personne qui découvre ou qui, la première, fabrique et lance sur le marché une substance pharmaceutique, à moins que des raisons majeures n'obligent à s'écarter de cette règle.

Article 3 - Après l'examen prévu à l'article 2, le Secrétariat notifie qu'un projet de dénomination commune internationale est à l'étude.

a) Cette notification est faite par une insertion dans *WHO Drug Information*³ et par l'envoi d'une lettre aux Etats Membres et aux commissions nationales et régionales de pharmacopée ou autres organismes désignés par les Etats Membres.

i) Notification est également faite à la personne qui a soumis la proposition (« le demandeur initial ») et à d'autres personnes portant à la dénomination mise à l'étude un intérêt notoire.

b) Cette notification contient les indications suivantes :

i) dénomination mise à l'étude;

ii) nom de l'auteur de la proposition tendant à attribuer une dénomination à la substance, si cette personne le demande ;

iii) définition de la substance dont la dénomination est mise à l'étude ;

iv) délai pendant lequel seront reçues les observations et les objections à l'égard de cette dénomination ; nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces observations et objections ;

v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

¹ Voir annexe 1 dans OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975. Le texte original a été adopté par le Conseil exécutif dans sa résolution EB15.R7 et amendé dans ses résolutions EB43.R9 et EB115.R4.

² Voir annexe 2.

³ Avant 1987, les listes de dénominations communes internationales étaient publiées dans la *Chronique de l'Organisation mondiale de la Santé*.

c) En envoyant cette notification, le Secrétariat demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur la dénomination proposée pendant la période au cours de laquelle cette dénomination est mise à l'étude par l'OMS.

Article 4 - Des observations sur la dénomination proposée peuvent être adressées à l'OMS par toute personne, dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

Article 5 - Toute personne intéressée peut formuler une objection formelle contre la dénomination proposée dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

Cette objection doit s'accompagner des indications suivantes :

- i) nom de l'auteur de l'objection ;
- ii) intérêt qu'il ou elle porte à la dénomination en cause ;
- iii) raisons motivant l'objection contre la dénomination proposée.

Article 6 - Lorsqu'une objection formelle est formulée en vertu de l'article 5, l'OMS peut soit soumettre la dénomination proposée à un nouvel examen, soit intervenir pour tenter d'obtenir le retrait de l'objection. Sans préjudice de l'examen par l'OMS d'une ou de plusieurs appellations de remplacement, l'OMS n'adopte pas d'appellation comme dénomination commune internationale recommandée tant qu'une objection formelle présentée conformément à l'article 5 n'est pas levée.

Article 7 - Lorsqu'il n'est formulé aucune objection en vertu de l'article 5, ou que toutes les objections présentées ont été levées, le Secrétariat fait une notification conformément aux dispositions du paragraphe a) de l'article 3, en indiquant que la dénomination a été choisie par l'OMS en tant que dénomination commune internationale recommandée.

Article 8 - En communiquant aux Etats Membres, conformément à l'article 7, une dénomination commune internationale recommandée, le Secrétariat :

- a) demande que cette dénomination soit reconnue comme dénomination commune de la substance considérée ; et
- b) demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur cette dénomination et interdire le dépôt de cette dénomination comme marque ou appellation commerciale.

Article 9 -

a) Dans le cas exceptionnel où une dénomination commune internationale déjà recommandée donne lieu à des erreurs de médication, de prescription ou de distribution ou en comporte un risque démontrable, en raison d'une similitude avec une autre appellation dans la pratique pharmaceutique et/ou de prescription, et où il apparaît que ces erreurs ou ces risques d'erreur ne peuvent être facilement évités par d'autres interventions que le remplacement éventuel d'une dénomination commune internationale déjà recommandée, ou dans le cas où une dénomination commune internationale déjà recommandée diffère sensiblement de la dénomination commune approuvée dans un nombre important d'Etats Membres, ou dans d'autres circonstances exceptionnelles qui justifient le remplacement d'une dénomination commune internationale recommandée, toute personne intéressée peut formuler une proposition dans ce sens. Cette proposition est présentée sur la formule prévue à cet effet et doit s'accompagner des indications suivantes :

- i) nom de l'auteur de la proposition ;
- ii) intérêt qu'il ou elle porte au remplacement proposé ;
- iii) raisons motivant la proposition ; et

- iv) description, faits à l'appui, des autres interventions entreprises pour tenter de régler le problème et exposé des raisons pour lesquelles ces interventions ont échoué.

