

International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances (INN)

Notice is hereby given that, in accordance with article 3 of the Procedure for the Selection of Recommended International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances, the names given in the list on the following pages are under consideration by the World Health Organization as Proposed International Nonproprietary Names. The inclusion of a name in the lists of Proposed International Nonproprietary Names does not imply any recommendation of the use of the substance in medicine or pharmacy.

Lists of Proposed (1–117) and Recommended (1–78) International Nonproprietary Names can be found in *Cumulative List No. 17, 2017* (available in CD-ROM only). The statements indicating action and use are based largely on information supplied by the manufacturer. **This information is merely meant to provide an indication of the potential use of new substances at the time they are accorded Proposed International Nonproprietary Names.** WHO is not in a position either to uphold these statements or to comment on the efficacy of the action claimed. Because of their provisional nature, these descriptors will neither be revised **nor included in the Cumulative Lists of INNs.**

Dénominations communes internationales des Substances pharmaceutiques (DCI)

Il est notifié que, conformément aux dispositions de l'article 3 de la Procédure à suivre en vue du choix de Dénominations communes internationales recommandées pour les Substances pharmaceutiques les dénominations ci-dessous sont mises à l'étude par l'Organisation mondiale de la Santé en tant que dénominations communes internationales proposées. L'inclusion d'une dénomination dans les listes de DCI proposées n'implique aucune recommandation en vue de l'utilisation de la substance correspondante en médecine ou en pharmacie.

On trouvera d'autres listes de Dénominations communes internationales proposées (1–117) et recommandées (1–78) dans la *Liste récapitulative No. 17, 2017* (disponible sur CD-ROM seulement). Les mentions indiquant les propriétés et les indications des substances sont fondées sur les renseignements communiqués par le fabricant. **Elles ne visent qu'à donner une idée de l'utilisation potentielle des nouvelles substances au moment où elles sont l'objet de propositions de DCI.** L'OMS n'est pas en mesure de confirmer ces déclarations ni de faire de commentaires sur l'efficacité du mode d'action ainsi décrit. En raison de leur caractère provisoire, ces informations **ne figureront pas dans les listes récapitulatives de DCI.**

Denominaciones Comunes Internacionales para las Sustancias Farmacéuticas (DCI)

De conformidad con lo que dispone el párrafo 3 del "Procedimiento de Selección de Denominaciones Comunes Internacionales Recomendadas para las Sustancias Farmacéuticas", se comunica por el presente anuncio que las denominaciones detalladas en las páginas siguientes están sometidas a estudio por la Organización Mundial de La Salud

como Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas. La inclusión de una denominación en las listas de las DCI Propuestas no supone recomendación alguna en favor del empleo de la sustancia respectiva en medicina o en farmacia.

Las listas de Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (1–117) y Recomendadas (1–78) se encuentran reunidas en *Cumulative List No. 17, 2017* (disponible sólo en CD-ROM). Las indicaciones sobre acción y uso que aparecen se basan principalmente en la información facilitada por los fabricantes. **Esta información tiene por objeto dar una idea únicamente de las posibilidades de aplicación de las nuevas sustancias a las que se asigna una DCI Propuesta.** La OMS no está facultada para respaldar esas indicaciones ni para formular comentarios sobre la eficacia de la acción que se atribuye al producto. Debido a su carácter provisional, esos datos descriptivos **no deben incluirse en las listas recapitulativas de DCI.**

Proposed International Nonproprietary Names: List 122

Comments on, or formal objections to, the proposed names may be forwarded by any person to the INN Programme of the World Health Organization within four months of the date of their publication in *WHO Drug Information*, i.e., for **List 122 Proposed INN not later than 19 May 2020.**

Publication date: 20/01/2020

Dénominations communes internationales proposées: Liste 122

Des observations ou des objections formelles à l'égard des dénominations proposées peuvent être adressées par toute personne au Programme des Dénominations communes internationales de l'Organisation mondiale de la Santé dans un délai de quatre mois à compter de la date de leur publication dans *WHO Drug Information*, c'est à dire pour la **Liste 122 de DCI Proposées le 19 mai 2020 au plus tard.**

Date de publication : 20/01/2020

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas: Lista 121

Cualquier persona puede dirigir observaciones u objeciones respecto de las denominaciones propuestas, al Programa de Denominaciones Comunes Internacionales de la Organización Mundial de la Salud, en un plazo de cuatro meses, contados desde la fecha de su publicación en *WHO Drug Information*, es decir, para la **Lista 122 de DCI Propuestas el 19 de mayo de 2020 a más tardar.**

Fecha de publicación: 20/01/2020

<i>Proposed INN</i> (Latin, English, French, Spanish)	<i>Chemical name or description: Action and use: Molecular formula</i> <i>Chemical Abstracts Service (CAS) registry number: Graphic formula</i>
<i>DCI Proposée</i>	<i>Nom chimique ou description: Propriétés et indications: Formule brute : Numéro dans le registre du CAS: Formule développée</i>
<i>DCI Propuesta</i>	<i>Nombre químico o descripción: Acción y uso: Fórmula molecular</i> <i>Número de registro del CAS: Fórmula desarrollada</i>

acidum aligomanuxicum
aligomanuxic acid

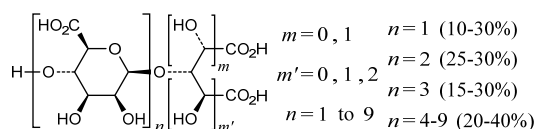
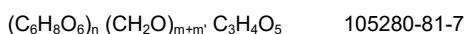
O-[oligo-(1→4)-β-D-mannopyranuronan-β-*osyl*](1→3)-D-mannaric, -(1→2)-D-arabinaric, -(1→3)-D-arabinaric, (1→2)-D-erythruric, -(1→2)-D-threauric, and -(1→2)-glyceraric acids, produced from alginates of brown seaweeds by acid-catalysed partial hydrolysis, isolation of oligomannuronans and oxidation of the reducing end group
inhibitor of amyloid fibril deposition

acide aligomanuxique

acides O-[oligo-(1→4)-β-D-mannopyranuronan-β-osyl]-
(1→3)-D-mannarique, -(1→2)-D-arabinarique, -(1→3)-
D-arabinarique, (1→2)-D-érythrarique, -(1→2)-D-
thréarique, et -(1→2)-glycérarique, produits à partir
d'algues brunes par hydrolyse partielle par catalyse
acide, isolation des oligomannuronanes et oxydation
du groupe réducteur terminal
inhibiteur du dépôt de fibrilles amyloïdes

ácido aligomanúxico

ácidos O-[oligo-(1→4)-β-D-manopirauronan-β-osil]-
(1→3)-D-manárico, -(1→2)-D-arabinárico, -(1→3)-D-
arabinárico, (1→2)-D-eritrárico, -(1→2)-D-treárico, y -
(1→2)-glicerárico, producido a partir de algas pardas
por hidrólisis parcialmente por catálisis ácida,
aislamiento de los oligomanuronanos y oxidación del
grupo reductor terminal
inhibidor del depósito de fibrillas de amiloides



acidum norucholicum
norucholic acid

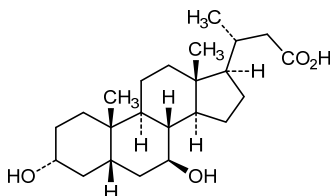
3α,7β-dihydroxy-24-nor-5β-cholan-23-oic acid
semisynthetic bile acid, antifibrotic

acide norucholique

acide 3α,7β-dihydroxy-24-nor-5β-cholan-23-oïque
acide biliaire semisynthétique, antifibrotique

ácido norucólico

ácido 3α,7β-dihidroxi-24-nor-5β-colan-23-oico
ácido biliar semisintético, antifibrótico



acoramidisum
acoramidis

3-[3-(3,5-dimethyl-1H-pyrazol-4-yl)propoxy]-4-
fluorobenzoic acid
inhibitor of amyloid fibril deposition

acoramidis

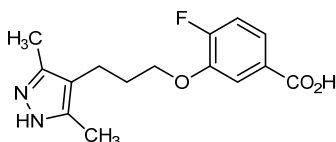
acide 3-[3-(3,5-diméthyl-1H-pyrazol-4-yl)propoxy]-4-
fluorobenzoïque
inhibiteur du dépôt de fibrilles amyloïdes

acoramidis

ácido 3-[3-(3,5-dimetil-1H-pirazol-4-il)propoxi]-4-fluorobenzoico
inhibidor del depósito de fibrillas de amiloides

C₁₅H₁₇FN₂O₃

1446711-81-4



adebrelimabum #

adebrelimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD274 (programmed death ligand 1, PDL1, PD-L1, B7 homolog 1, B7H1)], monoclonal antibody;
 gamma4 heavy chain (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) - *Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (120-217), hinge 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 F1.3>A (233), L1.2>A (234) (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-446)], (133-218')-disulfide with kappa light chain (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV3-5*01 (84.8%) -IGKJ2*03 (90.9%)/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (68.3%) -IGKJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')];
 dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

adébrélimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligand 1 de mort programmée, PDL1, PD-L1, homologue 1 de B7, B7H1)], anticorps monoclonal;
 chaîne lourde gamma4 (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) - *Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (120-217), charnière 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 F1.3>A (233), L1.2>A (234) (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-446)], (133-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV3-5*01 (84.8%) -IGKJ2*03 (90.9%)/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (68.3%) -IGKJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')];
 dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

adebrelimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligando 1 de muerte programada, PDL1, PD-L1, homólogo 1 de B7, B7H1)], anticuerpo monoclonal;

cadena pesada gamma4 (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) - *Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (120-217), bisagra 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 F1.3>A (233), L1.2>A (234) (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-446)], (133-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV3-5*01 (84.8%) - IGKJ2*03 (90.9%)/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (68.3%) -IGKJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2247114-85-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada			
QVQLVQSGAE	VKKPGASVKV	SKASGYTFT	SYWMHWVRQA PGQGLEWMGR 50
IGPNSGFTSY	NEKFKNRVTM	TRDTSTSTVY	MELSSLRSED TAVYYCARGG 100
SSYDYFDYWG	QGTITVTSSA	STKGPSVFP	LAPCSRSTSES TAALGCLVKD 150
YFPEPVTYSW	NSGALTSGVH	TFFAVLQSSG	LYSLSSVVTV PSSSLGKTY 200
TCNVDRKPSN	TKVDRKVESK	YGPCCPPCPA	PEAAGGPSVF LFPPKPKDTL 250
MISRTPEVTC	VVVDVSQEDP	EVQFNWYVDG	VEVHNAKTKP REEQFNSTYR 300
VVSIVTLVHQ	DWLNGKEYKC	KVSNKGLPSS	IEKTISKAKG QPREPQVYTL 350
PPSQEEMTKN	QVSLTCLVKG	FYPDSIAVEW	ESNGQPENNY KTTTPVPLDSD 400
GSFFLYISRLT	VDKSRWQEGN	VFSCSVMHAE	LHNHYTQKSL SLSLGK 446
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera			
DIVLTQSPAS	LAVSPGQRAT	ITCRASESVS	IHGTHLMHWY QKPKGPFPKL 50
LIYAASNLSE	GVPARFSGSG	SGTDFTLTIN	PVEAEDTANY YCQQSFEDPL 100
TFGGQGTLEI	KRTVAAPSVF	IFPPSDEQLK	SGTASVVCLL NNFPYREAKV 150
QWKVDNALQS	GNSQESVTEQ	DSKDDSTYSL	STLTLSKADY EKHKRVACEV 200
THQGLSSPVT	KSFNRGEC		218
Post-translational modifications			
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro			
Intra-H (C23-C104)	22-96	146-202	260-320 366-424
	22"-96"	146"-202"	260"-320" 366"-424"
Intra-L (C23-C104)	23'-92"	138'-198"	
	23"-92"	138"-198"	
Inter-H-L (CH1 10-CL 126)		133'-218"	133"-218"
Inter-H-H (h 8, h 11)		225'-225"	228'-228"
N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutaminyl (pE, 5-oxoprolyl)			
H VH Q1:			
I, I"			
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación			
H CH2 N84.4:			
296, 296"			
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados			

afamitresgenum autoleucelum #
afamitresgene autoleucel

Autologous CD4+ and CD8+ T cells obtained by leukapheresis, transduced with an HIV-derived self-inactivating (SIN) lentiviral vector, encoding an enhanced-affinity T cell receptor (TCR) specific for the human melanoma antigen A4 (MAGE family member A4, antigen MAGE A4) HLA-A*02 peptide driven by the elongation factor 1 alpha (EF1α) promoter. Cells express lymphonode-homing markers CCR7 and CD62L, CD45 isoforms CD45RA and CD45R0, co-stimulatory markers CD27 and CD28, IL-7 receptor CD127, and chemokine receptor CXCR3. Cells secrete interleukin 2 (IL-2), tumor necrosis factor (TNF-alpha, TNFα), interferon gamma (interferon γ, IFN-gamma), granzyme, interleukin 4 (IL-4), interleukin 13 (IL-13) and interleukin 17 (IL-17) upon activation.
genetically modified cell (antineoplastic)

afamitresgène autoleucel

Lymphocytes T CD4+ et CD8+ autologues obtenus par leucophérèse, transduits par un vecteur lentiviral auto-inactif (SIN), dérivé du virus de l'immunodéficience humaine (VIH), codant pour un récepteur de lymphocytes T (TCR) à affinité augmentée spécifique du peptide HLA-A*02 de l'antigène du mélanome humain A4 (membre A4 de la famille MAGE, antigène MAGE-4), sous le contrôle d'un promoteur du facteur d'élongation alpha 1 (EF1α). Les cellules expriment les marqueurs de migration des ganglions lymphatiques CCR7 et CD62L, les isoformes CD45RA and CD45R0 du CD45, les marqueurs co-stimulateurs CD27 et CD28, le récepteur CD127 de l'interleukine 7 (IL-7) et les récepteurs de chimiokines CXCR3. Les cellules sécrètent de l'interleukine 2 (IL-2), facteur de nécrose tumorale (TNF-alpha, TNFα), interféron gamma (interféron γ, IFN-gamma), granzyme, interleukine 4 (IL-4), interleukine 13 (IL-13) et l'interleukine 17 (IL-17) au moment de leur activation.
cellule génétiquement modifiée (antineoplasique)

afamitresgén autoleucel

Linfocitos T CD4+ y CD8+ autólogos obtenidos por leucoaféresis, transducidos con un vector lentiviral auto inactivante derivado del HIV, que codifica para un receptor de linfocitos T (TCR) con afinidad aumentada, específico para el péptido del antígeno de melanoma humano A4 (MAGE A4) presentado por HLA-A*02, dirigido por un promotor del factor de elongación 1 alfa (EF1α). Las células expresan los marcadores de migración a ganglios linfáticos CCR7 y CD62L, las isoformas CD45RA y CD45R0 de CD45, los marcadores coestimuladores CD27 y CD28, el receptor de IL-7 CD127, y el receptor de quimoquinas CXCR3. Las células secretan interleukina 2 (IL-2), factor de necrosis tumoral (TNF-alfa, TNFα), interferón gamma (interferón γ, IFN-gamma), granzima, interleukina 4 (IL-4), interleukina 13 (IL-13) e interleukina 17 (IL-17) tras su activación.
célula genéticamente modificada (antineoplásico)

alsevalimabum #

alsevalimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* VTCN1 (V-set domain containing T cell activation inhibitor 1, B7-H4, B7H4)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-39*01 (96.0%) -(IGHD) -IGHJ5*02 (93.8%)) CDR-IMGT [10.7.12] (26-35.53-59.98-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO-FUT8^{-/-}) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

alsévalimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* VTCN1 (inhibiteur 1 de l'activation des cellules T contenant un V-set domain, B7-H4, B7H4)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;

alsevalimab

chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-39*01 (96.0%) -(IGHD) - IGHJ5*02 (93.8%)) CDR-IMGT [10.7.12] (26-35.53-59.98-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (96.8%) - IGKJ4*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO-FUT8^{-/-}), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* VTCN1 (inhibidor 1 de la activación de las células T que contiene un dominio V-set, B7-H4, B7H4)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-39*01 (96.0%) -(IGHD) - IGHJ5*02 (93.8%)) CDR-IMGT [10.7.12] (26-35.53-59.98-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (96.8%) - IGKJ4*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO-FUT8^{-/-}), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2254029-91-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QLQLQSGSPG LVKPSSETLSL TCTVSGSGSIK SGSYYWGWR QPPGKGLEWI 50
GNIYYSGSTY YNPSLRSRVT ISVDTSKNQF SLKLSSTVTA DTAVVYCARE 100
GSYPNQFDPW GGQTLVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTALAGCLVK 150
DYFPEFVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNKKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTKCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTF EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VHLQDMLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSRDE LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTPPPV 400
LDSGDSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

EIVMTQSPAT LSVSPGERAT LSCRASQSVS SNLAWYQQK QAPRLLIYG 50
ASTRATGIPA RFGSGSGSTE FTLTISLQSS EDFAVVYCQ YHSFPPTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNEY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-97 147-203 264-324 370-428
22"-97" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134'-194'
23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214' 223"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300"

Afucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycans de type CHO bi-antennaires
complexes afucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos afucosilados

C-terminal lysine clipping

H CHS K2:

450, 450"

amcenestrantum

amcenestrant

8-(2,4-dichlorophenyl)-9-(4-[[[(3S)-1-(3-fluoropropyl)pyrrolidin-3-yl]oxy]phenyl]-6,7-dihydro-5H-benzo[7]annulene-3-carboxylic acid
antiestrogen

amcénestrant

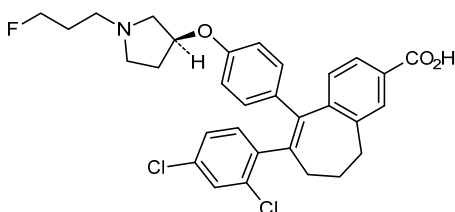
acide 8-(2,4-dichlorophényl)-9-(4-[[[(3S)-1-(3-fluoropropyl)pyrrolidin-3-yl]oxy]phényl]-6,7-dihydro-5H-benzo[7]annulène-3-carboxylique
antioestrogène

amcenestrant

ácido 8-(2,4-diclorofenil)-9-(4-[[[(3S)-1-(3-fluoropropil)pirrolidin-3-il]oxi]fenil]-6,7-dihidro-5H-benzo[7]anuleno-3-carboxílico
antiestrógeno

C₃₁H₃₀Cl₂FNO₃

2114339-57-8

**amdakefalinum**

amdakefalin

[6-(D-phenylalanyl-D-phenylalanyl-D-leucyl-D-lysyl)-3,6-diazabicyclo[3.1.1]heptan-3-yl]acetic acid
μ and δ opioid receptors agonist, analgesic

amdakéfaline

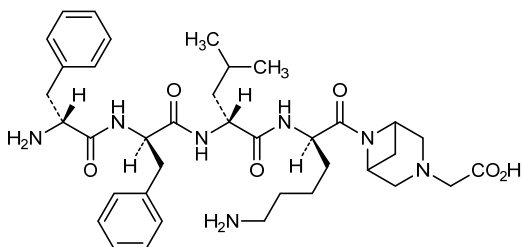
acide [6-(D-phénylalanyl-D-phénylalanyl-D-leucyl-D-lysyl)-3,6-diazabicyclo[3.1.1]heptan-3-yl]acétique
agoniste des récepteurs opioïdes μ et δ, analgésique

amdakefalina

ácido [6-(D-fenilalanil-D-fenilalanil-D-leucil-D-lisil)-3,6-diazabicyclo[3.1.1]heptan-3-il]acético
agonista de los receptores opioïdes μ y δ, analgésico

C₃₇H₅₃N₇O₆

2253747-71-4

**aramisulpridum**

aramisulpride

4-amino-5-(ethanesulfonyl)-N-[[[(2R)-1-ethylpyrrolidin-2-yl]methyl]-2-methoxybenzamide
dopamine D₂ and serotonin receptors antagonist

aramisulpride

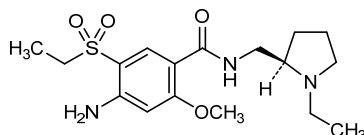
4-amino-5-(éthanesulfonyl)-N-[[[(2*R*)-1-éthylpyrrolidin-2-yl]méthyl]-2-méthoxybenzamide
antagoniste des récepteurs dopaminergiques D₂ et sérotoninergiques

aramisulprida

4-amino-5-(etanosulfonyl)-N-[[[(2*R*)-1-etilpirrolidin-2-il]metil]-2-metoxibenzamida
antagonista de los receptores D₂ de la dopamina y de los receptores de la serotonina

C₁₇H₂₇N₃O₄S

71675-90-6

**autogenum cevumeranum #**

autogene cevumeran

A 5'-capped single-stranded messenger RNA (mRNA) construct for the expression of patient-specific tumour neoantigens comprising a 5'-cap, a 5'-untranslated region derived from human alpha-globin mRNA, an optimised Kozak sequence, sequences encoding a secretory signal peptide (sec_{2.0}), transmembrane and cytoplasmic domains of a major histocompatibility complex (MHC) Class I molecule (MITD), a 3'-untranslated region (FI) and a poly(A)-tail; sequences encoding patient specific antigens are inserted between the secretory signal peptide and the transmembrane/cytoplasmic encoding domains.
immunological agent for active immunization (antineoplastic)

autogène cévumérán

ARN messenger (ARNm) de simple brin coiffé en 5' construit pour l'expression de néoantigènes tumoraux spécifiques du patient comprenant une coiffe en 5', une région en 5' non-traduite dérivée de l'ARNm de la globine alpha humaine, une séquence optimisée Kozak, et les séquences codant pour un peptide signal (sec_{2.0}), les domaines transmembranaire et cytoplasmique du complexe majeur d'histocompatibilité de groupe I (CMH1) (MITD), une région non traduite en 3' (FI) et une queue poly(A) ; Les séquences codant les antigènes spécifiques du patient sont insérées entre celles codant le peptide signal et les domaines transmembranaire et cytoplasmique.
agent immunologique d'immunisation active (antineoplasique)

autogén cevumerán

Un constructo de RNA mensajero (mRNA) de cadena sencilla y caperuza en 5', para la expresión de neoantígenos tumorales específicos de cada paciente, que contiene una caperuza 5' (5'-cap), una región 5' no traducida derivada del mRNA de la globina alfa humana, una secuencia optimizada Kozak, y las secuencias codificantes para el péptido señal (sec_{2.0}), los dominios transmembrana y citoplásmico de complejo mayor de histocompatibilidad de grupo I (CMH1) (MITD), una región no traducida en 3' (FI) y una cola poly(A); las secuencias que codifican los antígenos específicos del paciente se insertan entre las del péptido señal y de los dominios transmembrana y citoplásmico.
agente inmunológico para inmunización activa (antineoplásico)

2365453-34-3

Sequence / Séquence / Secuencia		
GGGGCGAACU	AGUAUUCUUC	UGGUCCCCAC
AGACUCAGAG	AGAACCCGCC	50
ACCAUGAGAG	UGAUGGCCCC	CAGAACCCUG
AUCCUGCUGC	UGUCUGGCGC	100
CCUGGCCUG	ACAGAGACAU	GGGCCGGAAG
CNAUCGUGGG	AAUUGUGGCA	150
GGACUGGCAG	UGCUGGCGGU	GGUGGUGAUC
GGAGCCGUGG	UGGCUACCGU	200
GAUGUGCAGA	CGGAAGUCCA	GCGGAGGCAA
GGGCGGCAGC	UACAGCCAGG	250
CCGCCAGCUC	UGAUAGCGCC	CAGGGCAGCG
ACUGUGUACU	GACAGCCUAG	300
UAAUCUGAGC	UGGUAUCGCA	UGCACGCAAU
GCUAGCUGCC	CCUUUCCCGU	350
CCUGGGUACC	CCGAGUCUCC	CCCAGCCUCC
GGUCCAGGU	AUGCUCAC	400
CUCCACCUGC	CCCACUCACC	ACCUCUGCUA
GUUCCAGACA	CCUCCCAAGC	450
ACGCAGCAAU	GCAGCUCAAA	ACGCUUAGCC
UAGCCACACC	CCCACGGGAA	500
ACAGCAGUGA	UUAACCUUUA	GCAAUAAACG
AAAGUUUAAC	UAAAGCUUAC	550
UAAACCCAGG	GUUGGUCAAU	UUCGUGCCAG
CCACACCGAG	ACCUGGUCCA	600
GAGUCGCUAG	CCGCGUCGCU	AAAAAAAAAA
AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA
AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA
AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA
AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	700
AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	740

Feature		Position
Capping structure :	phosphorothioate stabilized cap analogue	1-2
hAG-Kozak :	human α -globin - Kozak region	3-53
sec _{2.0} :	secretion signal sequence	54-131
N :	indicates location of insertion of patient-specific sequences	132
MITD :	transmembrane and cytoplasmic domains of MHC class I molecule	133-303
FI :	sequence element derived of the amino terminal enhancer of split RNA (F) and from the mitochondrially encoded 12S RNA (I)	304-620
A120 :	poly(A) tail of 120 nucleotides	621-740

azemiglitazonum
azemiglitazone

rac-(5*R*)-5-({4-[2-(3-methoxyphenyl)-2-oxoethoxy]phenyl)methyl}-1,3-thiazolidine-2,4-dione
metabolic disorders

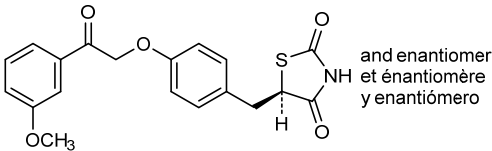
azémiglitazone

rac-(5*R*)-5-({4-[2-(3-méthoxyphényl)-2-oxoéthoxy]phényl)méthyl}-1,3-thiazolidine-2,4-dione
désordres métaboliques

azemiglitazona

rac-(5*R*)-5-({4-[2-(3-metoxifenil)-2-oxoetoxi]fenil)metil}-1,3-tiazolidina-2,4-diona
trastornos metabólicos

C₁₉H₁₇NO₅S 1133819-87-0



belzupacapum sarotalocanum #
belzupacap sarotalocan

a modified human papillomavirus (HPV) type 16-derived empty nanoparticle, 55 nm in diameter conjugated to approximately 200 molecules of a phthalocyanine-based photosensitizer (*sarotalocan* group). Each nanoparticle is comprised of 72 capsomeres, made of 5 molecules of modified viral capsid protein L1 [P⁷⁸>R, T¹⁷⁶>N, D²⁷³>T, N²⁸⁵>T, S²⁸⁶>N, T³⁵³>P, T³⁸⁹>S] and one molecule of viral capsid protein L2;

	human papilloma virus type 16 (HPV16) capsid, a spherical shell of 72 self-assembling pentagonal (L1)₅(L2)₁ capsomere units comprising the recombinant viral capsid proteins L1 ([P⁷⁸>R, T¹⁷⁶>N, D²⁷³>T, N²⁸⁵>T, S²⁸⁸>N, T³⁵³>P, T³⁸⁹>S]-modified) and L2, conjugated to approximately 200 <i>sarotalocan</i> groups (near infrared absorbing dye) at N⁶ of lysine residues; produced by human embryonic kidney 293 (HEK293) cells <i>antineoplastic</i>
belzupacap sarotalocan	nanoparticle vide dérivée du virus du papillomavirus humain 16 (HPV) modifié, 55nm de diamètre, conjuguée à approximativement 200 molécules d'un photosensibilisant à base de phthalocyanine (groupe <i>sarotalocan</i>). Chaque particule est composée de 72 capsomères, faits de 5 molécules de protéine de capside virale L1 modifiée [P⁷⁸>R, T¹⁷⁶>N, D²⁷³>T, N²⁸⁵>T, S²⁸⁸>N, T³⁵³>P, T³⁸⁹>S] et d'une molécule de protéine de capside virale L2; capside du virus du papillomavirus humain 16 (HPV16), une coquille sphérique de 72 unités de capsomère pentagonal (L1)₅(L2)₁, s'auto-assemblant comprenant les protéines recombinantes de capside virale L1 ([P⁷⁸>R, T¹⁷⁶>N, D²⁷³>T, N²⁸⁵>T, S²⁸⁸>N, T³⁵³>P, T³⁸⁹>S]-modifiée) et L2, conjuguées à environ 200 groupes <i>sarotalocan</i> (colorant absorbant les proches infra-rouges) en N⁶ des résidus lysine ; produite par des cellules rénales embryonnaires humaines (HEK293) <i>antineoplasique</i>
belzupacap sarotalocán	nanopartícula vacía derivada del virus del papilomavirus humano 16 (HPV) modificado, 55nm de diámetro, conjugado con aproximadamente 200 moléculas de un fotosensibilizante a base de ftalocianina (grupo <i>sarotalocán</i>). Cada partícula se compone de 72 capsómeros, hechos de 5 moléculas de proteína de cápside viral L1 modificada [P⁷⁸>R, T¹⁷⁶>N, D²⁷³>T, N²⁸⁵>T, S²⁸⁸>N, T³⁵³>P, T³⁸⁹>S] y de una molécula de proteína de cápside viral L2; cápside del virus del papilomavirus humano 16 (HPV16), una cavidad esférica de 72 unidades de capsómero pentagonal (L1)₅(L2)₁ que se autoensamblan abarcando las proteínas recombinantes de cápside viral L1 ([P⁷⁸>R, T¹⁷⁶>N, D²⁷³>T, N²⁸⁵>T, S²⁸⁸>N, T³⁵³>P, T³⁸⁹>S]-modificada) y L2, conjugadas aproximadamente a 200 grupos <i>sarotalocán</i> (colorante absorbente infrarrojo cercano) en N⁶ de los residuos de lisina ; producido por las células renales embrionarias humanas (HEK293) <i>antineoplásico</i>

2390462-37-8

Sequence / Séquence / Secuencia

major capsid protein L1:

MSLMLSPSEAT	LVPVLPPVPVSK	VVSTDEYVAR	NTKIFYHAGTS	RLNAPGHYPF	50
PKPIKNNKNI	LVPVKSVGLQV	RVFRRIHLRD	KNGFPPDTSF	YPTQQLRVLW	100
ACGVGEVGLRG	QPLQGVGISGH	PLLNKLDDTE	NASGAAANAG	VNDNRCSIMD	150
YKQTQQLCGIC	CKPIEGWIEH	KSCPCNNVAV	NDPDCPEEL	INTIQDQGDG	200
VDTQGFAMDF	TTLQAKNGEV	PLDICTISCT	GYDTIKMVSE	PYGDLSFFYL	250
RRQEQFVRHL	FTLRQAVGVN	VPTDLIYKGS	SPSTATLANS	YVTPPSSGMS	300
TSDAQIFNPK	WYLQRAQGHN	KLQICWGNQLF	VTPVDTTSTR	NMSLCAAIAT	350
SEPTKIMKNG	KYLGRHGEY	DLQIFVGLQV	HTTPADKIKV	HSNMSTNTE	400
QKQKQKQKQ	QKQKQKQKQ	QKQKQKQKQ	QKQKQKQKQ	QKQKQKQKQ	450
LEKESADLID	QFPLGRKFLF	QAGLKAKPKF	TLGKRKATPT	TSSTSTAKR	500
KKKKL					505

cyclic pentamer (175-428', 175'-428'', 175''-428''', 175'''-428'''', 175''''-428''''-disulfide, with further intermolecular disulfide bridges of unknown position linking the 72 pentamers together

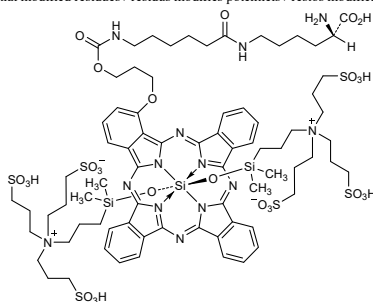
minor capsid protein L2:

HRKKKAGGLG	KRASATQYTK	CKXGATGCTP	DIIPKVEGT	PAEQILQVGS	50
MWVFFGGLG	KGSTGQGLTK	GXYPLGTRTP	TATTLALAVR	IAELTQVGS	100
SDTSIVSLVE	ETSFIDAVAG	TSVSPIDPV	SFGSITSTD	TPAAILDNN	150
TVTVTVTHNN	FTFDPIDVAP	PTPAAETGTP	FLSSSTISD	HNVEEIPMDT	200
TVYDNPNTV	TSVSTIPGSR	PVARLGLYTR	TPQKRVVND	AFVLTPTKLI	250
FIVNTPAYGI	DDNNTLPSL	NNSINIAPD	PDFDLVALH	REALTRSRGT	300
ITRSHAQPT	TLTRSGSKSI	GAHVHYDDL	STPDAEIE	LCQITPTSTY	350
TVYRISNPS	INNGLYDIYA	DKFTDTSTP	SVSPVSTSL	SGYIPANTSI	400
PGFGAYNPI	VSGPDIPINI	TDQAPSLPI	VGSPQYNTI	ADAGDFYIHP	450
SYMLLRKRL	RLRYEFDSSV	LAA			473

intramolecular disulfide bridge: 22-28

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación
None / aucune / ninguna

Potential modified residues / résidus modifiés potentiels / restos modificados potenciales



belzutifanum
belzutifan

3-[[[(1S,2S,3R)-2,3-difluoro-1-hydroxy-7-(methanesulfonyl)-2,3-dihydro-1*H*-inden-4-yl]oxy]-5-fluorobenzonitrile
hypoxia-inducible factor (HIF) inhibitor

belzutifan

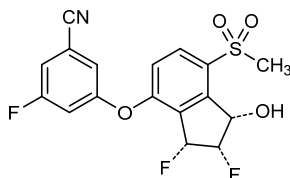
3-[[[(1S,2S,3R)-2,3-difluoro-1-hydroxy-7-(méthanesulfonyl)-2,3-dihydro-1H-indèn-4-yl]oxy]-5-fluorobenzonitrile
inhibiteur de facteur induit par l'hypoxie (HIF)

belzutifán

3-[[[(1S,2S,3R)-2,3-difluoro-1-hidroxi-7-(metanosulfonil)-2,3-dihidro-1*H*-indén-4-il]oxi]-5-fluorobenzonitrilo
inhibidor de factor inducible por hipoxia (HIF)

C₁₇H₁₂F₃NO₄S

1672668-24-4



bepranemabum #
bepranemab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MAPT (microtubule-associated protein tau, tau)], humanized monoclonal antibody; gamma4 heavy chain humanized (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*08 (83.5%) -IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%)] CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (119-216), hinge 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-219')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-29*02 (90.0%) -IGKJ2*01 (100%)] CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (224-224":227-227")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
tau protein inhibitor

bépranéma

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MAPT (protéine tau associée aux microtubules, tau)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma4 humanisée (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*08 (83.5%) -IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%)] CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (119-216), charnière 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-29*02 (90.0%) -IGKJ2*01 (100%)] CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (224-224":227-227")-bisdisulfure, produite dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
inhibiteur de la protéine tau

bepranemab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MAPT (proteína tau asociada a los microtúbulos, tau)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma4 humanizada (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*08 (83.5%) -IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%)] CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (119-216), bisagra 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-29*02 (90.0%) -IGKJ2*01 (100%)] CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (224-224":227-227")-bisdisulfuro, producida por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
inhibidor de la proteína tau

2244960-75-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLQESGPG LVKPSSETLSL TCTVSGFSLT SNDIAWIRQP PGKGLEWMGT 50
IWTGDSNTYN TAVQSRVTIS VDTSKNQFSL KLSVSTAADT AVYYCARHRL 100
YYGAFDYWGQ GTMTVTVSSAS TKGPSVFPLA PCSRSTSEST AALGCLVKDY 150
FPEPVTWSWN SGALTVSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGKTITYT 200
CNVDHKPSNT KVDKRVESKY GPPCPFCFAP EFLGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
ISRTPEVTCV VVDVSQEDPE VQFNWYVDGV EVHNAKTKER EEQFNSTYRV 300
VSVLTVLHQD NLNGKEYKCK VSNKGLPSSI EKTISKAKGQ PREPQVYTLF 350
PSQEEMTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQFENNYK TTPPVLDSDG 400
SFFLYSRITV DKSRWQEGNV FSCSVMEAL HHNYTQSRSL LSLGK 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVMTQTPLS LSVTFGQPAS ISCRSSQSLE YSDGYTYLEW YLQKPGQSPQ 50
LLIYEVSNNF SGVPDRFSGS GSGDTFTLKI SRVEAEDVGV YYCFQATHNP 100
YTFGQGTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVCL LNIFYPREAK 150
VQWFKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKSTYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC 219

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-95 145-201 259-319 365-423
22"-95" 145"-201" 259"-319" 365"-423"
Intra-L (C23-C104) 23"-93" 139"-199"
23"-93"" 139""-199""
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 132-219 132"-219"
Inter-H-H (h 8, h 11) 224-224" 227-227"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2 N84.4:
295, 295"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

bersacapavirum
bersacapavir

N-(3-cyano-4-fluorophenyl)-1-methyl-4-[[[(2*S*)-1,1,1-trifluoropropan-2-yl]sulfamoyl]-1*H*-pyrrole-2-carboxamide
antiviral

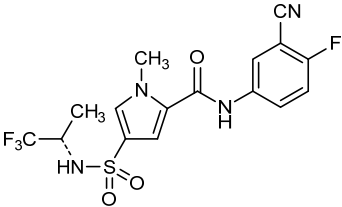
bersacapavir

N-(3-cyano-4-fluorophényl)-1-méthyl-4-[[[(2*S*)-1,1,1-trifluoropropan-2-yl]sulfamoyl]-1*H*-pyrrole-2-carboxamide
antiviral

bersacapavir

N-(3-ciano-4-fluorofenil)-1-metil-4-[[[(2*S*)-1,1,1-trifluoropropan-2-il]sulfamoil]-1*H*-pirrolo-2-carboxamida
antiviral

C₁₆H₁₄F₄N₄O₃S 1638266-40-6



bexmarilimabum #
bexmarilimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* STAB1 (stabilin 1, STAB-1, CLEVER-1, FEEL-1, FELE-1, FEX1, SCARH2)], humanized monoclonal antibody; gamma4 heavy chain humanized (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-5*09 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [10.7.14] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v3 CH2 E1.2 (CH1 (123-220), hinge 1-12 S10>P (230)(221-232), CH2 L1.2>E (237) (233-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (123-449)], (136-215')-disulfide with kappa light chain humanized

	(1'-215') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-20*01 (80.2%) -IGKJ2*01 (100%)) [7.3.9] (1'-108') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
bexmarilimab	immunoglobuline G4-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> STAB1 (stabilin 1, STAB-1, CLEVER-1, FEEL-1, FELE-1, FEX1, SCARH2)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma4 humanisée (1-449) [VH (<i>Homo sapiens</i>IGHV2-5*09 (91.8%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) [10.7.14] (1-122) -<i>Homo sapiens</i> IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v3 CH2 E1.2 (CH1 (123-220), charnière 1-12 S10>P (230) (221-232), CH2 L1.2>E (237) (233-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (123-449)], (136-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-215') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-20*01 (80.2%) -IGKJ2*01 (100%)) [7.3.9] (1'-108') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
bexmarilimab	inmunoglobulina G4-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> STAB1 (stabilin 1, STAB-1, CLEVER-1, FEEL-1, FELE-1, FEX1, SCARH2)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma4 humanizada (1-449) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV2-5*09 (91.8%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) [10.7.14] (1-122) -<i>Homo sapiens</i> IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v3 CH2 E1.2 (CH1 (123-220), bisagra 1-12 S10>P (230) (221-232), CH2 L1.2>E (237) (233-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (123-449)], (136-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-215') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-20*01 (80.2%) -IGKJ2*01 (100%)) [7.3.9] (1'-108') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa <i>inmunomodulador, antineoplásico</i>

2259301-27-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada			
QVTLKESGPT	LVKPTQTTLT	TCSFSGFSL	TSGMGIGWIR QPPGKALEWL 50
AHIHWDDDKR	YNPALKSRIT	ISKDTSKNQV	VLTMTNMDPV DTATYYCARH 100
YGYDFYYAMD	YWGQCTLVTV	SSASTKGPSV	FPLAPCSRST SESTAALGCL 150
VKDYFPEPVT	VSWNSGALTS	GVHTFPAVLQ	SSGLYSLSSV VTVFSSSLGT 200
KTYTCNVDHK	FSNTKVDKRV	ESKYGFPCFP	CPAPEFGGPF SVFLFPFKPK 250
DTLMSRTPE	VTCVVVDVSQ	EDPEVQFNWY	VDGVEVHNAK TKPREGEFNS 300
TYRVVSVLTV	LHQDWLNGKE	YKCKVSNKGL	PSSIETKISK AKGQFREPQV 350
YTLPPSQEEM	TKNQVSLTCL	VKGFIYPSDIA	VEWESNGQPE NNYKTTFPVL 400
DSGDSFFFLYS	RLTVDKSRWQ	EGNVFSCSVM	HEALHNHYTQ KSLSLSLGK 449
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera			
EIVLTQSPGT	LSLSFGERAT	LSCTASSSVS	SSYLHWYQQK PGKAPKLLIY 50
RTSNLASGVP	SRFSGSGSGT	DYTLTISSLQ	PEDFATYYCH QYHRSPPTFG 100
QGTKLEIKRT	VAAPSVFIFP	PSDEQLKSGT	ASVCLLNLF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS	QESVTEQDSK	DSTYLSLSTL	TLISKADYERK KVIACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF	NRGEC		215
Post-translational modifications			
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro			
Intra-H (C23-C104)	22-97	149-205	263-323 369-427
	22"-97"	149"-205"	263"-323" 369"-427"
Intra-L (C23-C104)	23'-89'	135'-195'	
	23"-89"	135"-195"	
Inter-H-L (CH1 10-CL 126)	136-215'	136"-215"	
Inter-H-H (h 8, h 11)	228-228"	231-231"	
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación			
H CH2 N84.4:			
299, 299"			
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados			

bomedemstatum

bomedemstat

N-[(2*S*)-5-[[[(1*R*,2*S*)-2-(4-fluorophenyl)cyclopropyl]amino]-1-(4-methylpiperazin-1-yl)-1-oxopentan-2-yl]-4-(1*H*-1,2,3-triazol-1-yl)benzamide
lysine-specific histone demethylase 1 (LSD1) inhibitor, antineoplastic

bomédemstat

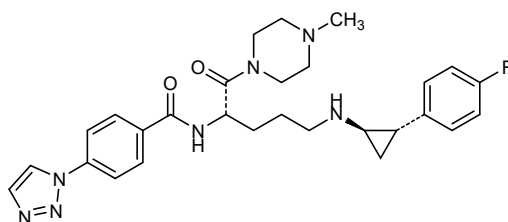
N-[(2*S*)-5-[[[(1*R*,2*S*)-2-(4-fluorophényl)cyclopropyl]amino]-1-(4-méthylpipérazin-1-yl)-1-oxopentan-2-yl]-4-(1*H*-1,2,3-triazol-1-yl)benzamide
inhibiteur de l'histone déméthylase-1 spécifique de la lysine (LSD1), antinéoplasique

bomedemstat

N-[(2*S*)-5-[[[(1*R*,2*S*)-2-(4-fluorofenil)ciclopropil]amino]-1-(4-metilpiperazin-1-il)-1-oxopentan-2-il]-4-(1*H*-1,2,3-triazol-1-il)benzamida
inhibidor de la histona demetilasa-1 específica de la lisina (LSD1), antineoplásico

C₂₈H₃₄FN₇O₂

1990504-34-1

**cevastamabum #**

cevastamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FCRL5 (Fc receptor like 5, FCRH5, IRTA2, BXMAS1, CD307e)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], monoclonal antibody, bispecific tetravalent; gamma1 heavy chain anti-FCRL5 (1-450) [VH (*Mus musculus*IGHV2-4*01 (77.1%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (90.9%)/*Homo sapiens*IGHV4-4*08 (72.9%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (85.7%)] CDR-IMGT [8.7.14] (26-33.51-57.96-109) (1-120) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, G1v30 CH2 G84.4, G1v32 CH3 W22 (CH1 R120>K (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 N84.4>G (300) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361), T22>W (369) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfide with kappa light chain anti-FCRL5 (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-16*01 (83.2%) -IGKJ1*01 (91.7%)] CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; gamma1 heavy chain anti-CD3 (1''-449'') [VH (*Homo sapiens*IGHV1-3*01 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)] CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1''-119'') -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, G1v30 CH2 G84.4, G1v33 S22, A24, V86 (CH1 R120>K (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 N84.4>G (299) (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360), T22>S (368), L24>A (370), Y86>V (409) (343-447), CHS (448-449)) (120''-449'')], (222''-219'')-disulfide with kappa light chain anti-CD3 (1'''-219''') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV4-1*01 (88.8%) -IGKJ1*01 (100%)] CDR-IMGT [12.3.8] (27-38.56-58.95-102) (1'''-112''') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'''-219''')]; dimer (229-228'':232-231'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells
immunomodulator, antineoplastic

cévestamab	immunoglobuline G1-kappa anti-[<i>Homo sapiens</i> FCRL5 (récepteur Fc like 5, FCRH5, IRTA2, BXMAS1, CD307e)] et anti-[<i>Homo sapiens</i> CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticorps monoclonal, bispécifique tétravalent; chaîne lourde gamma1 anti-FCRL5 (1-450) [VH (<i>Mus musculus</i> IGHV2-4*01 (77.1%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (90.9%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV4-4*08 (72.9%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (85.7%)) CDR-IMGT [8.7.14] (26-33.51-57.96-109) (1-120) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, G1v30 CH2 G84.4, G1v32 CH3 W22 (CH1 R120>K (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 N84.4>G (300) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361), T22>W (369) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-FCRL5 (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-16*01 (83.2%) -IGKJ1*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; chaîne lourde gamma1 anti-CD3 (1"-449") [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-3*01 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1"-119") -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, G1v30 CH2 G84.4, G1v33 S22, A24, V86 (CH1 R120>K (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 N84.4>G (299) (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360), T22>S (368), L24>A (370), Y86>V (409) (343-447), CHS (448-449)) (120"-449")], (222"-219'")-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-CD3 (1'"-219'") [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV4-1*01 (88.8%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [12.3.8] (27-38.56-58.95-102) (1'"-112'") -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'"-219'")]; dimère (229-228":232-231'")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
cevostamab	inmunoglobulina G1-kappa anti-[<i>Homo sapiens</i> FCRL5 (receptor Fc like 5, FCRH5, IRTA2, BXMAS1, CD307e)] y anti-[<i>Homo sapiens</i> CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticuerpo monoclonal, biespecifico tetraavalente; cadena pesada gamma1 anti-FCRL5 (1-450) [VH (<i>Mus musculus</i> IGHV2-4*01 (77.1%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (90.9%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV4-4*08 (72.9%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (85.7%)) CDR-IMGT [8.7.14] (26-33.51-57.96-109) (1-120) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, G1v30 CH2 G84.4, G1v32 CH3 W22 (CH1 R120>K (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 N84.4>G (300) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361), T22>W (369) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-FCRL5 (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-16*01 (83.2%) -IGKJ1*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; cadena pesada gamma1 anti-CD3 (1"-449") [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-3*01 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1"-119") -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, G1v30 CH2 G84.4, G1v33 S22, A24, V86 (CH1 R120>K (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 N84.4>G (299) (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360), T22>S (368), L24>A (370), Y86>V (409) (343-447), CHS (448-449)) (120"-449")], (222"-219'")-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-CD3 (1'"-219'") [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV4-1*01 (88.8%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [12.3.8] (27-38.56-58.95-102) (1'"-112'") -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'"-219'")]; dímero (229-228":232-231'")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO) <i>immunomodulador, antineoplásico</i>

2249888-53-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-FCRL5)	
EVQLVDSGPG LVPKSETLSL TCTVSGFSLT RFGVHWVRQP PGKGLEWLG	50
IWRGGSSTDTN AAFVSRLTIS KDNSKNQVSL KLSSTVTAADT AVYYCSNHYY	100
GSSDYALDNW GQGTLLTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK	150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT	200
YICNVNHPKS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP	250
KDTLMISRTPT EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYG	300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ	350
VYTLPPSREE MTKNQVSLWC LVKGFYPSDI AVESWNSGQP ENNYKTTTPV	400
LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW QGNVFVSCSV MHEALNHYT QKSLSLSPGK	450
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-FCRL5)	
DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCKASQDVR NLVWVWQQKP GKAPKLLIYS	50
GSYRYSQVPS RFGSGSGSDT FTLTISLQP EDFATYYCQQ HYSPPYTFGQ	100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV	150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYEHKH VYACEVTHQG	200
LSSPVTKSFN RGE	214
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-CD3)	
EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGFTFT SYIIHWVRQA PGQGLEWIGW	50
IYPENDNTKY NEKFKDRTVI TADTSTSTAY LELSLRSED TAVYYCARDG	100
YSRYFYDYWG QGTLLTVSSA STKGPSVFP APSSKSTSG TAALGCLVKD	150
YFPEPVTVSV NSGALTSGVH TFPVLQSSG LYSLSVSVTV PSSSLGTQTY	200
ICNVNHPKSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK	250
DTLMISRTPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYGS	300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIETKISK AKGQPREPQV	350
YTLPPSREEM TKNQVSLSCA VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL	400
DSGDSFFLV LKLTVDKSRWQ QGNVFVSCSV MHEALNHYTQ KSLSLSPGK	449
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-CD3)	
DIVMTQSPDS LAVSLGERAT INCKSSQSL NRTRKNYLA WYQQKPGQSP	50
KLLIYWTSTR KSGVPRFSG SSGSDTFTL ISSLQAEDVA VYCKQSFIL	100
RTFGQGTQVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVCL LNIFYPREAK	150
VQWKVDNALQ SGNQSQSVTE QDSKDSSTYL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE	200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC	219
Post-translational modifications	
Intra-H (C23-C104) 22°-95' 147°-203' 264°-324' 370°-428'	
22°-96' 146°-202' 263°-323' 369°-427'	
Intra-L (C23-C104) 23°-88' 134°-194'	
23°-94' 139°-199'	
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223°-214' 222°-219"	
Inter-H-H (h 11, h 14) 229°-228" 232°-231"	
No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación:	
H CH2 N84.4-G:	
300, 299"	

ciltacabtagen^{um} autoleucel^{um} #
ciltacabtagene autoleucel

autologous peripheral blood mononuclear cell (PBMC)-derived T lymphocytes transduced *ex vivo* with a non-replicating, self-inactivating (SIN) lentiviral vector encoding a chimeric antigen receptor (CAR) targeting two epitopes of the human B cell maturation antigen (BCMA) under the control of a human elongation factor 1 alpha (EF1α) promoter

The coding sequence comprises a human CD8 alpha signal peptide (CD8α SP), a BCMA targeting domain consisting of two variable heavy chain-only antibodies (VHH1 and VHH2) targeting two distinct BCMA epitopes, a human CD8 alpha hinge and transmembrane domain (CD8α hinge + TM), a human CD137 cytoplasmic domain (4-1BB) and a human CD3 zeta cytoplasmic domain (CD3ζ).