Les propositions peuvent comprendre une proposition de nouvelle dénomination commune internationale de remplacement, établie conformément aux Directives générales, compte tenu de la substance pharmaceutique pour laquelle la nouvelle dénomination commune internationale de remplacement est proposée.

Le Secrétariat transmet une copie de la proposition pour examen, conformément à la procédure exposée plus loin au paragraphe b), au Groupe d'experts des DCI et au demandeur initial ou à son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles).

De plus, le Secrétariat demande aux entités et personnes ci-après de formuler des observations sur la proposition :

- i) les Etats Membres et les commissions nationales et régionales de pharmacopée ou d'autres organismes désignés par les Etats Membres (en insérant une note à cet effet dans la lettre mentionnée à l'article 3.a), et

- ii) toutes autres personnes portant au remplacement proposé un intérêt notoire.

La demande d'observations contient les indications suivantes :

- i) dénomination commune internationale recommandée pour laquelle un remplacement est proposé (et la dénomination de remplacement proposée, si elle est fournie) ;

- ii) nom de l'auteur de la proposition de remplacement (si cette personne le demande) ;

- iii) définition de la substance faisant l'objet du remplacement proposé et raisons avancées pour le remplacement ;

- iv) délai pendant lequel seront reçus les commentaires et nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces commentaires ; et

- v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

Des observations sur la proposition de remplacement peuvent être communiquées par toute personne à l'OMS dans les quatre mois qui suivent la date de la demande d'observations.

b) Une fois échu le délai prévu ci-dessus pour la communication d'observations, le Secrétariat transmet les observations reçues au Groupe d'experts des DCI, au demandeur initial ou à son successeur et à l'auteur de la proposition de remplacement. Si, après avoir examiné la proposition de remplacement et les observations reçues, le Groupe d'experts des DCI, l'auteur de la proposition de remplacement et le demandeur initial ou son successeur reconnaissent tous qu'il est nécessaire de remplacer la dénomination commune internationale déjà recommandée, le Secrétariat soumet la proposition de remplacement au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite.

Nonobstant ce qui précède, le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer.

Dans le cas où une proposition de remplacement est soumise au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite, le Groupe choisit une nouvelle dénomination commune internationale conformément aux Directives générales mentionnées à l'article 2 et selon la procédure décrite dans les articles 3 à 8 inclus. La notification faite par le Secrétariat en vertu de l'article 3 et de l'article 7, respectivement, y compris au demandeur initial ou à son successeur (si ce n'est pas la même personne que celle qui a proposé le remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse

être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), doit dans un tel cas indiquer que la nouvelle dénomination remplace une dénomination commune internationale déjà recommandée et que les Etats Membres peuvent souhaiter prendre des mesures transitoires pour les produits existants qui utilisent la dénomination commune internationale déjà recommandée sur leur étiquette conformément à la législation nationale.

Si, après examen de la proposition de remplacement et des observations communiquées conformément à la procédure exposée plus haut, le Groupe d'experts des DCI, le demandeur initial ou son successeur et l'auteur de la proposition de remplacement ne s'accordent pas sur le fait qu'il y a des raisons impératives de remplacer une dénomination commune internationale déjà recommandée, cette dernière est conservée (étant entendu toujours que le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer). Dans un tel cas, le Secrétariat informe l'auteur de la proposition de remplacement, ainsi que le demandeur initial ou son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), les Etats Membres, les commissions nationales et régionales de pharmacopée, les autres organismes désignés par les Etats Membres et toutes autres personnes portant un intérêt notoire au remplacement proposé que, malgré une proposition de remplacement, il a été décidé de conserver la dénomination commune internationale déjà recommandée (avec une brève description de la ou des raisons pour lesquelles la proposition de remplacement n'a pas été jugée suffisamment impérative).