The vector genome contains a chimeric Rous sarcoma virus (RSV)/truncated 5'LTR and a self-inactivating 3'LTR-SIN (Δ-U3).

genetically modified cell (antineoplastic)

ciltacabtagène autoleucel

lymphocytes T autologues dérivés de cellules mononuclées du sang périphérique (PBMC) transduits *ex vivo* avec un vecteur lentiviral non-répliquant, auto-inactif (SIN) codant pour un récepteur d'antigène chimérique (CAR) ciblant deux épitopes de l'antigène de maturation des lymphocytes B (BCMA) humains sous le contrôle d'un promoteur du facteur d'élongation 1-alpha humain (EF1α)

	La séquence code pour un peptide signal CD8 alpha humain (CD8α SP), un domaine ciblant le BCMA consistant en seulement la partie variable des chaînes lourdes (VHH1 and VHH2) de deux anticorps dirigés contre deux épitopes du BCMA, une charnière et un domaine transmembranaire du CD8 alpha humain, un domaine cytoplasmique du CD 137 humain (4-1BB) et un domaine cytoplasmique du CD3 zêta humain (CD3ζ). Le génome du vecteur contient en 5', une séquence LTR (terminale longue répétée) tronquée d'un virus du sarcome de Rous (RSV) chimérique et en 3', une séquence LTR-SIN (Δ-U3) auto-inactivante. <i>cellule génétiquement modifiée (antineoplasique)</i>
ciltacabtagén autoleucel	linfocitos T autólogos derivados de células mononucleares de sangre periférica (PBMC) transducidos <i>ex vivo</i> con un vector lentiviral no replicativo, auto inactivante (SIN), que codifica para un receptor de antígenos quimérico (CAR) dirigido a dos epítomos del antígeno de maduración de linfocitos B (BCMA) humano bajo el control de un promotor del factor de elongación 1 alfa humano (promotor EF1α) La secuencia codificante consta de un péptido señal del CD8 alfa humano, un dominio dirigido a BCMA consistente en sólo la parte variable de las cadenas pesadas (VHH1 y VHH2) de dos anticuerpos dirigidos a dos epítomos de BCMA, una bisagra y un dominio transmembrana del CD8 alfa humano, un dominio citoplásmico del CD137 humano (4-1BB) y un dominio citoplásmico del CD3 zeta humano (CD3ζ). El genoma del vector contiene un LTR 5' truncado/RSV (virus del sarcoma de Rous) quimérico y un LTR 3'-SIN auto inactivante (Δ-U3). <i>célula genéticamente modificada (antineoplásico)</i>
conendostatinum # conendostatin	L-methionyl-human endostatin [human collagen type XVIII α-1 (COL18A1) C-terminal (1572-1754)-fragment (1-183)], canonical D¹⁰⁴, R¹¹⁰, S¹⁵⁰ form, produced in <i>Escherichia coli</i> <i>angiogenesis inhibitor, antineoplastic</i>
conendostatine	L-méthionyl-endostatine humaine [fragment C-terminal (1572-1754) du collagène humain de type XVIII α-1 (COL18A1) (1-183)], forme canonique D¹⁰⁴, R¹¹⁰, S¹⁵⁰, produit dans <i>Escherichia coli</i> <i>inhibiteur de l'angiogénèse, antinéoplasique</i>
conendostatina	L-metionil-endostatina humana [fragmento C-terminal (1572-1754) del colágeno humano de tipo XVIII α-1 (COL18A1) (1-183)], forma canónica D¹⁰⁴, R¹¹⁰, S¹⁵⁰, producido en <i>Escherichia coli</i> <i>inhibidor de la angiogenesis, antineoplásico</i>

2202745-12-6

Sequence / Séquence / Secuencia			
M			0
HSHRDFQPVLLHLVALNSPLSGMGRGIRGAD	FQCFQOARAV	GLAGTFRAFL	50
SSRLQDIYSIVRRADRAAVPIVNLKDELLF	PSWEALFSGS	EGPLKPGARI	100
FSFDGKDVLRHPTWPQKSVVHGSDPNGRRL	TESYCETWRT	EAPSATGQAS	150
SLLGGRLLGQSAASCHHAYIVLCIENSFMT	ASK		183

Post-translational modifications / Modifications post-traductionnelles / Modificaciones postraduccionales

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
intra-chain 33-165 135-173

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación
None / aucune / ninguna

cudarolimabum #
cudarolimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF4 (tumor necrosis factor receptor (TNFR) superfamily member 4, ACT35, OX40, CD134)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*03 (100%) -(IGHD) - IGHJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113) (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (221) (125-222), hinge 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 D12 (363), L14 (365) (348-452), CHS K>del (453)) (125-453)], (227-213')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (96.8%) - IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.8] (27-32.50-52.89-96) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')];
dimer (233-233":236-236")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

cudarolimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF4 (membre 4 de la superfamille des récepteurs du facteur de nécrose tumorale, ACT35, OX40, CD134)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*03 (100%) -(IGHD) - IGHJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113) (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (221) (125-222), charnière 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 D12 (363), L14 (365) (348-452), CHS K>del (453)) (125-453)], (227-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.8] (27-32.50-52.89-96) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')];
dimère (233-233":236-236")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

cudarolimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF4 (miembro 4 de la superfamilia de los receptores del factor de necrosis tumoral, ACT35, OX40, CD134)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;

cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*03 (100%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113) (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17.1 (CH1 K120 (221) (125-222), bisagra 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 D12 (363), L14 (365) (348-452), CHS K>del (453)) (125-453)], (227-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.8] (27-32.50-52.89-96) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dímero (233-233":236-236")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2244739-29-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
QVQLVESGGG VVQPGKSLRL SCAASGFTFS SYGMHWVRQA PGKLEWVAV	50
ISYDGSNKYY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARGR	100
PWYSETGTSA FDIWGGTGMV TVSSASTKGP SVFPLAPSSK STSGGTAALG	150
CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSLS SVWTPSSSL	200
GTQTYICNVN HKPSNTRKVDK KVEPKSCDKT HTPPCPAPE LLGGPSVFLF	250
PPKPKDTLMI SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV KFNMYVDGVE VHNAKTKPRE	300
EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV SNKALPAPIE KTISKAKGQP	350
REPQVYTLPP SRDELTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES NGQPENNYKT	400
TPPVLDSGGS FFLYSKLTVD KSRWQQGNVF SCSVMHEALH NHYTQKLSL	450
SPG	453
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITQASQDIS NYLNWYQQKP GKAPKLLIYD	50
ASNLETGVPS RFGSGSGSTD FTFITSLQP EDIATYYCQQ SDHYPTFGGG	100
TKVEIKRTVA APSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLLNNFYP REAKVQMKVD	150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSSTLTL SKADYEKKHV YACEVTHQGL	200
SSPVTKSFNR GEC	213
Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H (C23-C104)	22-96 151-207 268-328 374-432
	22"-96" 151"-207" 268"-328" 374"-432"
Intra-L (C23-C104)	23'-88" 133"-193'
	23'''-88''' 133'''-193'''
Inter-H-L (h 5-CL 126)	227'-213" 227"-213"
Inter-H-H (h 11, h 14)	233-233" 236-236"
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación	
H CH2 N84.4:	
304, 304"	
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados	

dapatifagenum navolactibacum #
dapatifagene navolactibac

A recombinant live attenuated *Lactococcus lactis*, subspecies *cremoris* (strain MG1363), expressing a fusion protein comprising lactococcal secretion leader SSusp45 and human trefoil factor protein 1 (hTFF1), driven by the promoter from the homologous *hIIA* gene (*PhIIA*); the transduced gene is located in the thymidylate synthase A (*thyA*) locus which has been deleted (930102-930469).
bacteria genetically modified

dapatifagène navolactibac

Lactococcus lactis, sous-espèce *cremoris*, recombinante (souche MG1363), vivante atténuée exprimant une protéine de fusion consistant en le leader de sécrétion lactococcique SSusp45 et le facteur en trèfle-1 humain (hTFF1), sous le contrôle

du promoteur du gène homologue *hIIA* (*PhIIA*); le gène transduit est localisé sur le locus de la thymidylate synthase A (*thyA*) qui a été supprimé (930102-930469).
bactérie génétiquement modifiée

dapatifagén navolactibac

Lactococcus lactis, sous-espèce *cremoris* (cepa MG1363), recombinante, viva atténuée, qui exprime une protéine de fusion consistant en le leader de sécrétion lactococcica SSusp45 et la protéine 1 du facteur trébol humain (hTFF1), dirigée par le promoteur du gène homologue *hIIA* (*PhIIA*); le gène transduit se localise en le locus de la timidilate sintasa A (*thyA*), qui a été déléctionné (930102-930469).
bactérie modifiée génétiquement

datopotamabum #

datopotamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TACSTD2 (tumeur-associé calcium signal transducteur 2, membrane component chromosome 1 surface marker 1, M1S1, gastro-intestinal tumeur-associé antigène GA7331, pancréatique carcinome marqueur protéine GA733-1, épithéliale glycoprotéine-1, EGP-1, trophoblaste antigène-2, cellule surface glycoprotéine Trop-2, TROP2)], humanisée monoclonale anticorps;
gamma1 chaîne lourde humanisée (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (79.6%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (118-451)], (224-214')-disulfure avec kappa chaîne lourde humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (84.2%) - IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariales de hamster (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antineoplasique

datopotamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TACSTD2 (transducteur 2 de signaux calciques associé aux tumeurs, composant membranaire du chromosome 1 marqueur de surface 1, M1S1, antigène GA7331 associé aux tumeurs gastro-intestinales, protéine GA733-1 marqueur de carcinomes pancréatiques, glycoprotéine épithéliale 1, EGP-1, antigène 2 du trophoblaste, glycoprotéine Trop-2 à la surface des cellules, TROP2)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma1 humanisée (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (79.6%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (118-451)], (224-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (84.2%) - IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

datopotamab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TACSTD2 (transductor 2 de señales cálcicas asociado a los tumores, componente membranario del cromosoma 1 marcador de superficie 1, M1S1, antígeno GA7331 asociado a los tumores gastrointestinales, proteína GA733-1 marcador de carcinomas pancreáticos, glicoproteína epitelial 1, EGP-1, antígeno 2 del trofoblasto, glicoproteína Trop-2 en la superficie de las células, TROP2)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 humanizada (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (79.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.14] (1-121) - *Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (118-451)], (224-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (84.2%) -IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa *inmunomodulador, antineoplásico*

2267989-53-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV	SCKASGYTFT	TAGMQWVRQA	PGQGLEWMGW	50
INTHSYGVPKY AEDFGGRVTI	SADTSTSTAY	LQLSSLKSED	TAVYICARSG	100
FGSSYWFYFDV WQGGLTLTVS	SASTKGPSVF	PLAPSKSTS	GGTAALGCLV	150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG	VHTFPAVLQS	SGLYSLSSVV	TVPSSSLGTQ	200
TYICNVNHKP SNTKVDKRVE	PKSCDKHTC	PPCPAPELLG	GPSVFLFPPK	250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV	SHEDPEVKFN	WYWDGVEVHN	AKTKPREEQY	300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG	KEYKCKVSNK	ALPAPIEKTI	SKAKGQPREP	350
QVYTLPPSRE EMTKNQVSLT	CLVKGFIYPSD	IAVEWESNGQ	PENNYKTPP	400
VLDSGDGSFFL YSKLTVDKSR	WQQGNVFSCS	VMHEALHNNY	TQKSLSLSPG	450
K				451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSASVGRVIT	ITCKASQDVS	TAVAWYQQKP	GKAPKLLIYS	50
ASYRYTGVPVS RFGSGSGSDT	FTLTISLQFP	EDFAVYYCQQ	HYITPLTFGQ	100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP	SDEQLKSGTA	SVVCLLNIFY	PREAKVQWKV	150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD	STYLSSTLT	LSKADYEKKH	VYACEVTHQG	200
LSSPVTKSFN RGECL				214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104)	22"-96"	148"-204"	265"-325"	371"-429"
	22"-96"	148"-204"	265"-325"	371"-429"
Intra-L (C23-C104)	23'-88"	134'-194'		
	23'-88"	134'-194'		
Inter-H-L (h 5-CL 126)	224-214'	224"-214"		
Inter-H-H (h 11, h 14)	230-230"	233-233"		

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:
301, 301"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:
H CHS K2:
451, 451"

datopotamabum deruxtecanum #

datopotamab deruxtecan

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TACSTD2 (tumor-associated calcium signal transducer 2, membrane component chromosome 1 surface marker 1, M1S1, gastrointestinal tumor-associated antigen GA7331, pancreatic carcinoma marker protein GA733-1, epithelial glycoprotein-1, EGP-1, trophoblast antigen-2, cell surface glycoprotein Trop-2, TROP2)], humanized monoclonal antibody conjugated to *deruxtecan*, comprising a linker and a camptothecin derivative;

	gamma1 heavy chain humanized (1-451) [VH (<i>Homo sapiens</i>IGHV1-3*01(79.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -<i>Homo sapiens</i>IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (118-451)], (224-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i>IGKV1-39*01 (84.2%) -IGKJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i>IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide; produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa, conjugated, on an average of 4 cysteinyl, to <i>deruxtecán</i>, comprising a linker and a camptothecin derivative <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
datopotamab déruxtécán	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> TACSTD2 (transducteur 2 de signaux calciques associé aux tumeurs, composant membranaire du chromosome 1 marqueur de surface 1, M1S1, antigène GA7331 associé aux tumeurs gastrointestinales, protéine GA733-1 marqueur de carcinomes pancréatiques, glycoprotéine épithéliale 1, EGP-1, antigène 2 du trophoblaste, glycoprotéine Trop-2 à la surface des cellules, TROP2)], anticorps monoclonal humanisé conjugué au <i>déruxtécán</i>, comprenant un linker et un dérivé de la camptothécine; chaîne lourde gamma1 humanisée (1-451) [VH (<i>Homo sapiens</i>IGHV1-3*01 (79.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -<i>Homo sapiens</i>IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (118-451)], (224-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i>IGKV1-39*01 (84.2%) -IGKJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i>IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure; produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa, conjugué sur une moyenne de 4 cystéines au <i>déruxtécán</i>, comprenant un linker et un dérivé de la camptothécine <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
datopotamab deruxtecán	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> TACSTD2 (transductor 2 de señales cálcicas asociado a los tumores, componente membrana del cromosoma 1 marcador de superficie 1, M1S1, antígeno GA7331 asociado a los tumores gastrointestinales, proteína GA733-1 marcador de carcinomas pancreáticos, glicoproteína epitelial 1, EGP-1, antígeno 2 del trofoblasto, glicoproteína Trop-2 en la superficie de las células, TROP2)], anticuerpo monoclonal humanizado conjugado con <i>deruxtecán</i>, que comprende un enlace y un derivado de la camptotecina; cadena pesada gamma1 humanizada (1-451) [VH (<i>Homo sapiens</i>IGHV1-3*01 (79.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -<i>Homo sapiens</i>IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (118-451)], (224-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i>IGKV1-39*01 (84.2%) -IGKJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i>IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];

dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro; producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa, conjugado con una media de 4 cisteínas al *deruxtecán*, que comprende un enlace y un derivado de la camptotecina. *inmunomodulador, antineoplásico*

2238831-60-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT TAGMQWVRQA PGQGLEWMGW 50
INTHSGVPKY AEDFKGRVTI SADTSTSTAY LQLSSLKSED TAVYYCARSG 100
FGSSYWFYFDV WGGTGLVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAAAGCLV 150
KDYFFPEVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVDKRVK PKSCDKTHTC PPCAPELLG GPSVFLFPK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIETI SKAKGPREF 350
QVYTLPPSRE EMTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTTP 400
VLDSGGSFFL YSKLTVDKSR WQGNVFSQS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450
K 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DQMTQSPFS LSASVGRVIT ITCKASQDVS TAVAWYQQKPK GKAPKLLIYS 50
ASRYTGVPS RFGSGSGTD FTLTISSLQ EDAFVYYCQ HYITPLTFQG 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYEKK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 265-325 371-429
22-96* 148*-204* 265*-325* 371*-429*

Intra-L (C23-C104) 23*-88* 134*-194*
23*-88* 134*-194*

Inter-H-L (h 5-CL 126)* 224-214* 224*-214**

Inter-H-H (h 11, h 14)* 230-230* 233-233*

*The four inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 4 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

*Les quatre ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 4 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

*Faltan los cuatro puentes disulfuro inter-catenarios, una media de 4 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

301, 301*

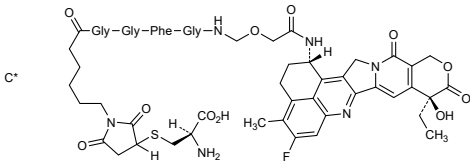
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping:

H CHS K2:

451, 451*

Potential modified residues / résidus modifiés potentiels / restos modificados potenciales



demupitamabum #
demupitamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EGFR (epidermal growth factor receptor, receptor tyrosine-protein kinase erbB-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-61*01 (89.9%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [10.7.11] (26-35.53-59.98-108) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS K (448-449))] (120-449)], (222-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (94.7%) -IGKJ4*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];

	dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
démupitamab	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> EGFR (récepteur du facteur de croissance épidermique, récepteur tyrosine-protéine kinase erb-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma1 <i>Homo sapiens</i> (1-449) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV4-61*01 (89.9%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [10.7.11] (26-35.53-59.98-108) (1-119) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS K (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa <i>Homo sapiens</i> (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-33*01 (94.7%) -IGKJ4*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
demupitamab	immunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> EGFR (receptor del factor de crecimiento epidérmico, receptor tirosina-proteína kinasa erb-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 <i>Homo sapiens</i> (1-449) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV4-61*01 (89.9%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [10.7.11] (26-35.53-59.98-108) (1-119) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS K (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa <i>Homo sapiens</i> (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-33*01 (94.7%) -IGKJ4*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa <i>inmunomodulador, antineoplásico</i>

2249926-74-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
QVQLQESGPG LVKPSSETLSL TCTVSGGSVS	SGDYWTWIR QSPGKLEWI 50
GHIYSGNTN YNPSLKSRLT ISIDTSKTQF	SLKLSSVTAA DTAIYYCVRD 100
RVTGAFDIWG QGTMTVTSSA STKGPSVEPL	APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TTPAVLQSSG	LYSLSSVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHHKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCP	CPAPELLGGP SVLEFPFPKP 250
DTLMSRTPTE TCVVVDVSH EDPEVKFNWY	VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL	PAPIEKTISK AKGQFPREPQV 350
YTLPPSRDEL TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA	VEWESNGQPE NNYKTTPEVL 400
DSGGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFCSVM	HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
DIQMTQSPST LSASVGDRTV ITCQASQDIS	NYLNWYQQKP GKAPKLLIYD 50
ASNLETGVPS RFSGSGSGTD FTFITISLQP	EDIATYFCQH FDHLPLAFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA	SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT	LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGE	214
Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H (C23-C104)	22-97' 146-202' 263-323' 369-427'
	22-97" 146-202" 263-323" 369-427"
Intra-L (C23-C104)	23-88' 134-194'
	23-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126)	222-214' 222"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14)	228-228" 231-231"
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación	
H CH2 N84.4:	
299, 299"	
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires	
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados	

docaravimabum #

docaravimab

immunoglobulin G2B-kappa, anti-[rabies virus strain ERA (Evelyn-Rockitniki-Abelseth)] glycoprotein ectodomain epitope G-III], *Mus musculus* monoclonal antibody;
 gamma2b heavy chain *Mus musculus* (1-455) [VH (*Mus musculus*IGHV2-6-7*01 (92.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108) (1-119) -*Mus musculus*IGHG2B*02 (CH1 (120-216), hinge 1-22 (217-238), CH2 (239-348), CH3 (349-453), CHS (454-455)) (120-455)], (134-214')-disulfide with kappa light chain *Mus musculus* (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV10-96*01 (93.7%) -IGKJ1*02 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.99-107) (1'-106') -*Mus musculus*IGKC*01 (100%) (108'-214')];
 dimer (228-228":231-231":234-234":237-237")-tetrakisdisulfide, produced in mouse myeloma cell line SP2/0-Ag14, glycoform alfa
immunomodulator, antiviral

docaravimab

immunoglobuline G2B-kappa, anti-[ectodomaine épitope G-III glycoprotéine du virus de la rage souche ERA (Evelyn-Rockitniki-Abelseth)], anticorps monoclonal *Mus musculus*;
 chaîne lourde gamma2b *Mus musculus* (1-455) [VH (*Mus musculus*IGHV2-6-7*01 (92.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108) (1-119) -*Mus musculus*IGHG2B*02 (CH1 (120-216), charnière 1-22 (217-238), CH2 (239-348), CH3 (349-453), CHS (454-455)) (120-455)], (134-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Mus musculus* (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV10-96*01 (93.7%) -IGKJ1*02 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.99-107) (1'-106') -*Mus musculus*IGKC*01 (100%) (108'-214')];
 dimère (228-228":231-231":234-234":237-237")-tétrakisdisulfure, produit dans la lignée cellulaire de myélome murin SP2/0-Ag14, glycoforme alfa
immunomodulateur, antiviral

docaravimab

inmunoglobulina G2B-kappa, anti-[ectodominio epítipo G-III glicoproteína del virus de la rabia cepa ERA (Evelyn-Rockitniki-Abelseth)], anticuerpo monoclonal *Mus musculus*;
 cadena pesada gamma2b *Mus musculus* (1-455) [VH (*Mus musculus*IGHV2-6-7*01 (92.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108) (1-119) -*Mus musculus*IGHG2B*02 (CH1 (120-216), bisagra 1-22 (217-238), CH2 (239-348), CH3 (349-453), CHS (454-455)) (120-455)], (134-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Mus musculus* (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV10-96*01 (93.7%) -IGKJ1*02 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.99-107) (1'-106') -*Mus musculus*IGKC*01 (100%) (108'-214')];
 dímero (228-228":231-231":234-234":237-237")-tetraakisdisulfuro, producido en la línea celular de mieloma murino SP2/0-Ag14, glicoforma alfa
immunomodulador, antiviral

2247196-23-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLKESGPG L LAPSQSLSI TCTVSGFSLT GHGVNWRQP PGKGLEWLGI 50
IWADGTTNYN SALKSRLSIS KDNSKSVFL KMNSLQDDT ASYYCAREGD 100
ISGYVFDYWG QGTTLTVSSA KTFPPSVYPL APGCGDTTGS SVTLGCLVKG 150
YFPESVTVTW NSGSLSSSVH TFPALLQSLG YTMSSSVTVP SSTWPSQTVT 200
CSVAHPASST TVDKKLEPSG PISTINPCPP CKECHKCPAP NLEGGPSVFI 250
FFPNIKDVLV ISLTPKVTCV VVDVSEDDPD VQISWFVNNV EVHTAQQTQTH 300
REDYNSTIRV VSTLPIHQHD WMSGKEFKCK VNNKDLPSPI ERTISKIKGL 350
VRAPQVYILP PPAEQLSRKD VSLTCLVVG F NPGDISVEWT SNGHTEENYK 400
DTAPVLDSDG SYFIYSKLNK KTSKWERTDS FSCNVRHEGL KNYLLKTTIS 450
RSPGK 455

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DVQMTQTSS LSASLGDRVT ITCRPSQDIN NYLSWYQQKP DGTVKLLIYY 50
TSRLHSGVPS RFGSGSGSTD YSLTISNLEQ EDFATYFCQQ GNTLPPTFGG 100
GTKLEIKRAD AAPTYSIFPP SSEQLTSGGA SVVCFLNIFY PKDINVKWKI 150
DGERQNGVL NSWTDQDSKD STYSMSSTLT LTKDEYERHN SYTCEATHKT 200
STSPIVKSFN RNEC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22°-95' 146°-201' 269°-329' 375°-433'
22°-95" 146°-201" 269°-329" 375°-433"
Intra-L (C23-C104) 23°-88' 134°-194'
23°-88" 134°-194"
Inter-H-L (CH111-CL126) 134°-214' 134°-214"
Inter-H-H (h12, h15, h18, h21) 228°-228' 231°-231" 234°-234" 237°-237"
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2N84.4:
305, 305°
Fucosylated complex bi-antennary Sp2/0-type glycans / glycanes de type Sp2/0 bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo Sp2/0 biantennarios complejos fucosilados

ebopiprantum
ebopiprant

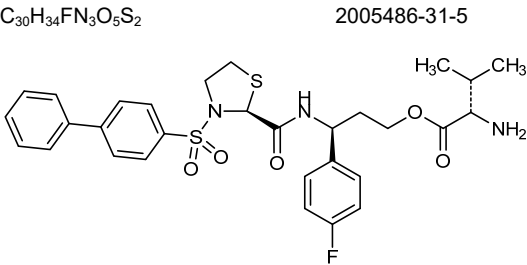
(3S)-3-[(2S)-3-([1,1'-biphenyl]-4-sulfonyl)-1,3-thiazolidine-2-carboxamido]-3-(4-fluorophenyl)propyl
L-valinate
prostaglandin receptor antagonist

ébopiprant

L-valinate de (3S)-3-[(2S)-3-([1,1'-biphényl]-4-sulfonyl)-1,3-thiazolidine-2-carboxamido]-3-(4-fluorophényl)propyle
antagoniste du récepteur des prostaglandines

ebopiprant

L-valinato de (3S)-3-[(2S)-3-([1,1'-bifenil]-4-sulfonyl)-1,3-tiazolidina-2-carboxamido]-3-(4-fluorofenil)propilo
antagonista del receptor de las prostaglandinas



efanesoctocogum alfa #
efanesoctocog alfa

human coagulation factor VIII (FVIII, antihemophilic factor, AHF, procoagulant component) with replaced B-domain (746-1648)-sequence [FVIII domains A1-a1-A2-a2 (1-740) and N-terminal B-domain fragment (741-745), fused via a synthetic 291-peptide linker of 24 repeating 12-peptides (4 types) (746-1033) plus tripeptide ASS (1034-1036) to the FVIII C-terminal (1649-2332)-domains a3-A3-C1-C2 (1037-1720)],

fused to a human immunoglobulin G1 C-terminal K>del Fc fragment (1721-1946), (1726-663':1729-666')-bisdisulfide with the TIL3-D3-TIL4 domain-containing fragment 742-1218 of the human von Willebrand factor (1'-477') [(C¹⁰⁷⁷>A^{336'}, C¹¹²⁰>A^{379'})-mutant] fused via a synthetic 148-peptide linker of 12 repeating 12-peptides (4 types) plus tetrapeptide GASS (478'-625') to a thrombin cleavable FVIII fragment 712-743 (626'-657') [thrombin-cleavable acidic region 2 plus B3 domain (1-3)-peptide] fused to a human immunoglobulin G1 C-terminal K>del Fc fragment (658'-883'), produced in human embryonic kidney 293 (HEK293) cells, glycoform alfa
blood coagulation factor

éfanésococog alfa

facteur de coagulation VIII humain (FVIII, facteur antihémophilique, AHF, composant procoagulant) dont le domaine B a été remplacé (746-1648) [domaines A1-a1-A2-a2 du FVIII (1-740) et fragment N-terminal du domaine B (741-745), fusionné via un peptide synthétique de 291 acides aminés, fait de 24 peptides de 12 acides aminés chacun, se répétant (4 types) (746-1033), et d'un tripeptide ASS (1034-1036), à la partie C-terminale des domaines a3-A3-C1-C2 1649-2332 du FVIII (1037-1720)], fusionné au fragment Fc C-terminal K>del de l'immunoglobuline G1 humaine (1721-1946), (1726-663':1729-666') lié par des ponts disulfure au fragment contenant le domaine TIL3-D3-TIL4 du facteur de von Willebrand humain 742-1218 (1'-477') [(C¹⁰⁷⁷>A^{336'}, C¹¹²⁰>A^{379'})-mutant] fusionné via un peptide synthétique de 148 acides aminés, fait de 12 peptides de 12 acides aminés chacun, se répétant (4 types), plus un tétrapeptide GASS (478'-625'), à un fragment du FVIII clivable par la thrombine 712-743 (626'-657') [région 2 acide clivable par la thrombine plus le (1-3)-peptide du domaine B3] fusionné au fragment Fc C-terminal K>del de l'immunoglobuline G1 humaine (658'-883'), produit dans des cellules rénales embryonnaires humaines 293 (HEK293), glycoforme alfa
facteur de coagulation sanguine

efanesococog alfa

factor de coagulación VIII humano (FVIII, factor antihemofílico, AHF, componente procoagulante) en el dominio B reemplazado (746-1648) [dominios A1-a1-A2-a2 del FVIII (1-740) y fragmento N-terminal del dominio B (741-745), fusionado a través de un péptido sintético de 291 aminoácidos, hecho de 24 péptidos de 12 aminoácidos cada uno, que se repiten (4 tipos) (746-1033), y de un tripéptido ASS (1034-1036), con la parte C-terminal de los dominios a3-A3-C1-C2 1649-2332 del FVIII (1037-1720)], fusionado con el fragmento Fc C-terminal K>del de la inmunoglobulina G1 humana (1721-1946), (1726-663':1729-666') unido por puentes disulfuro con el fragmento que contiene el dominio TIL3-D3-TIL4 del factor de von Willebrand humano 742-1218 (1'-477') [(C¹⁰⁷⁷>A^{336'}, C¹¹²⁰>A^{379'})-mutante] fusionado a través de un péptido sintético de 148 aminoácidos, hecho de 12 péptidos de 12 aminoácidos cada uno, que se repiten (4 tipos), además un tetrapéptido GASS (478'-625'), con un fragmento del FVIII escindible por la trombina 712-743 (626'-657') [región 2 ácido escindible por la trombina además el (1-3)-péptido del dominio B3] fusionado con el fragmento Fc C-terminal K>del de la inmunoglobulina G1 humana (658'-883'), producido en las células renales embrionarias humanas 293 (HEK293), glicofoma alfa
factor de coagulación sanguínea

2252477-42-0

Sequence / Séquence / Secuencia

(a) BddFVIII-Fc chain:

```

ATTRYYLGAV ELSWDYMDQSG LGELPVDARF PPRVPKSPFF NTSVVYKKTLL FVEFTDHLFN IAKPRPPWMM LLGPTQIAEV 80
YDVTVVITLKN MASHPVSLHA VGVSYWKASE GAEDDDQTSQ REKEDDKVFF GGSHTYVWVQ LKENGPMASD PLCLTYSYLS 160
HVDVLKDLNS GLIGALLVCR EGS LAKEKTQ TLHKFILLFA VFDEGKSWHS ETKNSLMQDR DAASARAWPK MHTVNGYVNR 240
SLPLGLGCHR KSVYWHVIGM GTTPEVHSIF LEGHTFLVRN HRQASLEISP ITFLTAQTLL MDLGGFLLFC HISSHQHDMG 320
EAYYKVDSCF EEPQLRMKN ENAEDYDDDL TDSEMDVVRP DDDNSPSFIQ IRSVAKKHKPK TWVHYIAAEE EDWDYAPLVL 400
APFDRSYKSO YLNNGPQRIG RYKVKVRFMA YDDETFKTR E AQHESGILG PLYLGEVGD T LLIIFKNQAS RPYNIYPHGI 480
TDVRLPYRRR LPKGVKHLKD FPILPGEIFK YKWTVTVEDG PTKSDPRCLT RYSSSFVNME RDLASGLIGP LLICYKESVD 560
QRGNQIMSDK RNVLFSVFD ENRSWYLITEN IQRFLPNPAG VQLEDPEFQA SNIMHSINGY VPDLSQLSVC LHEVAYWYIL 640
SIGAQTDFLS VFFSGYTFKH KMVEDITLTL PPFSGETVFM SMENPGLWL GCHNSDFNRN GMTALLKVSS CDKNTGDYIE 720
DSYEDISAYL LSKNNAIEPR SFSQNGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT 800
PESGPGTSTE PESGAPGSP AGSPTSTEEG TSESATPESG PGSEPATSGS ETPGTSESAT PESGPGSPAG SPTSTEEGSP 880
AGSPTSTEEG TSTEPSEGA PGTSESATPE SGPGTSESAT PESGPGTSES ATPESGPGSE PATSGSETPG SEPATSGSET 960
PGSPAGSPST TSTETHPES EGSAPGTSTE PSEGSAPGSE PATSGSETPG TSESATPESG PGTSTEPSEG SAPASSEITR 1040
TTLGSDQEEI DYDDTISIVEM KKEDEFDIYDE DENQSPRSFQ KKRHYFIAA VERLWDYGMS SSPHVLNRRA QSGSVQPFKK 1120
VVFQETDGS FTQPLYRGEL NEHLGLLGPY IRAEVEDNIM VTFRNQASRP YSFYSSLSIS EEDQRQGAEP RKNFVKPNET 1200
KTYFWKVQHH MAPTKDEFDC KAWAYFSDVD LEKDVSGLI GPLLVCHTNT LNPAGHRQVT VQEFALFFTI FDETKSWYFT 1280
ENMERNCRAP CNIQMEDPTF KENYRFAHIN GYIMDTLPGL VMAQDQIRW YLLSMGNSNEN IHSIHFSGHV FTVRKKEEYK 1360
MALYNLYPGV FETVEMLEPSK AGIWRVECLI GEHLHAGMST LFLVYSNKQ TPLGMASGHI RDFQITASGQ YGQWAPKLAR 1440
LHYSGSINAW STKEPFSWIK VDLAPMIH GIKTQGARQK FSSLYISQFI IMYSLDGGKKV QTYRGNSTGT LMVFFGNVDS 1520
SGIKHNI FNP PIARIYIRLH PTHYSIRSLT RMELMGCDLN SCSMPLGMES KAISDAQITA SSYFTNMFAT WSPSKARLHL 1600
QGRSNARWPQ VNNPKWEVLQV DFQKTMKVTT VTTQGVKSLT TSMYVKEFLI SSSQDGHQWT LFFQNGKVKV FQGNQDSFTP 1680
VNSLDPLPLL TRYLRHPSG WVKHIALRME VLGCEAQDLY DKHTHTCPCP APPELLGGPSV FLFPKPKDT LMISRTPEVT 1760
CVVVDVSHED PEVKNNVWDV GVEVHNNAKTK PREEQYNSTY RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTSKAK 1840
GQPREPQVYT LPPSRDELTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPVLDS DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG 1920
NVFSCSVMEH ALNHHTQKS LSLSPG

```

(b) vWF fragment-FVIII a2-Fc chain:

```

SLSCRPPMVK LVCADNLR A EGLECTCTQC NYDLECMMSG CVSGCLCPFG MVRHENRCAV LERCPCHQFQ KEYAPGETVK 80
IGCNTVCVCR KWNCTDHVC DATCSTIGMA HYLTFDGLKY LFPGEQYVL VQDYCGSNFG TFRILVGNKG CSHPSVKCKK 160
RVTLILVEGGE IELFDGEVNV KRPMDETHF EVVESGRYII LLLGKALSV WDRHLSISV LKQTYQEKVC GLCGNFDGIQ 240
NNDLTSSNLQ VEEDPVDFGN SKVSSQCAD TRKVPDSSP ATCHNNIMKQ TMVDSSCRIL TSDVDFQCNK LVDPPEYLDV 320
CIYDTCSCES IGDCAAFCDT IAAAHVCAQ HGKVVWRTA TLCPQSCER NRENGYEA WRNNSCAPAC QVTCQHPEPL 400
ACPVQVCEG HAHCPPGKIL DELLQTCVDP EDCPVCEVAG RRFASGKKVT LNPSPDEHCQ ICHCDVNVLT CEACQEPGTS 480
ESATPESGPG SEPATSGSET PGTSESATPE SGPGSEPATG GSETPGTSES ATPESGPGTS TEPSEGSAPG SPAGSPTSTE 560
EGTSESATPE SGPGSEPATG GSETPGTSES ATPESGPGSP AGSPTSTEEG SPAGSPTSTE EGASSDKNTG DYYEDSYEDI 640
SAYLLSKNNA IEPFSFSKVT HTLPPCPAPE LLGGPSVPLF PKPKDILMI SRTPVTCV VDVSHEDKVP KFNWYDVGE 720
VHNAKTKPRE EQYNATYRHC SVLTVLHQDW LNKGEYKCKV SNKALPAIE KTISKAKGP RFPQVYTLPP SRDELTKNQV 800
SLTCLVKGFY PSIDIAVEWES NQGPENNYKT TPPVLDSGGS FFYLSKLTVD KSRWQQGNVF SCSVMHEALH NHYTQKSLSL 880
SPG

```

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

(a) 153-179, 248-329, 528-554, 630-711, 1220-1246, 1287-1291, 1409-1557, 1562-1714, 1761-1821, 1867-1925

(Cys-SH: 310, 692, 1388);

(b) 4'-45', 13'-41', 25'-36', 29'-64', 47'-58', 66'-88', 83'-100', 86'-95', 104'-233', 126'-268', 135'-230',
 151'-158', 283'-326', 297'-321', 308'-348', 328'-334', 338'-363', 367'-410', 386'-406', 390'-402',
 394'-433', 414'-427', 436'-464', 459'-474', 462'-471', 698'-758', 804'-862'

(a)-(b) intermolecular: 1726-663', 1729-666'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

N41, N239, N1198, N1506, N1797 and N94', N384', N734'

O-glycosylation sites / Sites de O-glycosylation / Posiciones de O-glicosilación

potentially each Ser and Thr in the linker peptides

746-1036 and 478'-625'

Tyr-sulfation sites / Sites de Tyr-sulfation / Posiciones de Tyr-sulfación

346, 718, 719, 723, 729, 1052, 1068 and 632', 633', 637', 643'

eflepedocokinum alfa #

eflepedocokin alfa

human interleukin 22 (IL22, cytokine Zcyto18, IL10-related T-cell-derived inducible factor, IL-TIF) (1-146), fused via a GSG₃S(G₄S)₂ peptide linker GSG₃S(G₄S)₂ (147-162) to a human immunoglobulin G2 C-terminal Fc fragment (163-385), P²⁶⁹>S-mutant S³¹⁶>A-variant, dimer (165-165':168-168')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
interleukin derivative

eflépédockine alfa

interleukine 22 humaine (IL22, cytokine Zcyto18, facteur inductible dérivé des lymphocytes T lié à IL10, IL-TIF) (1-146), fusionnée via un peptide liant GSG₃S(G₄S)₂ (147-162) au fragment Fc C-terminal de l'immunoglobuline G2 humaine (163-385), P²⁶⁹>S-mutant S³⁶⁶>A-variant, dimère (165-165':168-168')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
dérivé de l'interleukine

eflepedockina alfa

interleukina 22 humana (IL22, citoquina Zcyto18, factor inducible derivado de los linfocitos T relacionado con IL10, IL-TIF) (1-146), fusionado a través de un péptido que se une a GSG₃S(G₄S)₂ (147-162) con el fragmento Fc C-terminal de la inmunoglobulina G2 humana (163-385), P²⁶⁹>S-mutante S³⁶⁶>A-variante, dímero (165-165':168-168')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamster chino (CHO), glicoforma alfa
derivado de la interleukina

2200269-84-5

Sequence / Séquence / Secuencia

APISSHCRLD	KSNFQQPYIT	NRTFMFLAKEA	SLADNNTDVR	LIGKLFHGV	50
SMSECYLMK	QVLNFTLEEV	LFPQSDRFQP	YMQEVVPFLA	RLSNRLSTCH	100
IEGDDLHIQR	NVQKLKDTVK	KLGESGEIKA	IGELDLLFMS	LRNACIGSGG	150
GSGGGGSGGG	GSVECPPCPA	PFVAGPSVFL	FPFKPKDTLM	ISRTPEVTCV	200
VVDVSHEDPE	VQFNWYVDGV	EVHNAKTKPR	EEQFNSTFRV	VSVLTVVHQD	250
WLNKEYKCK	VSNKGLPASI	EKTISKTKGQ	PREPQVYTLP	PSREEMTRNQ	300
VSLTCLVKGF	YPSDIAVEWE	SNGQPENNYK	TTPMMLDSGD	SFFLYSKLTV	350
DKSRWQQGNV	FSCSVMEAL	HNHYTQKSL	LSFGK		385

Post-translational modifications / Modifications post-traduccionnelles / Modificaciones postraduccionales

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

intramolecular:	7-99	56-145	199-259	305-363
	7-99'	56'-145'	199'-259'	305'-363'
intermolecular:	165-165' 168-168'			

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación

N21, N35, N64, N235 N21', N35', N64', N235'

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / Glycans de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / Glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / supresión de lisina C-terminal

H CHS K2: 385, 385'

efmarodocokinum alfa #
efmarodocokin alfa

human interleukin 22 (IL22, cytokine Zcyto18, IL10-related T-cell-derived inducible factor, IL-TIF) (1-146), fused to a human immunoglobulin G4 C-terminal Fc fragment (147-377), S¹⁵⁸>P, N²²⁷>G-mutant; dimer (156-156':159-159')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
interleukin derivative

efmarodocokine alfa

interleukine 22 humaine (IL22, cytokine Zcyto18, facteur inductible dérivé des lymphocytes lié à l'IL10, IL-TIF) (1-146), fusionnée au fragment Fc C-terminal de l'immunoglobuline G4 humaine (147-377), mutant S¹⁵⁸>P, N²²⁷>G, dimère (156-156':159-159')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
dérivé de l'interleukine

efmarodocokina alfa

interleukina 22 humana (IL22, citoquina Zcyto18, IL10-relacionada factor inducible derivado de células T, IL-TIF) (1-146), fusionada con el fragmento Fc C-terminal de la inmunoglobulina G4 humana (147-377), mutante S¹⁵⁸>P, N²²⁷>G, dímero (156-156':159-159')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamster chino (CHO), glicoforma alfa derivado de la interleukina

2247840-74-8

Sequence / Séquence / Secuencia		
APISSHCRLD	KSNFQQPYIT	NRTFMLAKEA
SLADNNTDVR	LIGKLFHGV	50
SMSERCYLMK	QVLNFTLEEV	LFPQSDRFQP
YMQEVVPFLA	RLSNRLSTCH	100
IEGDDLHIQR	NVQKLKDTVK	KLGESGEIKA
IGELDLLFMS	LRNACIRVES	150
KYGPPCPFCF	APEFLGGPSV	FLFPPKPKDT
LMISRTPEVT	CVVVDVSQED	200
PEVQFNWYVD	GVEVHNAKTK	PREEQFGSTY
RVVSVLTVLH	QDWLNGKEYK	250
CKVSNKGLPS	SIEKTIKSAK	GQPREPQVYT
LPPSQEEMTK	NQVSLTCLVK	300
GFYPDSIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPVLDL
DGSFFLYSRL	TVDKSRWQEG	350
NVFSCSVMHM	ALHNHYTQKS	LSLSLGLK
		377
Post-translational modifications / Modifications post-traductionnelles / Modificaciones postraduccionales		
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro		
intramolecular:	7-99	56-145 191-251 297-355
	7'-99'	56'-145' 191'-251' 297'-355'
intermolecular:	156-156'	159-159'
Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación		
N21, N35, N64, N143 N21', N35', N64', N143'		
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / Glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / Glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados		
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / supresión de lisina C-terminal		
H CHS K2: 377, 377'		

eliapixantum
eliapixant

3-(5-methyl-1,3-thiazol-2-yl)-5-[[{(3*R*)-oxolan-3-yl]oxy}-*N*-{[(1*R*)-1-[2-(trifluoromethyl)pyrimidin-5-yl]ethyl}benzamide
purinoreceptor antagonist

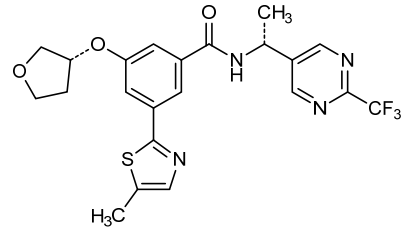
éliapixant

3-(5-méthyl-1,3-thiazol-2-yl)-5-[[{(3*R*)-oxolan-3-yl]oxy}-*N*-{[(1*R*)-1-[2-(trifluorométhyl)pyrimidin-5-yl]éthyl}benzamide
antagoniste des purinorécepteurs

eliapixant

3-(5-metil-1,3-tiazol-2-il)-5-[[{(3*R*)-oxolan-3-il]oxi}-*N*-{[(1*R*)-1-[2-(trifluorometil)pirimidin-5-il]etil}benzamida
antagonista de los purinoreceptores

C₂₂H₂₁F₃N₄O₃S 1948229-21-7



elinzanetantum
elinzanetant

2-[3,5-bis(trifluoromethyl)phenyl]-*N*-{4-(4-fluoro-2-methylphenyl)-6-[(7*S*,9*aS*)-7-(hydroxymethyl)hexahydropyrazino[2,1-*c*][1,4]oxazin-8(1*H*)-yl]pyridin-3-yl}-*N*,2-dimethylpropanamide
neurokinin receptors antagonist

élinzanétant

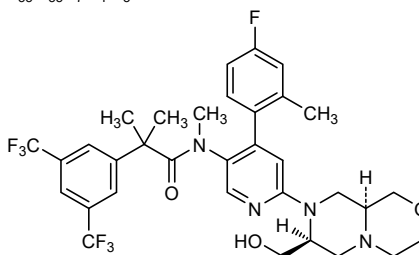
2-[3,5-bis(trifluorométhyl)phényl]-N-{4-(4-fluoro-2-méthylphényl)-6-[(7S,9aS)-7-(hydroxyméthyl)hexahidropirazino[2,1-c][1,4]oxazin-8(1H)-yl]pyridin-3-yl}-N,2-diméthylpropanamide
antagoniste des récepteurs de la neurokinine

elinzanetant

2-[3,5-bis(trifluorometil)fenil]-N-{4-(4-fluoro-2-metilfenil)-6-[(7S,9aS)-7-(hidroximetil)hexahidropirazino[2,1-c][1,4]oxazin-8(1H)-il]piridin-3-il}-N,2-dimetilpropanamida
antagonista de los receptores de neurokinina

 $C_{33}H_{35}F_7N_4O_3$

929046-33-3



enflicoxibum
 enflicoxib

rac-4-[(5*R*)-5-(2,4-difluorophenyl)-3-(trifluorométhyl)-4,5-dihydro-1*H*-pyrazol-1-yl]benzene-1-sulfonamide
non-steroidal anti-inflammatory (veterinary use)

enflicoxib

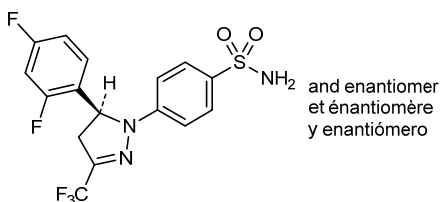
rac-4-[(5*R*)-5-(2,4-difluorophényl)-3-(trifluorométhyl)-4,5-dihydro-1*H*-pyrazol-1-yl]benzène-1-sulfonamide
anti-inflammatoire non-stéroïdien (usage vétérinaire)

enflicoxib

rac-4-[(5*R*)-5-(2,4-difluorofenil)-3-(trifluorometil)-4,5-dihidro-1*H*-pirazol-1-il]benceno-1-sulfonamida
antiinflamatorio no esteroideo (uso veterinario)

 $C_{16}H_{12}F_5N_3O_2S$

251442-94-1



esamisulpridum
 esamisulpride

4-amino-5-(ethanesulfonyl)-N-[(2*S*)-1-ethylpyrrolidin-2-yl]methyl-2-methoxybenzamide
dopamine D₂ and serotonin receptors antagonist

ésamisulpride

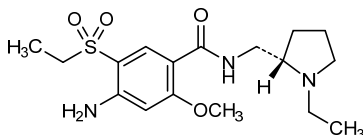
4-amino-5-(éthanesulfonyl)-N-[(2*S*)-1-éthylpyrrolidin-2-yl]méthyl-2-méthoxybenzamide
antagoniste des récepteurs dopaminergiques D₂ et sérotoninergiques

esamisulprida

4-amino-5-(etanosulfonil)-*N*-[[(2*S*)-1-etilpirrolidin-2-il]metil]-2-metoxibenzamida
antagonista de los receptores D₂ de la dopamina y de los receptores de la serotonina

C₁₇H₂₇N₃O₄S

71675-92-8



exalurenum

exaluren

4-*O*-(2-amino-2,7-dideoxy-D-glycero- α -D-gluco-heptopyranosyl)-5-*O*-(5-amino-5,6-dideoxy- α -L-talofuranosyl)-2-deoxy-D-streptamine
translational read-through inducer

exalurène

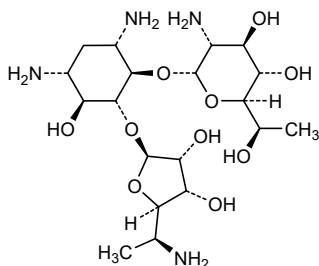
4-*O*-(2-amino-2,7-didésoxy-D-glycéro- α -D-glucopiranosil)-5-*O*-(5-amino-5,6-didésoxy- α -L-talofuranosil)-2-désoxy-D-streptamine
inducteur de translecture traductionnelle

exalureno

4-*O*-(2-amino-2,7-didesoxi-D-glicero- α -D-glucopiranosil)-5-*O*-(5-amino-5,6-didesoxi- α -L-talofuranosil)-2-desoxi-D-estreptamina
inductor de lectura traslacional

C₁₉H₃₈N₄O₁₀

1375073-93-0



ezabenlimabum #

ezabenlimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], humanized monoclonal antibody; gamma4 heavy chain humanized (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%))] [8.8.13] (1-120)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (121-218), hinge 1-12 S10>P (228) (219-230), CH2 (231-340), CH3 (341-445), CHS K2>del (446)) (121-446)], (134-218')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*01 (79.8%) -IGKJ2*02 (100%))] [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alpha
immunomodulator, antineoplastic

ézabenlimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma4 humanisée (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (121-218), charnière 1-12 S10>P (228) (219-230), CH2 (231-340), CH3 (341-445), CHS K2>del (446)) (121-446)], (134-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*01 (79.8%) -IGKJ2*02 (100%)) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

ezabenlimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma4 humanizada (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (121-218), bisagra 1-12 S10>P (228) (219-230), CH2 (231-340), CH3 (341-445), CHS K2>del (446)) (121-446)], (134-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*01 (79.8%) -IGKJ2*02 (100%)) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2249882-54-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVMLVESGGG LVQPGGSLRL SCTASGFTFS KSAMSWVRQA PGKGLEWVAY 50
ISGGGGDTYY SSSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TAVYYCARHS 100
NNYYAMDYV CQCTLVTVSS ASTKGPSVFP LAPCSRSTSE STAAIGCLVK 150
DYFPEPVTS WNSGALTSGV HTPFAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTTK 200
YTCNVDHKPS NTKVDKRVES KYGPPCPFCP APEFLGGPSV FLFPFPKPD 250
LMISRTPEVT CVVVDVSQED FEVQFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQFNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKGLPS SIEKTIISKAK GQPREPQVYT 350
LPFSQEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPVLDS 400
DGSFFLYSRL TVDKSRWQEG NVFSCSVMEH ALHNHYTQKS LSLSLG 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT MSCRAENID VSGISFMNMY QQKPGQAPKL 50
LIYVASNQGS GIPARFSGSG SGTDFTLTIS RLEPEDFAVY YCQKSKEVFW 100
TFGQGTKLEI KRTVAAPSVF IFPPSDQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLS STLTLISKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC 218

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 261-321 367-425
22"-96" 147"-203" 261"-321" 367"-425"
Intra-L (C23-C104) 23'-92" 138"-198"
23'''-92''' 138'''-198'''
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 134-218" 134"-218"
Inter-H-H (h 8, h 11) 226-226" 229-229"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2 N84.4:
297, 297"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

ezeprogindum
ezeprogind

N-[3-(4-{3-[bis(2-methylpropyl)amino]propyl}piperazin-1-yl)propyl]-1*H*-benzimidazol-2-amine
neuroprotectant

ézéprogind

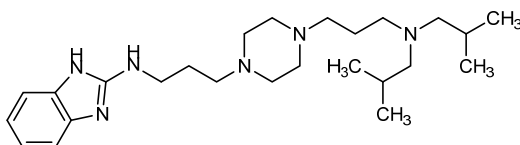
N-[3-(4-{3-[bis(2-méthylpropyl)amino]propyl}pipérazin-1-yl)propyl]-1*H*-benzimidazol-2-amine
neuroprotecteur

ezeprogind

N-[3-(4-{3-[bis(2-metilpropil)amino]propil}piperazin-1-il)propil]-1*H*-benzimidazol-2-amino
neuroprotector

C₂₅H₄₄N₆

615539-20-3

**feladilimabum #**
feladilimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* ICOS (inducible T-cell costimulator, activation-inducible lymphocyte immunomediatory molecule, AILIM, CD278)], humanized monoclonal antibody;
gamma4 heavy chain humanized (1-448) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-69*04 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens*IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v3 CH2 E1.2 (CH1 (122-219), hinge 1-12 S10>P (229)(220-231), CH2 L1.2>E (236) (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (122-448)], (135-213')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-11*01 (85.3%) -IGKJ2*01 (100%)) [5.3.9] (1'-106') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')];
dimer (227-227'':230-230'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

féladilimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* ICOS (costimulateur inductible du lymphocyte T, molécule immunomédiateur lymphocytaire inductible par activation, AILIM, CD278)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma4 humanisée (1-448) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-69*04 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens*IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v3 CH2 E1.2 (CH1 (122-219), charnière 1-12 S10>P (229) (220-231), CH2 L1.2>E (236) (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (122-448)], (135-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-11*01 (85.3%) -IGKJ2*01 (100%)) [5.3.9] (1'-106') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')];
dimère (227-227'':230-230'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

feladilimab

immunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* ICOS (coestimulador inducible del linfocito T, molécula inmunomediadora linfocitaria inducible para activación, AILIM, CD278)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma4 humanizada (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*04 (84.7%) -(IGHD) - IGHJ6*01 (100%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v3 CH2 E1.2 (CH1 (122-219), bisagra 1-12 S10>P (229) (220-231), CH2 L1.2>E (236) (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (122-448)], (135-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (85.3%) -IGKJ2*01 (100%)) [5.3.9] (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa *immunomodulador, antineoplásico*

2252518-85-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

QVQLVQSGAE VKRFGSSVKV SCKASGYTFT DYAMHWVRQA PGQGLEWMGL 50
ISIYSDHTNY NQKFKQGRVTI TADKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCGRNN 100
YGNIGWYFDV WQGGTTTIVTS SASTKGFSVF PLAPCSRSTS ESTAALGCLV 150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TTPSSSLGTK 200
TYTCNVDPKPV SNTKVDKRVK SKYGPFCPCFP PAPEFEGGPS VLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSQE DPEVQFNWY DGVEVHNAKT KPREEQFNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKGLP SSIEKTIKSA KGQPREPVY 350
TLPPSQEEMT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTTPVLD 400
SDGSFFLYSR LTVDKSRWQE GNVFSCSMVH EALHNHYTQK SLSLSLGK 448

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCSASSSVS YMHVYQQKPG QAPRLLIYDT 50
SKLASGI PAR FSGSGSGTDY TLTISLSLEPE DFAVYYCFQG SGYPYTFGG 100
TKLEIKRTVA APSVFI FPPS DEQLKSGTAS VVCLLNFPYP REAKVQWKVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSLTITL SKADYEHKVK YACEVTHQGL 200
SSPVTKSENK GEC 213

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 262-322 368-426
 22"-96" 148"-204" 262"-322" 368"-426"

Intra-L (C23-C104) 23'-87' 133'-193'
 23"-87'" 133"-193"

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 135-213' 135"-213"

Inter-H-H (h 8, h 11) 227-227" 230-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

298, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

felzartamabum

felzartamab

immunoglobulin G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD38 (ADP-ribosyl cyclase 1, cyclic ADP-ribose hydrolase 1, cADPr hydrolase 1, T10)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*01 (90.8%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-212')-disulfide with lambda light chain (1'-213') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-1*01 (84.1%) -IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [6.3.10] (26-31.49-51.88-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (108'-213')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in human cell line PER.C6, glycoform alfa *immunomodulador, antineoplástico*

felzartamab

immunoglobuline G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD38 (ADP-ribosyl cyclase 1, ADP-ribose cyclique hydrolase 1, cADPr hydrolase 1, T10)], anticorps monoclonal humanisé ; chaîne lourde gamma1 (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*01 (90.8%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-212')-disulfure avec la chaîne légère lambda (1'-213') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-1*01 (84.1%) -IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [6.3.10] (26-31.49-51.88-97) (1'-107') - *Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (108'-213')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules humaines PER.C6, glycoforme alfa
immunomodulator, antineoplastic

felzartamab

immunoglobulina G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD38 (ADP-ribosil ciclase 1, ADP-ribose cíclica hidrolasa 1, cADPr hidrolasa 1, T10)], anticuerpo monoclonal humanizado ; cadena pesada gamma1 (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*01 (90.8%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-212')-disulfuro con la cadena ligera lambda (1'-213') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-1*01 (84.1%) -IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [6.3.10] (26-31.49-51.88-97) (1'-107') - *Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (108'-213')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido por células humanas PER.C6, glicoforma alfa
immunomodulador, antineoplásico

2197112-39-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada			
QVQLVESGGG	LVQPGGSLRL	SCAASGFTFS	SYMMNWVRQA PGKGLEWVSG 50
ISGDPSTNTYY	ADSVKGRFTI	SRDNSKNTLY	LQMNSLRAED TAVYVCARDL 100
PLVYTGFAFYW	GQGLTVTVSS	ASTKGPSVF	LAPSSKSTSG GTAALGLCVK 150
DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS	NTKVDKRVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP	EVTCVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIK KAKGPQPREPQ 350
VYTLPPSREE	MTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI	AVEWESNGQP ENNYKTTPEPV 400
LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW	QQGNVFSQSV	MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera			
DIELTQPPSV	SVAPGQTARI	SCSGDNLRHY	YVYWYQQKPG QAPVLVIYGD 50
KRPSGIPER	FSGSNSGNTA	TLTISGTQAE	DEADYYCQTY TGGASLVFGG 100
GTKLTVLGQP	KAAPSVTLFP	PSSEELQANK	ATLVCLISDF YPGAVTVAMK 150
ADSSPVKAGV	ETTPFSKQSN	NKYAASSYLS	LTPEQMKSHR SYSCQVTHEG 200
STVEKTVAPT	ECS		213

Post-translational modifications			
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro			
Intra-H (C23-C104)	22-96	147-203	264-324 370-428
	22"-96"	147"-203"	264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104)	22'-87'	135'-194'	
	22'''-87'''	135'''-194'''	
Inter-H-L (h 5-CL 126)	223-212"	223"-212"	
Inter-H-H (h 11, h 14)	229-229"	232-232"	

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
300, 300"
Fucosylated complex bi-antennary PER.C6-type glycans / glycanes de type PER.C6
bi-biantenaires complexes fucosylés / glicanos de tipo PER.C6 biantenarios complejos
fucosilados

filapixantum

filapixant

3-[[{(2*R*)-4-methylmorpholin-2-yl]methoxy}-5-(5-methyl-1,3-thiazol-2-yl)-*N*-{(1*R*)-1-[2-(trifluoromethyl)pyrimidin-5-yl]ethyl}benzamide
purinoreceptor antagonist

filapixant

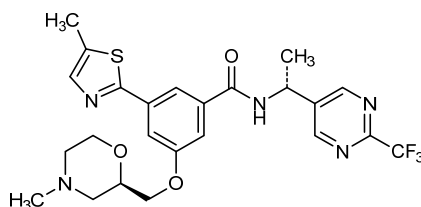
3-[[{(2*R*)-4-méthylmorpholin-2-yl]méthoxy}-5-(5-méthyl-1,3-thiazol-2-yl)-*N*-{(1*R*)-1-[2-(trifluorométhyl)pyrimidin-5-yl]éthyl}benzamide
antagoniste des purinorécepteurs

filapixant

3-[[{(2*R*)-4-metilmorfolin-2-il]metoxi}-5-(5-metil-1,3-tiazol-2-il)-*N*-{(1*R*)-1-[2-(trifluorometil)pirimidin-5-il]etil}benzamida
antagonista de los purinoreceptores

C₂₄H₂₆F₃N₅O₃S

1948232-63-0

**foscicliproxum**

foscicliprox

[(6-cyclohexyl-4-methyl-2-oxopyridin-1(2*H*)-yl)oxy]methyl dihydrogen phosphate
antifungal, antineoplastic

foscicliprox

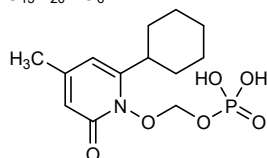
dihydrogénophosphate de [(6-cyclohexyl-4-méthyl-2-oxopyridin-1(2*H*)-yl)oxy]méthyle
antifongique, antinéoplasique

foscicliprox

dihidrogenofosfato de [(6-ciclohexil-4-metil-2-oxopiridin-1(2*H*)-il)oxil]metilo
antifúngico, antineoplásico

C₁₃H₂₀NO₆P

1380539-06-9

**fosfidancitinibum**

fosfidancitinib

(5-[[2-(4-fluoro-3-methoxy-5-methylanilino)-5-methylpyrimidin-4-yl]amino]-2-oxo-1,3-benzoxazol-3(2*H*)-yl)methyl dihydrogen phosphate
Janus kinase inhibitor

fosfidancitinib

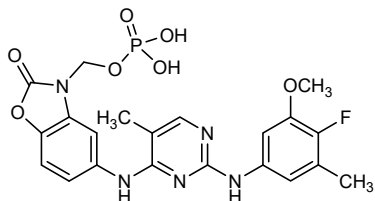
dihydrogénophosphate de (5-[[2-(4-fluoro-3-methoxy-5-methylanilino)-5-méthylpyrimidin-4-yl]amino]-2-oxo-1,3-benzoxazol-3(2*H*)-yl)méthyle
inhibiteur de la kinase de Janus

fosfidancitinib

dihidrogenofosfato de (5-[[2-(4-fluoro-5-metilnilino-3-metoxi)-5-metilpirimidin-4-il]amino]-2-oxo-1,3-benzoxazol-3(2*H*)-il)metilo
inhibidor de la kinasa de Janus

C₂₁H₂₁FN₅O₇P

1237168-58-9



genisteinum

genistein

5,7-dihydroxy-3-(4-hydroxyphenyl)-4*H*-chromen-4-one
beta estrogen receptor agonist

génistéine

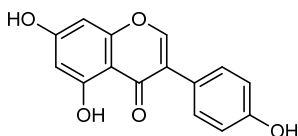
5,7-dihydroxy-3-(4-hydroxyphényl)-4*H*-chromén-4-one
agoniste des récepteurs bêta œstrogéniques

genisteína

5,7-dihidroxi-3-(4-hidroxifenil)-4*H*-cromen-4-ona
agonista de los receptores beta de estrógeno

C₁₅H₁₀O₅

446-72-0



giloralimabum #

giloralimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40 (tumor necrosis factor receptor superfamily member 5, TNFRSF5)], monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-442) [VH (*Homo sapiens*IGHV4-59*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%)) CDR-IMGT [9.7.5] (26-34.52-58.97-101) (1-112) - *Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (209) (113-210), hinge 1-15 (211-225), CH2 V37>E (268) (226-335), CH3 E12 (351), M14 (353) (336-440), CHS (441-442)) (113-442)], (215-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV1-122*01 (89.0%) -IGKJ4*01 (91.7%))/*Homo sapiens*IGKV2-29*02 (86.0%) -IGKJ2*02 (100%)) CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (221-221":224-224")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

giloralimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40 (membre 5 de la superfamille des récepteurs du TNF, TNFRSF5)], anticorps monoclonal;

giloralimab

chaîne lourde gamma1 (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%)) CDR-IMGT [9.7.5] (26-34.52-58.97-101) (1-112) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (209) (113-210), charnière 1-15 (211-225), CH2 V37>E (268) (226-335), CH3 E12 (351), M14 (353) (336-440), CHS (441-442)) (113-442)], (215-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-122*01 (89.0% -IGKJ4*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV2-29*02 (86.0%) -IGKJ2*02 (100%)) CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')];
dimère (221-221":224-224")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40 (miembro 5 de la superfamilia de los receptores del TNF, TNFRSF5)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma1 (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%)) CDR-IMGT [9.7.5] (26-34.52-58.97-101) (1-112) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (209) (113-210), bisagra 1-15 (211-225), CH2 V37>E (268) (226-335), CH3 E12 (351), M14 (353) (336-440), CHS (441-442)) (113-442)], (215-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-122*01 (89.0% -IGKJ4*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV2-29*02 (86.0%) -IGKJ2*02 (100%)) CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')];
dímero (221-221":224-224")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2226292-20-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

EVQLQESGPG LVKPSSETLSL TCTVSGYSIT SNYYWNWIRQ PPGKGLEWMG 50
YIRYDGSNNY NPSLKNRVTI SRDTSKNQFS LKLSSTVTAAD TAVYYCARLD 100
YWGQGTITTVV SSASTKGFSV FPLAPSSKST SGGTAALGCL VKDYFPEPVT 150
VSWNSGALTS GVHTFFPAVLQ SSGLYSLSSV VTPVSSSLGT QTYICNVNHH 200
PSNTKVDKKV EPKSCDKTHT CPPCPAPELL GGPSVFLFPP KPKDTLMISR 250
TPEVTVCVVDV VSHEDPEEKH NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ YNSTYRVVSV 300
LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KALPAPIEKT ISKAKGQPRE POVYTLPEPSR 350
EEMTRKNQVSL TCLVKGFPYS DIAVEWESNG QPENNYKTFP PVLDSGGSFF 400
LYSKLTVDKS RWQQGNVFSC SVMHEALHNN YTQKSLSLSP GK 442

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DIVMTQTPLS LSVTFGQPAS ISCRSSQSLE NTNGNTFINW YLQKPGQSPQ 50
LLIYRVSNRF SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDGVV YYCLQVTHVP 100
FTFGQGTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSSTYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC 219

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 139-195 256-316 362-420
22"-96" 139"-195" 256"-316" 362"-420"

Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'
23'''-93''' 139'''-199'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 215-219' 215"-219"

Inter-H-H (h 11, h 14) 221-221" 224-224"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

292, 292"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:

H CHS K2:

442, 442"

giredestrantum

giredestrant

3-[(1*R*,3*R*)-1-(2,6-difluoro-4-[[1-(3-fluoropropyl)azetidin-3-yl]amino]phényl)-3-méthyl-1,3,4,9-tétrahydro-2*H*-pyrido[3,4-*b*]indol-2-yl]-2,2-difluoropropan-1-ol
antiestroge

girédestrant

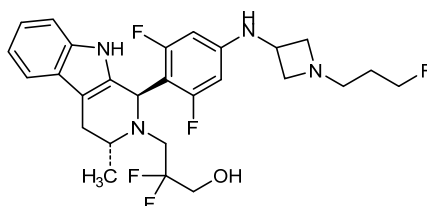
3-[(1*R*,3*R*)-1-(2,6-difluoro-4-[[1-(3-fluoropropyl)azétidin-3-yl]amino]phényl)-3-méthyl-1,3,4,9-tétrahydro-2*H*-pyrido[3,4-*b*]indol-2-yl]-2,2-difluoropropan-1-ol
antiœstrogène

giredestrant

3-[(1*R*,3*R*)-1-(2,6-difluoro-4-[[1-(3-fluoropropil)azetidin-3-il]amino]fenil)-3-metil-1,3,4,9-tetrahidro-2*H*-pirido[3,4-*b*]indol-2-il]-2,2-difluoropropan-1-ol
antiestrógeno

C₂₇H₃₁F₅N₄O

1953133-47-5

**icatolimabum #**

icatolimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* BTLA (B and T lymphocyte associated, BTLA1, CD272)], chimeric monoclonal antibody;
gamma4 heavy chain chimeric (1-446) [VH (*Mus musculus*IGHV14-3*02 (82.3%) -IGHJ3*01 (91.7%)/*Homo sapiens*IGHV1-3*01 (77.1%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) -*Homo sapiens*IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (120-217), hinge 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-446)], (133-219')-disulfide with kappa light chain chimeric (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV1-135*01 (92%) -IGKJ2*03 (91.7%)/*Homo sapiens*IGKV2-30*01 (87.0%) -IGKJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [11.3.9] (27-47.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')];
dimer (225-225''-228-228'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator

icatolimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* BTLA (atténuateur des lymphocytes B et T, BTLA1, CD272)], anticorps monoclonal chimérique;
chaîne lourde gamma4 chimérique (1-446) [VH (*Mus musculus*IGHV14-3*02 (82.3%) -IGHJ3*01 (91.7%)/*Homo sapiens*IGHV1-3*01 (77.1%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) -*Homo sapiens*IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (120-217), charnière 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-446)], (133-219')-disulfure avec la chaîne

icatolimab

légère kappa chimérique (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-135*01 (92%) -IGKJ2*03 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*01 (87.0%) -IGKJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [11.3.9] (27-47.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa immunomodulateur

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* BTLA (atenuador de linfocitos B y T, BTLA1, CD272)], anticuerpo monoclonal quimérico; cadena pesada gamma4 quimérica (1-446) [VH (*Mus musculus* IGHV14-3*02 (82.3%) -IGHJ3*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (77.1%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (120-217), bisagra 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-446)], (133-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa quimérica (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-135*01 (92%) -IGKJ2*03 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*01 (87.0%) -IGKJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [11.3.9] (27-47.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa immunomodulador

2236068-83-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VKKPGASVKL SCKASGYNFK HTYAHWVRQA PGQGLEWIGR 50
IDPANGNTKY DPKFQGRATM TADTASNTAY LELSSLRSED TAVYICVADH 100
YGSSLLDYWG QGTLVTVSSA STKGPSVFPL APCSRSTSES TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TTPAVLQSSG LYSLSSTVTV PSSSLGKTGY 200
TCNVDHKPSN TKVDKRVESK YGPPCPPCPA PEFLLGGPSVF LFPPKPKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVSQEDP EVQFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQFNSTYR 300
VVSVLTVLHQ DWLNGKEYK KVSNGKLPS I EKTISKAKG QPREPQVYTL 350
PSPQSEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQPENNY KTTTPVLDS 400
GSFFLYSRLT VDKSRWQEGN VFSCSVMHQA LHNHYTQKSL SLSLGR 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DVVMTQTPLS LSVTPGQPAS ISCKSSQSL DSDGKTYINW FQQRPGQSPR 50
RLIYLVSCLD SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDGVV YYCWQGYTFP 100
YTFGQGTGLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSYSTL SSTLTLSKAD YEKKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC 219

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 260-320 366-424
22"-96" 146"-202" 260"-320" 366"-424"
Intra-L (C23-C104) 23"-93" 139"-199"
23"-93" 139"-199"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 133-219' 133"-219"
Inter-H-H (h 8, h 11) 225-225" 228-228"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
296, 296"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados

icenticaftorum
icenticaftor

3-amino-6-methoxy-N-[(2S)-3,3,3-trifluoro-2-hydroxy-2-methylpropyl]-5-(trifluoromethyl)pyridine-2-carboxamide
cystic fibrosis transmembrane regulator (CFTR) protein modulator

icenticaftor

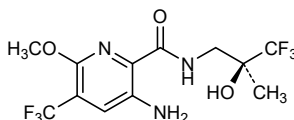
3-amino-6-méthoxy-*N*-[(2*S*)-3,3,3-trifluoro-2-hydroxy-2-méthylpropyl]-5-(trifluorométhyl)pyridine-2-carboxamide
modulateur de la protéine régulatrice de la perméabilité transmembranaire impliquée dans la mucoviscidose (CFTR)

icenticaftor

3-amino-6-metoxi-*N*-[(2*S*)-3,3,3-trifluoro-2-hidroxi-2-metilpropil]-5-(trifluorometil)piridina-2-carboxamida
modulador de la proteína reguladora de la conductancia transmembrana de la fibrosis quística (CFTR)

C₁₂H₁₃F₆N₃O₃

1334546-77-8

**icerguastatum**

icerguastat

(2*E*)-2-[(2-chlorophenyl)methylidene]hydrazine-1-carboximidamide
protein phosphatase 1 inhibitor

icerguastat

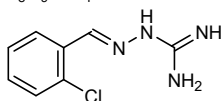
(2*E*)-2-[(2-chlorophényl)méthylidène]hydrazine-1-carboximidamide
inhibiteur de la protéine phosphatase 1

icerguastat

(2*E*)-2-[(2-clorofenil)metilideno]hidrazina-1-carboximidamida
inhibidor de la proteína fosfatasa 1

C₈H₉ClN₄

951441-04-6

**idetrexedum**

idetrexed

N-(4-[[[(6*S*)-2-(hydroxymethyl)-4-oxo-4,6,7,8-tetrahydro-1*H*-cyclopenta[*g*]quinazolin-6-yl](prop-2-yn-1-yl)amino}benzoyl]-L-γ-glutamyl-D-glutamic acid
antineoplastic

idétrexed

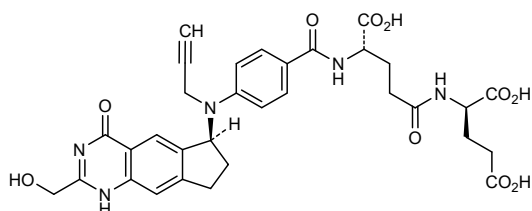
acide *N*-(4-[[[(6*S*)-2-(hydroxyméthyl)-4-oxo-4,6,7,8-tétrahydro-1*H*-cyclopenta[*g*]quinazolin-6-yl](prop-2-yn-1-yl)amino}benzoyl]-L-γ-glutamyl-D-glutamique
antineoplasique

idetrexed

ácido *N*-(4-[[[(6*S*)-2-(hidroximetil)-4-oxo-4,6,7,8-tetrahidro-1*H*-ciclopenta[*g*]quinazolin-6-il](prop-2-in-1-il)amino}benzoil]-L-γ-glutamil-D-glutámico
antineoplásico

$C_{32}H_{33}N_5O_{10}$

501332-69-0

**ifidancitinibum**

ifidancitinib

5-[[2-(4-fluoro-3-methoxy-5-methylanilino)-5-methylpyrimidin-4-yl]amino]-1,3-benzoxazol-2(3*H*)-one
Janus kinase inhibitor

ifidancitinib

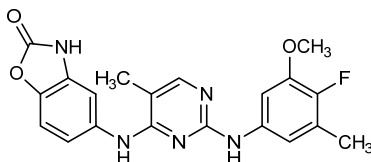
5-[[2-(4-fluoro-3-méthoxy-5-méthylanilino)-5-méthylpyrimidin-4-yl]amino]-1,3-benzoxazol-2(3*H*)-one
inhibiteur de la kinase de Janus

ifidancitinib

5-[[2-(4-fluoro-5-metilanilino-3-metoxi)-5-metilpirimidin-4-il]amino]-1,3-benzoxazol-2(3*H*)-ona
inhibidor de la kinasa de Janus

 $C_{20}H_{18}FN_5O_3$

1236667-40-5

**imaradenantum**

imaradenant

6-(2-chloro-6-methylpyridin-4-yl)-5-(4-fluorophenyl)-1,2,4-triazin-3-amine
adenosine receptor antagonist

imaradénant

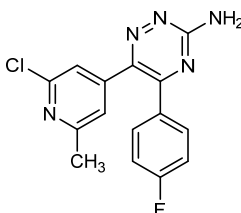
6-(2-chloro-6-méthylpyridin-4-yl)-5-(4-fluorophényl)-1,2,4-triazin-3-amine
antagoniste des récepteurs de l'adénosine

imaradenant

6-(2-cloro-6-metilpiridin-4-il)-5-(4-fluorofenil)-1,2,4-triazin-3-amina
antagonista de los receptores de la adenosina

 $C_{15}H_{11}ClFN_5$

1321514-06-0



inavolisibum

inavolisib

(2S)-2-({2-[(4S)-4-(difluorométhyl)-2-oxo-1,3-oxazolidin-3-yl]-5,6-dihydroimidazo[1,2-d][1,4]benzoxazépin-9-yl}amino)propanamide
phosphatidylinositol 3-kinase (PI3K) inhibitor, antineoplastic

inavolisib

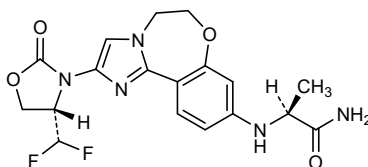
(2S)-2-({2-[(4S)-4-(difluorométhyl)-2-oxo-1,3-oxazolidin-3-yl]-5,6-dihydroimidazo[1,2-d][1,4]benzoxazépin-9-yl}amino)propanamide
inhibiteur de phosphatidylinositol 3-kinase (PI3K), antinéoplasique

inavolisib

(2S)-2-({2-[(4S)-4-(difluorometil)-2-oxo-1,3-oxazolidin-3-il]-5,6-dihidroimidazo[1,2-d][1,4]benzoxazépin-9-il}amino)propanamida
inhibidor de fosfatidilinositol 3-kinasa (PI3K), antineoplásico

 $C_{18}H_{19}F_2N_5O_4$

2060571-02-8

**insulinum efsitorum alfa #**

insulin efsitora alfa

human insulin B-chain (1-30) variant (Y¹⁶>E, F²⁵>H, T²⁷>G, P²⁸>G, K²⁹>G, T³⁰>G) fused via a G₂SG₄ peptide linker (31-37) to human insulin A-chain (38-58) variant (I¹⁰>T⁴⁷, Y¹⁴>D⁵¹, N²¹>G⁵⁸) and via a (G₄Q)₃G₅ peptide linker (59-78) to a human immunoglobulin G2 C-terminal K>del Fc fragment (79-299), dimer (80-80':83-83')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
antidiabetic

insuline efsitora alfa

chaîne B de l'insuline humaine (1-30) variant (Y¹⁶>E, F²⁵>H, T²⁷>G, P²⁸>G, K²⁹>G, T³⁰>G) fusionné via un peptide liant G₂SG₄ (31-37) à la chaîne A de l'insuline humaine (38-58) variant (I¹⁰>T⁴⁷, Y¹⁴>D⁵¹, N²¹>G⁵⁸) et via un peptide liant (G₄Q)₃G₅ (59-78) au fragment Fc C-terminal K>del de l'immunoglobuline G2 humaine (IgG2) (79-299), dimère (80-80':83-83')-bisdisulfure, produit par des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
hypoglycémiant

insulina efsitora alfa

cadena B de la insulina humana (1-30) variante (Y¹⁶>E, F²⁵>H, T²⁷>G, P²⁸>G, K²⁹>G, T³⁰>G) fusionada a través de un péptido que se une G₂SG₄ (31-37) a la cadena A de la insulina humana (38-58) variante (I¹⁰>T⁴⁷, Y¹⁴>D⁵¹, N²¹>G⁵⁸) y a través de un péptido que se une (G₄Q)₃G₅ (59-78) al fragmento Fc C-terminal K>del de la inmunoglobulina G2 humana (IgG2) (79-299), dímero (80-80':83-83')-bisdisulfuro, producido por las células ováricas de hamster chino (CHO), glicofoma alfa
hipoglucemiante

2131038-11-2

Sequence / Séquence / Secuencia
FVNQHLGSH LVEALELVCG ERGFHYGGGG GSGGGGGIV EQCCTSTCSL 50
DQLENYCGGG GQGQGGGGGG GQGQGGGGEC PPCPAPPVAG PSVFLFPKPK 100
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVQFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQFN 150
STFRVSVLT VVHQDWLNGK EYKCKVSNKG LPAPIEKTIS KTKGQPREPQ 200
VYTLPPSREE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPEM 250
LSDSGSFPLY SKLTVDKSRW QQGNVFCSCV MHEALNNHYT QKSLSLSPG 299

Post-translational modifications / Modifications post-traductionnelles / Modificaciones postraduccionales

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
B-A 7-44 19-57 B'-A' 7'-44' 19'-57'
A-A 43-48 A'-A' 43'-48'
Intra-Fe 114-174 220-278 114'-174' 220'-278'
Inter-Fe 80-80' 83-83'

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación
N150, N150'

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / Glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / Glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

iptacopanum
iptacopan

4-((2S,4S)-4-ethoxy-1-[(5-methoxy-7-methyl-1H-indol-4-yl)methyl]piperidin-2-yl)benzoic acid
complement factor B inhibitor

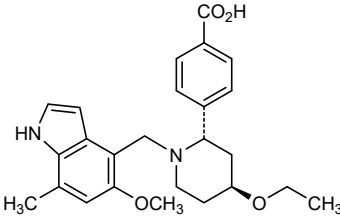
iptacopan

acide 4-((2S,4S)-4-éthoxy-1-[(5-méthoxy-7-méthyl-1H-indol-4-yl)méthyl]pipéridin-2-yl)benzoïque
inhibiteur du facteur B du complément

iptacopán

ácido 4-((2S,4S)-4-etoxi-1-[(7-metil-5-metoxi-1H-indol-4-il)metil]piperidin-2-il)benzoico
inhibidor de factor B del complemento

C₂₅H₃₀N₂O₄ 1644670-37-0



isecarosmabum #
isecarosmab

immunoglobulin single chain VH-VH', anti-[*Homo sapiens* ADAMTSL5 (ADAMTS like 5, THSD6, thrombospondin type I domain 6)] and anti-[*Homo sapiens* ALB (albumin, human serum albumin, HSA)], *Lama glama* and humanized monoclonal antibody, bispecific bivalent; sc VH-VH'(1-275) [*Lama glama* VH anti-ADAMTSL5 (*Lama glama* IGHV3S1*01 (81.4%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (80.2%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%) [8.8.17] (1-124)] -35-mer (GGGGG)7 linker (125-159)-humanized VH anti-ALB (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (87.5%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%) [8.8.8] (160-275), produced in *Pichia pastoris* yeast, non-glycosylated
immunomodulator, antiosteoarthritis

isécarosmab

immunoglobuline single chaîne VH-VH', anti-[*Homo sapiens* ADAMTSL5 (ADAMTS like 5, thrombospondine type I domaine 6)] et anti-[*Homo sapiens* ALB (albumine, sérum albumine humaine, SAH)], anticorps monoclonal *Lama glama* et humanisé, bispécifique bivalent;

isecarosmab

sc VH-VH' (1-275) [*Lama glama* VH anti-ADAMTSL5 (*Lama glama* IGHV3S1*01 (81.4%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (80.2%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%) [8.8.17] (1-124)) -35-mer (GGGGS)7 linker (125-159)-VH humanisé anti-ALB (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (87.5%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%) [8.8.8] (160-275), produit dans la levure *Pichia pastoris*, non-glycosylé
immunomodulateur, antiostéoartrite

inmunoglobulina cadena simple VH-VH', anti-[*Homo sapiens* ADAMTSL5 (ADAMTS like 5, trombospondina tipo I dominio 6)] y anti-[*Homo sapiens* ALB (albúmina, sero albúmina humana, SAH)], anticuerpo monoclonal *Lama glama* y humanizado, biespecífico bivalente; sc VH-VH' (1-275) [*Lama glama* VH anti-ADAMTSL5 (*Lama glama* IGHV3S1*01 (81.4%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (80.2%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%) [8.8.17] (1-124)) -linker 35-mer (GGGGS)7 (125-159)-VH humanizado anti-ALB (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (87.5%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%) [8.8.8] (160-275), producido en la levadura *Pichia pastoris*, no glicosilado
immunomodulador, antiosteoartritis

2254082-79-4

scVH-VH' chain / Chaîne scVH-VH' / Cadena scVH-VH'
DVQLVESGGG VQPGGSLRL SCAASGRIVS SYAMGWFRQA PGKEREVAVG 50
ISRSAERTYY VDSLKGRFTI SRDMSKNTVY LQMNSLRPED TALYYCAADL 100
DPNRIFSRRE YAYWGQGLTV TVSSGGGGSG GGGSGGGGSG GGGSGGGGSG 150
GGSGGGGSGE VQLVESGGGV VQPGNSLRLS CAASGFTTSS FGMWVRQAP 200
GKGLEWVSSI SGSGSDTLVA DSVKGRFTIS RDNAKTTLYL QMNSLRPEDT 250
ALYYCTIGGS LSRSSQGLTV TVSSA 275

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-single chain (C23-C104) 22-96 181-255

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación

itacnosertibum

itacnosertib

*N*⁴-([2,2'-bipyridin]-3-yl)-*N*²-[3-methoxy-4-(4-methylpiperazin-1-yl)phenyl]pyrimidine-2,4-diamine
serine/threonine kinase inhibitor

itacnosertib

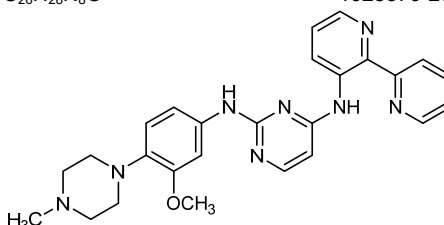
*N*⁴-([2,2'-bipyridin]-3-yl)-*N*²-[3-méthoxy-4-(4-méthylpipérazin-1-yl)phényl]pyrimidine-2,4-diamine
inhibiteur de la sérine/thréonine kinase

itacnosertib

*N*⁴-([2,2'-bipiridin]-3-il)-*N*²-[4-(4-metilpiperazin-1-il)-3-metoxifenil]pirimidina-2,4-diamina
inhibidor de la serina/treonina kinasa