ANNEXE 2

DIRECTIVES GENERALES POUR LA FORMATION DE DENOMINATIONS COMMUNES INTERNATIONALES APPLICABLES AUX SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES¹

1. Les dénominations communes internationales (DCI) devront se distinguer les unes des autres par leur consonance et leur orthographe. Elles ne devront pas être d'une longueur excessive, ni prêter à confusion avec des appellations déjà couramment employées.

2. La DCI de chaque substance devra, si possible, indiquer sa parenté pharmacologique. Les dénominations susceptibles d'évoquer pour les malades des considérations anatomiques, physiologiques, pathologiques ou thérapeutiques devront être évitées dans la mesure du possible.

Outre ces deux principes fondamentaux, on respectera les principes secondaires suivants :

3. Lorsqu'on formera la DCI de la première substance d'un nouveau groupe pharmacologique, on tiendra compte de la possibilité de former ultérieurement d'autres DCI appropriées pour les substances apparentées du même groupe.

4. Pour former des DCI des acides, on utilisera de préférence un seul mot. Leurs sels devront être désignés par un terme qui ne modifie pas le nom de l'acide d'origine : par exemple «oxacilline» et «oxacilline sodique», «ibufénac» et «ibufénac sodique».

5. Les DCI pour les substances utilisées sous forme de sels devront en général s'appliquer à la base active (ou à l'acide actif). Les dénominations pour différents sels ou esters d'une même substance active ne différeront que par le nom de l'acide inactif (ou de la base inactive).

¹ Dans son vingtième rapport (OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975), le Comité OMS d'experts des Dénominations communes pour les Substances pharmaceutiques a examiné les directives générales pour la formation des dénominations communes internationales et la procédure à suivre en vue de leur choix, compte tenu de l'évolution du secteur pharmaceutique au cours des dernières années. La modification la plus importante a été l'extension aux substances de synthèse de la pratique normalement suivie pour désigner les substances tirées ou dérivées de produits naturels. Cette pratique consiste à employer des syllabes communes ou groupes de syllabes communes (segments-clés) qui sont caractéristiques et indiquent une propriété commune aux membres du groupe des substances pour lequel ces segments-clés ont été retenus. Les raisons et les conséquences de cette modification ont fait l'objet de discussions approfondies.

Les directives ont été mises à jour lors de la treizième consultation sur les dénominations communes pour les substances pharmaceutiques (Genève, 27-29 avril 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 mai 1983, révision en date du 18 août 1983).

En ce qui concerne les substances à base d'ammonium quaternaire, la dénomination s'appliquera de façon appropriée au cation et à l'anion en tant qu'éléments distincts d'une substance quaternaire. On évitera de choisir une désignation évoquant un sel aminé.

6. On évitera d'ajouter une lettre ou un chiffre isolé ; en outre, on renoncera de préférence au trait d'union.

7. Pour simplifier la traduction et la prononciation des DCI, la lettre « f » sera utilisée à la place de « ph », « t » à la place de « th », « e » à la place de « ae » ou « oe », et « i » à la place de « y » ; l'usage des lettres « h » et « k » sera aussi évité.

8. On retiendra de préférence, pour autant qu'elles respectent les principes énoncés ici, les dénominations proposées par les personnes qui ont découvert ou qui, les premières, ont fabriqué et lancé sur le marché les préparations pharmaceutiques considérées, ou les dénominations déjà officiellement adoptées par un pays.