C₂₆H₂₈N₈O

1628870-27-8



itepekimabum #

itepekimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL33 (interleukin 33, interleukin-1 family member 11, IL1F11, nuclear factor for high endothelial venules, NF-HEV)], monoclonal antibody; gamma4 heavy chain (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*04 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ6*03 (91.0%)) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens*IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (123-220), hinge 1-12 S10>P (230)(221-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (123-449)], (136-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-12*01 (96.8%) -IGKJ5*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator

itépékimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL33 (interleukine 33, membre 11 de la famille 1 d'interleukines, IL1F11, facteur nucléaire des veinules à haut endothélium, NF-HEV)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma4 (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*04 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ6*03 (91.0%)) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens*IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (123-220), charnière 1-12 S10>P (230)(221-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (123-449)], (136-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-12*01 (96.8%) -IGKJ5*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur

itepekimab

immunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL33 (interleukina 33, miembro 11 de la familia 1 de interleukinas, IL1F11, factor nuclear de las vénulas del endotelio alto, NF-HEV)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma4 (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*04 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ6*03 (91.0%)) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens*IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (123-220), bisagra 1-12 S10>P (230)(221-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (123-449)], (136-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-12*01 (96.8%) -IGKJ5*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador

2226742-52-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGN LEQPGGSLRL SCTASGFTFS RSAMNWVRR PGKLEWVSG 50
ISGSGGRITYY ADSVKGRTTI SRDNSKNITLY LQMNSLSAED TAAYYCAKDS 100
YTTSWYGGMD VWHGTTVTIV SSASTKGFSV FPLAPCSRST SESTAALGCL 150
VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTPVSSSLGT 200
KTYTCNVDPK PSNTKVDKRV ESKYGPFCPP CPAPEFLGGP SVLEFPFKPK 250
DTLMISRTPE VTCVVVDVQV EDPEYQFNWY VDGVEVHNAK TKPREQFNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKGL PSSIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSQEEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
DSGDSFFLYS RLTVDKSRWQ EGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSLGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS VSASVGDRTV ITCRASQGI F SWLAWYQQK F GKAPKLLIYA 50
ASSLQSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQ P EDFAIYYCQ Q ANSVPIITFQ 100
GTRLEIKRTV AAFSVFIFPP SDEQLKSGT A SVVCLLNNEY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTL LSKADYERKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGE C 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205 263-323 369-427
22"-96" 149"-205" 263"-323" 369"-427"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 136-214 136"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 228-228" 231-231"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
299, 299"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:
H CHS K2:
449, 449"

izafloortaucipirum (¹⁸F)
izafloortaucipir (¹⁸F)

2-(2-(¹⁸F)fluoropyridin-4-yl)-9H-pyrrolo[2,3-b:4,5-c']dipyridine
radiodiagnostic agent

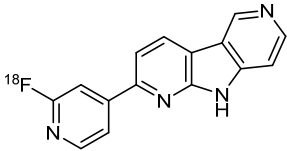
izafloortaucipir (¹⁸F)

2-(2-(¹⁸F)fluoropyridin-4-yl)-9H-pyrrolo[2,3-b:4,5-c']dipyridine
agent de radiodiagnostic

izafloortaucipir (¹⁸F)

2-(2-(¹⁸F)fluoropiridin-4-il)-9H-pirrollo[2,3-b:4,5-c']dipiridina
agente de radiodiagnóstico

C₁₅H₉¹⁸FN₄ 2173353-61-0



izokibepum #
izokibep

fusion protein composed of 3 binding domains consisting of three- α -helix motifs, each derived from the immunoglobulin (Ig)-binding Z-domain of staphylococcal protein A (SpA), engineered for binding to two homodimer subunits of human interleukin 17A (IL17A) with the two identical N- and C-terminal domains (1-58, 116-173) and to the domain II of human serum albumin (HSA) with the central domain (59-110), connected via a G4S peptide linker (111-115); [IL17A-binding engineered SpA peptide (1-58)]-[HSA-binding engineered SpA peptide (59-110)]-[G4S linker (111-115)]-[IL17A-binding engineered SpA peptide (116-173)] fusion protein; produced in *Escherichia coli*
immunomodulator

izokibep

protéine de fusion composée de 3 domaines liants, chacun consistant en un motif à 3 hélices alpha dérivé du domaine Z de la protéine staphylococcique A (SpA) se liant à l'immunoglobuline (Ig), mis au point pour se lier aux deux homodimères des sous-unités de l'interleukine 17A humaine (IL17A) avec les deux domaines N- et C-terminaux identiques (1-58, 116-173), et au domaine II de l'albumine sérique humaine (ASH, HSA) avec le domaine central (59-110), connecté via un peptide liant G₄S (111-115); protéine de fusion [peptide SpA mis au point pour se lier à l'IL17A (1-58)]-[peptide SpA mis au point pour se lier au HSA (59-110)]-[peptide liant G₄S (111-115)]-[peptide SpA mis au point pour se lier à l'IL17A (116-173)]; produite par *Escherichia coli*
immunomodulateur

izokibep

proteína de fusión compuesta de 3 dominios de unión, cada uno consistente en un motivo con 3 hélices alfa derivado del dominio Z de la proteína estafilocócica A (SpA) que se une a la inmunoglobulina (Ig), diseñado para unirse a los dos homodímeros de las sub-unidades de la interleukina 17A humana (IL17A) con los dos dominios N- y C-terminal idénticos (1-58, 116-173), y con el dominio II de la albúmina sérica humana (ASH, HSA) con el dominio central (59-110), conectado a través de un péptido que se une a G₄S (111-115); proteína de fusión [péptido SpA diseñado para unirse a la IL17A (1-58)]-[péptido SpA diseñado para unirse al HSA (59-110)]-[G₄S linker (111-115)]-[péptido SpA diseñado para unirse a la IL17A (116-173)]; producida por *Escherichia coli*
inmunomodulador

2226130-02-3

Sequence / Séquence / Secuencia

AEAKYAKEAD	DAAVEIASLP	NLTWDQWYAF	IQKLRRDDPSQ	SSELLSEAKK	50
LNDSPQPKAS	GSLAEAKEAA	NAELDSYGV	DFYKRLIDKA	KTVEGVEALK	100
DAILAALPGT	GGGSAEAKY	AKEADDAVE	IASLPNLTWD	QWYAFIQKLR	150
DDPSQSSELL	SEAKKLNDSP	QK			173

Post-translational modifications / Modifications post-traductionnelles / Modificaciones postraduccionales
None / aucune / ninguna

lazuvapagonum

lazuvapagon

(4S)-N-[(2S)-1-hydroxypropan-2-yl]-methyl-1-[2-methyl-4-(3-methyl-1H-pyrazol-1-yl)benzoyl]-2,3,4,5-tetrahydro-1H-1-benzazepine-4-carboxamide
vasopressin V₂ receptor agonist

lazuvapagon

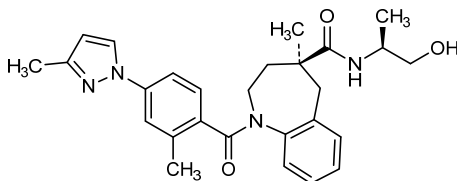
(4S)-N-[(2S)-1-hydroxypropan-2-yl]-méthyl-1-[2-méthyl-4-(3-méthyl-1H-pyrazol-1-yl)benzoyl]-2,3,4,5-tétrahydro-1H-1-benzazépine-4-carboxamide
agoniste du récepteur V₂ de la vasopressine

lazuvapagón

(4S)-N-[(2S)-1-hidroxiopropan-2-il]-metil-1-[2-metil-4-(3-metil-1H-pirazol-1-il)benzoil]-2,3,4,5-tetrahidro-1H-1-benzazepina-4-carboxamida
agonista del receptor V₂ de la vasopresina

$C_{27}H_{32}N_4O_3$

2379889-71-9

**lecanemabum #**

lecanemab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* APP (amyloid beta A4 precursor protein) soluble beta-amyloid protofibril], monoclonal antibody;

gamma1 heavy chain (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*01 (89.8%) -IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)] CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113) (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (221) (125-222), hinge 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 E12 (363), M14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (91%) -IGKJ1*02 (90.9%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (84.0%) -IGKJ2*01 (90.9%)] CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (227'-219')]; dimer (233-233":236-236")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
beta-amyloid protofibril inhibitor

lécanémab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* APP (protéine précurseur amyloïde bêta A4) protofibrille bêta amyloïde soluble], anticorps monoclonal;

chaîne lourde gamma1 (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*01 (89.8%) -IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)] CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113) (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (221) (125-222), charnière 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 E12 (363), M14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (91%) -IGKJ1*02 (90.9%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (84.0%) -IGKJ2*01 (90.9%)] CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (227'-219')]; dimère (233-233":236-236")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
inhibiteur des protofibrilles bêta-amyloïdes

lecanemab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* APP (proteína precursor amiloide beta A4) protofibrilla beta amiloide soluble], anticuerpo monoclonal;

cadena pesada gamma1 (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*01 (89.8%) -IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)] CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113) (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (221) (125-222), bisagra 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 E12 (363), M14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (91%) -IGKJ1*02 (90.9%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (84.0%) -IGKJ2*01 (90.9%)] CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (227'-219')]; dímero (233-233":236-236")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
inhibidor de las protofibrillas beta-amiloïdes

1260393-98-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCSASGFTFS SFGMHVVRQA PGKLEWVAY 50
ISSGSSITYY GDTVKGRFTI SRDNAKNSLF LQSSSLRAED TAVYYCAREG 100
GYYYGRSYYT MDYWGQGTIV TVSSASTKGP SVFPLAPSSK STSGGTAAALG 150
CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSLV SVVTVPSSSL 200
GTQTYICNVN HKPSNTKVDK RVEPKSCDKT HTCPPCPAPE LLGGPSVFLF 250
PPKPKDTLMI SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV KFNWYVDGVE VHNATKPRE 300
EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV SNKALPAPIE KTISKAKGQP 350
REPQVYTLPP SREEMTRNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES NGQPENNYKT 400
TPPVLDSDGS FFLYSKLTVD KSRWQQGNVF SCSVMHEALH NHYTQKSLSL 450
SPGK 454

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DVVMTQSPLS LPVTPGAPAS ISCRSSQSIV HSGNTYLEW YLQKPGQSPK 50
LLIYKVSNRF SGVPDRFSGS GSGDTFTLRI SRVEAEDVGI YYCFQGSHVP 100
PTFGPGTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSYSL SSTLTLSKAD YEKHVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC 219

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22°-96° 151°-207° 268°-328° 374°-432°
22°-96° 151°-207° 268°-328° 374°-432°
Intra-L (C23-C104) 23°-93° 139°-199°
23°-93° 139°-199°
Inter-H-L (h5-CL126) 227°-219° 227°-219°
Inter-H-H (h11, h14) 233°-233° 236°-236°

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2N84,4;
304, 304°
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:
HCHS K2: 454, 454°

lorpucitinibum
lorpucitinib

2-{1-[*trans*-4-(cyanomethyl)cyclohexyl]-1,6-dihydroimidazo[4,5-*d*]pyrrolo[2,3-*b*]pyridin-2-yl}-*N*-(2-hydroxy-2-methylpropyl)acetamide
Janus kinase inhibitor

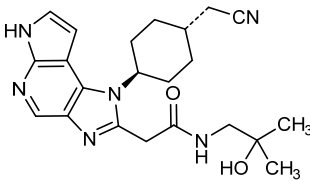
lorpucitinib

2-{1-[*trans*-4-(cyanométhyl)cyclohexyl]-1,6-dihydroimidazo[4,5-*d*]pyrrolo[2,3-*b*]pyridin-2-yl}-*N*-(2-hydroxy-2-méthylpropyl)acétamide
inhibiteur de la kinase de Janus

lorpucitinib

2-{1-[*trans*-4-(cianometil)ciclohexil]-1,6-dihidroimidazo[4,5-*d*]pirrolo[2,3-*b*]piridin-2-il}-*N*-(2-hidroxi-2-metilpropil)acetamida
inhibidor de la kinasa de Janus

C₂₂H₂₈N₆O₂ 2230282-02-5



luvadaxistatum
luvadaxistat

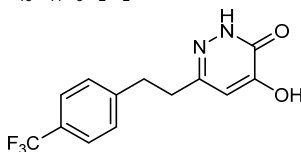
4-hydroxy-6-{2-[4-(trifluoromethyl)phenyl]ethyl}pyridazin-3(2*H*)-one
D-amino acid oxidase (DAAO) inhibitor

luvadaxistat 4-hydroxy-6-{2-[4-(trifluorométhyl)phényl]éthyl}pyridazin-3(2*H*)-one
inhibiteur de la D-aminoacide oxydase (DAAO)

luvadaxistat 4-hidroxi-6-{2-[4-(trifluorometil)fenil]etil}piridazin-3(2*H*)-ona
inhibidor de la D-aminoácido oxidasa (DAAO)

C₁₃H₁₁F₃N₂O₂

1425511-32-5



miptenalimabum #
miptenalimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* LAG3 (lymphocyte activating 3, lymphocyte-activation 3, CD223)], monoclonal antibody;
gamma4 heavy chain (1-448) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-33*01 (77.0%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [10.7.14] (1-122)-*Homo sapiens*IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (123-220), hinge 1-12 S10>P (230) (221-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CHS K2>del (448)) (123-448)], (136-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV6-17 (85.3%) -IGKJ2*03 (90.9%)/*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (82.1%) -IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

mipténalimab immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* LAG3 (activateur 3 des lymphocytes, lymphocyte-activation 3, CD223)], anticorps monoclonal;
chaîne lourde gamma4 (1-448) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-33*01 (77.0%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [10.7.14] (1-122) -*Homo sapiens*IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (123-220), charnière 1-12 S10>P (230) (221-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CHS K2>del (448)) (123-448)], (136-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV6-17 (85.3%) -IGKJ2*03 (90.9%)/*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (82.1%) -IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

miptenalimab inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* LAG3 (activador 3 de los linfocitos, linfocito-activación 3, CD223)], anticuerpo monoclonal;

cadena pesada gamma4 (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (77.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [10.7.14] (1-122) - *Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (123-220), bisagra 1-12 S10>P (230) (221-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CHS K2>del (448)) (123-448)], (136-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV6-17 (85.3%) -IGKJ2*03 (90.9%))/*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (82.1%) -IGKJ2*01 (100%)] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa *immunomodulador, antineoplásico*

2249882-55-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVTLVESGGG VVQPGRSRLR SCAPSGFSLT TSDMGVGMIR QAPGKGLEWV 50
AHIWDDVKR YNPALKSRFT ISRDNSKNTL YLQMNSLRAE DTAVYFCARI 100
EDYGVSYFDF YWGGQTITVT SSASTKGPSV FFLAPCSRST SESTAALGCL 150
VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SGLYSLSSV VTFPSSSLGT 200
KTYTCNVDPK PSNTKVDKRV ESKYGPCCPP CPAPEFLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTPE VTCVVVDVQV EDPEVQFNWY VDGVEVHNAK TKPREQFNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKGL PSSIEKTISK AKGQPREPOV 350
YTLPPSQEEM TKNQVSLTCL VKGFPYSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
DSDGSFFFLYS RLTVDKSRWQ EGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSLG 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSF LSASVGRDVS ITCKASQDVS TAVAWYQCKP GKAPKLLIYS 50
ASYRYTGVFD RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYTCQQ HYSIPLTFGQ 100
GTFKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTQDQSKD STYLSSTLT LSKADYERHK YFACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGECC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-97 149-205 263-323 369-427
22"-97" 149"-205" 263"-323" 369"-427"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 136-214" 136"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 228-228" 231-231"

N-terminal glutaminy cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
299, 299"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenariños complejos fucosilados

mirdametininib
mirdametininib

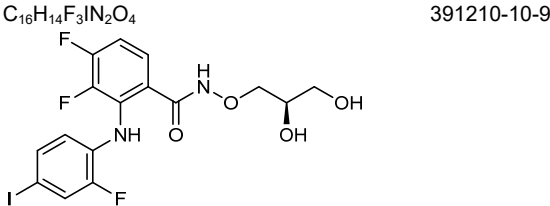
N-[(2*R*)-2,3-dihydroxypropoxy]-3,4-difluoro-2-(2-fluoro-4-iodoanilino)benzamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

mirdamétininib

N-[(2*R*)-2,3-dihydroxypropoxy]-3,4-difluoro-2-(2-fluoro-4-iodoanilino)benzamide
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

mirdametininib

N-[(2*R*)-2,3-dihidroxiopropoxi]-3,4-difluoro-2-(2-fluoro-4-iodoanilino)benzamida
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico



miromavimabum #

miromavimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[rabies virus strain ERA (Evelyn-Rockitniki-Abelseth) glycoprotein ectodomain epitope G-II], *Mus musculus* monoclonal antibody; gamma1 heavy chain *Mus musculus* (1-445) [VH (*Mus musculus* IGHV1S130*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (88.2%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) - *Mus musculus* IGHG1*02 (CH1 Q100>E (199) (122-218), hinge 1-13 (219-231), CH2 K81>Q (288), I84.3>F (294) (232-338), CH3 N27>D (369) (339-443), CHS (444-445)) (122-445)], (223-214')-disulfide with kappa light chain *Mus musculus* (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV6-17*01 (98.9%) -IGKJ1*02 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Mus musculus* IGKC*01 (100%) (108'-214')]; dimer (225-225":228-228":230-230")-trisdisulfide, produced in mouse myeloma cell line SP2/0-Ag14, glycoform alfa *immunomodulator, antiviral*

miromavimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[épitope G-II de l'ectodomaine de la glycoprotéine de la souche ERA (Evelyn-Rockitniki-Abelseth) du virus de la rage], anticorps monoclonal *Mus musculus*; chaîne lourde gamma1 *Mus musculus* (1-445) [VH (*Mus musculus* IGHV1S130*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (88.2%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) - *Mus musculus* IGHG1*02 (CH1 Q100>E (199) (122-218), charnière 1-13 (219-231), CH2 K81>Q (288), I84.3>F (294) (232-338), CH3 N27>D (369) (339-443), CHS (444-445)) (122-445)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Mus musculus* (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV6-17*01 (98.9%) -IGKJ1*02 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Mus musculus* IGKC*01 (100%) (108'-214')]; dimère (225-225":228-228":230-230")-trisdisulfure, produit dans la lignée cellulaire de myélome murin SP2/0-Ag14, glycoforme alfa *immunomodulateur, antiviral*

miromavimab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[epítipo G-II del ectodominio de la glicoproteína de la cepa ERA (Evelyn-Rockitniki-Abelseth) del virus de la rabia], anticuerpo monoclonal *Mus musculus*; cadena pesada gamma1 *Mus musculus* (1-445) [VH (*Mus musculus* IGHV1S130*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (88.2%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) - *Mus musculus* IGHG1*02 (CH1 Q100>E (199) (122-218), bisagra 1-13 (219-231), CH2 K81>Q (288), I84.3>F (294) (232-338), CH3 N27>D (369) (339-443), CHS (444-445)) (122-445)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Mus musculus* (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV6-17*01 (98.9%) -IGKJ1*02 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Mus musculus* IGKC*01 (100%) (108'-214')]; dímero (225-225":228-228":230-230")-trisdisulfuro, producido en la línea celular de mieloma murino SP2/0-Ag14, glicofoma alfa *immunomodulador, antiviral*

2247163-73-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLQQPGSV LVRPGASVKL SCKTSGYAF TSSWMHWAKQR PGQGLEWIGQ 50
THPNSGYTNY NEKFKGKATL TVDTSSSTAY VDLSSLTSED SAVYYCARES 100
GDGPHWYFDV WGAGTAVTVS SAKTTPPSVY PLAPGSAAQT NSMVTLGCLV 150
KGYFPPEPTV TWNSGSLSSG VHTFPAVLQS DLYTLSSSVT VPSSTWPSSET 200
VTCNVAHPAS STKVDKIVP RDCGCKPCIC TVPEVSSVFI FFPKPKDVL 250
ITLTPKVTVCV VVDISKDDPE VQFSWFDVVD EVHTAQTPQR EEQFNSTERS 300
VSELPIMHQD WLNKGEFKCR VNSAAFPARI EKTISKTKGR PKAPQVYVIP 350
PPKEQMAKDK VSLTCLMITDF FFEEDITVEWQ WNGQPAENYK NTQPIIMDTDG 400
SYFVYSKIANV QKSNWEAGNT FTCSVLH EGL HNHTEKLSL HSPGK 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVMTQSHKF MSTSVGDRVS ITCKASQDVS TAVAWYQQKP GQSPKLLIYS 50
ASYRYTGVPD RFTGSGGSDT FTFTISSVQA EDLAVYTCQQ HYSSPHTFGG 100
GTKLETQRAD AAPTVISIFPP SSEQLTSGGA SVVCFLLNIFY FKDINVKWKL 150
DGSERQNGVL NSWTDQDSKD STYSMSSTLT LTKDEYERHN SYTCEATHRT 200
STSPIVKSFN RNEC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 148-203 259-319 365-423
22"-96" 148"-203" 259"-319" 365"-423"
Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214' 223"-214"
Inter-H-H (h 7, h 10, h 12) 225-225" 228-228" 230-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2N84.4:
295, 295"
Fucosylated complex biantennary Sp2/0-type glycans / glycanes de type Sp2/0 bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo Sp2/0 biantennarios complejos fucosilados

modakafuspum alfa #
modakafusp alfa

immunoglobulin G4-kappa, anti-[human ADP-ribose cyclase/cyclic ADP-ribose hydrolase 1 (EC:3.2.2.6) (ADPRC 1/cADRP hydrolase 1, cell surface antigen CD38)], humanized monoclonal antibody, fused at each C-terminus of the heavy chains (1-447, 1"-447") to attenuated human interferon α -2b (IFN α 2b) variant (K²³>R⁴⁷⁰, T¹⁰⁶>A⁵⁵³, A¹⁴⁵>D⁵⁹²) (448-612, 448"-612");
gamma4 heavy chain humanized fused to IFN α 2b (1-612) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (90.7%) -(IGHD)- IGHJ4*01 (85.7%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (121-218), hinge 1-12 S¹⁰>P (228) (219-230), CH2 (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447))(121-447), fused to IFN α 2b K²³>R (470), T¹⁰⁶>A (553), A¹⁴⁵>D (592) (448-612)], (134-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (83.2%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V¹⁰¹ (191) (108'-214')]; dimer (226-226"-229-229")-bisdisulfide;
produced in Chinese hamster ovary (CHO) K1SV cells, glycoform alfa *immunomodulator, antineoplastic*

modakafusp alfa

immunoglobuline G4-kappa, anti-[ADP-ribose cyclase/ ADP cyclique - ribose hydrolase 1 humaine (EC:3.2.2.6) (ADPRC 1/cADRP hydrolase 1, antigène de surface cellulaire CD38)], anticorps monoclonal humain fusionné à chaque partie C-terminale des chaînes lourdes (1-447, 1"-447") à un variant (K²³>R⁴⁷⁰, T¹⁰⁶>A⁵⁵³, A¹⁴⁵>D⁵⁹²) de l'interféron α -2b humain (IFN α 2b) atténué, (448-612, 448"-612"); chaîne lourde gamma4 humanisée fusionnée à IFN α 2b (1-612) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (90.7%) -(IGHD)- IGHJ4*01 (85.7%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (121-218), charnière 1-12 S¹⁰>P (228) (219-230), CH2 (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447))(121-447), fusionné à IFN α 2b K²³>R (470), T¹⁰⁶>A (553), A¹⁴⁵>D (592) (448-612)], (134-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (83.2%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V¹⁰¹ (191) (108'-214')]; dimère (226-226"-229-229")-bisdisulfure ;

modakafusp alfa

produit dans des cellules ovariennes de hamster
chinois (CHO) K1SV, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

immunoglobulina G4-kappa, anti-[ADP-ribosil ciclasa/
ADP cíclica -ribosa hidrolasa 1 humana (EC:3.2.2.6)
(ADPRC 1/cADRP hidrolasa 1, antígeno de superficie
celular CD38)], anticuerpo monoclonal humano
fusionado a cada parte C-terminal de las cadenas
pesadas (1-447, 1"-447") a una variante (K²³>R⁴⁷⁰,
T¹⁰⁶>A⁵⁵³, A¹⁴⁵>D⁵⁹²) del interferón α-2b humano
(IFNα2b) atenuado, (448-612, 448"-612");
cadena pesada gamma4 humanizada fusionada al
IFNα2b (1-612) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01
(90.7%) -(IGHD)- IGHJ4*01 (85.7%)) CDR-IMGT
[8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120)-*Homo sapiens*
IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (121-218), bisagra 1-12
S¹⁰>P (228) (219-230), CH2 (231-340), CH3 (341-
445), CHS (446-447))(121-447), fusionado con IFNα2b
K²³>R (470), T¹⁰⁶>A (553), A¹⁴⁵>D (592) (448-
612)], (134-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa
humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*
IGKV1-33*01 (83.2%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT
[6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*
IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V¹⁰¹ (191) (108'-
214')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro ;
producido en las células ováricas de hamster chino
(CHO) K1SV, glicoforma alfa
immunomodulador, antineoplásico

2254522-19-3

Sequence / Séquence / Secuencia				
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-CD38 γ4-IFNα2b)				
EVQLVQSGAE	VKKPGATVKI	SCKVSQYTTT	DSVMNWVQQA	PGKGLEWMGW 50
IDPEYGRITDV	AEKFQGRVTI	TADTSTDTAY	MELSSLRSED	TAVYYCARTK 100
YNSGYGFPYV	GQGTITVTSS	ASTKGPSVFP	LAPCSRSTSE	STAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFFPAVLQSS	GLYSLSSVVT	VPSSSLGTRK 200
YTCNVDRHKS	NTKVDKRVES	KYGPPCPPCP	APEFLGGPSV	FLFPPKPKDT 250
LMISRTPEVT	CVVVDVSQED	PEVQFNWYVD	GVEVHNAKTK	PREEQFNSTY 300
RVVSVTLVLH	QDWLNGKEYK	CKVSNKGLPS	SIEKTIISKAK	GQPREPQVYT 350
LPPSQEEMTK	NQVSLTCLVK	GFYPSDIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPPVLD 400
DGSFFLYSRL	TVDKSRWQEG	NVFSCSVMEH	ALHNHYTQKS	LSLSLGKCDL 450
PQTHSLGSRR	TLMLLAQMRR	ISLFSCLKDR	HDGFFPQEEF	GNQFQKAETI 500
PVLHEMIQQI	FNLFSITKDS	AAWDETLLDK	FYTELYQQLN	DLEACVIQGV 550
GVAETPLMKE	DSLAVRKYF	QRITLYLKEK	KYSPCAWEVV	RDEIMRSFSL 600
STNLQESLRS	KE			612
Light chain / chaîne légère / cadena ligera				
DIQMTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCKASQNVN	SDVDWYQQKP	GKAPKLLIYK 50
ASNDYTGVP	RFSGSGSGTD	FTFTISLLQP	EDIATYYCMQ	SNTHPRTFGG 100
GTKVEIKRTV	AAPSVFIFPP	SDEQLKSGTA	SVCCLLNIFY	PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ	ESVTEQDSKD	STYLSSTLT	LSKADYEKHK	VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN	RGEC			214
Post-translational modifications				
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro				
Intra-H	22-96	147-203	261-321	367-425
	22"-96"	147"-203"	261"-321"	367"-425"
Intra-IFN	448-545	476-585	448"-545"	476"-585"
Intra-L	23'-88'	134'-194'	23"-88"	134"-194"
Inter-H-L	134-214'	134"-214"		
Inter-H-H	226-226"	229-229"		
Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación				
H CH2 N84.4: N297, N297"				
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / Glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / Glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados				

murizatocloxum

murizatoclox

(1³S,3¹R,3²R,4R,5E,8S,9R)-6'-chloro-4-methoxy-8,9-dimethyl-4-[[[(9aR)-octahydro-2H-pyrido[1,2-a]pyrazin-2-yl]methyl]-3',4'-dihydro-1²H,1⁴H,2'H-spiro[10λ⁶-thia-11-aza-1(5,7)-[1,5]benzoxazepina-3(1,2)-cyclobutanacyclododecaphan-5-ene-1³,1'-naphthalene]-10,10,12-trione
antineoplastic

murizatoclox

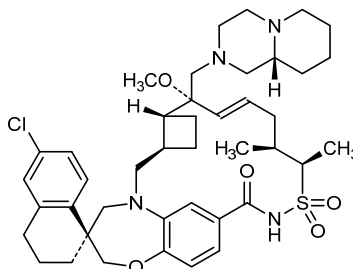
(1³S,3¹R,3²R,4R,5E,8S,9R)-6'-chloro-4-méthoxy-8,9-diméthyl-4-[[[(9aR)-octahydro-2H-pyrido[1,2-a]pyrazin-2-yl]méthyl]-3',4'-dihydro-1²H,1⁴H,2'H-spiro[10λ⁶-thia-11-aza-1(5,7)-[1,5]benzoxazépina-3(1,2)-cyclobutanacyclododécaphan-5-ène-1³,1'-naphtalène]-10,10,12-trione
antineoplasique

murizatoclox

(1³S,3¹R,3²R,4R,5E,8S,9R)-6'-cloro-4-metoxi-8,9-dimetil-4-[[[(9aR)-octahidro-2H-pirido[1,2-a]pirazin-2-il]metil]-3',4'-dihidro-1²H,1⁴H,2'H-spiro[10λ⁶-thia-11-aza-1(5,7)-[1,5]benzoxazepina-3(1,2)-ciclobutanacyclododecafán-5-eno-1³,1'-naftaleno]-10,10,12-triona
antineoplásico

C₄₂H₅₇ClN₄O₅S

2245848-05-7

**nesolifactorum**

nesolifactor

N-(*trans*-3-[5-[(1R)-1-hydroxyethyl]-1,3,4-oxadiazol-2-yl]cyclobutyl)-3-phenyl-1,2-oxazole-5-carboxamide
cystic fibrosis transmembrane regulator (CFTR)
protein modulator

nésolifactor

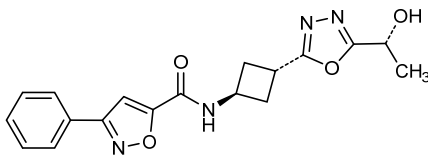
N-(*trans*-3-[5-[(1R)-1-hydroxyéthyl]-1,3,4-oxadiazol-2-yl]cyclobutyl)-3-phényl-1,2-oxazole-5-carboxamide
modulateur de la protéine régulatrice de la perméabilité transmembranaire impliquée dans la mucoviscidose (CFTR)

nesolifactor

3-fenil-*N*-(*trans*-3-[5-[(1R)-1-hidroxietyl]-1,3,4-oxadiazol-2-il]ciclobutil)-1,2-oxazolo-5-carboxamida
modulador de la proteína reguladora de la conductancia transmembrana de la fibrosis quística (CFTR)

C₁₈H₁₈N₄O₄

1953130-87-4

**nipocalimabum #**

nipocalimab

immunoglobulin G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* FcγRT (Fc fragment of IgG receptor and transporter, neonatal Fc receptor, FcRn, transmembrane alpha chain of the neonatal receptor)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (90.8%) -(IGHD) - IGHJ3*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3>G1m17, nG1m1, G1v29 CH2 A84.4 (CH1 R120>K (213) (117-214), hinge 1-15 (215-229), CH2 N84.4>A (296) (230-339), CH3 E12 (355), M14 (357) (340-444), CHS K2>del (445)) (117-445)], (219-215')-disulfide with lambda light chain *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-23*01 (94.8%) -IGLJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [9.3.10] (26-34.52-54.91-100) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC3*03 (100%) (111'-216')];
 dimer (225-225''-228-228'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells
immunomodulator

nipocalimab

immunoglobuline G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* FcγRT (transporteur et récepteur du fragment Fc des IgG, récepteur Fc néonatal, FcRn, chaîne alpha transmembranaire du récepteur néonatal)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
 chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (90.8%) -(IGHD) - IGHJ3*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3>G1m17, nG1m1, G1v29 CH2 A84.4 (CH1 R120>K (213) (117-214), charnière 1-15 (215-229), CH2 N84.4>A (296) (230-339), CH3 E12 (355), M14 (357) (340-444), CHS K2>del (445)) (117-445)], (219-215')-disulfure avec la chaîne légère lambda *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-23*01 (94.8%) -IGLJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [9.3.10] (26-34.52-54.91-100) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC3*03 (100%) (111'-216')];
 dimère (225-225''-228-228'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO)
immunomodulateur

nipocalimab

inmunoglobulina G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* FcγRT (transportador y receptor del fragmento Fc de las IgG, receptor Fc neonatal, FcRn, cadena alfa transmembranaria del receptor neonatal)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;

cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (90.8%) -(IGHD) - IGHJ3*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3>G1m17, nG1m1, G1v29 CH2 A84.4 (CH1 R120>K (213) (117-214), bisagra 1-15 (215-229), CH2 N84.4>A (296) (230-339), CH3 E12 (355), M14 (357) (340-444), CHS K2>del (445)) (117-445)], (219-215')-disulfuro con la cadena ligera lambda *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-23*01 (94.8%) -IGLJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [9.3.10] (26-34.52-54.91-100) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC3*03 (100%) (111'-216')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO) *inmunomodulador*

2211985-36-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada					
EVQLLESGGG	LVQPQSGSLR	LCASGGFTFS	TYAMGVWRQA	PGKGLEWVSS	50
IGASGSQTRY	ADSVKGRFTI	SRDNSKNTLY	LQMNLSRAED	TAVYCYCARLA	100
IGDSYWGQGT	MVTSSASTGK	GPSVFPLAPS	SKTSGGTAA	LGCLVKDYFP	150
EPVTVSWNSG	SLTSGVHTFP	AVLTQSSGLS	SLSVTVPSS	SLGTQTYINC	200
VNHKPSNATK	DKKVEPKSCD	KHTCTPPCPA	PELLGGSPVF	LFPFKPKDCL	250
MISRTPEVT	VVDVSDHEED	EVKENFVYDG	VEVHNAKTKP	REEQYASTYR	300
VVSVLTVLHQ	DWLNGKEYKC	YSKNKALPAP	IEKTIISKAG	QPREQVYTL	350
PPSREEMTKN	QVSLRLCLVGK	FYPSDIAVEW	ESNGQPENNY	KTTTPVPLDSD	400
GSFFLYSKLT	VRDSRWQQNG	VFPCSVMEHA	LHNHYTKQSL	LSLSPG	445
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera					
QSALTQPASV	SGSPGQSITK	SCCTGSGSDV	SYNLVSWYQG	HFGKAPKLMI	50
YGDSERPSSG	SNRFSGGTSG	NTASLTISGL	QAEDEADYYC	SSYAGSGIYV	100
FGTGKTVTVL	QGPKAPASVT	LFPPSSSEELQ	ANKATILVCLI	SDFYPGAVTV	150
AWKADSSSPK	AGVETITTPSK	QSNKNKYASK	YLSLTPEWQK	SHKSYSCQVT	200
HEGSTVEKTV	APTECS				216
Post-translational modifications					
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro					
Intra-H (C23-C104)	22-96	143-199	260-320	366-424	
	22"-96"	143"-199"	260"-320"	366"-424"	
Intra-L (C23-C104)	22'-90'	138'-197'			
	22"-90"	138"-197"			
Inter-H-L (h 5-CL 126)	219-215'	219"-215"			
Inter-H-H (h 11, h 14)	225-225*	228-228"			
No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación					
H CH2 N84.4>A:					
296, 296"					

olverembatinibum
olverembatinib

4-methyl-N-{4-[(4-methylpiperazin-1-yl)methyl]-3-(trifluoromethyl)phenyl}-3-[(1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-5-yl)ethynyl]benzamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

olvérembatinib

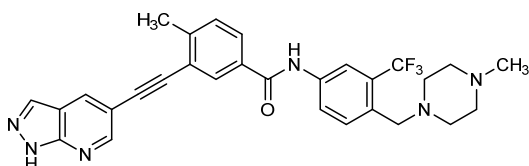
4-méthyl-N-{4-[(4-méthylpipérazin-1-yl)méthyl]-3-(trifluorométhyl)phényl}-3-[(1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-5-yl)éthynyl]benzamide
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

olverembatinib

4-metil-N-{4-[(4-metilpiperazin-1-il)metil]-3-(trifluorometil)fenil}-3-[(1*H*-pirazolo[3,4-*b*]piridin-5-il)etiniil]benzamid
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

$C_{29}H_{27}F_3N_6O$

1257628-77-5

**olvimulogenum nanivacirepvecum #**

olvimulogene nanivacirepvec

A recombinant replication-competent oncolytic vaccinia virus (strain L1VP) comprising the genes encoding a Renilla luciferase - green fluorescent protein fusion protein (ruc-gfp) and enzymes beta-galactosidase (lacZ) and beta-glucuronidase (gusA), inserted into the F14.5L, J2R (thymidine kinase) and A56R (hemagglutinin) loci, respectively. Expression of the three proteins is driven by a synthetic early/late promoter (pSEL), a vaccinia virus strain Western Reserve early/late p7.5 promoter and a vaccinia virus strain Western Reserve late p11 promoter, respectively. A human transferrin receptor gene has also been inserted in the J2R locus but is not expressed.
gene therapy (antineoplastic)

olvimulogène nanivacirépevec

virus de la vaccine recombinant répliquant oncolytique (souche L1VP) contenant les gènes codant pour une protéine de fusion luciférase de Renilla - protéine fluorescente verte (ruc-gfp) et des enzymes galactosidase bêta (lacZ) et glucuronidase bêta (gusA), insérés dans les loci F14.5L, J2R (thymidine kinase) and A56R (hémagglutinine), respectivement. L'expression des trois protéines est sous le contrôle d'un promoteur synthétique précoce/tardif (pSEL), d'un promoteur p7.5 précoce/tardif du virus de la vaccine souche Western Reserve et d'un promoteur p11 tardif du virus de la vaccine souche Western Reserve, respectivement. Un gène du récepteur de transferrine humaine a aussi été inséré dans le locus J2R mais n'est pas exprimé.
thérapie génique (antineoplasique)

olvimulogén nanivacirepvec

Un virus vaccinia recombinante (cepa L1VP) competente para replicación, oncolítico, que contiene los genes que codifican para una proteína de fusión de la luciferasa de Renilla y la proteína fluorescente verde (ruc-gfp) y para las enzimas beta-galactosidasa (LacZ) y beta-glucuronidasa (gusA), insertados en los loci F14.5L, J2R (timidina quinasea) y A56R (hemagglutina), respectivamente. La expresión de las tres proteínas está dirigida por un promotor temprano/tardío sintético (pSEL), un promotor p7.5 precoz/tardío de la cepa Western Reserve del virus vaccinia y un promotor p11 tardío de la cepa Western Reserve del virus vaccinia, respectivamente. Se ha insertado también un gen del receptor de transferrina humano en el locus J2R pero éste no se expresa.
terapia génica (antineoplásico)

1473430-36-2

omfiloctocogum alfa #

omfiloctocog alfa human coagulation factor VIII (FVIII, antihemophilic factor, AHF, procoagulant component) with deleted B-domain (746-1639)-sequence: single-chain recombinant FVIII composed of domains A1-a1-A2-a2 (1-740), the B-domain N- and C-terminal fragments (741-745) and 1640-1648 (746-754) and domains a3-A3-C1-C2 1649-2332 (755-1438), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa *blood coagulation factor*

omfiloctocog alfa facteur de coagulation VIII humain (FVIII, facteur antihémophile, AHF, composant procoagulant) dont le domaine B a été supprimé (746-1639): chaîne unique du FVIII humain recombinant composé des domaines A1-a1-A2-a2 (1-740), des fragments N- et C-terminaux du domaine B (741-745) et 1640-1648 (746-754) et des domaines a3-A3-C1-C2 1649-2332 (755-1438), produit par des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa *facteur de coagulation sanguine*

omfiloctocog alfa factor de coagulación VIII humano (FVIII, factor antihemofílico, AHF, componente procoagulante) con el dominio B que ha sido suprimido (746-1639): cadena única del FVIII humano recombinante compuesto de los dominios A1-a1-A2-a2 (1-740), de los fragmentos N- y C-terminal del dominio B (741-745) y 1640-1648 (746-754) y de los dominios a3-A3-C1-C2 1649-2332 (755-1438), producido por las células ováricas de hamster chino (CHO), glicoforma alfa *factor de coagulación sanguínea*

2249927-58-8

Sequence / Séquence / Secuencia		
ATRRYYLGAV	ELSWDMQSD	LGELPVDARF
PFRVPKSPFF	NTSVVYKCTL	50
FVEFTDHLFN	IAKPRPFWMG	LLGPTIAQEV
YDTVVITLKN	MASHPVSLHA	100
VGVSYWKAASE	GAEYDDQTSQ	REKEDDKVFP
GGSHTYVMQV	LKENGPMASD	150
PLCLTYSYLS	HVDLVKDLNS	GLIGALLVCR
EGSLAKEKTQ	TLHKFILLFA	200
VFDEGKSWHS	ETKNSLMQDR	DAASARAWPK
MHTVNGYVNR	SLPGLIGCHR	250
KSVYWHVIGM	GTTPEVHSIF	LEGHTFLVRN
HRQASLEISP	ITFLTAQTLL	300
MDLGQFLLCF	HISSHQHDGM	EAYVKVDSCP
EELPQLRMKN	EEAEDYDDL	350
TDSEMDVVRF	DDNSPSFQIQ	IRSVAKKHFK
TWVHYIAAEE	EDWDYAPLVL	400
APDDRSYKQSQ	YLNNGPQRIG	RKYKKVRFMA
YTDETFKTRE	AIQHGSGILG	450
PLLYGEVGD	LLIIFKNQAS	RPYNIYPHGI
TDVRLPYLSR	LPKGVKHLKD	500
FPILPGEIFK	YKWTVTVDG	PTKSDPRCLT
RYYSFVNME	RDLASGLIGP	550
LLICYKESVD	QRNQIMSDK	RNVILFSVFD
ENRSWYLTEN	IQRFLPNPAG	600
VQLEDPEFQA	SNIMHSINGY	VFDLSQLSVC
LHEVAYWYIL	SIGAQTDFLS	650
VFGSGYTFKH	KMVEYEDTLT	FPFSGETVFM
SMENPGLNWL	GCHNSDFRNR	700
GMTALLKVSS	CDKNTGDYYE	DSYEDISAYL
LSKNNAIEPR	SFSQNPVPLK	750
RHQREITRRT	LQSDQEEIDY	DDTISVEMKK
EDFDIYDEDE	NQSPRSFQKK	800
TRHYFIAAVE	RLWDYGMSSS	PHVLRNRAQS
GSVPQKKVV	QSFETDGSFT	850
QPLRYGELNE	HLGLLGPYIR	AEVEDNIMVT
FRNQASRPYS	FYSLSLISYE	900
DQRQGAERPK	NFVKNETKT	YFWKVQHMA
PTKDEFDCKA	WAYFSDVDLE	950
KDVHSGLIGP	LLVCHTNTLN	PAHGRQVTQV
EFALFTTIFD	ETKSWYFTEN	1000
MERNCRAPCN	IQMEDPTPKE	NYRFAINGY
IMDTLPLVM	AQDQIRRWYL	1050
LSMGSNENIH	SIHFSGHVFT	VRKKEEYKMA
LYNLPGVFE	TVEMLPKAG	1100
IWRVECLIGE	HLHAGMSTLF	LVYSNKCQTP
LGMASGHIRD	FQITASGQYG	1150
QWAPKLARLH	YSGSINAWST	KEPFSWIKVD
LLAFMIHIGI	KTQGARQKFS	1200
SLYISQFIIM	YSLDGKKWQT	YRGNSTGTLM
VFFGNVDSGG	IKHNIFNPF	1250
IARYIRLHPT	HYSIRSLTLM	ELMGCDLNSC
SMPPLGMESKA	ISDAQITASS	1300
YFTNMFATWS	PSKARLHLQG	RSNAWRPQVN
NPKEWLQVDF	QKTMKVTVGT	1350
TQGVKSLSTS	MYVKEFLISS	SQDGHQWTLF
FQNGKVKVFQ	GNQDSFTFVV	1400
NSLDPLLLTR	YLRHFPQSWV	HQIALRMEVL
GCEAQDLY		1438

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
153-179, 248-329, 528-554, 630-711, 938-964, 1005-1009, 1127-1275, 1280-1432
(Cys-SH: 310, 692, 1106)

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación
N41, N239, N916, N1224
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / Glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / Glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

Tyr-sulfation sites / Sites de Tyr-sulfation / Posiciones de Tyr-sulfación
346, 718, 719, 723, 770, 786

onatasertibum

onatasertib

7-[6-(2-hydroxypropan-2-yl)pyridin-3-yl]-1-(*trans*-4-methoxycyclohexyl)-3,4-dihydropyrazino[2,3-*b*]pyrazin-2(1*H*)-one
antineoplastic

onatasertib

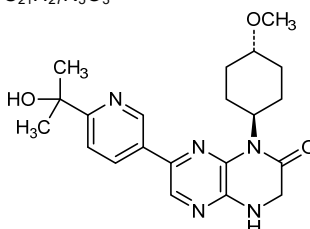
7-[6-(2-hydroxypropan-2-yl)pyridin-3-yl]-1-(*trans*-4-méthoxycyclohexyl)-3,4-dihydropyrazino[2,3-*b*]pyrazin-2(1*H*)-one
antinéoplasique

onatasertib

7-[6-(2-hidroxiopropan-2-il)piridin-3-il]-1-(*trans*-4-metoxiciclohexil)-3,4-dihidropirazino[2,3-*b*]pirazin-2(1*H*)-ona
antineoplásico

C₂₁H₂₇N₅O₃

1228013-30-6

**ongeriticimabum #**

ongeriticimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PCSK9 (proprotein convertase subtilisin/kexin type 9, neural apoptosis-regulated convertase 1, NARC1, NARC-1, proprotein convertase 9, PC9)], humanized monoclonal antibody;
 gamma4 heavy chain (1-438) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (79.2%) -(IGHD) - IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.5] (26-33.51-57.96-100) (1-111) - *Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (112-209), hinge 1-12 S10>P (219) (210-221), CH2 (222-331), CH3 (332-436), CHS (437-438)) (112-438)], (125-213')-disulfide with kappa light chain (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (85.1%) - IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.8] (27-32.50-52.89-96) (1'-106') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dimer (217-217":220-220")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
antihyperlipidaemic

ongéricimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PCSK9 (proprotéine convertase subtilisine/kexine type 9, convertase 1 régulée par l'apoptose neuronale, NARC1, NARC-1, proprotéine convertase 9, PC9)], anticorps monoclonal humanisé;
 chaîne lourde gamma4 (1-438) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (79.2%) -(IGHD) - IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.5] (26-33.51-57.96-100) (1-111) - *Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (112-209), charnière 1-12 S10>P (219) (210-221), CH2 (222-331), CH3 (332-436), CHS (437-438)) (112-438)], (125-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa

(1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (85.1%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.8] (27-32.50-52.89-96) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dimère (217-217":220-220")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa antihyperlipidémiant

ongeriticimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PCSK9 (proteína convertasa subtilisina/kexina tipo 9, convertasa 1 regulada por la apoptosis neuronal, NARC1, NARC-1, proteína convertasa 9, PC9)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma4 (1-438) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (79.2%) -(IGHD) - IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.5] (26-33.51-57.96-100) (1-111) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (112-209), bisagra 1-12 S10>P (219) (210-221), CH2 (222-331), CH3 (332-436), CHS (437-438)) (112-438)], (125-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (85.1%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.8] (27-32.50-52.89-96) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dímero (217-217":220-220")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa antihyperlipidémico

2145096-91-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLQESGPG LVKPSQTLST TCTVSGFSPIS SYGIHWIRQS PGKGLEWIGV 50
INRRGITDYN AFPMRSVTIS KDNSKNQVSF KLSSTAADT AVYYCANHRD 100
WCQGTLTVTVS SASTKGPSVF PLAPCSRSTS ESTAALGCLV KDYFPEPTV 150
SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSV TVPSSSLGTFK TYTCNVDPHK 200
SNTKGVDRVE SKYGPCCPPC PAFELGGSV VLFPPKPKD TLMISRTPEV 250
TCVVVDVSQE DDEVQNWYV DGEVHNAKT KPRREQNST YRVSVLTIVL 300
HQDWLNGKEY KCKVSNKGLP SSIEKTIKA KGQPREPVY TLPPSQEEMT 350
KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQFEN NYKTPPEVLD SDGSFFLYSR 400
LTVDKSRWQE GNVFSCVMH EALHNHYTQR SLSLSLGL 438

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCAQSQDIN KYIDWYQHKP GKAPKLLIHY 50
ASTLQPGVPS RFGSGSGGRD YFTISSLPQ EDIATYYCLQ YDDLWTFGG 100
TKVEIKRTVA APSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLLNNFYF REAKVQWKVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSSTLT LSKADYEKHKV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFNR GEC 213

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-95 138-194 252-312 358-416
22"-95" 138"-194" 252"-312" 358"-416"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 133"-193"
23"-88" 133"-193"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 125-213' 125"-213"
Inter-H-H (h 8, h 11) 217-217" 220-220"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
288, 288"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

ontorpaceptum #
ontorpacept

human signal-regulatory protein alpha (SIRPα, tyrosine-protein phosphatase non-receptor type substrate 1, inhibitory receptor SHPS-1), (L¹⁴>S, T²⁰>S, T²²>I, R²⁴>H, A²⁷>V, G⁴⁵>A, D⁶⁵>E, L⁶⁶>S, N⁷⁰>E, R⁷⁷>S, G⁷⁹>S, D¹⁰¹>del, V¹⁰²>T¹⁰¹)-variant, N-terminal (1-118)-fragment [binding domain for CD47 (inhibitor of phagocytosis by macrophages)], fused to a human immunoglobulin G1 C-terminal Fc fragment (119-345), dimer (124-124':127-127')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa antineoplastic

ontorpacept

protéine régulatoire de signal alpha, humaine (SIRPα, substrat 1 de type non-récepteur de la tyrosine-protéine phosphatase, récepteur inhibitoire SHPS-1), (L¹⁴>S, T²⁰>S, T²²>I, R²⁴>H, A²⁷>V, G⁴⁵>A, D⁶⁵>E, L⁶⁶>S, N⁷⁰>E, R⁷⁷>S, G⁷⁹>S, D¹⁰¹>del, V¹⁰²>T¹⁰¹)-variant, fragment N-terminal (1-118) [domaine se liant au CD47 (inhibiteur de la phagocytose par les macrophages)], fusionnée au fragment Fc C-terminal de l'immunoglobuline G1 (119-345), dimère (124-124':127-127')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
antineoplasique

ontorpacept

proteína reguladora de señal alfa, humana (SIRPα, sustrato 1 de tipo no-receptor de la tirosina-proteína fosfatasa, receptor inhibidor SHPS-1), (L¹⁴>S, T²⁰>S, T²²>I, R²⁴>H, A²⁷>V, G⁴⁵>A, D⁶⁵>E, L⁶⁶>S, N⁷⁰>E, R⁷⁷>S, G⁷⁹>S, D¹⁰¹>del, V¹⁰²>T¹⁰¹)-variante, fragmento N-terminal (1-118) [dominio unido al CD47 (inhibidor de la fagocitosis por los macrófagos)], fusionado con el fragmento Fc C-terminal de la inmunoglobulina G1 (119-345), dímero (124-124':127-127')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamster chino (CHO), glicofoma alfa
antineoplásico

2131089-46-6

Sequence / Séquence / Secuencia			
EEELQVIQPD	KSVSVAAAGES	AILHCTVTSL	IPVGPIQWFR GAGPARELIY 50
NQKEGHFFRV	TTVSESTKRE	NMDFSISISN	ITPADAGTYY CVKFRKGSPD 100
TEFKSGAGTE	LSVRAKPSDK	THTCPPCPAP	ELLGGPSVFL FFPKPKDTLM 150
ISRTPEVTCV	VVDVSHEDPE	VKFNWYVDGV	EVHNARTKPR EEQYNSTYRV 200
VSVLTVLHQD	WLNKEYKCK	VSNKALPAPI	EKTISKAKGQ PREPQVYTLF 250
PSRDELTKNQ	VSLTCLVKGF	YPSDIAVEWE	SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 300
SFFFLYSKLTV	DKSRWQGGNV	FSCSYMHEAL	HNHYTQKSLS LSPGK 345
Post-translational modifications			
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro			
intra-chain 25-91 159-219 265-323			
25-91' 159'-219' 265'-323'			
inter-chain: 124-124' 127-127'			
Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación			
N80, N195, N80', N195'			
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / Glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / Glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados			
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / supresión de lisina C-terminal			
H CHS K2: 345, 345'			

opucolimabum #
opucolimab

immunoglobulin G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD274 (programmed death ligand 1, PDL1, PD-L1, B7 homolog 1, B7H1)], monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%)) [8.8.16] (1-123) - *Homo sapiens* IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (220) (124-221), hinge 1-15 (222-236), CH2 N84.4>A (303) (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-214')-disulfide with lambda light chain humanized (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-51*01 (82.3%) -IGLJ2*01 (100%)) [8.3.10] (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC3*03 (98.1%) K119>R (207), P123>L (211) (110'-214')];
dimer (232-232':235-235'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells
immunomodulator, antineoplastic

opucolimab

immunoglobuline G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligand 1 de mort programmée, PDL1, PD-L1, homologue 1 de B7, B7H1)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%))] [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (220) (124-221), charnière 1-15 (222-236), CH2 N84.4>A (303) (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-214')-disulfure avec la chaîne légère (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-51*01 (82.3%) -IGLJ2*01 (100%))] [8.3.10] (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC3*03 (98.1%) K119>R (207), P123>L (211) (110'-214')]; dimère (232-232":235-235")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) *immunomodulateur, antinéoplasique*

opucolimab

immunoglobulina G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligando 1 de muerte programada, PDL1, PD-L1, homólogo 1 de B7, B7H1)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%))] [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (220) (124-221), bisagra 1-15 (222-236), CH2 N84.4>A (303) (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-214')-disulfuro con la cadena ligera lambda (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-51*01 (82.3%) -IGLJ2*01 (100%))] [8.3.10] (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC3*03 (98.1%) K119>R (207), P123>L (211) (110'-214')]; dímero (232-232":235-235")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO) *immunomodulador, antineoplásico*

2251771-79-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVQSGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS SYTMNWVRQA PGKGLEWVSS 50
ISSGSDYLYY ADSVKGRTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TAVYYCARNE 100
LRWYDPAQAGF DRWGQGTMTV VSSASTKGPS VFPLAPSSKS TSGGTAALGC 150
LVKDYFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG 200
TQTYICNVNH KPSNTKVDKK VEPKSCDKTH TCPPCPAPEL LGGPGSVFLFP 250
PKPKDTLMIS RTPETVTCVVV DVSHEDEPKV FNNYVDGVEV HNAKTPREE 300
QYASTYRVVS VLTIVLQDNL NGKEYKCKVVS NKALPAPIEK TISKAKGQPR 350
EPQVYTLPPS REEMTKNQVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN GQFENNYKTT 400
PPVLDSDGSF FLYSKLTVDK SRWQGNVFS CSVMHEALHN HYTQKSLSL 450
PGK 453

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
QSVVTQPPSM SAAPGQRVTI SCSGSSSYIE SSVYGWYQQL PGTAPELLIY 50
DDDMRPSGIP DRFSGSGSGT SATLAITGLQ TGDEADYYCE IWRSGLGGVF 100
GGGTKLTVLS QPKAAPSVTL FPPSSEELQA NKATLVCLIS DFYPGAVTVA 150
WKADSSPVKA GVETTTPSKQ SNKNYAASSY LSLTPPEQWS HKSYSCQVTH 200
EGSTVERTVA LTEC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 150-206 267-327 373-431
22"-96" 150"-206" 267"-327" 373"-431"
Intra-L (C23-C104) 22-89" 137"-196"
22"-89" 137"-196"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 226-214" 226"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 232-232" 235-235"

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación:
H CH2 N84.4>A:
303, 303"

C-terminal lysine clipping:
H CHS K2:
453, 453"

orelabrutinibum

orelabrutinib

2-(4-phenoxyphenyl)-6-[1-(prop-2-enoyl)piperidin-4-yl]pyridine-3-carboxamide
Bruton tyrosine kinase inhibitor

orélabrutinib

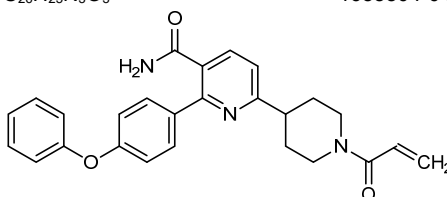
2-(4-phénoxyphényl)-6-[1-(prop-2-énoyl)pipéridin-4-yl]pyridine-3-carboxamide
inhibiteur de la tyrosine kinase de Bruton

orelabrutinib

2-(4-fenoxifenil)-6-[1-(prop-2-enoil)piperidin-4-il]piridina-3-carboxamida
inhibidor de la tirosina kinasa de Bruton

C₂₆H₂₅N₃O₃

1655504-04-3

**orvacabtagenum autoleucelum #**

orvacabtagene autoleucel

autologous CD4+ and CD8+ T lymphocytes obtained from peripheral blood mononuclear cells (PBMC), transduced *ex vivo* with a replication-incompetent, self-inactivating (SIN) lentiviral vector, encoding a chimeric antigen receptor (CAR) consisting of the human B cell maturation antigen (BCMA)-specific scFv, an IgG4-CH2-CH3 hinge region, CD28 transmembrane domain, CD137 (4-1BB) co-stimulatory domain and CD3 zeta signalling domain, under the control of a hybrid Elongation Factor 1 alpha (EF1α) / Human T cell Leukemia Virus (HTLV) R element promoter. The vector also encodes a truncated human epidermal growth factor receptor (EGFRt) that is expressed separately from the CAR on the cell surface.
genetically modified cell (antineoplastic)

orvacabtagène autoleucel

lymphocytes T autologues CD4+ and CD8+ obtenus de cellules mononuclées du sang périphérique (PBMC), transduits *ex vivo* avec un vecteur lentiviral non-répliquant, auto-inactivant (SIN) codant pour un récepteur d'antigène chimérique (CAR) ciblant l'antigène spécifique du scFv de maturation des lymphocytes B (BCMA) humain, une région charnière IgG4-CH2-CH3, un domaine transmembranaire du CD28, un domaine co-stimulateur du CD137 (4-1BB), et un domaine de signalisation CD3 zêta, sous le contrôle d'un promoteur hybride du facteur d'élongation 1-alpha humain (EF1α) / élément R du virus du lymphome humain à cellules T (HTLV). Le vecteur exprime un récepteur du facteur de croissance des cellules épidermiques humain tronqué (EGFRt) qui est exprimé séparément du CAR à la surface de la cellule
cellule génétiquement modifiée (antineoplasique)

orvacabtagén autoleucel linfocitos T CD4+ y CD8+ autólogos obtenidos de células mononucleares de sangre periférica, transducidos con un vector lentiviral auto inactivante e incompetente para replicación, que codifica un receptor para antígenos quimérico (CAR) consistente en un ssFv específico del antígeno de maduración de linfocitos B humano (BCMA), una región bisagra IgG4-CH2-CH3, un dominio transmembrana de CD28, un dominio coestimulador de CD137 (4-1BB) y un dominio de señalización de CD3 zeta, bajo el control de un promotor híbrido del Factor de Elongación 1 alfa (EF1α) / elemento R del virus de la leucemia de células T (HTLV) humana. El vector también codifica para una forma truncada del receptor del factor de crecimiento epidérmico (EGFRt) humano que se expresa separado del CAR en la superficie celular.
célula genéticamente modificada (antineoplásico)

osoresnontrinum

osoresnontrine

1-(oxan-4-yl)-6-[(pyridin-2-yl)methyl]-1,5-dihydro-4*H*-pyrazolo[3,4-*d*]pyrimidin-4-one
phosphodiesterase 9 (PDE9) inhibitor

osoresnontrine

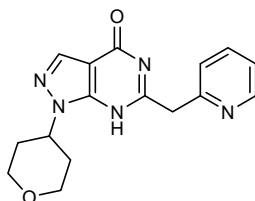
1-(oxan-4-yl)-6-[(pyridin-2-yl)méthyl]-1,5-dihydro-4*H*-pyrazolo[3,4-*d*]pyrimidin-4-one
inhibiteur de la phosphodiesterase 9 (PDE9)

osoresnontrina

1-(oxan-4-il)-6-[(piridin-2-il)metil]-1,5-dihidro-4*H*-pirazolo[3,4-*d*]pirimidin-4-ona
inhibidor de la fosfodiesterasa 9 (PDE9)

C₁₆H₁₇N₅O₂

1189767-28-9

**pelacarsenum**

pelacarsen

all-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis{[3-({6-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]hexyl)amino]-3-oxopropoxy)methyl}-1-hydroxy-1,10,14,21-tetraoxo-2,18-dioxo-9,15,22-triaza-1λ⁵-phosphaoctacosan-1-yl)-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)guanylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)guanylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidine
hypolipidaemic

pélacarsén

tout-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis[3-[(6-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]hexyl)amino]-3-oxopropoxy]méthyl]-1-hydroxy-1,10,14,21-tétraoxo-2,18-dioxa-9,15,22-triaza-1λ⁵-phosphaoctacosan-1-yl)-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)guanylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)guanylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidine
hypolipémiant

pelacarsén

todo-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]-16,16-bis[3-[(6-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]hexil)amino]-3-oxopropoxi]metil]-1-hidroxi-1,10,14,21-tetraoxo-2,18-dioxa-9,15,22-triaza-1λ⁵-fosfaoctacosan-1-il)-2'-O-(2-metoxietil)-5-metil-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)guanilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metilcitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)guanilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metil-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metil-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metilcitidina
hipolipidémico

C₂₉₆H₄₃₉N₇₁O₁₆₃P₂₀S₁₃

1637637-70-7

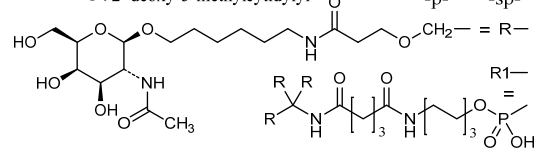
(3'→5') R1-U=G-C-U-C-d(C=G=T=G=G=T=G=C=T=)U-G-U=C

Legend: C & U : 2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylnucleotide

A & G: 2'-O-(2-methoxyethyl)nucleotide

A, G & T: 2'-deoxynucleotide

C : 2'-deoxy-5-methylcytidylyl



pelcitoclastax

pelcitoclastax

(3-[(10*R*)-1⁴-chloro-3⁵-fluoro-2⁴-(methanesulfonyl)-2⁵-methyl-7,7-dioxo-10-[(phenylsulfonyl)methyl]-2¹-(propan-2-yl)-8³-(trifluoromethanesulfonyl)-2¹*H*-7λ⁶-thia-6,9-diaza-4(1,4)-piperazina-13(1)-piperidina-2(2,3)-pyrrola-1(1),3(1,3),5,8(1,4)-tetrabenzene-tridecaphane-13⁴-carbonyl]oxy}propyl)phosphonic acid
antineoplastic

pelcitoclax

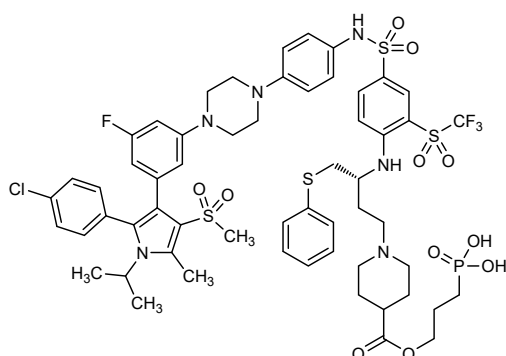
acide (3-[[[(10*R*)-1⁴-chloro-3⁵-fluoro-2⁴-(méthanesulfonyl)-2⁵-méthyl-7,7-dioxo-10-[(phénylsulfonyl)méthyl]-2¹-(propan-2-yl)-8³-(trifluorométhanesulfonyl)-2¹*H*-7⁶-thia-6,9-diaza-4(1,4)-pipérazina-13(1)-pipéridina-2(2,3)-pyrrola-1(1),3(1,3),5,8(1,4)-tétabenzenatridécaphane-13⁴-carbonyl]oxy}propyl)phosphonique
antineoplasique

pelcitoclax

ácido (3-[[[(10*R*)-1⁴-cloro-10-[(fenilsulfanil)metil]-3⁵-fluoro-2⁴-(metanosulfonyl)-2⁵-metil-7,7-dioxo-2¹-(propan-2-il)-8³-(trifluorometanosulfonyl)-2¹*H*-7⁶-tia-6,9-diaza-4(1,4)-piperazina-13(1)-piperidina-2(2,3)-pirrola-1(1),3(1,3),5,8(1,4)-tetrabencenatridecafano-13⁴-carbonil]oxi}propil)fosfónico
antineoplásico

C₅₇H₆₆ClF₄N₆O₁₁PS₄

1619923-36-2



pexopiprantum

pexopiprant

((8-chloro-3-[(4-chlorophenyl)méthyl]-4-(difluorométhoxy)-2-éthylquinolin-5-yl)oxy)acetic acid
prostaglandin receptor antagonist

pexopiprant

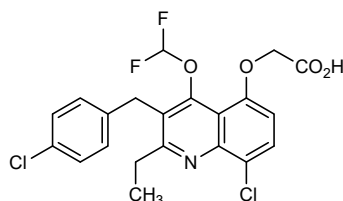
acide ((8-chloro-3-[(4-chlorophényl)méthyl]-4-(difluorométhoxy)-2-éthylquinoléin-5-yl)oxy)acétique
antagoniste du récepteur des prostaglandines

pexopiprant

ácido ((8-cloro-3-[(4-clorofenil)metil]-4-(difluorometoxi)-2-etilquinolin-5-il)oxi)acético
antagonista del receptor de las prostaglandinas

C₂₁H₁₇Cl₂F₂NO₄

932708-14-0



pimurutamabum #
pimurutamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EGFR (epidermal growth factor receptor, receptor tyrosine-protein kinase erbB-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)], humanized monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain humanized (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*03 (78.6%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (85.7%)) [8.7.13] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (85.3%) -IGKJ4*01 (90.9%)) [6.3.9] (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

pimurutamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EGFR (récepteur du facteur de croissance épidermique, récepteur tyrosine-protéine kinase erbB-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma1 humanisée (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*03 (78.6%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (85.7%)) [8.7.13] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (85.3%) -IGKJ4*01 (90.9%)) [6.3.9] (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

pimurutamab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EGFR (receptor del factor de crecimiento epidérmico, receptor tirosina-proteína kinasa erbB-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada gamma1 humanizada (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*03 (78.6%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (85.7%)) [8.7.13] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (85.3%) -IGKJ4*01 (90.9%)) [6.3.9] (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2251771-76-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPFGSLRL SCAASGFSLT NYGVHWRQA PGKGLEWLGV 50
IWSGGNTDYG NEFTSRFTIS RDNAKNSLYL QMNSLRAED AVYYCARALD 100
YYDYEFAYWG QGTMTVTSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEFVTSW NSGALTSGVH TFPVLOSSG LYSLSVVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKYDKRVEPK SCDKTHTCP CPAPELLGGP SVFLFPKPK 250
DTLMISRTPV VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDMLNGKE YKCKVSNKAL PAPIETKISK AKGQFPREPQV 350
YTLFPSREEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTPEVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSIG TNIHWYQKP GQAPRLLIKY 50
ASESISGIPA RFGSGSGTD FTLTISLLEP EDFAVYYCQ NNNWPTSEGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEHK HVIACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22"-95" 146"-202" 263"-323" 369"-427"
22"-95" 146"-202" 263"-323" 369"-427"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 222"-214" 222"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 228"-228" 231"-231"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2 N84.4:
299, 299"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:
HCHS K2:
449, 449"

posenacافتورم
posenacافتور

8-methyl-2-(3-methyl-1-benzofuran-2-yl)-5-[(1*R*)-1-(oxan-4-yl)ethoxy]quinoline-4-carboxylic acid
cystic fibrosis transmembrane regulator (CFTR)
protein modulator

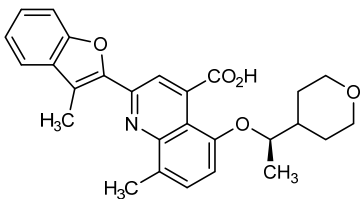
posénacافتور

acide 8-méthyl-2-(3-méthyl-1-benzofuran-2-yl)-5-[(1*R*)-1-(oxan-4-yl)éthoxy]quinoléine-4-carboxylique
modulateur de la protéine régulatrice de la perméabilité transmembranaire impliquée dans la mucoviscidose (CFTR)

posenacافتور

ácido 8-metil-2-(3-metil-1-benzofuran-2-il)-5-[(1*R*)-1-(oxan-4-il)etoxi]quinolina-4-carboxílico
modulador de la proteína reguladora de la conductancia transmembrana de la fibrosis quística (CFTR)

C₂₇H₂₇NO₅ 2095064-05-2



pudexacianinii chloridum
pudexacianinium chloride

3-(3-[[3-(cyclomaltoheptaos-2'-O-yl)propyl]amino]-3-oxopropyl)-2-[(1E)-2-[(3E)-3-[(2E)-2-[3-(3-[[3-(cyclomaltoheptaos-2'-O-yl)propyl]amino]-3-oxopropyl)-1,1-dimethyl-1,3-dihydro-2H-benzo[e]indol-2-ylidene]ethylidene)-2-methoxycyclohex-1-en-1-yl]ethen-1-yl]-1,1-dimethyl-1H-benzo[e]indol-3-ium chloride
diagnostic agent

chlorure de pudexacianinium

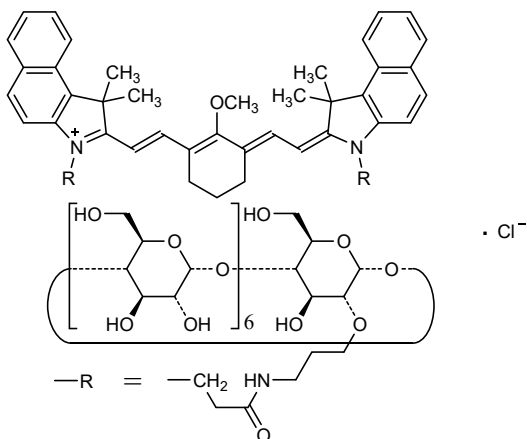
chlorure de 3-(3-[[3-(cyclomaltoheptaos-2'-O-yl)propyl]amino]-3-oxopropyl)-2-[(1E)-2-[(3E)-3-[(2E)-2-[3-(3-[[3-(cyclomaltoheptaos-2'-O-yl)propyl]amino]-3-oxopropyl)-1,1-diméthyl-1,3-dihydro-2H-benzo[e]indol-2-ylidène]éthylidène)-2-méthoxycyclohex-1-en-1-yl]éthèn-1-yl]-1,1-diméthyl-1H-benzo[e]indol-3-ium
agent de diagnostique

cloruro de pudexacianinio

cloruro de 3-(3-[[3-(ciclomaltoheptaos-2'-O-il)propil]amino]-3-oxopropil)-2-[(1E)-2-[(3E)-3-[(2E)-2-[3-(3-[[3-(ciclomaltoheptaos-2'-O-il)propil]amino]-3-oxopropil)-1,1-dimetil-1,3-dihidro-2H-benzo[e]indol-2-ilideno]etilideno)-2-metoxiciclohex-1-en-1-il]eten-1-il]-1,1-dimetil-1H-benzo[e]indol-3-ium
agente de diagnóstico

C₁₃₅H₁₉₇ClN₄O₇₃

2243793-22-6



quavonlimabum #
quavonlimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (cytotoxic T-lymphocyte-associated protein 4, CD152)], humanized monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain humanized (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.10.6] (26-33.51-60.99-104) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (212) (116-213), hinge 1-15 (214-228), CH2 (229-338), CH3 D12 (354), L14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (224-214')-disulfide with

- kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (81.6%) -IGKJ2*02 (90.9%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
dimer (224-224":227-227")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic
- quavonlimab immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (protéine 4 associée aux lymphocytes T cytotoxiques, CD152)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma1 humanisée (1-445) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-72*01 (84.7%) -IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.10.6] (26-33.51-60.99-104) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (212) (116-213), charnière 1-15 (214-228), CH2 (229-338), CH3 D12 (354), L14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (224-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (81.6%) -IGKJ2*02 (90.9%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
dimère (224-224":227-227")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique
- quavonlimab inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (proteína 4 asociada a los linfocitos T citotóxicos, CD152)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada gamma1 humanizada (1-445) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-72*01 (84.7%) -IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.10.6] (26-33.51-60.99-104) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (212) (116-213), bisagra 1-15 (214-228), CH2 (229-338), CH3 D12 (354), L14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (224-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (81.6%) -IGKJ2*02 (90.9%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
dímero (224-224":227-227")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2254059-25-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS DNMMNWVRQA PGKGLEWLAQ 50
IRNKPYNYES YYSASVKGRF TISRDDSKNS VYLQMNLSLT EDTGVYYCTA 100
QFAYWGQGLT VTVSGASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL GLVKDYFPE 150
PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTFPSS LGTQTYICNV 200
NHKPSNTKVD KKVPEKSCDK THTCPCPAP ELLGGFSVEL FPPKPKDTLM 250
ISRTPEVTCV VVDVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKER EEQYNSTYRV 300
VSVTLVLHQD WLNQKEYKCK VSNRALFAPF EKTISKARGQ PREPQVYTL 350
PSRDELTKNQ VSLTCLVKG FPSDIAVEWE SNGQPEMNIK TTPVLDSDG 400
SFFLYSKLTV DKSRWQQGNV FSCSVMEAL HNYTQKSL SLPKG 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRTSENIY GGLNWKYRKP GKSPKLLIYG 50
ATNLASGVSS RFGSGSGSTD YLTISLQPE EDVATYYCQN VLRSPTFTGS 100
GTKLEIKRTV AAPSFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVEEQDSKD STYLSSTLT LSKADYKHKH YVACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-98 142-198 259-319 365-423
22"-98" 142"-198" 259"-319" 365"-423"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 218-214" 218"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 224-224" 227-227"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
295, 295"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:
H CHS K2:
445, 445"

ragifilimabum #**ragifilimab**

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF18 (tumor necrosis factor receptor (TNFR) superfamily member 18, activation-inducible TNFR family receptor, AITR, glucocorticoid-induced TNFR-related, GITR, CD375)], humanized monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain humanized (1-447) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-2*02 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -*Homo sapiens*IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS K>del (447)) (119-447)], (221-220')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV4-1*01 (91.1%) -IGKJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [12.3.9] (27-38.56-58.95-103) (1'-113') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')];
 dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

ragifilimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF18 (membre 18 de la superfamille des récepteurs du TNF, récepteur de la famille TNFR induit par activation, AITR, récepteur apparenté au TNFR et induit par les glucocorticoïdes, GITR, CD375), anticorps monoclonal humanisé;
 chaîne lourde gamma1 humanisée (1-447) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-2*02 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -*Homo sapiens*IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS K>del (447)) (119-447)], (221-220')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV4-1*01 (91.1%) -IGKJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [12.3.9] (27-38.56-58.95-103) (1'-113') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')];
 dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

ragifilimab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF18 (miembro 18 de la superfamilia de los receptores del TNF, receptor de la familia TNFR inducido por activación, AITR, receptor relacionado con el TNFR e inducido por los glucocorticoides, GITR, CD375), anticuerpo monoclonal humanizado;
 cadena pesada gamma1 humanizada (1-447) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-2*02 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -*Homo sapiens*IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS K>del (447)) (119-447)], (221-220')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV4-1*01 (91.1%) -IGKJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [12.3.9] (27-38.56-58.95-103) (1'-113') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')];
 dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2207590-51-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV CKGSGVYFT DYAMYWVRQA PGQGLEWIGV 50
IRTVSGDVTY NQKFKDRATM TVDKSISTAY MELSLRLSDD TAVVYCAKSG 100
TVRGFAYWQY GTLTVTSSAS TKGPSVFPLA PSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEFPTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKRVFKS CDKTHCTPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGEVHNNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSREEMT KNQVSLTCLV KGEYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPVLD 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCVMH EALHNHYTQK SLSLSPG 447

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVMTQSPDS LAVSLGERAT INCKSSQSLN NSGNQKNYLT WYQQKPGQPP 50
KLLIYWASTR ESGVPDRFSG SGSGTDFTLT ISSLQAEDVA VYHCQNDYSY 100
PYTFGQGTGL EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDSSTYS LSSTLTLSKA DYERHKVYCA 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 220

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104) 23"-94" 140"-200"
23"-94" 140"-200"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-220" 221"-220"
Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-terminal glutaminy cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)
H VH Q1:
I, I"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
298, 298"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados

reciferceptum
recifercept

human fibroblast growth factor receptor 3 (FGFR-3, CD333) (1-336)-(401-413) fragment (1-349) [soluble isoform (337-400>del, 414-784>del)-sFGFR3], produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
fibroblast growth factor receptor (FGFR) inhibitor

récifercept

fragment (1-336)-(401-413) du récepteur 3 du facteur de croissance des fibroblastes humain (FGFR-3, CD333) (1-349) [isoforme soluble (337-400>del, 414-784>del)-sFGFR3], produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
inhibiteur du récepteur du facteur de croissance des fibroblastes (FGFR)

recifercept

fragmento (1-336)-(401-413) del receptor 3 del factor de crecimiento de los fibroblastos humanos (FGFR-3, CD333) (1-349) [isoforma soluble (337-400>del, 414-784>del)-sFGFR3], producido en las células ováricas de hamster chino (CHO), glicofoma alfa
inhibidor del receptor del factor de crecimiento de los fibroblastos (FGFR)

2226238-09-9

Sequence / Séquence / Secuencia
ESLGTQQRV GRAAEVPGPE PGQQEQQLVFG SGDAVELSCP PFGGGPMGPT 50
VWVKDGTGLV PSERVLVGPQ RLQVLNASHE DSGAYSCRQR LTQRVLCHFS 100
VRVTDAPSSG DDEGDEDAE DTGVDTGAPY WTRPERMDKK LLAVPAANTV 150
RFRCPAAGNP TPISWLKNG REFRGEHRIG GIKLRHQWVS LVMSVVPSPD 200
RGNYTCVVEN KFGSIRQTYT LDVLESPHR PILQAGLPAN QTAVLGSDVE 250
FHCKVYSDAQ PHIQWLKHE VNGSKVCPDG TPYVTVLKTA GANTTDEKELE 300
VLSLHNVTFE DAGEYTCLAG NSIGFSHSA WLVLVPLVSL SNASMSSNT 349

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-chain 39-97 154-206 253-317
(Cys-SH: 87)

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación
N76, N203, N240, N272, N293, N306, N342
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / Glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / Glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados

relzomostat

relzomostat

(3*R*,4*S*,5*S*,6*R*)-5-methoxy-4-[(2*R*,3*R*)-2-methyl-3-(3-methylbut-2-en-1-yl)oxiran-2-yl]-1-oxaspiro[2.5]octan-6-yl 6-(2,2-difluoroethyl)-2,6-diazaspiro[3.3]heptane-2-carboxylate

methionine aminopeptidase 2 (MetAP2) inhibitor

relzomostat

6-(2,2-difluoroéthyl)-2,6-diazaspiro[3.3]heptane-2-carboxylate de (3*R*,4*S*,5*S*,6*R*)-5-méthoxy-4-[(2*R*,3*R*)-2-méthyl-3-(3-méthylbut-2-én-1-yl)oxiran-2-yl]-1-oxaspiro[2.5]octan-6-yle

inhibiteur de la méthionine aminopeptidase 2 (MetAP2)

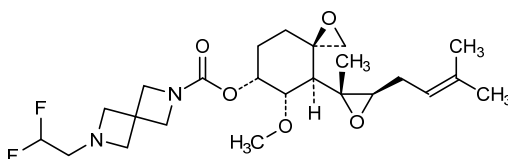
relzomostat

6-(2,2-difluoroetil)-2,6-diazaspiro[3.3]heptano-2-carboxilato de (3*R*,4*S*,5*S*,6*R*)-5-metoxi-4-[(2*R*,3*R*)-2-metil-3-(3-metilbut-2-en-1-il)oxiran-2-il]-1-oxaspiro[2.5]octan-6-ilo

inhibidor de la metionina aminopeptidasa 2 (MetAP2)

 $C_{24}H_{36}F_2N_2O_5$

2081078-92-2

**resiquimodum pegolum**

resiquimod pegol

2,2',2'',2'''-

{methanetetrayltetrakis[methylenepoly(oxyethylene)-oxy]}tetrakis[*N*-(2-[[2-(ethoxymethyl)-1-(2-hydroxy-2-methylpropyl)-1*H*-imidazo[4,5-*c*]quinolin-4-yl]amino]-2-oxoethyl)acetamide]

immunomodulator

résiquimod pégol

2,2',2'',2'''-

{méthanetétrayltétrakis[méthylènepoly(oxyéthylène)-oxy]}tétrakis[*N*-(2-[[2-(éthoxyméthyl)-1-(2-hydroxy-2-méthylpropyl)-1*H*-imidazo[4,5-*c*]quinoléin-4-yl]amino]-2-oxoéthyl)acétamide]

immunomodulateur

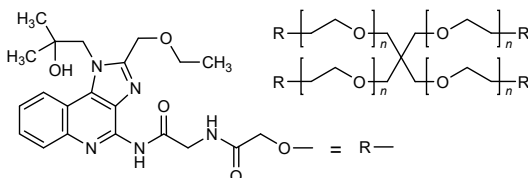
resiquimod pegol

2,2',2'',2'''-{metanotetrailtetrakis[metilenpoli-(oxietileno)oxi]}tetrakis[*N*-(2-[[2-(etoximetil)-1-(2-hidroxi-2-metilpropil)-1*H*-imidazo[4,5-*c*]quinolin-4-il]amino]-2-oxoetil)acetamida]

immunomodulador

 $C_{89}H_{112}N_{20}O_{20} \cdot (C_2H_4O)_{4n}$

2235369-93-2



revdofilimabum #

revdofilimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF4 (tumor necrosis factor receptor (TNFR) superfamily member 4, ACT35, OX40, CD134)], monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain (1-450) [VH (*Mus musculus* IGHV5-6-3*01 (88.8%) -IGHJ4*01 (93.8%)/*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-218')-disulfide with kappa light chain (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV3-4*01 (83.8%) -IGKJ1*01 (90.9%)/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (83.2%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')];
 dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

revdofilimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF4 (membre 4 de la superfamille des récepteurs du facteur de nécrose tumorale, ACT35, OX40, CD134)], anticorps monoclonal;
 chaîne lourde gamma1 (1-450) [VH (*Mus musculus* IGHV5-6-3*01 (88.8%) -IGHJ4*01 (93.8%)/*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV3-4*01 (83.8%) -IGKJ1*01 (90.9%)/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (83.2%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')];
 dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

revdofilimab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF4 (miembro 4 de la superfamilia de los receptores del factor de necrosis tumoral, ACT35, OX40, CD134)], anticuerpo monoclonal;
 cadena pesada gamma1 (1-450) [VH (*Mus musculus* IGHV5-6-3*01 (88.8%) -IGHJ4*01 (93.8%)/*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV3-4*01 (83.8%) -IGKJ1*01 (90.9%)/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (83.2%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')];
 dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2230138-89-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS RYGMSWVRQA PGKGLGLVAT 50
INSNGGRITYY PDSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TAVYYCAREG 100
ITTAYAMDYW GGGTTVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLPPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLNQDNLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGPREEPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LDSGGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVMTQSPDS LAVSLGERAT INCKASQSVQ YDGSYMHVY QOKPGPPPKL 50
LIYAASILES GVPDRFSGSG SGTDFLTLS SLQAEDVAVY YCQQSNEDPR 100
TFGGGKTVEI KRTVAAPSVF I FPPSDDEQLK SGTASVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLS STLTLKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSPVPT KSFNRGEC 218

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104) 23"-92" 138"-198"
23"-92" 138"-198"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223"-218" 223"-218"
Inter-H-H (h 11, h 14) 229"-229" 232"-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2 N84.4:
300, 300"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:
HCHS K2:
450, 450"

rezivertinibum
rezivertinib

N-(2-[2-(dimethylamino)ethoxy]-4-methoxy-5-{{4-(1-methyl-1*H*-indol-3-yl)pyrimidin-2-yl}amino}phenyl)prop-2-enamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

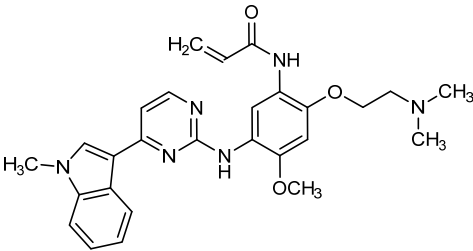
rézivertinib

N-(2-[2-(diméthylamino)éthoxy]-4-méthoxy-5-{{4-(1-méthyl-1*H*-indol-3-yl)pyrimidin-2-yl}amino}phényl)prop-2-énamide
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

rezivertinib

N-(2-[2-(dimetilamino)etoxi]-5-{{4-(1-metil-1*H*-indol-3-il)pirimidin-2-il}amino}fenil)-4-metoxiprop-2-enamida
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₂₇H₃₀N₆O₃ 1835667-12-3



rilematovirum
rilematovir

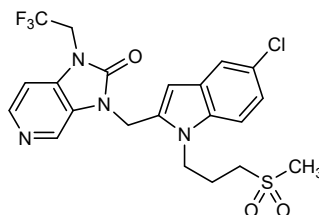
3-({5-chloro-1-[3-(methanesulfonyl)propyl]-1*H*-indol-2-yl)methyl)-(2,2,2-trifluoroethyl)-1,3-dihydro-2*H*-imidazo[4,5-*c*]pyridin-2-one
antiviral

rilématovir 3-({5-chloro-1-[3-(méthanesulfonyl)propyl]-1*H*-indol-2-yl}méthyl)-1-(2,2,2-trifluoroéthyl)-1,3-dihydro-2*H*-imidazo[4,5-*c*]pyridin-2-one
antiviral

rilematovir 3-({5-cloro-1-[3-(metanosulfonyl)propil]-1*H*-indol-2-il}metil)-1-(2,2,2-trifluoroetil)-1,3-dihidro-2*H*-imidazo[4,5-*c*]piridin-2-ona
antiviral

C₂₁H₂₀ClF₃N₄O₃S

1383450-81-4

**ripafollitropinum alfa (bovinum) #**

ripafollitropin alfa (bovine)

bovine follicle-stimulating hormone (synthetic analog):
[follitropin (*Bos taurus*) subunit β (1-109)]-[human chorionic gonadotropin (hCG) C-terminal 28-peptide linker (110-137)]-[glycoprotein hormones α chain (follitropin subunit α) (*Bos taurus*) (138-233)] fusion protein, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
follicle stimulating hormone (veterinary use)

ripafollitropine alfa (bovine)

hormone folliculostimulante bovine (analogue synthétique):
protéine de fusion [follitropine (*Bos taurus*) sous-unité β (1-109)]-[peptide liant: 28-peptide C-terminal de la gonadotrophine chorionique humaine (hCG) (110-137)]-[chaîne α des hormones glycoprotéiques (follitropine sous-unité α) (*Bos taurus*) (138-233)], produit par des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), forme glycosylée alfa
hormone folliculostimulante (usage vétérinaire)

ripafollitropina alfa (bovina)

hormona estimulante del folículo bovina (análogo sintético):
proteína de fusión [folitropina (*Bos taurus*) subunidad β (1-109)]-[conector: 28-péptido C-terminal de la gonadotropina coriónica humana (hCG) (110-137)]-[cadena α de las hormonas glicoproteicas (folitropina subunidad α) (*Bos taurus*) (138-233)], producida por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
hormona estimulante del folículo (uso veterinario)

2376991-13-6

Sequence / Séquence / Secuencia:

CELTNITITV EKEECGFCIS INTTWCAGYC YTRDLVYRDP ARPNIQKTCT 50
 FKELVYETVK VPGCAHHADS LYTPVATEC HCSKCDSDST DCTVRGLGPS 100
 YCSFREIKES SSSKAPPSL PSPSRLPGPS DTPILPQFPD GEFTMQGCPE 150
 CKLKENKYFS KPDAPYQCM GCCFSRAYPT PARSKKTMV PKNITSEATC 200
 CVAKATKAT VMGNVRVENH TECHCSTCY HKS 233

Disulfide bridge location / Position de la pont disulfure / Posición del puente disulfuro:
 (predicted): 1-49, 15-64, 18-102, 26-80, 30-82, 85-92, 148-172,
 151-201, 169-223, 173-225, 200-228

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación

potential N-glycosylation: N5, N22, N193, N219

potential O-glycosylation: S113, S119, S124, S130

Other post-translational modifications:

potential deamidation: N5, N22, N44, Q46, Q137, Q146,

N156, Q168, N193, N214, N219

potential S-oxidation: M145, M170, M188, M212

ripertamabum #

ripertamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* MS4A1 (membrane-spanning 4-domains subfamily A member 1, CD20)], chimeric monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain chimeric (1-451) [VH (*Mus musculus* IGHV1-12*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (87.5%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-213')-disulfide with kappa light chain chimeric (1'-213') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV4-72*01 (95.8%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [5.3.9] (27-31.49-51.88-96) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')];
 dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

ripertamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* MS4A1 (membre 1 de la sous-famille A à 4 domaines transmembranaires, CD20)], anticorps monoclonal chimérique;
 chaîne lourde gamma1 chimérique (1-451) [VH (*Mus musculus* IGHV1-12*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (87.5%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa chimérique (1'-213') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV4-72*01 (95.8%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [5.3.9] (27-31.49-51.88-96) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')];
 dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

ripertamab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* MS4A1 (miembro 1 de la subfamilia A con 4 dominios transmembranarios, CD20)], anticuerpo monoclonal quimérico;
cadena pesada gamma1 quimérica (1-451) [VH (*Mus musculus* IGHV1-12*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (87.5%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa quimérica (1'-213') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV4-72*01 (95.8%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [5.3.9] (27-31.49-51.88-96) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')];
dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2249927-04-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLQQPGAE LVKPGASVKM SCKASGYTFT SYNHWVKQT PGRGLEWIGA 50
IYPNGDTSY NQKFKGKATL TADKSSSTAY MQLSSLTSED SAVYYCARST 100
YYGGDWYFNV WGAGTTTIVTS AASTKGPSVF PLAPSKSTS GGTAALGCLV 150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TTPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVDKKVE PKSCDKTHTC PPCAPELLG GPSVFLFPKP 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYDQGEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSRD ELTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTTP 400
VLDSGDSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450
K 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
QIVLSQSPAI LSASPGKEVT MTCRASSSVS YIHWFQQKPG SSPKFWIYAT 50
SNLASGVFVR FSGSGSGTSY SLTISRVEAE DAATYYCQGW TSNPPTFGGG 100
TKLEIKRTVA APSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLLNNFYP REAKVQWKVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSSLTLL SKADYEKHKV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFNR GEC 213