9. La parenté entre substances d'un même groupe (voir Directive générale 2) sera si possible indiquée dans les DCI par l'emploi de segments-clés communs. La liste ci-après contient des exemples de segments-clés pour des groupes de substances, surtout pour des groupes récents. Il y a beaucoup d'autres segments-clés en utilisation active.¹ Les segments-clés indiqués sans trait d'union pourront être insérés n'importe où dans une dénomination.

Latin	Français	
-acum	-ac	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibufénac analgésiques
-adolum	-adol	
-adol-	-adol-	
-astum	-ast	antiasthmatiques, antiallergiques n'agissant pas principalement en tant qu'antihistaminiques
-astinum	-astine	
-azepamum	-azépam	antihistaminiques
bol	bol	substances du groupe du diazépam
-cain-	-caïn-	stéroïdes anabolisants
-cainum	-caïne	antiarythmiques de classe I, dérivés du procaïnamide et de la lidocaïne
céf-	céf-	anesthésiques locaux
-cillinum	-cilline	antibiotiques, dérivés de l'acide céphalosporanique
-conazolum	-conazole	antibiotiques, dérivés de l'acide 6-aminopénicillanique
cort	cort	agents antifongiques systémiques du groupe du miconazole
-coxibum	-coxib	corticostéroïdes, autres que les dérivés de la prednisolone
-entanum	-entan	inhibiteurs sélectifs de la cyclo-oxygénase
gab	gab	antagonistes du récepteur de l'endothéline
gado-	gado-	gabamimétiques
-gatraneum	-gatrane	agents diagnostiques, dérivés du gadolinium
gest	gest	antithrombines, antithrombotiques
gli	gli	stéroïdes progestogènes
io-	io-	antihyperglycémiant
-metacinum	-métacine	produits de contraste iodés
-mycinum	-mycine	substances anti-inflammatoires du groupe de l'indométacine
-nidazolum	-nidazole	antibiotiques produits par des souches de <i>Streptomyces</i>
-ololum	-olol	substances antiprotozoaires du groupe du métronidazole
-oxacinum	-oxacine	antagonistes des récepteurs β-adrénérgiques
-platinum	-platine	substances antibactériennes du groupe de l'acide nalidixique
-poetinum	-poétine	antinéoplasiques, dérivés du platine
-pril(at)um	-pril(ate)	facteurs sanguins de type érythropoïétine
-profenum	-profène	inhibiteurs de l'enzyme de conversion de l'angiotensine
prost	prost	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibuprofène
		prostaglandines

¹ Une liste plus complète de segments-clés est contenue dans le document de travail WHO/EMP/RHT/TSN/2013.1 qui est régulièrement mis à jour et qui peut être demandé auprès du programme des DCI, OMS, Genève.

-relinum	-réline	peptides stimulant la libération d'hormones hypophysaires
-sartanum	-sartan	antagonistes d'un récepteur de l'angiotensine II, antihypertenseurs (non peptidiques)
-vaptanum	-vaptan	antagonistes du récepteur de la vasopressine
vin-	vin- }	alcaloïdes du type vinca
-vin-	-vin- }	

ANEXO 1

PROCEDIMIENTO DE SELECCIÓN DE DENOMINACIONES COMUNES INTERNACIONALES RECOMENDADAS PARA SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS¹

La Organización Mundial de la Salud (OMS) seguirá el procedimiento que se expone a continuación tanto para seleccionar denominaciones comunes internacionales recomendadas para las sustancias farmacéuticas, de conformidad con lo dispuesto en la resolución WHA3.11, como para sustituir esas denominaciones.

Artículo 1 - Las propuestas de denominaciones comunes internacionales recomendadas y las propuestas de sustitución de esas denominaciones se presentarán a la OMS en los formularios que se proporcionen a estos efectos. El estudio de estas propuestas estará sujeto al pago de una tasa destinada a sufragar los costos de administración que ello suponga para la Secretaría de la OMS («la Secretaría»). La Secretaría establecerá la cuantía de esa tasa y podrá ajustarla periódicamente.