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 265-325 371-429
22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"
Intra-L (C23-C104) 23'-87" 133'-193'
23'''-87''' 133'''-193'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 224-213' 224"-213"
Inter-H-H (h 11, h14) 230-230" 233-233"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
301, 301"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

rocakinogenum sifuplasmidum #
rocakinogene sifuplasmid

A DNA plasmid encoding both subunits of human interleukin-12 (IL12), subunit alpha (IL12A, IL-12 subunit p35) and subunit beta (IL12B; IL-12 subunit p40), under the control of a human cytomegalovirus (CMV) immediate-early 1 (IE1) promoter and a simian cytomegalovirus (sCMV) promoter, respectively.
immunotherapy, antineoplastic

rocakinogène sifuplasמיד

plasmide dont l'ADN code pour les deux sous-unités de l'interleukine 12 humaine (IL-12), sous-unité alpha (IL12A, sous-unité p35 de l'IL-12) et sous-unité bêta (IL12B; sous-unité p40 de l'IL-12), sous le contrôle d'un activateur/promoteur immédiat-précoce 1 (IE1) du cytomégalo virus (CMV) et d'un promoteur du cytomégalo virus simiesque (sCMV), respectivement
immunothérapie, antinéoplasique

rocakinogén sifuplasמיד

Un plásmido de DNA que codifica para ambas subunidades de la interleucina 12 (IL12) humana, la subunidad alfa (IL12A, IL-12 subunidad p35) y la subunidad beta (IL12B; IL-12 subunidad p40), bajo el control de un promotor inmediato-temprano 1 (IE1) del citomegalovirus (CMV) humano y un promotor del citomegalovirus de simio (sCMV), respectivamente.
immunoterapia, antineoplásico

2253753-17-0

rosopatamabum #

rosopatamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLH1 (folate hydrolase, prostate specific membrane antigen, PSMA)], monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-445) [VH (*Mus musculus* IGHV1-26*01 (78.4%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (76.3%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (212) (116-213), hinge 1-15 (214-228), CH2 (229-338), CH3 D12 (354), L14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV6-23*01 (80.9%) -IGKJ2*03 (72.7%)/*Homo sapiens* IGKV1-13*02 (78.7%) -IGKJ3*01 (91.7%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (224-224":227-227")-bisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

rosopatamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLH1 (folate hydrolase, antigène membranaire spécifique de la prostate, PSMA)], anticorps monoclonal;
chaîne lourde gamma1 (1-445) [VH (*Mus musculus* IGHV1-26*01 (78.4%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (76.3%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (212) (116-213), charnière 1-15 (214-228), CH2 (229-338), CH3 D12 (354), L14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA *Mus musculus* IGKV6-23*01 (80.9%) -IGKJ2*03 (72.7%)/(*Homo sapiens* IGKV1-13*02 (78.7%) -IGKJ3*01 (91.7%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (224-224":227-227")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

rosopatamab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLH1 (folato hidrolasa, antígeno membranario específico de la próstata, PSMA)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma1 (1-445) [VH (*Mus musculus* IGHV1-26*01 (78.4%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (76.3%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (212) (116-213), bisagra 1-15 (214-228), CH2 (229-338), CH3 D12 (354), L14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA *Mus musculus* IGKV6-23*01 (80.9%) -IGKJ2*03 (72.7%)/(*Homo sapiens* IGKV1-13*02 (78.7%) -IGKJ3*01 (91.7%)) [6.3.9] (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
dímero (224-224":227-227")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2260767-49-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVQSGPE VKKPGATVKI SCKTSGYTFE EYTIHWVKQA PGKGLEWIGN 50
INPNNGGTTY NQKFEDKATL TVDKSTDYAY MELSSLRSED TAVYYCAAGW 100
NFDYWGQGTLL LTVSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAAL GCLVKDYFPE 150
PVTVSWNSGA LTVSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVFPSSS LGTQYICNV 200
NHKPSNTKVD KKVPEPKSCDK THTCPPCPAP ELLGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
ISRTPEVTCV VVDVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQYNSTYRV 300
VSVLTVLHQD WLNKEYKCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ PREPQVYTLR 350
PSRDELTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQFENNYK TTPPVLDSDG 400
SFFLYSKLTV DKSRWQGGNV FSCVMHEAL HNHYTQKSL SLPGRK 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSTSVGDRVT LTCASQDVG TAVDWYQQKQ GPSPKLLIYW 50
ASTRHTGIPS RFGSGSGSTD FTLTISSLQP EDFADYYCQ YNSYPLTFGP 100
GTKVDIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSPEPTVKSFN RGEC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22"-96" 142"-198" 259"-319" 365"-423"
22"-96" 142"-198" 259"-319" 365"-423"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h5-CL126) 218"-214" 218"-214"
Inter-H-H (h11, h14) 224"-224" 227"-227"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2 N84.4:
29S, 29S"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

rosopatamabum tetraxetanum #
rosopatamab tetraxetan

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLH1 (folate hydrolase, prostate specific membrane antigen, PSMA)], monoclonal antibody, *tetraxetan* conjugate;
gamma1 heavy chain (1-445) [VH (*Mus musculus* IGHV1-26*01 (78.4%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (76.3%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (212) (116-213), hinge 1-15 (214-228), CH2 (229-338), CH3 D12 (354), L14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-214')-disulfide with kappa light chain

	(1'-214') [V-KAPPA (<i>Mus musculus</i> IGKV6-23*01 (80.9%) -IGKJ2*03 (72.7%)/<i>Homo sapiens</i> IGKV1-13*02 (78.7%) -IGKJ3*01 (91.7%))] [6.3.9] (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (224-224":227-227")-bisdisulfide; produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa, <i>tetraxetan</i> (DOTA) conjugate (on an average of 3 to 5 lysyl, linked to the chelator by their N6) <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
rosopatamab tétraxétan	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> FOLH1 (folate hydrolase, antigène membranaire spécifique de la prostate, PSMA)], anticorps monoclonal, conjugué au <i>tétraxétan</i>; chaîne lourde gamma1 (1-445) [VH (<i>Mus musculus</i> IGHV1-26*01 (78.4%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (92.9%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV1-69-2*01 (76.3%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%))] [8.8.8] (1-115) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (212) (116-213), charnière 1-15 (214-228), CH2 (229-338), CH3 D12 (354), L14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA <i>Mus musculus</i> IGKV6-23*01 (80.9%) -IGKJ2*03 (72.7%)/(<i>Homo sapiens</i> IGKV1-13*02 (78.7%) -IGKJ3*01 (91.7%))] [6.3.9] (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (224-224":227-227")-bisdisulfure; produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa, conjugué au <i>tétraxétan</i> (DOTA) (avec une moyenne de 3 à 5 lysyl liés au chélateur par leur N6) <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
rosopatamab tetraxetán	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> FOLH1 (folato hidrolasa, antígeno membranario específico de la próstata, PSMA)], anticuerpo monoclonal, conjugado con <i>tetraxetán</i> ; cadena pesada gamma1 (1-445) [VH (<i>Mus musculus</i> IGHV1-26*01 (78.4%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (92.9%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV1-69-2*01 (76.3%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%))] [8.8.8] (1-115) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (212) (116-213), bisagra 1-15 (214-228), CH2 (229-338), CH3 D12 (354), L14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA <i>Mus musculus</i> IGKV6-23*01 (80.9%) -IGKJ2*03 (72.7%)/(<i>Homo sapiens</i> IGKV1-13*02 (78.7%) -IGKJ3*01 (91.7%))] [6.3.9] (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (224-224":227-227")-bisdisulfuro; producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa, conjugado con <i>tetraxetán</i> (DOTA) (con una media de 3 a 5 restos lisil unidos al quelante por sus respectivos N6) <i>immunomodulador, antineoplásico</i>

2260767-50-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVLQVQSQSE	KKQKEDATVKI	TSKTSQVTT	EYTHHWKQA	PGKGLWEAGN	50
INFNNGGTTG	NQKFEDFKTL	TVDKSTDTAY	MELLSLRSD	TAVVYCAEWL	100
NFDYNGQGOTL	LTSVSASTKG	PSVFPLAPS	KTSGTGATGL	GLGVKDYFPE	150
PVTWVNSGNA	LTVSGHTFPA	VLQSSGVLIS	SSVTVFPSSS	LGTQYTCVND	200
NHKFSNTKVD	KKVPESHDEE	TRTFPCFPAC	ELHGAKSFVL	FPFKPKNTLV	250
INSEFPTVCT	VQVDSHDEP	VHTNVCYDGV	EVVNAKSTP	PEQKSYTKV	300
QVQVQVQVQ	QVQVQVQVQ	QVQVQVQVQ	QVQVQVQVQ	QVQVQVQVQ	350
PSFDELTKTG	DKSLTKVKG	VSPDIAVEAL	SQNGQPNMKV	TFPVLDSGQ	400
FFSLYSKLTV	VSRWLCVNG	FYSCVMEHAL	HNHYITVSKL	LSFGK	445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

Light chain ^a	Chain ^b region ^c	Caucasian ^d	Number		
D1QM7QSPSS	LSTSGVDRVT	LTCASQDVQG	TAVDWYQQKP	GSPSKLLIYW	50
ASTRHTGIPS	RFGSGSGSTD	FTLTISSLQP	EDFADYYCQQ	YNSYPLTFGP	100
GTKVDIKRTV	AAPSVFIFPP	SDEQLKSGTA	SVVCLLNIFY	PREAKVQWVK	150
DNALQSGNSQ	ESVTEQDSKD	STYLSSTLT	LSKADYEKKH	YVACEVTHQV	200
ISSPVTKSFN	RGEC				214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104)	22-96	142-198	259-319	365-423
	22°-96"	142°-198"	259°-319"	365°-423"

	22'-90'	142'-198'
Intra-L (C23-C104)	23'-88'	134'-194'
	23'''-88'''	134'''-194'''

	25	-88	154	-194
Inter-H-L (h 5-CL 126)	218-214'		218"-214'''	
Inter-H-H (h 11, h 14)	224-224"		227-227"	

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH₂ N84.4:

295, 295"

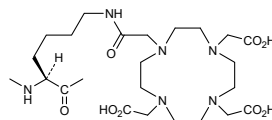
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

Potential modified residues / résidus modifiés potentiels / restos modificados potenciales

3 to 5 lysyl (K)

3 à 5 lysyl (K)

3 a 5 lisil (K)



rulabricinum alfa #

rylabricin alfa

human proteoglycan 4 (PRG4, lubricin, cartilage superficial zone proteoglycan, SZP, megakaryocyte-stimulating factor) isoform A, ($S^{722}>C$)-variant, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
proteoglycan 4 (lubricin) derivative

rulabricine alfa

protéoglycane 4 humain (PRG4, lubricine,
protéoglycane de la zone superficielle du cartilage,
SZP, facteur de stimulation des mégakaryocytes)
isoforme A, (S⁷²²→C)-variant, produit dans des cellules
ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alpha
dérivé du protéoglycane 4 (lubricine)

rulabricina alfa

proteoglicano 4 humano (PRG4, lubricina, proteoglicano de la zona superficial del cartilago, SZP, factor de estimulación de los megacariocitos) isoforma A, (S^{T22}>C)-variante, producido en las células ováricas de hamster chino (CHO), glicoforma alfa derivado del proteoglicano 4 (lubricina)

2252176-75-1

Sequence / Séquence / Secuencia:	
QDLSSCAGRC GEGYSRDATC NCDYNCQHVM ECCPDFKRVC TAE LSCKGRC	50
FESFERGREC DCDACQKKYD KCCPDYSEFC AEVHNPTSP SSKKAPPPSG	100
ASQTIKSTTK RSPKPPNKKK TKKVIESEEI TEHVSVENQ ESSSSSSSSS	150
SSSTIRKIKS SKNSAANREL QKKLKVDNKK KNRTKKKPTP KPPVDEAGS	200
GLDNGDFKVT TPDSTTTQHN KVSTSPKITT AKPINRPSL PPNSDTSKET	250
SLTVNKETTV ETKETTTTNK QTSTDGKEKT TSAKETQSIE KTSAKDLAPT	300
SKVLAKPTPK AETTTKGPA L TTPKEPTPTT PKEPASTTPK EPTPTTIKSA	350
PTTPKEPAPT TTKSAPTTPK EPAPTITTKP APPTPKEPAP TTTKEPAPT	400
TKSAPTTPKE PAPTTPKKPA PTPKEPAPT TPKEPTPTT KEPAPTTKEP	450
APPTPKEPAP TAPKKPAPT PKEPAPTTPK EPAPTITTKP SPTTPKEPAP	500
TTTKSAPTTP KEPAPTTKS APPTPKEPS TTTKEPAPT PKEPAPTTPK	550
KPAPTTPKEP APPTPKEPAP TTTKKPAPT PKEPAPTTPK ETAPTTPKKL	600
TTTTPKEKLA TPEKPAPTT PEELAPTPE EPTPTTPEEP APPTPKAAAP	650
NTPKEPAPT PKEPAPTTPK EPAPTTPKET APPTPKGTAP TTKKEPAPT	700
PKKPAPKELA PTTTKEPTST TCDKPAPTP KGTAPTTPE PAPTTPEKPA	750
PTTPKGTAPT TLKEPAPTP KKPAPKELAP TTTKGPSTT SDKPAPTTPK	800
ETAPTTPKEP APPTPKKPA TTPETPTPTT SEVSTPTTK EPTTIHKSPD	850
ESTPELSAEP TPKALENSPK EPGVPTTKPT AATKPEMTT AKDKTTERDL	900
RTTPETTTAA PKMTKETATT TEKTTESKIT ATTTQVITST TQDPTPFKIT	950
TLKTTTLAPK VTTTKKTIIT TEIMNKPEET AKPKDRATNS KATTPKPQKP	1000
TKAPKKPTST KKPKTMPVRV KPKTTPTPRK MSTMPPELNP TSRIAEAMLQ	1050
TTTRPNQTPN SKLVEVNPKS EDAGGAEGET PHMLLRPHVF MPEVTFPM DY	1100
LPRVNPQGI I INPMLSDET N ICNGKPDVGL TTLRNGTLVA FRGHYFWMLS	1150
PFSPSPPARR ITEVWGIPSP IDTVETRCNC EGKTEFFKDS QYWRFTNDIK	1200
DAGYPKPIFK FGGLTGQIV AALSTAKYKN WPESVYFFKR GGSIQQYIYK	1250
QEPVQKCPGR RPA LNPYPVG ETTQVRRRRF ERAIGPSQTH TIRIQYSPAR	1300
LAYQDKGV LH NEVKVSI LWR GLPNVVTSAI SLPNIRKPDG YDYAFSKDQ	1350
YYNIDVPSRT ARAITTRSGQ T LSKVWYNCP	1380

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
6, 10, 20, 22, 26, 32, 33, 40, 46, 50, 60, 62, 66, 72, 73, 80, 1122, 1379
(linked pairs variable or undetermined)
Cys-SH: 722, 1257; unknown status: 1178, 1180

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación
N182, N1056, N1120, N1135
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / Glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / Glicanos de tipo CHO biantenari os complejos fucosilados

Potential O-glycosylation sites
26 Ser, 174 Thr:
Sialylated and/or sulfated core 1 (Galβ1-3GalNAcβ1) CHO type O-glycans
Ser: 99, 102, 107, 112, 223, 225, 273, 282, 288, 293, 301, 336, 349, 364, 403, 491, 505, 529, 788, 848, 852, 857, 868, 938, 990, 1009;
Thr: 104, 108, 109, 216, 224, 229, 253, 258, 259, 265, 266, 267, 268, 272, 274, 280, 281, 286, 292, 300, 308, 321, 322, 327, 329, 330, 337, 338, 343, 345, 346, 352, 353, 360, 361, 362, 367, 368, 375, 376, 377, 383, 384, 391, 392, 393, 399, 400, 401, 406, 407, 414, 415, 422, 423, 430, 431, 436, 438, 439, 446, 447, 453, 454, 461, 469, 470, 477, 478, 485, 486, 487, 493, 494, 501, 502, 503, 508, 509, 510, 516, 517, 518, 523, 524, 531, 532, 533, 539, 540, 547, 548, 555, 556, 563, 564, 571, 572, 573, 579, 580, 587, 588, 592, 595, 603, 652, 659, 660, 667, 668, 675, 676, 680, 683, 688, 691, 692, 699, 700, 712, 733, 736, 737, 744, 745, 752, 753, 757, 760, 761, 768, 769, 781, 787, 789, 805, 813, 814, 843, 844, 853, 861, 876, 906, 907, 917, 919, 920, 921, 930, 932, 933, 934, 937, 939, 940, 941, 944, 951, 954, 955, 956, 962, 963, 964, 988, 1008, 1010, 1015, 1024, 1025, 1027, 1137

Gln1>Glp (pyroglutamyl, 5-oxoprolyl)

sabatolimabum #
sabatolimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* HAVCR2 (hepatitis A virus cellular receptor 2, T-cell immunoglobulin mucin family member 3, Tim-3, TIM3, TIMD3, CD366)], humanized monoclonal antibody; gamma4 heavy chain humanized (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (119-216), hinge 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS K>del (444)) (119-444)], (132-218')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (81.6%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (224-224":227-227")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa immunomodulator, antineoplastic

sabatolimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* HAVCR2 (récepteur cellulaire 2 du virus de l'hépatite A, CD366, membre 3 de la famille mucine immunoglobuline des cellules T, Tim-3, TIM3, TIMD3, CD366)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma4 humanisée (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (119-216), charnière 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS K>del (444)) (119-444)], (132-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (81.6%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (224-224":227-227")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa immunomodulateur, antinéoplasique

sabatolimab

immunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* HAVCR2 (receptor celular 2 del virus de la hepatitis A, CD366, miembro 3 de la familia mucina immunoglobulina de las células T, Tim-3, TIM3, TIMD3, CD366)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma4 humanizada (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (119-216), bisagra 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS K>del (444)) (119-444)], (132-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (81.6%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (224-224":227-227")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa inmunomodulador, antineoplásico

2252262-24-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGYTFT SYNMHVVRQA PGQGLEWMGD 50
IYPNGDTSY NQKFKGRVTI TADKSTSTVY MELSSLRSED TAVYYCARVG 100
GAFFMDYWGQ GTTIVTVSSAS TKGPSVFPLA PCSRSTSEST AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVFP SSSLGKTITYT 200
CNVDHKPSNT KVDKRVESKY GPCCPPCPAP EFLGGPSVFL FPEPKDTIM 250
ISRTPEVTCV VVDVSQEDPE VQFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQFNSTYRV 300
VSVLTVLHQD WLNKEYKCK VSNKGLPSSI EKTISKAKGQ PREPQVYTLP 350
PSQEEMTKNQ VSLTCLVKG FYPDSIAVEWE SNGQPENNYK TTPFVLDSDG 400
SFFLYSRLTV DKSRWQEGNV FSCSVMEAL HNHYTQKSLG LSLG 444

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
AIQLTQSPSS LSASVGRDVT ITCRASESVE YYGTSIMQWY QKPKGKAPKL 50
LIYAASNVES GVPSRFGSGG SGTDFTLTIS LQPEDFATY FCQQSRKDP 100
TFGGGTKVEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSL S TLTLSKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNREGC 218

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 259-319 365-423
22"-96" 145"-201" 259"-319" 365"-423"
Intra-L (C23-C104) 23'-92" 138"-198"
23"-92'" 138'"-198'"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 132-218" 132"-218"
Inter-H-H (h 8, h 11) 224-224" 227-227"
N-terminal glutaminy cyclization to pyroglutamy (pE, 5-oxopropyl)
H VH Q1: 1, 1"
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
295, 295"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

samelisantum

samelisant

N-{4-[(1-cyclobutylpiperidin-4-yl)oxy]phenyl}-2-(morpholin-4-yl)acetamide
histamine H₃ receptor inverse agonist

samélsant

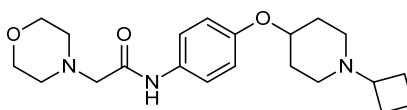
N-{4-[(1-cyclobutylpipéridin-4-yl)oxy]phényl}-2-(morpholin-4-yl)acétamide
agoniste inverse du récepteur H₃ de l'histamine

samelisant

N-{4-[(1-ciclobutilpiperidin-4-il)oxi]fenil}-2-(morfolin-4-il)acetamida
agonista inverso del receptor H₃ de histamina

C₂₁H₃₁N₃O₃

1394808-82-2

**samuraciclibum**

samuraciclib

(3*R*,4*R*)-4-({[7-(benzylamino)-3-(propan-2-yl)pyrazolo[1,5-*a*]pyrimidin-5-yl]amino}methyl)piperidin-3-ol
cyclin-dependent kinase inhibitor, antineoplastic

samuraciclib

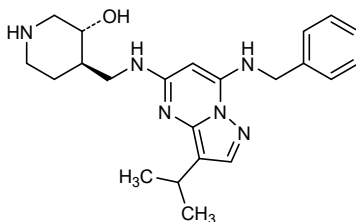
(3*R*,4*R*)-4-({[7-(benzylamino)-3-(propan-2-yl)pyrazolo[1,5-*a*]pyrimidin-5-yl]amino}méthyl)pipéridin-3-ol
inhibiteur des kinases dépendantes des cyclines, antinéoplasique

samuraciclib

(3*R*,4*R*)-4-({[7-(benzilamino)-3-(propan-2-il)pirazolo[1,5-*a*]pirimidin-5-il]amino}metil)piperidin-3-ol
inhibidor de las kinasas dependientes de las ciclinas, antineoplásico

C₂₂H₃₀N₆O

1805833-75-3

**seralutinibum**

seralutinib

N-{3-[(1*S*)-1-{[6-(3,4-dimethoxyphenyl)pyrazin-2-yl]amino}ethyl]phenyl}-5-methylpyridine-3-carboxamide
tyrosine kinase inhibitor

séralutinib

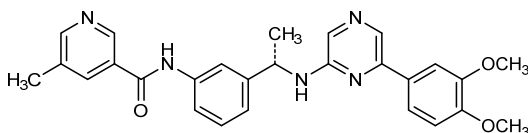
N-{3-[(1*S*)-1-{[6-(3,4-diméthoxyphényl)pyrazin-2-yl]amino}éthyl]phényl}-5-méthylpyridine-3-carboxamide
inhibiteur de la tyrosine kinase

seralutinib

N-(3-[(1*S*)-1-[[6-(3,4-dimethoxyfenil)pirazin-2-il]amino]etil]fenil)-5-metilpiridina-3-carboxamida
inhibidor de la tirosina kinasa

C₂₇H₂₇N₅O₃

1619931-27-9

**simoladagenum autotemcelum #**

simoladagene autotemcel

autologous CD34+ hematopoietic stem cells (HSC), obtained by leukapheresis or from bone marrow, transduced *ex vivo* with a non-replicating, self-inactivating (SIN) lentiviral vector encoding codon optimised human adenosine deaminase (ADA) under the internal control of elongation factor 1α short promoter (EFS)
genetically modified cell (immunodeficiency)

simoladagène autotemcel

cellules souches hématopoïétiques CD34+ autologues obtenues par leucophérèse ou de la moëlle osseuse, transduites *ex vivo* avec un vecteur lentiviral non-répliquant, auto-inactivant (SIN) codant pour l'adénosine déaminase (ADA) humaine codon optimisé sous le contrôle interne d'un promoteur court du facteur d'élongation 1α (EFS)
cellule génétiquement modifiée (immunodéficience)

simoladagén autotemcel

células madre hematopoyéticas CD34+ autólogas obtenidas por leucoaféresis o de médula ósea, transducidas *ex vivo* con un vector lentiviral no replicativo y auto inactivante (SIN), que codifica para la adenosina deaminasa (ADA) humana con codones optimizados bajo el control interno del promotor corto del factor de elongación 1α (EFS)
célula genéticamente modificada (immunodeficiencia)

sisunatovirum

sisunatovir

1'-[[5-(aminomethyl)-1-(4,4,4-trifluorobutyl)-1*H*-benzimidazol-2-yl]methyl]-6'-fluorospiro[cyclopropane-1,3'-indol]-2'(1'*H*)-one
antiviral

sisunatovir

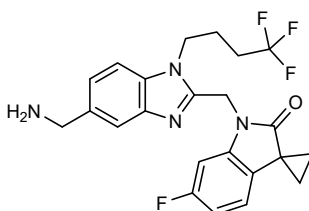
1'-[[5-(aminométhyl)-1-(4,4,4-trifluorobutyl)-1*H*-benzimidazol-2-yl]méthyl]-6'-fluoro-spiro[cyclopropane-1,3'-[3*H*]indol]-2'(1'*H*)-one
antiviral

sisunatovir

1'-[[5-(aminometil)-1-(4,4,4-trifluorobutil)-1*H*-benzimidazol-2-il]metil]-6'-fluoro-spiro[ciclopropano-1,3'-[3*H*]indol]-2'(1'*H*)-ona
antiviral

C₂₃H₂₂F₄N₄O

1903763-82-5

**sovesudilum**

sovesudil

propyl 2'-(aminométhyl)-5'-[(3-fluoropyridin-4-yl)carbamoyl][1,1'-biphényl]-3-carboxylate
Rho-associated protein kinase inhibitor

sovésudil

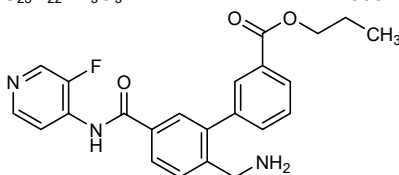
2'-(aminométhyl)-5'-[(3-fluoropyridin-4-yl)carbamoyl][1,1'-biphényl]-3-carboxylate de propyle
inhibiteur de la protéine kinase associée à Rho

sovesudil

2'-(aminometil)-5'-[(3-fluoropiridin-4-il)carbamoil][1,1'-bifenil]-3-carboxilato de propilo
inhibidor de la proteína kinasa asociada al Rho

C₂₃H₂₂FN₃O₃

1333400-14-8

**sugemalimabum #**

sugemalimab

immunoglobulin G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD274 (programmed death ligand 1, PDL1, PD-L1, B7 homolog 1, B7H1)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;

gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (98.0%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (122-219), hinge 1-12 S10>P (229) (220-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (122-448)], (135-213')-disulfide with lambda light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*02 (100%) - IGLJ2*01 (100%)) [6.3.11] (1'-108') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (109'-214')];

dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

sugémalimab

immunoglobuline G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligand 1 de mort programmée, PDL1, PD-L1, homologue 1 de B7, B7H1)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;

sugemalimab

chaîne lourde gamma4 *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (98.0%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (122-219), charnière 1-12 S10>P (229) (220-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (122-448)], (135-213')-disulfure avec la chaîne légère lambda *Homo sapiens* (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*02 (100%) -IGLJ2*01 (100%)) [6.3.11] (1'-108') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (109'-214')]; dimère (227-227'':230-230'')-bisdisulfure, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

inmunoglobulina G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligando 1 de muerte programada, PDL1, PD-L1, homólogo 1 de B7, B7H1)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada gamma4 *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (98.0%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (122-219), bisagra 1-12 S10>P (229) (220-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (122-448)], (135-213')-disulfuro con la cadena ligera lambda *Homo sapiens* (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*02 (100%) -IGLJ2*01 (100%)) [6.3.11] (1'-108') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (109'-214')]; dímero (227-227'':230-230'')-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2256084-03-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada			
EVQLLESGGG	LVQPGGSLRL	SCAASGFTFS	SYAMSWVRQA
ISGSGGFTYY	ADSVKGRFTI	SRDNSKNTLY	LQMNSLRAED
RGYNYGPFDD	WGQGLTLVTS	SASTKGPSVF	PLAPCSRSTS
KDYFPEPVTV	SWNSGALTSG	VHTFPAVLQS	SGLYSLSSVV
TYTCNVDHKP	SNTKVDKRVE	SKYGPCCPFC	PAPEFLGGPS
TLMISRTPEV	TCVVVDVSQE	DPEVQFNWYV	DGVEVHNAKT
YRVVSVLTVL	HQDMLNGKEY	KCKVSNKGLP	SSIEKTISKA
TLPSQEQEEM	KNQVSLTCLV	KGFYPSDIAV	EWESNGQPEN
SDGSFFLYSR	LTVDKSRWQE	GNVFCSSVMH	EALHNHYTQK
			SLSLSLGK
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera			
SYVLTPQPSV	SVAFGQTARI	TCGGNIGISK	SVHWYQQKPG
SDRPSGIPER	FSGSNSGNTA	TLTISRVEAG	DEADYYCQVW
GGTKLTVLGQ	FKAAPSVTLF	PPSSEELQAN	KATLVCLISD
KADSSPVKAG	VETTPFSKQS	NNKYAASSYL	SLTPEQWKSH
GSTVEKTVAP	TECS		
Post-translational modifications			
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro			
Intra-H (C23-C104)	22-96	148-204	262-322
	22"-96"	148"-204"	262"-322"
Intra-L (C23-C104)	22-87	136-195	
	22"-87"	136"-195"	
Inter-H-L (CH1 10-CL 126)	135-213'	135"-213"	
Inter-H-H (h 8, h 11)	227-227"	230-230"	
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación			
H CH2 N84.4:			
298, 298"			
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados			
Deamidation sites / Sites de déamidation / Posiciones de desamidación			
H CH3 N44: 385, 385"			
H CH3 N114: 435, 435"			
Oxidation sites / Sites de oxydation / Posiciones de oxidación			
H CH2 M15.1: 253, 253"			
H CH3 M107: 429, 429"			

suvecaltamidum

suvecaltamide

2-[4-(propan-2-yl)phenyl]-N-((1*R*)-1-[5-(2,2,2-trifluoroethoxy)pyridin-2-yl]ethyl)acetamide
voltage-activated calcium channel (Ca_v) stabilizer, antiepileptic

suvécaltamide

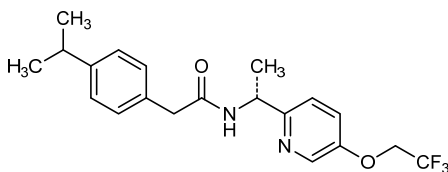
2-[4-(propan-2-yl)phényl]-N-((1*R*)-1-[5-(2,2,2-trifluoroéthoxy)pyridin-2-yl]éthyl)acétamide
stabilisateur des canaux calciques dépendants du voltage (Ca_v), antiépileptique

suvecaltamida

2-[4-(propan-2-il)fenil]-N-((1*R*)-1-[5-(2,2,2-trifluoroetoxi)piridin-2-il]etil)acetamida
estabilizador de los canales cálcicos dependientes del voltaje (Ca_v), antiepileptico

C₂₀H₂₃F₃N₂O₂

953778-58-0

**tebotelimabum**

tebotelimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)] and anti-[*Homo sapiens* LAG3 (lymphocyte activating 3, lymphocyte-activation 3, CD223)], humanized monoclonal antibody, bispecific tetravalent;
 gamma4 heavy chain scFv-h-CH2-CH3 humanized (1-496) [V-KAPPA anti-LAG3 (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (88.4%) -IGKJ4*01 (90.9%)) [6.3.9] (1-107) -8-mer linker (108-115) -VH anti-PDCD1 (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.12] (116-234) -6-mer diglycyl-cysteinyl-triglycyl linker (235-240) -E-coil motif (241-268) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (hinge 1-12 S10>P (278) (269-280), CH2 M15.1>Y (302), S16>T (304), T18>E (306) (281-390), CH3 (391-495), CHS K>del (496) (269-496))], (237-240':245-248')-bisdisulfide with kappa light chain humanized (1'-271') [V-KAPPA anti-PDCD1 (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (77.7%) -IGKJ4*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111') -8-mer linker (112'-119') -VH anti LAG3 (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (82.7%)) [8.8.11] (120'-237') -6-mer diglycyl-cysteinyl-triglycyl linker (238'-243') -K-coil motif (244'-271')];
 dimer (276-276":279-279")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

tébotélimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)] et anti-[*Homo sapiens* LAG3 (activateur 3 des lymphocytes, lymphocyte-activation 3, CD223)], anticorps monoclonal humanisé, bispécifique tétravalent;

chaîne lourde gamma4 scFv-h-CH2-CH3 humanisée (1-496) [V-KAPPA anti-LAG3 (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (88.4%) -IGKJ4*01 (90.9%)) [6.3.9] (1-107) -8-mer linker (108-115) -VH anti-PDCD1 (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.12] (116-234) -6-mer diglycyl-cystéinyl-triglycyl linker (235-240) -E-coil motif (241-268) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (charnière 1-12 S10>P (278) (269-280), CH2 M15.1>Y (302), S16>T (304), T18>E (306) (281-390), CH3 (391-495), CHS K>del (496) (269-496))], (237-240':245-248')-bisdisulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-271') [V-KAPPA anti-PDCD1 (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (77.7%) -IGKJ4*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111') -8-mer linker (112'-119') -VH anti-LAG3 (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (82.7%)) [8.8.11] (120'-237') -6-mer diglycyl-cystéinyl-triglycyl linker (238'-243') -K-coil motif (244'-271')];

dimère (276-276":279-279")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa

immunomodulateur, antinéoplasique

tebotelimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)] y anti-[*Homo sapiens* LAG3 (activador 3 de los linfocitos, linfocito-activación 3, CD223)], anticuerpo monoclonal humanizado, biespecífico tetravalente;

cadena pesada gamma4 scFv-h-CH2-CH3 humanizada (1-496) [V-KAPPA anti-LAG3 (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (88.4%) -IGKJ4*01 (90.9%)) [6.3.9] (1-107) -conector octámero (108-115) -VH anti-PDCD1 (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.12] (116-234) -conector sexámero diglicil-cisteinil-triglicil (235-240) -E-coil motif (241-268) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (bisagra 1-12 S10>P (278) (269-280), CH2 M15.1>Y (302), S16>T (304), T18>E (306) (281-390), CH3 (391-495), CHS K>del (496) (269-496))], (237-240':245-248')-bisdisulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-271') [V-KAPPA anti-PDCD1 (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (77.7%) -IGKJ4*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111') -conector octámero (112'-119') -VH anti-LAG3 (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (82.7%)) [8.8.11] (120'-237') -conector sexámero diglicil-cisteinil-triglicil (238'-243') -K-coil motif (244'-271')];

dímero (276-276":279-279")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa

immunomodulador, antineoplásico

2245725-04-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
DIQMTQSPSS	LSASVGRVT
ITCRASQDVS	SVVAMYQQKF
GKAPKLLIYS	50
ASYRYTGVPS	RFGSGSGGTD
FTLTISSLQP	EDFATYYCQQ
HYSTPWTFGG	100
GTKLEIKGGG	SGGGGQVQLV
QSGAEVKKPG	ASVKVSKKAS
GYSFTSYWMN	150
WVRQAPGQGL	EWIGVIHPSD
SETWLDQKFK	DRVITITVDS
TSTAYMELSS	200
LRSEDVAVYY	CAREHYGTSP
FAYWQGQTLV	TVSSGGCGGG
EVAACEKEVA	250
ALEKEVAALE	KEVAALEKES
KYGPPCPPCP	APEFLGGFSV
FLFPPKPKDT	300
LYITREPEVT	CVVVDVSQED
PEVQFNWYVD	GVEVHNAKTK
PREEQFNSTY	350
RVVSVLTIVLH	QDWLNGKEYK
CKVSNKGLPS	SIETISKAK
GQPREPQVYT	400
LPFSGEEMTK	NQVSLTCLVK
GFYPDSIAVE	WESNGQPENN
YKTTTPVLDS	450
DGSFFLYSRL	TVDKSRWQEG
NVFSCSVME	ALHHYDTQKS
LSSLGL	496
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
EIVLTQSPAT	LSSLSPGERAT
LSCRASESVD	NYGMSFMNWF
QQKPGQPPKL	50
LIHAASNQGS	GVPSRFGSGG
SGDTFTLTIS	SLEPEDFAVY
FCQQSKEVPY	100
TFGGGQTKVEI	KGGSGGGGQ
VQLVQSGAEV	KKPGASVKVS
CKASGYTFTD	150
YNMDWVRQAP	GGGLEWMGDI
NPDNGVTIYN	QKFEGRVTMT
TDTSTSTAYM	200
ELRSLRSDDT	AVYYCAREAD
YFYFDVWGQG	TTLTVSSGGC
GGGKVAACKE	250
KVAALKEKVA	ALKEKVAALK
E	271

Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H (C23-C104)	23-88 137-211 311-371 417-475
	23"-88" 137"-211" 311"-371" 417"-475"
Intra-L (C23-C104)	23'-92' 141'-215'
	23'"-92'" 141'"-215'"
Inter-H-L	237-240' 245-248"
	237"-240" 245"-248"
Inter-H-H (h 8, h 11)	276-276" 279-279"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
347, 347"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

telazorlimabum #
telazorlimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF4 (tumor necrosis factor receptor (TNFR) superfamily member 4, ACT35, OX40, CD134)], humanized monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain humanized (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-70*10 (93.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [10.7.10] (26-35.53-59.98-107) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-213')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (87.4%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [5.3.9] (27-31.49-51.38-46) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')];
dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator

télazorlimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF4 (membre 4 de la superfamille des récepteurs du facteur de nécrose tumorale, ACT35, OX40, CD134)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma1 humanisée (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-70*10 (93.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [10.7.10] (26-35.53-59.98-107) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (87.4%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [5.3.9] (27-31.49-51.38-46) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')];
dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur

telazorlimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF4 (miembro 4 de la superfamilia de los receptores del factor de necrosis tumoral, ACT35, OX40, CD134)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada gamma1 humanizada (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-70*10 (93.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [10.7.10] (26-35.53-59.98-107) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (87.4%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [5.3.9] (27-31.49-51.38-46) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')];
dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador

2126777-87-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVTLKESGPA LVKFTQTLTL TCSFSGFSLT TSGMGVGWIR QPFGKALEWI 50
AHIWDDDKY YNTALKTRLT ISKDTSKNQV VLTMTNMDPV DTATYYCARI 100
DWDGFAYWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVTP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKEPKS CDKTHCTPCP PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHS DPEVKFNWYV DGEVHNNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPVY 350
TLPPSRDELT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPVLD 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSMH EALNHHTQK SLSLSPGK 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASSSVS YMHWYQQKPG QAPRPWIYAT 50
SNRATGIPAR FSGSGSGTDY TLTISLSLEP DFAVYYCQQW SSNPWFQGG 100
TKVEIKRTVA APSVFIFFPS DEQLKSGTAS VVCLLNNFYP REAKVQWKVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSTLTLL SKADYEKHKV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFNR GEC 213

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-97 145-201 262-322 368-426
22"-97" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104) 23'-87' 133'-193'
23"'-87"' 133"'-193'"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-213' 221"-213"
Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
298, 298"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados
C-terminal lysine clipping:
H CHS K2:
448, 448"

tesnatilimabum #
tesnatilimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* KLRK1 (killer cell lectin like receptor K1, NKG2D, KLR, NKG2-D, CD314)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
gamma4 heavy chain (*Homo sapiens* (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (93.8%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (93.8%)) CDR-IMGT [8.7.9] (26-33.51-57.96-104) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (116-213), hinge S10>P (223) (214-225), CH2 (226-335), CH3 (336-440), CHS (441-442)) (116-442)], (129-215')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [7.3.9] (27-33.51-53.90-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')];
dimer (221-221":224-224")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulador

tesnatilimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* KLRK1 (récepteur lectine like K1 de cellule tueuse, NKG2D, KLR, NKG2-D, CD314)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (93.8%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (93.8%)) CDR-IMGT [8.7.9] (26-33.51-57.96-104) (1-115) - *Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (116-213), charnière S10>P (223) (214-225), CH2 (226-335), CH3 (336-440), CHS (441-442)) (116-442)], (129-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [7.3.9] (21-33.51-53.90-98) (1'-108') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimère (221-221'':224-224'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur

tesnatilimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* KLRK1 (receptor lectina like K1 de célula asesina, NKG2D, KLR, NKG2-D, CD314)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (93.8%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (93.8%)) CDR-IMGT [8.7.9] (26-33.51-57.96-104) (1-115) - *Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (116-213), bisagra S10>P (223) (214-225), CH2 (226-335), CH3 (336-440), CHS (441-442)) (116-442)], (129-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [7.3.9] (21-33.51-53.90-98) (1'-108') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dímero (221-221'':224-224'')-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
inmunomodulador

2242758-08-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada			
QVHLQESGPG	LVKPFETLSL	TCTVSDDSIS	SYVWSWIRQP
ISYSGSANYN	PSLKSRTVIS	VDTSKNQFSL	KLSSVTAADT
AFNIWGGQTM	VTVSSASTKG	PSVFPLAPCS	RSTSESTAAL
PVTYSWNSGA	LTSCVHTFPA	VLQSSCLYSL	SSVTVLPSSS
DHKPSNTKVD	KRVESKYGPP	CPCPAPEEFL	GGPSVFLFPP
TEPVTCVVVD	VSQEDPEVQF	NWIVDGEVH	NARKTKPREEQ
LTVLHQDWLN	GREYKCKVSN	KGLPSSIEKT	ISKAKGQPRE
EEMTKNQVSL	TCLVKGFPYS	DIAVEWESNG	QFENNYKTFP
LYSRLTVDKS	RWQEGNVFSC	SVMHEALHNH	YTQKSLSLSL
			GK
			442
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera			
EIVLTQSPGT	LSLSPGERAT	LSCRASQSVS	SSYLAWYQQK
GASSRATGIP	DRFSGSGSGT	DFTLTISRLE	PEDFAVYVCQ
QGKTKVEIKRT	VAAFSVFIFP	PSDEQLKSGT	ASVVCLLNMF
VDNALQSGNS	QESVTEQDSK	DSTYLSLSTL	TLSKADYERK
GLSSPVTKSF	NRGEC		KVIACEVTHQ
			215

Post-translational modifications			
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro			
Intra-H (C23-C104)	22-95	142-198	256-316
	22"-95"	142"-198"	256"-316"
Intra-L (C23-C104)	23'-89'	135'-195'	
	23'''-89'''	135'''-195'''	
Inter-H-L (CH1 10-CL 126)	129-215'	129"-215"	
Inter-H-H (h 8, h 11)	221-221"	224-224"	

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
292, 292"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados

tezatabepum matraxetanum #
tezatabep matraxetan

three- α -helix binding protein, derived from an immunoglobulin G (IgG)-binding domain of a staphylococcal protein A (SpA), designed to bind receptor tyrosine-protein kinase erbB-2 (ERBB2, Neu, HER2), produced by peptide synthesis, conjugated at the C-terminal Cys⁶¹ to one (3RS)-2,5-dioxo-1-(2-{[4,7,10-tris(carboxymethyl)-1,4,7,10-tetraazacyclododecan-1-yl]acetamido}ethyl)pyrrolidin-3-yl (*matraxetan*) group
radiodiagnostic agent

tézatabep matraxétan

protéine à trois hélices α , dérivée du domaine de l'immunoglobuline G (IgG) se liant à la protéine staphylococcique A (SpA), mise au point pour se lier au récepteur tyrosine-protéine kinase erbB-2 (ERBB2, Neu, HER2), produite par synthèse peptidique, conjuguée sur la Cys⁶¹ en sa partie C-terminale à un groupe (3RS)-2,5-dioxo-1-(2-{[4,7,10-tris(carboxyméthyl)-1,4,7,10-tétraazacyclododécan-1-yl]acétamido}éthyl)pyrrolidin-3-yle (*matraxétan*)
agent de radiodiagnostic

tezatabep matraxetán

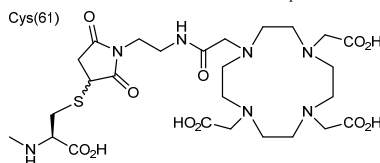
proteína de tres hélices alfa, derivada del dominio de la inmunoglobulina G (IgG) que se une a la proteína estafilocócica A (SpA), diseñada para unirse al receptor tirosina-proteína quinasa erbB-2 (ERBB2, Neu, HER2), producida por síntesis peptídica, conjugada con la Cys⁶¹ en su parte C-terminal a un grupo (3RS)-2,5-dioxo-1-(2-{[4,7,10-tris(carboximetil)-1,4,7,10-tetraazacyclododecan-1-il]acetamido}etil)pirrolidin-3-ilo (*matraxetán*)
agente de radiodiagnóstico

1162059-45-1

Sequence / Séquence / Secuencia

AEAKYAKEMR NAYWEIALLP NLTNQQKRAF IRKLYDDPSQ SSELLSEAKK 50
LNSQAPKVD C* 61

Potential modified residues / résidus modifiés potentiels / restos modificados potenciales

**tifalibepum #**
tifalibep

fusion protein composed of 3 binding domains, each consisting of a three- α -helix motif derived from the immunoglobulin (Ig)-binding Z-domain of staphylococcal protein A (SpA), engineered for binding to the human neonatal Fc receptor (FcRn) with the two identical N- and C-terminal domains (1-58, 116-173), and for binding to the domain II of human serum albumin (HSA) with the central domain (59-110), connected via a G₄S peptide linker (111-115);
[FcRn-binding engineered SpA peptide (1-58)]-[HSA-binding engineered SpA peptide (59-110)]-[G₄S linker (111-115)]-[FcRn-binding engineered SpA peptide (116-173)]
fusion protein;
produced in *Escherichia coli*
immunomodulator

tifalibep

protéine de fusion composée de 3 domaines liants, chacun consistant en un motif à 3 hélices alfa dérivé du domaine Z de la protéine staphylococcique A (SpA) se liant à l'immunoglobuline (Ig), mis au point pour se lier au récepteur Fc néonatal humain (FcRn) avec les deux domaines N- et C-terminaux identiques (1-58, 116-173), et au domaine II de l'albumine sérique humaine (ASH, HSA) avec le domaine central (59-110), connecté via un peptide liant G₄S (111-115) ;
 protéine de fusion [peptide SpA mis au point pour se lier au FcRn (1-58)]-[peptide SpA mis au point pour se lier au HSA (59-110)]-[peptide liant G₄S (111-115)]-[peptide SpA mis au point pour se lier au FcRn (116-173)] ;
 produite par *Escherichia coli*
immunomodulateur

tifalibep

proteína de fusión compuesta de 3 dominios de unión, cada uno consistente en un motivo con 3 hélices alfa derivado del dominio Z de la proteína estafilocócica A (SpA) que se une a la inmunoglobulina (Ig), diseñada para unirse al receptor Fc neonatal humano (FcRn) con los dos dominios N- y C-terminal idénticos (1-58, 116-173), y con el dominio II de la albúmina sérica humana (ASH, HSA) con el dominio central (59-110), conectado a través de un péptido linker G₄S (111-115) ;
 proteína de fusión [péptido SpA diseñado para unirse al FcRn (1-58)]-[péptido SpA diseñado para unirse al HSA (59-110)]-[G₄S linker (111-115)]-[péptido SpA diseñado para unirse al FcRn (116-173)] ;
 producida por *Escherichia coli*
immunomodulador

2226130-04-5

Sequence / Séquence / Secuencia

AEAKFAKEWQ	QAAHEIRWLP	NLTTFDQRFVAF	IHKLRDDPSQ	SSELLSEAKK	50
LSESQAPKAS	GSLAEAKEAA	NAELDSYGVS	DFYKRLIDKA	KTVGEVEALK	100
DALLAALPGT	GGGSAEAKF	AKEWQAAHE	IRWLPLNLTTFD	QRVAFIRKLR	150
DDPSQSSELL	SEAKKLSAQ	APK			173

Post-translational modifications / Modifications post-traductionnelles / Modificaciones

posttraduccionales
 None / aucune / ninguna

tilogotamabum #
 tilogotamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF10B (tumor necrosis factor receptor (TNFR) superfamily member 10B, death receptor 5, DR5, TNF-related apoptosis-inducing ligand receptor 2, TRAILR2, TRAIL-R2, TR-2, CD262)], humanized monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain humanized (1-447) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-3*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -*Homo sapiens*IGHG1*03, G1m3, nG1m1, G1v34 CH3 G109 (CH1 R120 (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359), E109>G (431) (342-446), CHS K>del (447)) (119-447)], (221-213')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-16*01 (83.2%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [5.3.9] (27-31.49-51.88-96) (1'-106') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')];
 dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

tilogotamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF10B (membre 10B de la superfamille des récepteurs du facteur de nécrose tumorale (TNFR), récepteur de mort 5, DR5, TRAILR2, TRAIL-R2, TR-2, CD262)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma1 humanisée (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1, G1v34 CH3 G109 (CH1 R120 (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359), E109>G (431) (342-446), CHS K>del (447)) (119-447)], (221-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (83.2%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [5.3.9] (27-31.49-51.88-96) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa *immunomodulator, antineoplastic*

tilogotamab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF10B (miembro 10B de la superfamilia de los receptores del factor de necrosis tumoral (TNFR), receptor de muerte 5, DR5, TRAILR2, TRAIL-R2, TR-2, CD262)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 humanizada (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1, G1v34 CH3 G109 (CH1 R120 (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359), E109>G (431) (342-446), CHS K>del (447)) (119-447)], (221-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (83.2%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [5.3.9] (27-31.49-51.88-96) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa *immunomodulador, antineoplásico*

2109731-10-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV	50
SKKASGENIK DTHMHVVRQA	PGQRLEWIGR
IDPANGNTEY DQKFGGRVTI	TVDTASTAY MELSSLRSED
TAIVYCARWG	100
TNIVYFAYWQ GTLVTVSSAS	TKGPSVFPLA PSKSTSGGT
AALGLVKDY	150
FPFEPVTVSWN SGALTSVWHT	FPFVAVLSSGL YLSLVVTVF
SSSLGTQTYI	200
CNVNHHKPSNT KVDKRVFEPK	CDKTHTCPCP PAPELLGGS
VLFPPKPKD	250
TLMISRTPEV TCVVVDVSH	EDPEVKFNWV DGVEVHNAK
KPREEQYNST	300
YRVVSVLTIVL HQDWLNGKEY	KCKVSNKALP APIEKTISKA
KGQPREPQVY	350
TLFPSREMT KNQVSLTCLV	KGFIYPSDIAV EWESNGQFN
NYKTTTPVLVD	400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ	GNVFSCSVMH GALNHHYTQK
SLSLSPG	447
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
DIQLTQSPSS LSASVGRVT	ITCSASSSVS YMYWYQQKPG
KAPKFWIYRT	50
SNLASGVPSR FSGSGSGTDF	TLTISSLQPE DFATYYCQYQ
HSYPTFGGG	100
TKVEIKRTVA APSVFIFPPS	DEQLKSGTAS VVCLNNFYP
REAKVQWKVD	150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS	TYSLSTLTIL SKADYERHKV
YACEVTHQGL	200
SSPVTKSFNR GEC	213

Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H (C23-C104)	22-96 145-201 262-322 368-426
	22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104)	23'-87' 133'-193'
	23"'-87'" 133"'-193'"
Inter-H-L (h 5-CL 126)	221-213' 221"-213"
Inter-H-H (h 11, h 14)	227-227" 230-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2 N84.4:
298, 298"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

tolebrutinibum

tolebrutinib

4-amino-3-(4-phenoxyphenyl)-1-[(3*R*)-1-(prop-2-enoyl)piperidin-3-yl]-1,3-dihydro-2*H*-imidazo[4,5-*c*]pyridin-2-one*Bruton tyrosine kinase inhibitor*

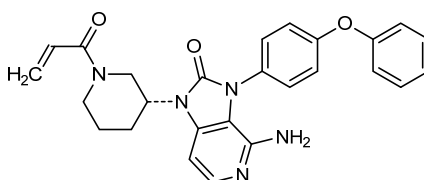
tolébrutinib

4-amino-3-(4-phénoxyphényl)-1-[(3*R*)-1-(prop-2-énoyl)pipéridin-3-yl]-1,3-dihydro-2*H*-imidazo[4,5-*c*]pyridin-2-one*inhibiteur de la tyrosine kinase de Bruton*

tolebrutinib

4-amino-3-(4-fenoxifenil)-1-[(3*R*)-1-(prop-2-enoil)piperidin-3-il]-1,3-dihidro-2*H*-imidazo[4,5-*c*]piridin-2-ona*inhibidor de la tirosina kinasa de Bruton* $C_{26}H_{25}N_5O_3$

1971920-73-6

**tovinontrinum**

tovinontrine

6-[(3*S*,4*S*)-4-methyl-1-[(pyrimidin-2-yl)methyl]pyrrolidin-3-yl]-3-(oxan-4-yl)imidazo[1,5-*a*]pyrazin-8(7*H*)-one*phosphodiesterase 9 (PDE9) inhibitor*

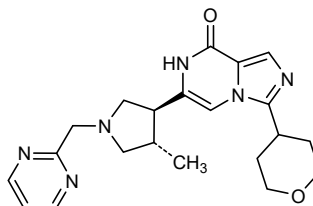
tovinontrine

6-[(3*S*,4*S*)-4-méthyl-1-[(pyrimidin-2-yl)méthyl]pyrrolidin-3-yl]-3-(oxan-4-yl)imidazo[1,5-*a*]pyrazin-8(7*H*)-one*inhibiteur de la phosphodiesterase 9 (PDE9)*

tovinontrina

6-[(3*S*,4*S*)-4-metil-1-[(pirimidin-2-il)metil]pirrolidin-3-il]-3-(oxan-4-il)imidazo[1,5-*a*]pirazin-8(7*H*)-ona*inhibidor de la fosfodiesterasa 9 (PDE9)* $C_{21}H_{26}N_6O_2$

2062661-53-2

**udonitrectagum**

udonitrectag

(1*S*,4*R*,5*R*,7*S*)-3,4-dibenzyl-2-oxo-6,8-dioxa-3-azabicyclo[3.2.1]octane-7-carboxylic acid*neurotrophin mimetic*

udonitrectag

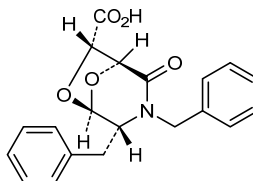
acide (1*S*,4*R*,5*R*,7*S*)-3,4-dibenzyl-2-oxo-6,8-dioxa-3-azabicyclo[3.2.1]octane-7-carboxylique*mimétique des neurotrophines*

udonitrectag

ácido (1*S*,4*R*,5*R*,7*S*)-3,4-dibencil-2-oxo-6,8-dioxa-3-azabicyclo[3.2.1]octano-7-carboxílico
mimético de las neurotrofinas

C₂₀H₁₉NO₅

1458063-04-1



upifitamabum #

upifitamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLC34A2 (solute carrier family 34 (sodium phosphate) member 2, sodium/phosphate cotransporter 2B, NaPi2b, NaPi3b)], monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.12] (1-119) -glycyl (120) -*Homo sapiens*IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K>del (449)) (121-449)], (223-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV10-94*01 (84.2%) -IGKJ5*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (83.2%) -IGKJ2*01 (90.9%)) [6.3.9] (1'-107') -arginyl (108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

upifitamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLC34A2 (membre 2 de la famille 34 (phosphate de sodium) de transporteurs de solutés, cotransporteur 2B de sodium/phosphate, NaPi2b, NaPi3b)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.12] (1-119) -glycyl (120) -*Homo sapiens*IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K>del (449)) (121-449)], (223-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-215') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV10-94*01 (84.2%) -IGKJ5*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (83.2%) -IGKJ2*01 (90.9%)) [6.3.9] (1'-107') -arginyl (108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

upifitamab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLC34A2 (miembro 2 de la familia 34 (fosfato de sodio) de transportadores de solutos, cotransportador 2B de sodio/fosfato, NaPi2b, NaPi3b)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.12] (1-119) -glicil (120) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K>del (449)) (121-449)], (223-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-215') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV10-94*01 (84.2%) -IGKJ5*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (83.2%) -IGKJ2*01 (90.9%)) [6.3.9] (1'-107') -arginil (108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulator, antineoplastic

2254118-43-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VVKPGASVKM SCKASGYTFT GYNIHVVKA PQGLEWIGA 50
IYPNGDTSY QKFRGRATL TADTSTSTVY MELSSLRSED SAVYYCARGE 100
TARATFAYWG QGTLVTVSSG ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKRVEP KSCDKHTHTCP PCPAPPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTF EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VILHQLNGLK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVESWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LDSGGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGRVT ITCSASQDIG NFLNYYQQKP GKTVKVLIYY 50
TSSLYSGVPS RFSGSGSGTD YTLTISSLQP EDFATYYCQQ YSKLPLTFQG 100
CTKLELKRRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNMF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSSLT TLISKADYEKH KVYACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEK 215

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104) 23'-88" 135'-195"
23"-88" 135"-195"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223'-215" 223"-215"
Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2 N84.4:
300, 300"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

urabrelimabum #
urabrelimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD47 (integrin associated protein, IAP, MER6, OA3)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*02 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (94.7%)) CDR-IMGT [9.7.18] (26-34.52-58.97-114) (1-125)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (126-223), hinge 1-12 (224-235), CH2 (236-345), CH3 (346-450), CHS (451-452)) (126-452)], (139-212')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-212') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (94.7%) -IGKJ4*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.8] (27-32.50-52.89-96) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (151), V101 (189) (107'-212')];
dimer (231-231":234-234")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

urabrélímab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD47 (protéine associée à l'intégrine, IAP, MER6, OA3)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde gamma4 *Homo sapiens* (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*02 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (94.7%)) CDR-IMGT [9.7.18] (26-34.52-58.97-114) (1-125)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (126-223), charnière 1-12 (224-235), CH2 (236-345), CH3 (346-450), CHS (451-452)) (126-452)], (139-212')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-212') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (94.7%) -IGKJ4*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.8] (27-32.50-52.89-96) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (151), V101 (189) (107'-212')];
dimère (231-231":234-234")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

urabrelimab

immunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD47 (proteína asociada a la integrina, IAP, MER6, OA3)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada gamma4 *Homo sapiens* (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*02 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (94.7%)) CDR-IMGT [9.7.18] (26-34.52-58.97-114) (1-125)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (126-223), bisagra 1-12 (224-235), CH2 (236-345), CH3 (346-450), CHS (451-452)) (126-452)], (139-212')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-212') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (94.7%) -IGKJ4*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.8] (27-32.50-52.89-96) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (151), V101 (189) (107'-212')];
dímero (231-231":234-234")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2249722-58-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada			
QVQLQESGPG	LVKPSGTLSTL	TCAVSGVSIIR	SINWNNWVRQ PPGKGLEWIG 50
EIYHSGSTNY	NPSLKSRTIT	SVDKSKNQFS	LKLNSTVTAAD TAVYYCARDG 100
GIAVTDYFYY	GLDVWGQGT	TVTVSSASTKG	PSVFPLAPCS RSTSESTAAL 150
GCLVKDYFPE	PVTVSWNSGA	LTSGVHTFFPA	VLQSSGLYSL SSVTVTPSS 200
LGTKTYTCNV	DHKPSNTKVD	KRVESKYGEP	CPSCPAPEFL GGPSTVLEFP 250
RPKDTLMISR	TPEVTCVVVD	VSQEDPEVQF	NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
FNSTYRVVSV	LTVLHQDWLN	GKEYKCKVSN	KGLEPSSIEKT ISKAKGQPRE 350
FQVYTLPPSQ	EEMTKNQVSL	TCLVKGFYPS	DIAVEWESNG QPENNYKTFP 400
FVLDSGGSFF	LYSRLTVDKS	RWQEGNVFSC	SVMHEALHNN YTQKSLSLSL 450
GK			452
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera			
EIVLTQSPAT	LSLSPGERAT	LSCRASESVS	SNLAWYQQKP GQAPRLLIYG 50
AFNRTATGIPA	RFSGSGSGSDT	FTLTITSSLEP	EDFAVYYCQQ RSDWFTFGGG 100
TKVEIKTVAA	PSVFIFFPSD	EQLKSGTASV	VCLLNNFYPR EAKVQWKVDN 150
ALQSGNSQES	VTEQDSKDS	TLS YLSSTLTLS	KADYERHKVY ACEVTHQGLS 200
SPVTKSFNRG	EC		212
Post-translational modifications			
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro			
Intra-H (C23-C104) 22-96 152-208 266-326 372-430			
22"-96" 152"-208" 266"-326" 372"-430"			
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 132'-192'			
23"-88"" 132"-192""			
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 139-212' 139"-212"			
Inter-H-H (h 8, h 11) 231-231" 234-234"			
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación			
H CH2 N84.4:			
302, 302"			
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires			
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados			

uzansertibum

uzansertib

N-{[(7*R*)-4-[(3*R*,4*R*,5*S*)-3-amino-4-hydroxy-5-methylpiperidin-1-yl]-7-hydroxy-6,7-dihydro-5*H*-cyclopenta[*b*]pyridin-3-yl]-6-(2,6-difluorophenyl)-5-fluoropyridine-2-carboxamide
antineoplastic

uzansertib

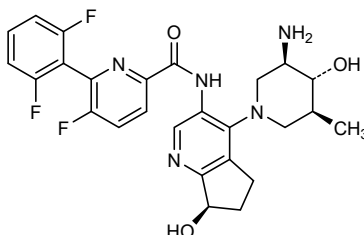
N-{[(7*R*)-4-[(3*R*,4*R*,5*S*)-3-amino-4-hydroxy-5-méthylpipéridin-1-yl]-7-hydroxy-6,7-dihydro-5*H*-cyclopenta[*b*]pyridin-3-yl]-6-(2,6-difluorophényl)-5-fluoropyridine-2-carboxamide
antinéoplasique

uzansertib

N-{[(7*R*)-4-[(3*R*,4*R*,5*S*)-3-amino-4-hidroxi-5-metilpiperidin-1-il]-7-hidroxi-6,7-dihidro-5*H*-ciclopenta[*b*]piridin-3-il]-6-(2,6-difluorofenil)-5-fluoropiridina-2-carboxamida
antineoplásico

C₂₆H₂₆F₃N₅O₃

1620012-39-6

**vebicorvirum**

vebicorvir

5,5,11-trioxo-*N*-{[2-(trifluoromethyl)-1,3-thiazol-5-yl]methyl}-10,11-dihydro-5*H*-5λ⁶-dibenzo[*b,f*][1,4]thiazepine-8-carboxamide
antiviral

vébicorvir

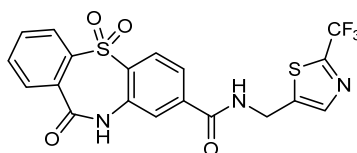
5,5,11-trioxo-*N*-{[2-(trifluorométhyl)-1,3-thiazol-5-yl]méthyl}-10,11-dihydro-5*H*-5λ⁶-dibenzo[*b,f*][1,4]thiazépine-8-carboxamide
antiviral

vebicorvir

5,5,11-trioxo-*N*-{[2-(trifluorometil)-1,3-tiazol-5-il]metil}-10,11-dihidro-5*H*-5λ⁶-dibenzo[*b,f*][1,4]tiazepina-8-carboxamida
antiviral

C₁₉H₁₂F₃N₃O₄S₂

2090064-66-5



velmupressinum

velmupressin

1,5-anhydro{4-chloro-L-phenylalanyl-3-(thiophen-2-yl)-L-alanyl-L-valyl-L-asparaginyl-S-(3-carboxypropyl)-L-cysteinyl-N-[4-(carbamimidoylamino)butyl]-L-prolinamide}
vasoconstrictor

velmupressine

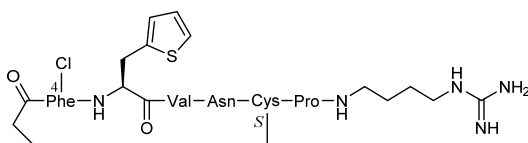
1,5-anhydro{4-chloro-L-phénylalanyl-3-(thiophén-2-yl)-L-alanyl-L-valyl-L-asparaginyl-S-(3-carboxypropyl)-L-cystéinyl-N-[4-(carbamimidoylamino)butyl]-L-prolinamide}
vasoconstricteur

velmupresina

1,5-anhidro{4-cloro-L-fenilalanil-3-(tiofen-2-il)-L-alanil-L-valil-L-asparaginil-S-(3-carboxipropil)-L-cisteinil-N-[4-(carbamimidoilamino)butil]-L-prolinamida}
vasoconstrictor

 $C_{42}H_{60}ClN_{11}O_8S_2$

1647119-61-6

**velufenacinum**

velufenacin

[(3*R*)-1-methylpyrrolidin-3-yl]methyl (3'-chloro-4'-fluoro[1,1'-biphenyl]-2-yl)carbamate
muscarinic receptor antagonist

vélufénacine

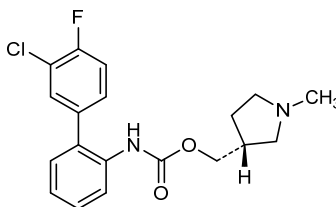
(3'-chloro-4'-fluoro[1,1'-biphényl]-2-yl)carbamate de [(3*R*)-1-méthylpyrrolidin-3-yl]méthyle
antagoniste des récepteurs muscariniques

velufenacina

(3'-cloro-4'-fluoro[1,1'-bifenil]-2-il)carbamato de [(3*R*)-1-metilpirrolidin-3-il]metilo
antagonista de los receptores muscarinicos

 $C_{19}H_{20}ClFN_2O_2$

1648737-78-3

**verbrinacogenum setparvovecum #**

verbrinacogene setparvovec

A recombinant non-replicating adeno-associated virus of a modified liver-tropic serotype (S3) (rAAV Rep2-CapS3) vector, encoding a gain-of-function variant (R338L; Padua) of codon-optimised human coagulation factor IX (hFIX) under the control of a liver-specific promoter (FRE1) comprising a truncated version of the human apolipoprotein E locus control region (i.e. enhancer) with a truncated version of the human alpha-1-antitrypsin promoter.
gene therapy (hemophilia B)

verbrinacogène setparavec

vecteur viral adéno-associé recombinant, non-répliquant, d'un sérotype hépatotropique modifié (S3) (rAAV Rep2-CapS3), codant pour le variant Padua (R338L) du facteur de coagulation IX humain (F9, Facteur IX, FIX) dont les codons sont optimisés, sous le contrôle du promoteur spécifique du foie (FRE1) comprenant une version tronquée de la région de contrôle du locus de l'apoprotéine E humaine (c.-à-d. amplificateur) avec une version tronquée du promoteur de l'antitrypsine alpha-1 humaine.
thérapie génique (hémophilie B)

verbrinacogén setparavec

Un vector de virus adeno-asociado recombinante, no replicativo, de un serotipo hepatotrópico modificado (S3) (rAAV Rep2-CapS3), que codifica una variante de ganancia de función (R338L; Padua) del factor de coagulación IX humano (hFIX) con codones optimizados, bajo el control de un promotor específico de hígado (FRE1) que consta de una versión truncada de la región de control del locus de la apolipoproteína E humana (es decir, potenciador) con una versión truncada del promotor de la alfa-1-antitripsina humana.
terapia génica (hemofilia B)

2364604-87-3

vilobelimabum #
vilobelimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* C5 (complement 5) anaphylatoxin (C5a, C5 Pr678-751)], chimeric monoclonal antibody;
gamma4 heavy chain chimeric (1-446) [VH (*Mus musculus*IGHV1-61*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (62.2%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.13] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (120-217), hinge 1-12 (218-229), CH2 (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-446)], (133-218')-disulfide with kappa light chain chimeric (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV3-4*01 (98.0%) -IGKJ2*01 (100%)/*Homo sapiens*IGKV3D-11*02 (69.1%) -IGKJ2*01 (91.7%)) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator

vilobélimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* C5 (complément 5) anaphylatoxine (C5a, C5 Pr678-751)], anticorps monoclonal chimérique;
chaîne lourde gamma4 chimérique (1-446) [VH (*Mus musculus*IGHV1-61*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (62.2%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.13] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (120-217), charnière 1-12 (218-229), CH2 (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-446)], (133-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa chimérique (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV3-4*01 (98.0%) -IGKJ2*01 (100%)/*Homo sapiens*IGKV3D-11*02 (69.1%) -IGKJ2*01 (91.7%)) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur

vilobelimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* C5 (complemento 5) anafilatoxina (C5a, C5 Pr678-751)], anticuerpo monoclonal quimérico; cadena pesada gamma4 quimérica (1-446) [VH (*Mus musculus* IGHV1-61*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (62.2%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.13] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (120-217), bisagra 1-12 (218-229), CH2 (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-446)], (133-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa quimérica (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV3-4*01 (98.0%) -IGKJ2*01 (100%)/*Homo sapiens*IGKV3D-11*02 (69.1%) -IGKJ2*01 (91.7%)) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa *immunomodulador*

2250440-41-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLQQSGPQ LVRPGTSVKI SCKASGYSTF TFWMDWVKQR PGQGLEWIGR 50
IDPSDSESLR DQRFKDRATL TVDKSSSTVY MQLSSPTSED SAVYYCARGN 100
DGYYGFAWYG QGTLVTYSSA STKGPSVFPL APCSRSTSES TAALGCLVKD 150
YFPEPVTSW NSGALTSGVH TTPAVLQSSG LYSLSSTVTV PSSSLGTRTY 200
TCNVDRHKPSN TKVDRKRESK YGPPCPSCPA PEFLLGGPSVF LFPPKPKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVSGQEDP EVQFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQFNSTYR 300
VVSIVTLVHQ DWLNGKEYKC KVSNGKLPSI IEKTIKAKG QPREPQVYTL 350
PPSQEEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTTPVLDSD 400
GSFFLYSRLT VDKSRWQEGN VFSCSVMEHA LHNHYTQKSL SLSLGR 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVLTQSPAS LAVSLGQRAT ISCKASQSDV YGDSYMKWY QQKPGQPPKL 50
LIYAASNLQS GIPARFSGSG SGTDFTLNIH PVEEEDAATY YCQQSNEDPY 100
TFGGGTLEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVCLL NNFPYREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLS STLTLKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC 218

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22"-96" 146"-202" 260"-320" 366"-424"
22"-96" 146"-202" 260"-320" 366"-424"
Intra-L (C23-C104) 23"-92" 138"-198"
23"-92" 138"-198"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 133"-218" 133"-218"
Inter-H-H (h 8, h 11) 225-225" 228-228"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2 N84.4:
296, 296"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:
HCHS K2:
446, 446"

vonafexorum
vonafexor

4-chloro-5-[4-(2,6-dichlorobenzene-1-sulfonyl)piperazin-1-yl]-1-benzofuran-2-carboxylic acid
farnesoid X receptor agonist

vonafexor

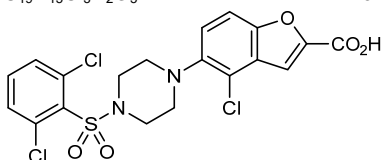
acide 4-chloro-5-[4-(2,6-dichlorobenzène-1-sulfonyl)pipérazin-1-yl]-1-benzofuran-2-carboxylique
agoniste du récepteur farnésioïde X

vonafexor

ácido 4-cloro-5-[4-(2,6-diclorobenceno-1-sulfonyl)piperazin-1-il]-1-benzofuran-2-carboxílico
agonista del receptor de farnesoide X

C₁₉H₁₅Cl₃N₂O₅S

1192171-69-9

**vosilasarmum**

vosilasarm

2-chloro-4-(((1*R*,2*S*)-1-[5-(4-cyanophenyl)-1,3,4-oxadiazol-2-yl]-2-hydroxypropyl)amino)-3-methylbenzonitrile
nonsteroidal selective androgen receptor modulator (SARM), antineoplastic

vosilasarm

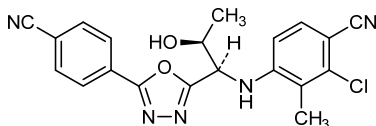
2-chloro-4-(((1*R*,2*S*)-1-[5-(4-cyanophényl)-1,3,4-oxadiazol-2-yl]-2-hydroxypropyl)amino)-3-méthylbenzonitrile
modulateur non-stéroïdien sélectif des récepteurs androgéniques (SARM), antinéoplasique

vosilasarm

4-(((1*R*,2*S*)-1-[5-(4-cianofenil)-1,3,4-oxadiazol-2-il]-2-hidroxiopropil)amino)-2-cloro-3-metilbenzonitrilo
modulador no esteroideo selectivo de los receptores androgénicos (SARM), antineoplásico

C₂₀H₁₆ClN₅O₂

1182367-47-0

**vulinacimabum #**

vulinacimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* VEGFR2 (vascular endothelial growth factor receptor 2, KDR, kinase insert domain receptor, FLK1, CD309)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*04 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (214) (118-215), hinge 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-457)) (118-447)], (220-219')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV2-30*01 (83.0%) -IGKJ2*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
angiogenesis inhibitor, antineoplastic

vulinacimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* VEGFR2 (récepteur 2 du facteur de croissance endothélial vasculaire, KDR, récepteur à domaine insert kinase, FLK1, CD309)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal;

vulinacimab

chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (214) (118-215), charnière 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-457)) (118-447)], (220-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-30*01 (83.0%) -IGKJ2*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
angiogenesis inhibitor, antinéoplasique

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* VEGFR2 (receptor 2 del factor de crecimiento endotelial vascular, KDR, receptor con dominio inserto kinasa, FLK1, CD309)], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (214) (118-215), bisagra 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-457)) (118-447)], (220-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-30*01 (83.0%) -IGKJ2*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
inhibidor de la angiogenesis, antineoplásico

2250342-36-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada				
QVQLVQSGGG	LVQPGGSLRL	SCAASGFSFS	TYAMSWVRQA	PGKLEWVSG 50
ISGSGGTHY	ADSVKGRFTI	SRDNSKNTVN	LQMNSLRAED	TAVYYCAKGL 100
WFGEGLGWQG	TLTVSSAST	KGPSVFPLAP	SSRKSTSGTA	ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS	GALTSGVHTF	PAVLQSSGLY	SLSSVVTGPS	SSLGTQTYIC 200
NVNHPKPSNTK	VDKKVEPKSC	DKTHTCPPCP	APELLGGPSV	FLFPPKPKDT 250
LMISRTPEVT	CVVVDVSHED	PEVKFNWYVD	GVEVHNAKTK	PREEQYNSTY 300
RVVSVLTVLH	QDWLNGKEYK	CKVSNKALPA	PIEKTIKAK	GQPREPQVYT 350
LPFSPREEMTK	NQVSLTCLVK	GFYPDSIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPVLDS 400
DGSFFLYSKL	TVDKSRWQQG	NVFSCSVME	ALHNHYTQKS	LSLSPGK 447
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera				
DVVMTQSPLS	LPVTLGQPAS	ISCRSSQSLY	YRSGYTFLDW	YVQKPGQSPQ 50
LLIYQSSKRD	SGVPDRISGS	GSQDFTLRI	SRVEAEDVGV	YYCFQGTWHP 100
YTFGQGQTKLE	IKRTVAAPSV	FIFPPSDEQL	KSGTASVVCL	LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ	SGNSQESVTE	QDSKDSYSTL	SSTLTLSKAD	YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV	TKSFNRGEC			219

Post-translational modifications		
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro		
Intra-H (C23-C104)	22-96	144-200 261-321 367-425
	22"-96"	144"-200" 261"-321" 367"-425"
Intra-L (C23-C104)	23'-93'	139'-199'
	23'''-93'''	139'''-199'''
Inter-H-L (h 5-CL 126)	220-219"	220"-219"
Inter-H-H (h 11, h 14)	226-226"	229-229"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
297, 297"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:
H CHS K2:
447, 447"

xevinapantum

xevinapant

(5*S*,8*S*,10*aR*)-*N*-(diphenylmethyl)-5-[(2*S*)-2-(methylamino)propanamido]-3-(3-methylbutanoyl)-6-oxodecahydropyrrolo[1,2-*a*][1,5]diazocine-8-carboxamide
antineoplastic

xévinapant

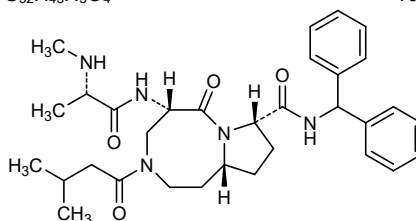
(5*S*,8*S*,10*aR*)-*N*-(diphénylméthyl)-5-[(2*S*)-2-(méthylamino)propanamido]-3-(3-méthylbutanoyl)-6-oxodécahydropyrrolo[1,2-*a*][1,5]diazocine-8-carboxamide
antinéoplasique

xevinapant

(5*S*,8*S*,10*aR*)-*N*-(difenilmetil)-5-[(2*S*)-2-(metilamino)propanamido]-3-(3-metilbutanoil)-6-oxodecahidropirrol[1,2-*a*][1,5]diazocina-8-carboxamida
antineoplásico

 $C_{32}H_{43}N_5O_4$

1071992-99-8

**zandelisibum**

zandelisib

4-[2-(difluoromethyl)-1*H*-benzimidazol-1-yl]-*N*-[2-methyl-1-[2-(1-methylpiperidin-4-yl)phenyl]propan-2-yl]-6-(morpholin-4-yl)-1,3,5-triazin-2-amine
phosphatidylinositol 3-kinase (PI3K) inhibitor, antineoplastic

zandélisib

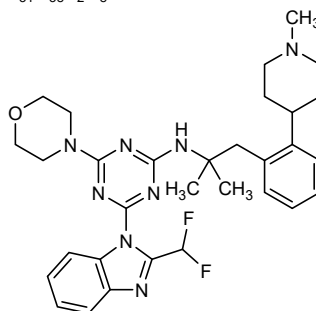
4-[2-(difluorométhyl)-1*H*-benzimidazol-1-yl]-*N*-[2-méthyl-1-[2-(1-méthylpipéridin-4-yl)phényl]propan-2-yl]-6-(morpholin-4-yl)-1,3,5-triazin-2-amine
inhibiteur de phosphatidylinositol 3-kinase (PI3K), antinéoplasique

zandelisib

4-[2-(difluorometil)-1*H*-benzimidazol-1-il]-*N*-[2-metil-1-[2-(1-metilpiperidin-4-il)fenil]propan-2-il]-6-(morfolin-4-il)-1,3,5-triazin-2-amina
inhibidor de fosfatidilinositol 3-kinasa (PI3K), antineoplásico

 $C_{31}H_{38}F_2N_8O$

1401436-95-0



zoligratinibum

zoligratinib

[5-amino-1-(2-methyl-1*H*-benzimidazol-5-yl)-1*H*-pyrazol-4-yl](1*H*-indol-2-yl)methanone
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

zoligratinib

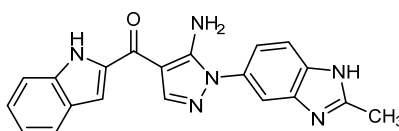
[5-amino-1-(2-méthyl-1*H*-benzimidazol-5-yl)-1*H*-pyrazol-4-yl](1*H*-indol-2-yl)methanone
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

zoligratinib

[5-amino-1-(2-metil-1*H*-benzimidazol-5-il)-1*H*-pirazol-4-il](1*H*-indol-2-il)metanona
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₂₀H₁₆N₆O

1265229-25-1

**zotiraciclibum**

zotiraciclib

(8*E*)-6-methyl-12-oxa-3,6-diaza-2(4,2)-pyrimidina-1,4(1,3)-dibenzenacyclododecaphan-8-ene
cyclin-dependent kinase inhibitor, antineoplastic

zotiraciclib

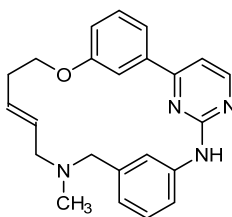
(8*E*)-6-méthyl-12-oxa-3,6-diaza-2(4,2)-pyrimidina-1,4(1,3)-dibenzénacyclododécaphan-8-ène
inhibiteur des kinases dépendantes des cyclines, antinéoplasique

zotiraciclib

(8*E*)-6-metil-12-oxa-3,6-diaza-2(4,2)-pirimidina-1,4(1,3)-dibencenaciclododecafano-8-eno
inhibidor de las kinasas dependientes de las ciclinas, antineoplásico

C₂₃H₂₄N₄O

1204918-72-8

**zuberitamabum #**

zuberitamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* MS4A1 (membrane spanning 4-domains subfamily A member 1, CD20)], chimeric monoclonal antibody;

	gamma1 heavy chain chimeric (1-452) [VH (<i>Mus musculus</i> IGHV1-12*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ1*03 (100%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV1-46*01 (70.4%) -(IGHD) -IGHJ1*03 (85.7%)) [8.8.15] (1-122) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (219) (123-220), hinge 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-213')-disulfide with kappa light chain chimeric (1'-213') [V-KAPPA (<i>Mus musculus</i> IGKV4-72*01 (96.8%) -IGKJ1*01 (90.9 %)/<i>Homo sapiens</i> IGKV3-11*01 (64.9%) -IGKJ2*01 (90.9%)) [5.3.9] (1'-106') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dimer (231-231":234-234")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa immunomodulator, antineoplastic
zubéritamab	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> MS4A1 (membre 1 de la sous-famille A à 4 domaines transmembranaires, CD20)], anticorps monoclonal chimérique; chaîne lourde gamma1 chimérique (1-452) [VH (<i>Mus musculus</i> IGHV1-12*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ1*03 (100%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV1-46*01 (70.4%) -(IGHD) -IGHJ1*03 (85.7%)) [8.8.15] (1-122) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (219) (123-220), charnière 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa chimérique (1'-213') [V-KAPPA (<i>Mus musculus</i> IGKV4-72*01 (96.8%) -IGKJ1*01 (90.9 %)/<i>Homo sapiens</i> IGKV3-11*01 (64.9%) -IGKJ2*01 (90.9%)) [5.3.9] (1'-106') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dimère (231-231":234-234")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa immunomodulateur, antinéoplasique
zuberitamab	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> MS4A1 (miembro 1 de la subfamilia A con 4 dominios transmembranarios, CD20)], anticuerpo monoclonal quimérico; cadena pesada gamma1 quimérica (1-452) [VH (<i>Mus musculus</i> IGHV1-12*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ1*03 (100%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV1-46*01 (70.4%) -(IGHD) -IGHJ1*03 (85.7%)) [8.8.15] (1-122) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (219) (123-220), bisagra 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa quimérica (1'-213') [V-KAPPA (<i>Mus musculus</i> IGKV4-72*01 (96.8%) -IGKJ1*01 (90.9 %)/<i>Homo sapiens</i> IGKV3-11*01 (64.9%) -IGKJ2*01 (90.9%)) [5.3.9] (1'-106') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dímero (231-231":234-234")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa inmunomodulador, antineoplásico

2251143-19-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLQQSGAE LVRPGASVKM SCKASGYTFT SYNMHWVKQT PRQGLEWIGA 50
IYPGNGDTSY NQKEFGKATL TVDKSSSTAY MQLSSLTSED SAVYFCARVV 100
YYSNSYWFYD VWGTGTTTIV SSASTKGPSV FLAPSSKST SGGTAALGCL 150
VKDYFPEPVT VSNNSGALTG GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTVPSSSLGT 200
QTYICNVNHK PSNTKVDKRV EPKSCDKTHT CPPCPAPELL GGPSVFLFPP 250
KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSHEDPEVKF NQYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
YNSTYRVVSV LTVLHQDWLW GKEYKCKVSN KALPAPTEKT ISKAKGQPRE 350
FQVYTLPPSR DELTKNQVSL TCLVKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTTP 400
FVLDSDGSFF LYSKLTVDKS RWQQGNVFSC SVMHEALHMH YTKSLSLSP 450
GK 452

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIELSQSPAI LSASPGKVT MTCRASSSVS YMHWYQQKPG SSPKFWIYAP 50
SNLASGVFAR FSGSGSGTSY SLTISRVEAE DAATYYCQW SFNPPTFGAG 100
TKLEIKRTVA APSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLLNNFYP REAKVQWKVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSSTLTL SKADYEKHKV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFNR GEC 213

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205 266-326 372-430
22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"
Intra-L (C23-C104) 23'-87" 133'-193"
23"-87" 133"-193"
Inter-H-L (h5-CL 126) 225-213' 225"-213"
Inter-H-H (h 11, h 14) 231-231" 234-234"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2 N84.4:
302, 302"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados
C-terminal lysine clipping:
HCHS K2:
452, 452"

Electronic structure available on Mednet: <http://mednet.who.int/>
Structure électronique disponible sur Mednet: <http://mednet.who.int/>
Estructura electrónica disponible en Mednet: <http://mednet.who.int/>
* <http://www.who.int/medicines/services/inn/publication/en/>

Names for Radicals, Groups and others

Some substances for which a proposed international nonproprietary name has been established may be used in the form of salts or esters. The radicals or groups involved may be of complex composition and it is then inconvenient to refer to them in a systematic chemical nomenclature. Consequently, shorter nonproprietary names for some radicals and groups have been devised or selected, and they are suggested for use with the proposed international nonproprietary names.

Dénominations applicables aux radicaux, groupes et autres

Certaines substances pour lesquelles une dénomination commune internationale proposée a été établie sont parfois utilisées sous forme de sels ou d'esters. Les radicaux ou groupes correspondants sont alors quelques fois si complexes qu'il est malcommode de les désigner conformément à la nomenclature chimique systématique. Des dénominations communes abrégées ont donc été formées ou choisies pour certains d'entre eux et il est suggéré de les employer avec les dénominations communes internationales proposées.