Artículo 2 - Estas propuestas serán sometidas por la Secretaría a los miembros del Cuadro de Expertos en Farmacopea Internacional y Preparaciones Farmacéuticas encargados de su estudio, en adelante designados como «el Grupo de Expertos en DCI», para que las examinen de conformidad con los «Principios generales de orientación para formar denominaciones comunes internacionales para sustancias farmacéuticas», anexos a este procedimiento.² A menos que haya poderosas razones en contra, la denominación aceptada será la empleada por la persona que haya descubierto o fabricado y comercializado por primera vez esa sustancia farmacéutica.

Artículo 3 - Tras el examen al que se refiere el artículo 2, la Secretaría notificará que está en estudio un proyecto de denominación internacional.

a) Esa notificación se hará mediante una publicación en *Información Farmacéutica OMS*³ y el envío de una carta a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros.

i) La notificación será enviada también a la persona que haya presentado la propuesta («el solicitante inicial») y a otras personas que tengan un interés especial en una denominación objeto de estudio.

b) En esa notificación se incluirán los siguientes datos:

i) la denominación sometida a estudio;

ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de denominación de la sustancia, si lo pide esa persona;

iii) la identidad de la sustancia cuya denominación está en estudio;

¹ Véase el anexo 1 en OMS, Serie de Informes Técnicos, N° 581, 1975. El texto vigente fue adoptado por el Consejo Ejecutivo en su resolución EB15.R7 y modificado en las resoluciones EB43.R9 y EB115.R4..

² Véase el anexo 2.

³ Hasta 1987 las listas de DCI se publicaban en la *Crónica de la Organización Mundial de la Salud*.

iv) el plazo fijado para recibir observaciones y objeciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y

v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

c) Al enviar esa notificación, la Secretaría solicitará de los Estados Miembros la adopción de todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación propuesta, durante el período en que la OMS la tenga en estudio.

Artículo 4 - Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.

Artículo 5 - Toda persona interesada puede presentar una objeción formal a una denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.

Esa objeción deberá acompañarse de los siguientes datos:

i) la identidad de la persona que formula la objeción;

ii) las causas que motivan su interés por la denominación; y

iii) las causas que motivan su objeción a la denominación propuesta.

Artículo 6 - Cuando se haya presentado una objeción formal en la forma prevista en el artículo 5, la OMS podrá reconsiderar el nombre propuesto o utilizar sus buenos oficios para intentar lograr que se retire la objeción. La OMS no seleccionará como denominación común internacional una denominación a la que se haya hecho una objeción formal, presentada según lo previsto en el artículo 5, que no haya sido retirada, todo ello sin perjuicio de que la Organización examine otra denominación o denominaciones sustitutivas.

Artículo 7 - Cuando no se haya formulado ninguna objeción en la forma prevista en el artículo 5, o cuando todas las objeciones presentadas hayan sido retiradas, la Secretaría notificará, conforme a lo dispuesto en el párrafo a) del artículo 3, que la denominación ha sido seleccionada por la OMS como denominación común internacional recomendada.

Artículo 8 - Al comunicar a los Estados Miembros una denominación común internacional, conforme a lo previsto en el artículo 7, la Secretaría:

a) solicitará que esta denominación sea reconocida como denominación común para la sustancia de que se trate; y

b) solicitará a los Estados Miembros que adopten todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación, y prohíban que sea registrada como marca de fábrica o como nombre comercial.

Artículo 9

a) En el caso excepcional de que, debido a su semejanza con otra denominación utilizada en las prácticas farmacéuticas y/o de prescripción, una denominación común internacional recomendada anteriormente ocasione errores de medicación, prescripción o distribución, o suponga un riesgo manifiesto de que esto ocurra, y parezca que tales errores o potenciales errores no sean fácilmente subsanables con otras medidas que no sean la posible sustitución de esa denominación común internacional recomendada anteriormente; en el caso de que una denominación común internacional recomendada anteriormente difiera considerablemente de la denominación común aprobada en un número importante de Estados Miembros, o en otras circunstancias excepcionales que justifiquen el cambio de una denominación común internacional recomendada, cualquier persona interesada puede presentar propuestas en este sentido. Esas propuestas se presentarán en los formularios que se proporcionen a estos efectos e incluirán los siguientes datos:

- i) la identidad de la persona que presenta la propuesta;
- ii) las causas que motivan su interés en la sustitución propuesta;
- iii) las causas que motivan la propuesta; y
- iv) una descripción, acompañada de pruebas documentales, de las otras medidas que se hayan adoptado con el fin de resolver la situación y de los motivos por los cuales dichas medidas no han sido suficientes.

Entre esas propuestas podrá figurar una relativa a una nueva denominación común internacional sustitutiva, formulada con arreglo a los Principios generales y que tenga en cuenta la sustancia farmacéutica para la que se proponga la nueva denominación común internacional sustitutiva.

La Secretaría enviará al Grupo de Expertos en DCI y al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que sea una persona diferente de la que ha presentado la propuesta de sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales) una copia de la propuesta, para que sea examinada de conformidad con el procedimiento descrito en el párrafo *b) infra*. Además, la Secretaría solicitará observaciones sobre la propuesta:

i) a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros (ello se hará incluyendo una notificación a tal efecto en la carta a la que se refiere el párrafo a) del artículo 3), y

ii) a cualquier persona que tenga un interés especial en la sustitución propuesta.

Al solicitar que se formulen estas observaciones se facilitarán los siguientes datos:

i) la denominación común internacional recomendada que se propone sustituir (y la denominación sustitutiva propuesta, si se ha facilitado);

ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de sustitución (si lo pide esa persona);

iii) la identidad de la sustancia a la que se refiere la sustitución propuesta y las razones para presentar la propuesta de sustitución;

iv) el plazo fijado para recibir observaciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y

v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la sustitución propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a la fecha en que se realizó la solicitud de observaciones.

b) Una vez agotado el mencionado plazo para la formulación de observaciones, la Secretaría enviará todos los comentarios recibidos al Grupo de Expertos en DCI, al solicitante inicial o a su sucesor, y a la persona que haya presentado la propuesta de sustitución. Si después de examinar la propuesta de sustitución y las observaciones recibidas, el Grupo de Expertos en DCI, la persona que haya presentado la propuesta de sustitución y el solicitante inicial, o su sucesor, están de acuerdo en la necesidad de sustituir la denominación común internacional recomendada anteriormente, la Secretaría remitirá la propuesta de sustitución al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite.

No obstante lo anterior, el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone.

En caso de que la propuesta de sustitución sea presentada al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite, este grupo seleccionará una nueva denominación común internacional de conformidad con los Principios generales a los que se refiere el artículo 2 y al procedimiento establecido en los artículos 3 a 8 inclusive. En ese caso, en las notificaciones que la Secretaría ha de enviar con arreglo a los artículos 3 y 7, respectivamente, incluida la notificación al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), se indicará que la nueva denominación sustituye a una denominación común internacional recomendada anteriormente y que los Estados Miembros podrán, si lo estiman oportuno, adoptar disposiciones transitorias aplicables a los productos existentes en cuya etiqueta se utilice, con arreglo a la legislación nacional, la denominación común internacional recomendada anteriormente que se haya sustituido.

En caso de que, después de haber estudiado la propuesta de sustitución y los comentarios recibidos de conformidad con el procedimiento descrito anteriormente, el Grupo de Expertos en DCI, el solicitante inicial o su sucesor y la persona que haya presentado la propuesta de sustitución no lleguen a un acuerdo sobre la existencia de razones poderosas para sustituir una denominación común internacional recomendada anteriormente, esta denominación se mantendrá (siempre en el entendimiento de que el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone). En ese caso, la Secretaría comunicará a la persona que haya propuesto la sustitución, así como al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), a los Estados Miembros, a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas o a otros organismos designados por los Estados Miembros y a cualquier otra persona que tenga interés en la sustitución propuesta, que, pese a la presentación de una propuesta de sustitución, se ha decidido mantener la denominación común internacional recomendada anteriormente (con una descripción de la o las razones por las que se ha considerado que la propuesta de sustitución no estaba respaldada por razones suficientemente poderosas).

ANEXO 2

PRINCIPIOS GENERALES DE ORIENTACIÓN PARA FORMAR DENOMINACIONES COMUNES INTERNACIONALES PARA SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS¹

1. Las denominaciones comunes internacionales (DCI) deberán diferenciarse tanto fonética como ortográficamente. No deberán ser incómodamente largas, ni dar lugar a confusión con denominaciones de uso común.
2. La DCI de una sustancia que pertenezca a un grupo de sustancias farmacológicamente emparentadas deberá mostrar apropiadamente este parentesco. Deberán evitarse las denominaciones que puedan tener connotaciones anatómicas, fisiológicas, patológicas o terapéuticas para el paciente.

Estos principios primarios se pondrán en práctica utilizando los siguientes principios secundarios:

3. Al idear la DCI de la primera sustancia de un nuevo grupo farmacológico, deberá tenerse en cuenta la posibilidad de poder formar DCI convenientes para las sustancias emparentadas que se agreguen al nuevo grupo.
4. Al idear DCI para ácidos, se preferirán las de una sola palabra; sus sales deberán denominarse sin modificar el nombre del ácido: p. ej. «oxacilina» y «oxacilina sódica», «ibufenaco» y «ibufenaco sódico».

¹ En su 20º informe (OMS, Serie de Informes Técnicos, N° 581, 1975), el Comité de Expertos de la OMS en Denominaciones Comunes para las Sustancias Farmacéuticas revisó los Principios generales para formar denominaciones comunes internacionales (DCI), y su procedimiento de selección, a la luz de las novedades registradas en los últimos años en materia de compuestos farmacéuticos. El cambio más importante había consistido en hacer extensivo a la denominación de sustancias químicas sintéticas el método utilizado hasta entonces para las sustancias originadas en productos naturales o derivadas de éstos. Dicho método conlleva la utilización de una «partícula» característica que indica una propiedad común a los miembros de un grupo. En el citado informe se examinan en detalle las razones y consecuencias de este cambio.

Los Principios generales de orientación se actualizaron durante la 13ª consulta sobre denominaciones comunes para sustancias farmacéuticas (Ginebra, 27 a 29 de abril de 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 de mayo de 1983, revisado el 18 de agosto de 1983).

5. Las DCI para las sustancias que se usan en forma de sal deberán en general aplicarse a la base activa o al ácido activo. Las denominaciones para diferentes sales o ésteres de la misma sustancia activa solamente deberán diferir en el nombre del ácido o de la base inactivos.

En los compuestos de amonio cuaternario, el catión y el anión deberán denominarse adecuadamente por separado, como componentes independientes de una sustancia cuaternaria y no como sales de una amina.

6. Deberá evitarse el empleo de letras o números aislados; también es indeseable el empleo de guiones.

7. Para facilitar la traducción y la pronunciación, se emplearán de preferencia las letras «f» en lugar de «ph», «t» en lugar de «th», «e» en lugar de «ae» u «oe», e «i» en lugar de «y»; se deberá evitar el empleo de las letras «h» y «k».

8. Siempre que las denominaciones propuestas estén de acuerdo con estos principios, recibirán una consideración preferente las denominaciones propuestas por la persona que haya descubierto las sustancias, o que fabrique y comercialice por primera vez una sustancia farmacéutica, así como las denominaciones ya adoptadas oficialmente en cualquier país.

9. El parentesco entre sustancias del mismo grupo se pondrá de manifiesto en las DCI (véase el Principio 2) utilizando una partícula común. En la lista que figura a continuación se indican ejemplos de partículas para grupos de sustancias, en particular para grupos nuevos. Existen muchas otras partículas que se usan habitualmente.¹ Cuando una partícula aparece sin guión alguno, puede utilizarse en cualquier lugar de la palabra.

Latín	Español	
- <i>acum</i>	- <i>aco</i>	antiinflamatorios derivados del ibufenaco
- <i>adolum</i>	- <i>adol</i>)	analgésicos
- <i>adol-</i>	- <i>adol-</i>)	
- <i>astum</i>	- <i>ast</i>	antiasmáticos, sustancias antialérgicas cuya acción principal no es la antihistamínica
- <i>astinum</i>	- <i>astina</i>	antihistamínicos
- <i>azepamum</i>	- <i>azepam</i>	derivados del diazepam
<i>bol</i>	<i>bol</i>	esteroides anabolizantes
- <i>cain-</i>	- <i>caína-</i>	antiarrítmicos de clase I, derivados de procainamida y lidocaína
- <i>cainum</i>	- <i>caína-</i>	anestésicos locales
- <i>cef-</i>	- <i>cef-</i>	antibióticos, derivados del ácido cefalosporánico
- <i>cillinum</i>	- <i>cilina</i>	antibióticos derivados del ácido 6-aminopenicilánico
- <i>conazolum</i>	- <i>conazol</i>	antifúngicos sistémicos derivados del miconazol
- <i>cort</i>	- <i>cort</i>	corticosteroides, excepto derivados de prednisolona
- <i>coxibum</i>	- <i>coxib</i>	inhibidores selectivos de ciclooxigenasa
- <i>entanum</i>	- <i>entán</i>	antagonistas del receptor de endotelina
- <i>gab</i>	- <i>gab</i>	gabamiméticos
- <i>gado-</i>	- <i>gado-</i>	agentes para diagnóstico derivados de gadolinio
- <i>gartranum</i>	- <i>gatrán</i>	inhibidores de la trombina antitrombóticos
- <i>gest</i>	- <i>gest</i>	esteroides progestágenos
- <i>gli</i>	- <i>gli</i>	hipoglucemiantes, antihiper glucémicos
- <i>io-</i>	- <i>io-</i>	medios de contraste iodados
- <i>metacinum</i>	- <i>metacina</i>	antiinflamatorios derivados de indometacina
- <i>mycinum</i>	- <i>micina</i>	antibióticos producidos por cepas de <i>Streptomyces</i>
- <i>nidazolum</i>	- <i>nidazol</i>	antiprotozoarios derivados de metronidazol
- <i>ololum</i>	- <i>olol</i>	antagonistas de receptores β-adrenérgicos
- <i>oxacinum</i>	- <i>oxacino</i>	antibacterianos derivados del ácido nalidíxico
- <i>platinum</i>	- <i>platino</i>	antineoplásicos derivados del platino

¹ En el documento de trabajo WHO/EMP/RHT/TSN/2013.1, que se actualiza periódicamente y puede solicitarse al Programa sobre Denominaciones Comunes Internacionales, OMS, Ginebra, figura una lista más amplia de partículas.

<i>-poetinum</i>	<i>-poetina</i>	factores sanguíneos similares a la eritropoyetina
<i>-pril(at)um</i>	<i>-pril(at)</i>	inhibidores de la enzima convertora de la angiotensina
<i>-profenum</i>	<i>-profeno</i>	antiinflamatorios derivados del ibuprofeno
<i>prost</i>	<i>prost</i>	prostaglandinas
<i>-relinum</i>	<i>-relina</i>	péptidos estimulantes de la liberación de hormonas hipofisarias
<i>-sartanum</i>	<i>-sartán</i>	antihipertensivos (no peptídicos) antagonistas del receptor de angiotensina II
<i>-vaptanum</i>	<i>-vaptán</i>	antagonistas del receptor de vasopresina
<i>vin-</i>	<i>vin-</i>)	alcaloides de la vinca
<i>-vin-</i>	<i>-vin-</i>)	