Denominaciones para radicales, grupos y otros

Ciertas sustancias para las cuales hay establecidas una denominación común internacional pueden usarse en forma de sales o de ésteres. Los radicales o grupos correspondientes pueden llegar a tener una composición tan compleja que resulte incómodo referirse a ellos mediante la nomenclatura química sistemática. Las siguientes denominaciones comunes abreviadas han sido ideadas o elegidas para algunos de estos radicales y grupos y se sugiere que se empleen con las denominaciones comunes internacionales propuestas

matraxetanum

matraxetan

(3*RS*)-2,5-dioxo-1-(2-{2-[4,7,10-tris(carboxymethyl)-1,4,7,10-tetraazacyclododecan-1-yl]acetamido}ethyl)pyrrolidin-3-yl

matraxétan

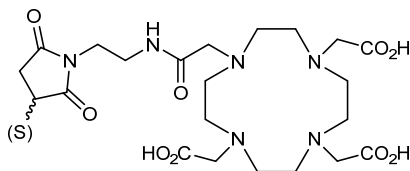
(3*RS*)-2,5-dioxo-1-(2-{2-[4,7,10-tris(carboxyméthyl)-1,4,7,10-tétraazacyclododécan-1-yl]acétamido}éthyl)pyrrolidin-3-yle

matraxetán

(3*RS*)-2,5-dioxo-1-(2-{2-[4,7,10-tris(carboximetil)-1,4,7,10-tetraazaciclododecan-1-il]acetamido}etil)pirrolidin-3-ilo

C₂₂H₃₅N₆O₉

1006711-90-5 (for the reagent)



**AMENDMENTS TO PREVIOUS LISTS
MODIFICATIONS APPORTÉES AUX LISTES ANTÉRIEURES
MODIFICACIONES A LAS LISTAS ANTERIORES**

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): Lists 51, 57 and 58
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Listes 51, 57 et 58
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Listas 51, 57 y 58
(WHO Chronicle, Vol. 38, No. 2, Suppl., 1984; WHO Drug Information, Vol. 1, No. 2, No. 3, 1987)

ademetoninum

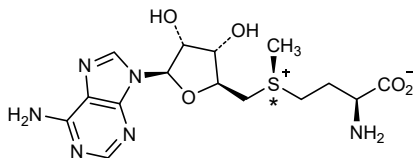
ademetonine *replace the chemical name, CAS Registry Number and structure by the following ones*
 adémétionine *remplacer le nom chimique, le numéro de registre du CAS et la structure par les suivants*
 ademetonina *sustitúyase el nombre químico, el número de registro del CAS y la estructura por los siguientes*

(2S)-2-amino-4-[(S/R)-(5'-deoxyadenosin-5'-yl)(methyl)sulfaniumyl]butanoate

(2S)-2-amino-4-[(S/R)-(5'-désoxyadénosin-5'-yl)(méthyl)sulfaniumyl]butanoate

(2S)-2-amino-4-[(S/R)-(5'-desoxiadenosin-5'-il)(metil)sulfaniumil]butanoato

29908-03-0

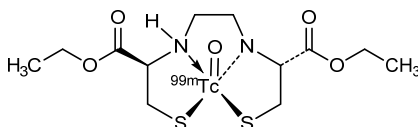


and less than 40% of epimer at S*
 et moins de 40% d'épimère en S*
 y menos de 40% del epímero al S*

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 65
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 65
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 65
(WHO Drug Information, Vol. 5, No. 2, 1991)

p.19 **technetium (^{99m}Tc) bicisas**
 technetium (^{99m}Tc) bicisate
 bicisate de technétium (^{99m}Tc)
 bicisato de tecnecio (^{99m}Tc)

replace the structure by the following one
remplacer la structure par la suivante
sustitúyase la estructura por la siguiente



Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 78
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 78
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 78
(WHO Drug Information, Vol. 11, No. 4, 1997)

- p.271 **denileukinum diftitoxum #**
 denileukin diftitox *replace the molecular formula by the following one*
 dénileukine diftitox *remplacer la formule moléculaire brute par la suivante*
 denileukina diftitox *sustitúyase la fórmula molecular por la siguiente*

$$\text{C}_{2560}\text{H}_{4038}\text{N}_{678}\text{O}_{799}\text{S}_{17}$$

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 107
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 107
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 107
(WHO Drug Information, Vol. 26, No. 2, 2012)

- p.199 **rabusertibum**
 rabusertib *replace the chemical name by the following one*
 rabusertib *remplacer le nom chimique par le suivant*
 rabusertib *sustitúyase el nombre químico por el siguiente*

$$\text{N}-(5\text{-bromo-4-methyl-2-}[(2\text{S})\text{-morpholin-2-yl}] \text{methoxy})\text{phenyl})\text{-N}'\text{-(5-methylpyrazin-2-yl)urea}$$

$$\text{N}-(5\text{-bromo-4-méthyl-2-}[(2\text{S})\text{-morpholin-2-yl}] \text{méthoxy})\text{phényl})\text{-N}'\text{-(5-méthylpyrazin-2-yl)urée}$$

$$\text{N}-(5\text{-bromo-4-metil-2-}[(2\text{S})\text{-morfolin-2-il}] \text{metoxi})\text{fenil})\text{-N}'\text{-(5-metilpirazin-2-il)urea}$$

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 108
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 108
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 108
(WHO Drug Information, Vol. 26, No. 4, 2012)

- p.421 **flortanidazolium (¹⁸F)**
 flortanidazole (¹⁸F) *replace the CAS registry number by the following one*
 flortanidazole (¹⁸F) *remplacer le numéro de registre du CAS par le suivant*
 flortanidazol (¹⁸F) *sustitúyase el número de registro del CAS por el siguiente*

$$1070878\text{-}86\text{-}2$$

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 114
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 114
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 114
(WHO Drug Information, Vol. 29, No. 4, 2015)

- p.522 **edasalonexentum**
 edasalonexent *replace the molecular formula by the following one*
 édasalonexent *remplacer la formule moléculaire brute par la suivante*
 edasalonexento *sustitúyase la fórmula molecular por la siguiente*

$$\text{C}_{31}\text{H}_{42}\text{N}_2\text{O}_3$$

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 115
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 115
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 115
(WHO Drug Information, Vol. 30, No. 2, 2016)

p.299 **pegvorhyaluronidasum alfa #**

-300 pegvorhyaluronidase alfa *replace the description and the structure by the following ones*

pegvorhyaluronidase alfa *remplacer la description et la structure par les suivantes*
 pegvorhialuronidasa alfa *sustitúyase la descripción y la estructura por las siguientes*

human hyaluronidase PH-20 (hyaluronoglucosaminidase PH-20, sperm adhesion molecule 1, EC 3.2.1.35) precursor-(36-482)-peptide (mature (1-447)-peptide), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa, substituted on an average of 4 to 5 sites among N² of Leu1 and N⁶ of lysyl residues with 4-[ω-methoxypoly(oxyethylene)-α-yl]butanoyl groups (~30 kDa each)

hyaluronidase PH-20 humaine (hyaluronoglucosaminidase PH-20, molécule adhésive 1 du sperme, EC 3.2.1.35) précurseur-(36-482)-peptide (à maturité-(1-447)-peptide), produite par des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), forme glycosylée alfa, substituée sur une moyenne de 4 à 5 sites parmi le N² du résidu Leu1 et N⁶ des résidus lysyl par des groupes 4-[ω-méthoxypoly(oxyéthylène)-α-yl]butanoyle (~30 kDa chacun)

hialuronidasa PH-20 humana (hialuronoglucosaminidasa PH-20, molécula de adhesión 1 de esperma, EC 3.2.1.35) precursor-(36-482)-péptido (maduro-(1-447)-péptido), producida por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa, sustituida pro termino medio de 4 a 5 sitios entre el N² del residuo Leu1 y el N⁶ de los residuos lisil por grupos 4-[ω-metoxipoli(oxietileno)-α-il]butanoilo (~ 30 kDa cada uno)

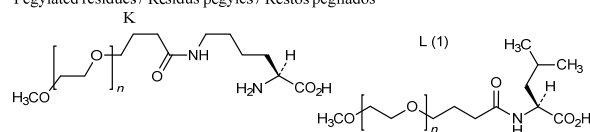
C-terminal number / numéro C-terminal / número C-terminal:

... EEPQIFY 447 instead of 457

LNFRAAPPVIP NVPFLAWNA PSEFCGLKFD EPLDMSLSFS IGSPRINATG 50
 QGVTFYVDR LGYYPIYDSI TGVTVNGGIP QKISLQDHL KAKKDITFYM 100
 PVDNLGMAVI DWEWRPTWA RNWPKPDVYK NRSIELVQQQ NVQLSLTEAT 150
 EKAKQEFKA GKDFLVETIK LGKLLRPNHL WGYLFPDCY NHHYKPGYN 200
 GSCFNVEIKR NDDLSQLWNE STALYPSIYL NTQQSPVAAT LYVRNRVREA 250
 IRVSKIPDAK SPLPVFAYTR IVETDQVLKF LSQDELVTYF GETVALGASG 300
 IVIWGTLSIM RSMKSCLLLD NYMETILNPY IINVTLAAM CSQVLCQEQG 350
 VCIRKNWNSS DYHLNPDNF AIQLEKGGKF TVRGKPTLED LEQFSEKFCY 400
 SCYSTLSCKE KADVKTDAV DVCIADGVC I DAFLKPPMET EEPQIFY 447

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
 25-316 189-203 341-352 346-400 402-408 423-429

Pegylated residues / Résidus pégylés / Restos pegilados



Glycosylation sites (N) / Sites de glycosylation (N) / Posiciones de glicosilación (N)
 Asn-47 Asn-131 Asn-200 Asn-219 Asn-333 Asn-358

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 120
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 120
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 120
(WHO Drug Information, Vol. 32, No. 4, 2018)

p.568 **balstilimabum #**

balstilimab *replace the structure by the following one*
balstilimab *remplacer la structure par la suivante*
balstilimab *sustitúyase la estructura por la siguiente*

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVESGGG VVQPGRSRLR SCAASGFTFS SYGMHWVRQA PGKGLEWVAV 50
IWYDGSNKYY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCASNG 100
DHWGGTLVLT VSSASTKGPS VFPLAPCSRS TSESTALGC LVKDYFPEPV 150
TVSWNSGALT SGVHTFFAVL QSSGLYSLSS VVTPSSSLG TKTYCNVDH 200
KPSNTRKVDKR VESKYFPFPC PCPAPEFLGG PSVFLFPPKP KDTLMISRT 250
EVTCTVVVDVS QEDPEVQFNW YVDGVEVHNA KTKFREEQFN STYRVVSVLT 300
VLHQDWLNGK EYKCKVSNKG LPSSIEKTIS KAKQGPREPQ VYTLPPSQEE 350
MTRNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV LDSDGSEFLY 400
SRLTVDKSRW QEGNVFSCSV MHEALNHYT QKSLSLSLGK 440

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVMTQSPAT LSVSPGERAT LSCRASQSVS SNLAWYQQKP GQAPRLLIYG 50
ASTRATGIPA RFGSGSGSTE FTLTISSLQD EDFAVYYCQ YNNWPTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNNEY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGECC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 140-196 254-314 360-418
22"-96" 140"-196" 254"-314" 360"-418"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 127-214" 127"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 219-219" 222-222"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
290, 290"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

N-terminal glutaminyI cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)
H VH Q1:
1, 1"
C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:
440, 440"

p.602 **ieramilimabum #**

ieramilimab *replace the structure by the following one*
ieramilimab *remplacer la structure par la suivante*
ieramilimab *sustitúyase la estructura por la siguiente*

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCASGFTLT NYGMNWRQA RGQRLEWIGW 50
INTDTGETPY ADDPKGREVF SLDTSVSTAY LQISLKAED TAVYYCARNP 100
PYYGYTNNAE AMDYWGQGT VTVSSASTKG PSVFELAPCS RSTSESTAAL 150
GCLVKDYFPE PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTPSSSS 200
LGTKTYTCNV DHKPSNTKVD KRVEKYGPP CPPCPAPEFL GGPSVFLFPP 250
KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSQEDPEVQF NWYVDGVEVH NAKTKFREEQ 300
FNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GKVEYCKVSN KGLPSSIEKT ISKAKGPPE 350
PQVYTLPPSQ EEMTRNQVSL TCLVKGFYFS DIAVEWESNG QFENNYKTP 400
PVLDSGSEFF LYSRLTVDKS RWQEGNVFSC SVMHEALNHH YTQKSLSLSL 450
G 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPFS LSASVGRDRT ITCSSSQDIS NYLNWYLQKP GQSPQLLIYY 50
TSTLHLGVPS RFGSGSGSTE FTLTISSLQD DDFATYYCQ YNNLPTWTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNNEY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGECC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 152-208 266-326 372-430
22"-96" 152"-208" 266"-326" 372"-430"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 139-214" 139"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 231-231" 234-234"

N-terminal glutaminyI cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)
H VH Q1:
1, 1"
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
302, 302"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

p.612 **maftivimabum #**

maftivimab *replace the structure by the following one*
maftivimab *remplacer la structure par la suivante*
maftivimab *sustitúyase la estructura por la siguiente*

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGTSS SYAMNWRQA PGKGLEWVST 50
ISGMGGSTYY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAKRG 100
YPHSFDIWGQ GTMVTYSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTWSN SGALTSKVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVTP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKVEPKS CDKTHTCPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVDSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGREY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSRDELDT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPVLD 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPFSS LSASVGDRVT ITCRASQGIS SFLNWIYQQK GKAPKLLIYA 50
ASSLQSGVPS RFSGSSTGDT FTLTISSLQ EDFAVYICQQ SYSLTLPFGQ 100
TRLIEIKRTVA AESVFIKPPS DEQLKSGTAS VVCLLNNFY REAKVQWVD 150
NALQSGNSQ SVTEQDSKDS TYSLSSTLT LSKADYEKKH YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFN GEC 213

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 133"-193"
23"-88" 133"-193"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-213' 221"-213"
Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
298, 298"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

p.617

delete/supprimer/suprimase *insert/insérer/insertese*
nidanilimabum **nadunolimabum**
nidanilimab nadunolimab
nidanilimab nadunolimab
nidanilimab nadunolimab

p.665 **zalifrelimabum #**

zalifrelimab *replace the structure by the following one*
zalifrélimab *remplacer la structure par la suivante*
zalifrelimab *sustitúyase la estructura por la siguiente*

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGTFSS SYSMNWRQA PGKGLEWVSS 50
ISSSSSIYY ADSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TAVYYCARVG 100
LMGPFDIWGQ GTMVTYSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTWSN SGALTSKVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVTP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKVEPKS CDKTHTCPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVDSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGREY KCKVSNKALE APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSRDEMT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPVLD 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
BIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASQSVS RYLGWYQQK GQAPRLLIYG 50
ASTRATGIPD RFGSGSGTDT FTLTITRLEP EDFAVYICQQ YGSSPWTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWVK 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKKH YVACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-214' 221"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
298, 298"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:
H CHS K2:
448, 448"

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 121

Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 121

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 121

(WHO Drug Information, Vol. 33, No. 2, 2019)

p.310 **olpasiranum**

olpasiran

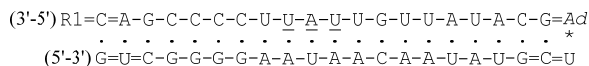
olpasiran

olpasirán

replace the structure by the following one

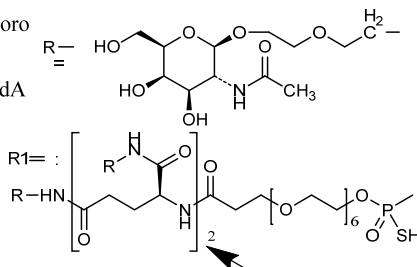
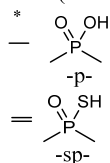
remplacer la structure par la suivante

sustitúyase la estructura por la siguiente



Legend

X : 2'-deoxy-2'-fluoro

X: 2'-*O*-methyl
$$=Ad: -(3' \rightarrow 3')\text{-sp-dA}$$


p.339 **sovateltidum**

sovateltide

sovateltida

remplacer la propriété/indication structure par la suivante

sustitúyase la acción/uso por la siguiente

agoniste du récepteur de l'endothéline

agonista del receptor de la endotelina

ANNEX 1

PROCEDURE FOR THE SELECTION OF RECOMMENDED INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES¹

The following procedure shall be followed by the World Health Organization (hereinafter also referred to as "WHO") in the selection of recommended international nonproprietary names for pharmaceutical substances, in accordance with resolution WHA3.11 of the World Health Assembly, and in the substitution of such names.

Article 1 - Proposals for recommended international nonproprietary names and proposals for substitution of such names shall be submitted to WHO on the form provided therefore. The consideration of such proposals shall be subject to the payment of an administrative fee designed only to cover the corresponding costs of the Secretariat of WHO ("the Secretariat"). The amount of this fee shall be determined by the Secretariat and may, from time to time, be adjusted.

Article 2 - Such proposals shall be submitted by the Secretariat to the members of the Expert Advisory Panel on the International Pharmacopoeia and Pharmaceutical Preparations designated for this purpose, such designated members hereinafter referred to as "the INN Expert Group", for consideration in accordance with the "General principles for guidance in devising International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances", annexed to this procedure². The name used by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical substance shall be accepted, unless there are compelling reasons to the contrary.

Article 3 - Subsequent to the examination provided for in article 2, the Secretariat shall give notice that a proposed international nonproprietary name is being considered.

a) Such notice shall be given by publication in *WHO Drug Information*³ and by letter to Member States and to national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States.

i) Notice shall also be sent to the person who submitted the proposal ("the original applicant") and other persons known to be concerned with a name under consideration.

b) Such notice shall:

i) set forth the name under consideration;

ii) identify the person who submitted the proposal for naming the substance, if so requested by such person;

iii) identify the substance for which a name is being considered;

iv) set forth the time within which comments and objections will be received and the person and place to whom they should be directed;

v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

¹ See Annex 1 in WHO Technical Report Series, No. 581, 1975. The original text was adopted by the Executive Board in resolution EB15.R7 and amended in resolutions EB43.R9 and EB115.R4.

² See Annex 2.

³ Before 1987, lists of international nonproprietary names were published in the *Chronicle of the World Health Organization*.

c) In forwarding the notice, the Secretariat shall request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the proposed name during the period it is under consideration by WHO.

Article 4 - Comments on the proposed name may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

Article 5 - A formal objection to a proposed name may be filed by any interested person within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

Such objection shall:

- i) identify the person objecting;
- ii) state his or her interest in the name;
- iii) set forth the reasons for his or her objection to the name proposed.

Article 6 - Where there is a formal objection under article 5, WHO may either reconsider the proposed name or use its good offices to attempt to obtain withdrawal of the objection. Without prejudice to the consideration by WHO of a substitute name or names, a name shall not be selected by WHO as a recommended international nonproprietary name while there exists a formal objection thereto filed under article 5 which has not been withdrawn.

Article 7 - Where no objection has been filed under article 5, or all objections previously filed have been withdrawn, the Secretariat shall give notice in accordance with subsection (a) of article 3 that the name has been selected by WHO as a recommended international nonproprietary name.

Article 8 - In forwarding a recommended international nonproprietary name to Member States under article 7, the Secretariat shall:

- a) request that it be recognized as the nonproprietary name for the substance; and
- b) request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the name and to prohibit registration of the name as a trademark or trade name.

Article 9

a) In the extraordinary circumstance that a previously recommended international nonproprietary name gives rise to errors in medication, prescription or distribution, or a demonstrable risk thereof, because of similarity with another name in pharmaceutical and/or prescription practices, and it appears that such errors or potential errors cannot readily be resolved through other interventions than a possible substitution of a previously recommended international nonproprietary name, or in the event that a previously recommended international nonproprietary name differs substantially from the nonproprietary name approved in a significant number of Member States, or in other such extraordinary circumstances that justify a substitution of a recommended international nonproprietary name, proposals to that effect may be filed by any interested person. Such proposals shall be submitted on the form provided therefore and shall:

- i) identify the person making the proposal;
- ii) state his or her interest in the proposed substitution; and

iii) set forth the reasons for the proposal; and

iv) describe, and provide documentary evidence regarding the other interventions undertaken in an effort to resolve the situation, and the reasons why these other interventions were inadequate.

Such proposals may include a proposal for a new substitute international nonproprietary name, devised in accordance with the General principles, which takes into account the pharmaceutical substance for which the new substitute international nonproprietary name is being proposed.

The Secretariat shall forward a copy of the proposal, for consideration in accordance with the procedure described in subsection (b) below, to the INN Expert Group and the original applicant or its successor (if different from the person bringing the proposal for substitution and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations).

In addition, the Secretariat shall request comments on the proposal from:

i) Member States and national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States (by including a notice to that effect in the letter referred to in article 3(a), and

ii) any other persons known to be concerned by the proposed substitution.

The request for comments shall:

i) state the recommended international nonproprietary name that is being proposed for substitution (and the proposed substitute name, if provided);

ii) identify the person who submitted the proposal for substitution (if so requested by such person);

iii) identify the substance to which the proposed substitution relates and reasons put forward for substitution;

iv) set forth the time within which comments will be received and the person and place to whom they should be directed; and

v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

Comments on the proposed substitution may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of the request for comments.

b) After the time period for comments referred to above has elapsed, the Secretariat shall forward any comments received to the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution. If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received, the INN Expert Group, the person bringing the proposal for substitution and the original applicant or its successor all agree that there is a need to substitute the previously recommended international nonproprietary name, the Secretariat shall submit the proposal for substitution to the INN Expert Group for further processing.

Notwithstanding the foregoing, the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed for substitution.

In the event that a proposal for substitution shall be submitted to the INN Expert Group for further processing, the INN Expert Group will select a new international nonproprietary name in accordance with the General principles referred to in article 2 and the procedure set forth in articles 3 to 8 inclusive. The notices to be given by the Secretariat under article 3 and article 7, respectively, including to the original applicant or its successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), shall in such event indicate that the new name is a substitute for a previously recommended international nonproprietary name and that Member States may wish to make transitional arrangements in order to accommodate existing products that use the previously recommended international nonproprietary name on their label in accordance with national legislation.

If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received in accordance with the procedure described above, the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution do not agree that there are compelling reasons for substitution of a previously recommended international nonproprietary name, this name shall be retained (provided always that the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event that the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed to be substituted). In such an event, the Secretariat shall advise the person having proposed the substitution, as well as the original applicant or its successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), Member States, national and regional pharmacopoeia commissions, other bodies designated by Member States, and any other persons known to be concerned by the proposed substitution that, despite a proposal for substitution, it has been decided to retain the previously recommended international nonproprietary name (with a description of the reason(s) why the proposal for substitution was not considered sufficiently compelling).

ANNEX 2

GENERAL PRINCIPLES FOR GUIDANCE IN DEVISING INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES¹

1. International Nonproprietary Names (INN) should be distinctive in sound and spelling. They should not be inconveniently long and should not be liable to confusion with names in common use.
2. The INN for a substance belonging to a group of pharmacologically related substances should, where appropriate, show this relationship. Names that are likely to convey to a patient an anatomical, physiological, pathological or therapeutic suggestion should be avoided.

These primary principles are to be implemented by using the following secondary principles:

3. In devising the INN of the first substance in a new pharmacological group, consideration should be given to the possibility of devising suitable INN for related substances, belonging to the new group.

4. In devising INN for acids, one-word names are preferred; their salts should be named without modifying the acid name, e.g. "oxacillin" and "oxacillin sodium", "ibufenac" and "ibufenac sodium".

5. INN for substances which are used as salts should in general apply to the active base or the active acid. Names for different salts or esters of the same active substance should differ only in respect of the name of the inactive acid or the inactive base.

For quaternary ammonium substances, the cation and anion should be named appropriately as separate components of a quaternary substance and not in the amine-salt style.

6. The use of an isolated letter or number should be avoided; hyphenated construction is also undesirable.

7. To facilitate the translation and pronunciation of INN, "f" should be used instead of "ph", "t" instead of "th", "e" instead of "ae" or "oe", and "i" instead of "y"; the use of the letters "h" and "k" should be avoided.

8. Provided that the names suggested are in accordance with these principles, names proposed by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical preparation, or names already officially in use in any country, should receive preferential consideration.

9. Group relationship in INN (see General principle 2) should if possible be shown by using a common stem. The following list contains examples of stems for groups of substances, particularly for new groups. There are many other stems in active use.² Where a stem is shown without any hyphens it may be used anywhere in the name.

<i>Latin</i>	<i>English</i>	
<i>-acum</i>	<i>-ac</i>	anti-inflammatory agents, ibufenac derivatives analgesics
<i>-adolum</i>	<i>-adol }</i>	
<i>-adol-</i>	<i>-adol- }</i>	
<i>-astum</i>	<i>-ast</i>	antiasthmatic, antiallergic substances not acting primarily as antihistaminics
<i>-astinum</i>	<i>-astine</i>	antihistaminics
<i>-azepamum</i>	<i>-azepam</i>	diazepam derivatives
<i>bol</i>	<i>bol</i>	steroids, anabolic
<i>-cain-</i>	<i>-cain-</i>	class I antiarrhythmics, procainamide and lidocaine derivatives
<i>-cainum</i>	<i>-caine</i>	local anaesthetics
<i>cef-</i>	<i>cef-</i>	antibiotics, cephalosporanic acid derivatives
<i>-cillinum</i>	<i>-cillin</i>	antibiotics, 6-aminopenicillanic acid derivatives
<i>-conazolom</i>	<i>-conazole</i>	systemic antifungal agents, miconazole derivatives
<i>cort</i>	<i>cort</i>	corticosteroids, except prednisolone derivatives
<i>-coxibum</i>	<i>-coxib</i>	selective cyclo-oxygenase inhibitors

¹ In its Twentieth report (WHO Technical Report Series, No. 581, 1975), the WHO Expert committee on Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances reviewed the general principles for devising, and the procedures for selecting, INN in the light of developments in pharmaceutical compounds in recent years. The most significant change has been the extension to the naming of synthetic chemical substances of the practice previously used for substances originating in or derived from natural products. This practice involves the use of a characteristic "stem" indicative of a common property of the members of a group. The reason for, and the implications of, the change are fully discussed.

The guiding principles were updated during the 13th consultation on nonproprietary names for pharmaceutical substances (Geneva, 27-29 April 1983) (PHARM S/NOM 928 13 May 1983, revised 18 August 1983).

² A more extensive listing of stems is contained in the working document WHO/EMP/RHT/TSN/2018.1 which is regularly updated and can be requested from the INN Programme, WHO, Geneva.

<i>-entanum</i>	<i>-entan</i>	endothelin receptor antagonists
<i>gab</i>	<i>gab</i>	gabamimetic agents
<i>gado-</i>	<i>gado-</i>	diagnostic agents, gadolinium derivatives
<i>-gatrimum</i>	<i>-gatrimum</i>	thrombin inhibitors, antithrombotic agents
<i>gest</i>	<i>gest</i>	steroids, progestogens
<i>gli</i>	<i>gli</i>	antihyperglycaemics
<i>io-</i>	<i>io-</i>	iodine-containing contrast media
<i>-metacinum</i>	<i>-metacin</i>	anti-inflammatory, indometacin derivatives
<i>-mycinum</i>	<i>-mycin</i>	antibiotics, produced by <i>Streptomyces</i> strains
<i>-nidazolium</i>	<i>-nidazole</i>	antiprotozoal substances, metronidazole derivatives
<i>-ololum</i>	<i>-olol</i>	β -adrenoreceptor antagonists
<i>-oxacinum</i>	<i>-oxacin</i>	antibacterial agents, nalidixic acid derivatives
<i>-platinum</i>	<i>-platin</i>	antineoplastic agents, platinum derivatives
<i>-poetinum</i>	<i>-poetin</i>	erythropoietin type blood factors
<i>-pril(at)um</i>	<i>-pril(at)</i>	angiotensin-converting enzyme inhibitors
<i>-profenum</i>	<i>-profen</i>	anti-inflammatory substances, ibuprofen derivatives
<i>prost</i>	<i>prost</i>	prostaglandins
<i>-relinum</i>	<i>-relin</i>	pituitary hormone release-stimulating peptides
<i>-sartanum</i>	<i>-sartan</i>	angiotensin II receptor antagonists, antihypertensive (non-peptidic)
<i>-vaptanum</i>	<i>-vaptan</i>	vasopressin receptor antagonists
<i>vin- / -vin-</i>	<i>vin- / -vin-</i>	vinca-type alkaloids

ANNEXE 1

PROCEDURE A SUIVRE EN VUE DU CHOIX DE DENOMINATIONS COMMUNES INTERNATIONALES RECOMMANDEES POUR LES SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES¹

L'Organisation mondiale de la Santé (également désignée ci-après sous l'appellation « OMS ») observe la procédure exposée ci-dessous pour l'attribution de dénominations communes internationales recommandées pour les substances pharmaceutiques, conformément à la résolution WHA3.11 de l'Assemblée mondiale de la Santé, et pour le remplacement de telles dénominations.

Article 1 - Les propositions de dénominations communes internationales recommandées et les propositions de remplacement de telles dénominations sont soumises à l'OMS sur la formule prévue à cet effet. L'examen de telles propositions est soumis au paiement d'une taxe administrative destinée uniquement à couvrir les coûts correspondants assumés par le Secrétariat de l'OMS (« le Secrétariat »). Le montant de cette taxe est déterminé par le Secrétariat et peut être modifié de temps à autre.

Article 2 - Ces propositions sont soumises par le Secrétariat aux experts désignés à cette fin parmi les personnalités inscrites au Tableau d'experts de la Pharmacopée internationale et des Préparations pharmaceutiques, ci-après désignés sous l'appellation « le Groupe d'experts des DCI » ; elles sont examinées par les experts conformément aux « Directives générales pour la formation de dénominations communes internationales pour les substances pharmaceutiques » reproduites ci-après². La dénomination acceptée est la dénomination employée par la personne qui découvre ou qui, la première, fabrique et lance sur le marché une substance pharmaceutique, à moins que des raisons majeures n'obligent à s'écarter de cette règle.

¹ Voir annexe 1 dans OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975. Le texte original a été adopté par le Conseil exécutif dans sa résolution EB15.R7 et amendé dans ses résolutions EB43.R9 et EB115.R4.

² Voir annexe 2.

Article 3 - Après l'examen prévu à l'article 2, le Secrétariat notifie qu'un projet de dénomination commune internationale est à l'étude.

a) Cette notification est faite par une insertion dans *WHO Drug Information*¹ et par l'envoi d'une lettre aux Etats Membres et aux commissions nationales et régionales de pharmacopée ou autres organismes désignés par les Etats Membres.

i) Notification est également faite à la personne qui a soumis la proposition (« le demandeur initial ») et à d'autres personnes portant à la dénomination mise à l'étude un intérêt notoire.

b) Cette notification contient les indications suivantes :

i) dénomination mise à l'étude;

ii) nom de l'auteur de la proposition tendant à attribuer une dénomination à la substance, si cette personne le demande ;

iii) définition de la substance dont la dénomination est mise à l'étude ;

iv) délai pendant lequel seront reçues les observations et les objections à l'égard de cette dénomination ; nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces observations et objections ;

v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

c) En envoyant cette notification, le Secrétariat demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur la dénomination proposée pendant la période au cours de laquelle cette dénomination est mise à l'étude par l'OMS.

Article 4 - Des observations sur la dénomination proposée peuvent être adressées à l'OMS par toute personne, dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

Article 5 - Toute personne intéressée peut formuler une objection formelle contre la dénomination proposée dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

Cette objection doit s'accompagner des indications suivantes :

i) nom de l'auteur de l'objection ;

ii) intérêt qu'il ou elle porte à la dénomination en cause ;

iii) raisons motivant l'objection contre la dénomination proposée.

Article 6 - Lorsqu'une objection formelle est formulée en vertu de l'article 5, l'OMS peut soit soumettre la dénomination proposée à un nouvel examen, soit intervenir pour tenter d'obtenir le retrait de l'objection. Sans préjudice de l'examen par l'OMS d'une ou de plusieurs

¹ Avant 1987, les listes de dénominations communes internationales étaient publiées dans la *Chronique de l'Organisation mondiale de la Santé*.

appellations de remplacement, l'OMS n'adopte pas d'appellation comme dénomination commune internationale recommandée tant qu'une objection formelle présentée conformément à l'article 5 n'est pas levée.

Article 7 - Lorsqu'il n'est formulé aucune objection en vertu de l'article 5, ou que toutes les objections présentées ont été levées, le Secrétariat fait une notification conformément aux dispositions du paragraphe a) de l'article 3, en indiquant que la dénomination a été choisie par l'OMS en tant que dénomination commune internationale recommandée.

Article 8 - En communiquant aux Etats Membres, conformément à l'article 7, une dénomination commune internationale recommandée, le Secrétariat :

- a) demande que cette dénomination soit reconnue comme dénomination commune de la substance considérée ; et
- b) demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur cette dénomination et interdire le dépôt de cette dénomination comme marque ou appellation commerciale.

Article 9 -

a) Dans le cas exceptionnel où une dénomination commune internationale déjà recommandée donne lieu à des erreurs de médication, de prescription ou de distribution ou en comporte un risque démontrable, en raison d'une similitude avec une autre appellation dans la pratique pharmaceutique et/ou de prescription, et où il apparaît que ces erreurs ou ces risques d'erreur ne peuvent être facilement évités par d'autres interventions que le remplacement éventuel d'une dénomination commune internationale déjà recommandée, ou dans le cas où une dénomination commune internationale déjà recommandée diffère sensiblement de la dénomination commune approuvée dans un nombre important d'Etats Membres, ou dans d'autres circonstances exceptionnelles qui justifient le remplacement d'une dénomination commune internationale recommandée, toute personne intéressée peut formuler une proposition dans ce sens. Cette proposition est présentée sur la formule prévue à cet effet et doit s'accompagner des indications suivantes :

- i) nom de l'auteur de la proposition ;
- ii) intérêt qu'il ou elle porte au remplacement proposé ;
- iii) raisons motivant la proposition ; et
- iv) description, faits à l'appui, des autres interventions entreprises pour tenter de régler le problème et exposé des raisons pour lesquelles ces interventions ont échoué.

Les propositions peuvent comprendre une proposition de nouvelle dénomination commune internationale de remplacement, établie conformément aux Directives générales, compte tenu de la substance pharmaceutique pour laquelle la nouvelle dénomination commune internationale de remplacement est proposée.

Le Secrétariat transmet une copie de la proposition pour examen, conformément à la procédure exposée plus loin au paragraphe b), au Groupe d'experts des DCI et au demandeur initial ou à son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles).

De plus, le Secrétariat demande aux entités et personnes ci-après de formuler des observations sur la proposition :

i) les Etats Membres et les commissions nationales et régionales de pharmacopée ou d'autres organismes désignés par les Etats Membres (en insérant une note à cet effet dans la lettre mentionnée à l'article 3.a), et

ii) toutes autres personnes portant au remplacement proposé un intérêt notoire.

La demande d'observations contient les indications suivantes :

i) dénomination commune internationale recommandée pour laquelle un remplacement est proposé (et la dénomination de remplacement proposée, si elle est fournie) ;

ii) nom de l'auteur de la proposition de remplacement (si cette personne le demande) ;

iii) définition de la substance faisant l'objet du remplacement proposé et raisons avancées pour le remplacement ;

iv) délai pendant lequel seront reçus les commentaires et nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces commentaires ; et

v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

Des observations sur la proposition de remplacement peuvent être communiquées par toute personne à l'OMS dans les quatre mois qui suivent la date de la demande d'observations.

b) Une fois échu le délai prévu ci-dessus pour la communication d'observations, le Secrétariat transmet les observations reçues au Groupe d'experts des DCI, au demandeur initial ou à son successeur et à l'auteur de la proposition de remplacement. Si, après avoir examiné la proposition de remplacement et les observations reçues, le Groupe d'experts des DCI, l'auteur de la proposition de remplacement et le demandeur initial ou son successeur reconnaissent tous qu'il est nécessaire de remplacer la dénomination commune internationale déjà recommandée, le Secrétariat soumet la proposition de remplacement au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite.

Nonobstant ce qui précède, le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer.

Dans le cas où une proposition de remplacement est soumise au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite, le Groupe choisit une nouvelle dénomination commune internationale conformément aux Directives générales mentionnées à l'article 2 et selon la procédure décrite dans les articles 3 à 8 inclus. La notification faite par le Secrétariat en vertu de l'article 3 et de l'article 7, respectivement, y compris au demandeur initial ou à son successeur (si ce n'est pas la même personne que celle qui a proposé le remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), doit dans un tel cas indiquer que la nouvelle dénomination remplace une dénomination commune internationale déjà recommandée et que les Etats Membres peuvent souhaiter prendre des mesures transitoires pour les produits existants qui utilisent la dénomination commune internationale déjà recommandée sur leur étiquette conformément à la législation nationale.

Si, après examen de la proposition de remplacement et des observations communiquées conformément à la procédure exposée plus haut, le Groupe d'experts des DCI, le demandeur initial ou son successeur et l'auteur de la proposition de remplacement ne s'accordent pas sur le fait qu'il y a des raisons impératives de remplacer une dénomination commune internationale déjà recommandée, cette dernière est conservée (étant entendu toujours que le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer). Dans un tel cas, le Secrétariat informe l'auteur de la proposition de remplacement, ainsi que le demandeur initial ou son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), les Etats Membres, les commissions nationales et régionales de pharmacopée, les autres organismes désignés par les Etats Membres et toutes autres personnes portant un intérêt notoire au remplacement proposé que, malgré une proposition de remplacement, il a été décidé de conserver la dénomination commune internationale déjà recommandée (avec une brève description de la ou des raisons pour lesquelles la proposition de remplacement n'a pas été jugée suffisamment impérative).

ANNEXE 2

DIRECTIVES GENERALES POUR LA FORMATION DE DENOMINATIONS COMMUNES INTERNATIONALES APPLICABLES AUX SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES¹

1. Les dénominations communes internationales (DCI) devront se distinguer les unes des autres par leur consonance et leur orthographe. Elles ne devront pas être d'une longueur excessive, ni prêter à confusion avec des appellations déjà couramment employées.
2. La DCI de chaque substance devra, si possible, indiquer sa parenté pharmacologique. Les dénominations susceptibles d'évoquer pour les malades des considérations anatomiques, physiologiques, pathologiques ou thérapeutiques devront être évitées dans la mesure du possible.

Outre ces deux principes fondamentaux, on respectera les principes secondaires suivants :

3. Lorsqu'on formera la DCI de la première substance d'un nouveau groupe pharmacologique, on tiendra compte de la possibilité de former ultérieurement d'autres DCI appropriées pour les substances apparentées du même groupe.
4. Pour former des DCI des acides, on utilisera de préférence un seul mot. Leurs sels devront être désignés par un terme qui ne modifie pas le nom de l'acide d'origine : par exemple «oxacilline» et «oxacilline sodique», «ibufénac» et «ibufénac sodique».
5. Les DCI pour les substances utilisées sous forme de sels devront en général s'appliquer à la base active (ou à l'acide actif). Les dénominations pour différents sels ou esters d'une même substance active ne différeront que par le nom de l'acide inactif (ou de la base inactive).

¹ Dans son vingtième rapport (OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975), le Comité OMS d'experts des Dénominations communes pour les Substances pharmaceutiques a examiné les directives générales pour la formation des dénominations communes internationales et la procédure à suivre en vue de leur choix, compte tenu de l'évolution du secteur pharmaceutique au cours des dernières années. La modification la plus importante a été l'extension aux substances de synthèse de la pratique normalement suivie pour désigner les substances tirées ou dérivées de produits naturels. Cette pratique consiste à employer des syllabes communes ou groupes de syllabes communes (segments-clés) qui sont caractéristiques et indiquent une propriété commune aux membres du groupe des substances pour lequel ces segments-clés ont été retenus. Les raisons et les conséquences de cette modification ont fait l'objet de discussions approfondies. Les directives ont été mises à jour lors de la treizième consultation sur les dénominations communes pour les substances pharmaceutiques (Genève, 27-29 avril 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 mai 1983, révision en date du 18 août 1983).

En ce qui concerne les substances à base d'ammonium quaternaire, la dénomination s'appliquera de façon appropriée au cation et à l'anion en tant qu'éléments distincts d'une substance quaternaire. On évitera de choisir une désignation évoquant un sel aminé.

6. On évitera d'ajouter une lettre ou un chiffre isolé ; en outre, on renoncera de préférence au trait d'union.

7. Pour simplifier la traduction et la prononciation des DCI, la lettre « f » sera utilisée à la place de « ph », « t » à la place de « th », « e » à la place de « ae » ou « oe », et « i » à la place de « y » ; l'usage des lettres « h » et « k » sera aussi évité.

8. On retiendra de préférence, pour autant qu'elles respectent les principes énoncés ici, les dénominations proposées par les personnes qui ont découvert ou qui, les premières, ont fabriqué et lancé sur le marché les préparations pharmaceutiques considérées, ou les dénominations déjà officiellement adoptées par un pays.

9. La parenté entre substances d'un même groupe (voir Directive générale 2) sera si possible indiquée dans les DCI par l'emploi de segments-clés communs. La liste ci-après contient des exemples de segments-clés pour des groupes de substances, surtout pour des groupes récents. Il y a beaucoup d'autres segments-clés en utilisation active.¹ Les segments-clés indiqués sans trait d'union pourront être insérés n'importe où dans une dénomination.

Latin	Français	
-acum	-ac	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibufénac analgésiques
-adolum	-adol }	
-adol-	-adol- }	
-astum	-ast	antiasthmiques, antiallergiques n'agissant pas principalement en tant qu'antihistaminiques
-astinum	-astine	antihistaminiques
-azepamum	-azépam	substances du groupe du diazépam
bol	bol	stéroïdes anabolisants
-cain-	-caïn-	antiarythmiques de classe I, dérivés du procainamide et de la lidocaïne
-cainum	-caïne	anesthésiques locaux
cef-	céf-	antibiotiques, dérivés de l'acide céphalosporanique
-cillinum	-cilline	antibiotiques, dérivés de l'acide 6-aminopénicillanique
-conazolum	-conazole	agents antifongiques systémiques du groupe du miconazole
cort	cort	corticostéroïdes, autres que les dérivés de la prednisolone
-coxibum	-coxib	inhibiteurs sélectifs de la cyclo-oxygénase
-entanum	-entan	antagonistes du récepteur de l'endothéline
gab	gab	gabamimétiques
-gado-	-gado-	agents diagnostiques, dérivés du gadolinium
-gatrnum	-gatrnum	antithrombines, antithrombotiques
gest	gest	stéroïdes progestogènes
gli	gli	antihyperglycémiant
io-	io-	produits de contraste iodés
-metacinum	-métacine	substances anti-inflammatoires du groupe de l'indométacine
-mycinum	-mycine	antibiotiques produits par des souches de <i>Streptomyces</i>

¹ Une liste plus complète de segments-clés est contenue dans le document de travail WHO/EMP/RHT/TSN/2018.1 qui est régulièrement mis à jour et qui peut être demandé auprès du programme des DCI, OMS, Genève.

<i>-nidazolum</i>	<i>-nidazole</i>	substances antiprotozoaires du groupe du métronidazole
<i>-ololum</i>	<i>-olol</i>	antagonistes des récepteurs β -adrénergiques
<i>-oxacinum</i>	<i>-oxacine</i>	substances antibactériennes du groupe de l'acide nalidixique
<i>-platinum</i>	<i>-platine</i>	antinéoplasiques, dérivés du platine
<i>-poetinum</i>	<i>-poétine</i>	facteurs sanguins de type érythropoïétine
<i>-pril(at)um</i>	<i>-pril(ate)</i>	inhibiteurs de l'enzyme de conversion de l'angiotensine
<i>-profenum</i>	<i>-profène</i>	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibuprofène
<i>prost</i>	<i>prost</i>	prostaglandines
<i>-relinum</i>	<i>-réline</i>	peptides stimulant la libération d'hormones hypophysaires
<i>-sartanum</i>	<i>-sartan</i>	antagonistes d'un récepteur de l'angiotensine II, antihypertenseurs (non peptidiques)
<i>-vaptanum</i>	<i>-vaptan</i>	antagonistes du récepteur de la vasopressine
<i>vin-</i>	<i>vin-</i>	alcaloïdes du type vinca
<i>-vin-</i>	<i>-vin-</i>	

ANEXO 1

PROCEDIMIENTO DE SELECCIÓN DE DENOMINACIONES COMUNES INTERNACIONALES RECOMENDADAS PARA SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS¹

La Organización Mundial de la Salud (OMS) seguirá el procedimiento que se expone a continuación tanto para seleccionar denominaciones comunes internacionales recomendadas para las sustancias farmacéuticas, de conformidad con lo dispuesto en la resolución WHA3.11, como para sustituir esas denominaciones.

Artículo 1 - Las propuestas de denominaciones comunes internacionales recomendadas y las propuestas de sustitución de esas denominaciones se presentarán a la OMS en los formularios que se proporcionen a estos efectos. El estudio de estas propuestas estará sujeto al pago de una tasa destinada a sufragar los costos de administración que ello suponga para la Secretaría de la OMS («la Secretaría»). La Secretaría establecerá la cuantía de esa tasa y podrá ajustarla periódicamente.

Artículo 2 - Estas propuestas serán sometidas por la Secretaría a los miembros del Cuadro de Expertos en Farmacopea Internacional y Preparaciones Farmacéuticas encargados de su estudio, en adelante designados como «el Grupo de Expertos en DCI», para que las examinen de conformidad con los «Principios generales de orientación para formar denominaciones comunes internacionales para sustancias farmacéuticas», anexos a este procedimiento.² A menos que haya poderosas razones en contra, la denominación aceptada será la empleada por la persona que haya descubierto o fabricado y comercializado por primera vez esa sustancia farmacéutica.

Artículo 3 - Tras el examen al que se refiere el artículo 2, la Secretaría notificará que está en estudio un proyecto de denominación internacional.

a) Esa notificación se hará mediante una publicación en *Información Farmacéutica OMS*³ y el envío de una carta a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros.

¹ Véase el anexo 1 en OMS, Serie de Informes Técnicos, N° 581, 1975. El texto vigente fue adoptado por el Consejo Ejecutivo en su resolución EB15.R7 y modificado en las resoluciones EB43.R9 y EB115.R4..

² Véase el anexo 2.

³ Hasta 1987 las listas de DCI se publicaban en la *Crónica de la Organización Mundial de la Salud*.

h) La notificación será enviada también a la persona que haya presentado la propuesta («el solicitante inicial») y a otras personas que tengan un interés especial en una denominación objeto de estudio.

b) En esa notificación se incluirán los siguientes datos:

i) la denominación sometida a estudio;

ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de denominación de la sustancia, si lo pide esa persona;

iii) la identidad de la sustancia cuya denominación está en estudio;

iv) el plazo fijado para recibir observaciones y objeciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y

v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

c) Al enviar esa notificación, la Secretaría solicitará de los Estados Miembros la adopción de todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación propuesta, durante el periodo en que la OMS la tenga en estudio.

Artículo 4 - Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.

Artículo 5 - Toda persona interesada puede presentar una objeción formal a una denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3. Esa objeción deberá acompañarse de los siguientes datos:

i) la identidad de la persona que formula la objeción;

ii) las causas que motivan su interés por la denominación; y

iii) las causas que motivan su objeción a la denominación propuesta.

Artículo 6 - Cuando se haya presentado una objeción formal en la forma prevista en el artículo 5, la OMS podrá reconsiderar el nombre propuesto o utilizar sus buenos oficios para intentar lograr que se retire la objeción. La OMS no seleccionará como denominación común internacional una denominación a la que se haya hecho una objeción formal, presentada según lo previsto en el artículo 5, que no haya sido retirada, todo ello sin perjuicio de que la Organización examine otra denominación o denominaciones sustitutivas.

Artículo 7 - Cuando no se haya formulado ninguna objeción en la forma prevista en el artículo 5, o cuando todas las objeciones presentadas hayan sido retiradas, la Secretaría notificará, conforme a lo dispuesto en el párrafo a) del artículo 3, que la denominación ha sido seleccionada por la OMS como denominación común internacional recomendada.

Artículo 8 - Al comunicar a los Estados Miembros una denominación común internacional, conforme a lo previsto en el artículo 7, la Secretaría:

a) solicitará que esta denominación sea reconocida como denominación común para la sustancia de que se trate; y

b) solicitará a los Estados Miembros que adopten todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación, y prohíban que sea registrada como marca de fábrica o como nombre comercial.

Artículo 9

a) En el caso excepcional de que, debido a su semejanza con otra denominación utilizada en las prácticas farmacéuticas y/o de prescripción, una denominación común internacional recomendada anteriormente ocasione errores de medicación, prescripción o distribución, o suponga un riesgo manifiesto de que esto ocurra, y parezca que tales errores o potenciales errores no sean fácilmente subsanables con otras medidas que no sean la posible sustitución de esa denominación común internacional recomendada anteriormente; en el caso de que una denominación común internacional recomendada anteriormente difiera considerablemente de la denominación común aprobada en un número importante de Estados Miembros, o en otras circunstancias excepcionales que justifiquen el cambio de una denominación común internacional recomendada, cualquier persona interesada puede presentar propuestas en este sentido. Esas propuestas se presentarán en los formularios que se proporcionen a estos efectos e incluirán los siguientes datos:

i) la identidad de la persona que presenta la propuesta;

ii) las causas que motivan su interés en la sustitución propuesta;

iii) las causas que motivan la propuesta; y

iv) una descripción, acompañada de pruebas documentales, de las otras medidas que se hayan adoptado con el fin de resolver la situación y de los motivos por los cuales dichas medidas no han sido suficientes.

Entre esas propuestas podrá figurar una relativa a una nueva denominación común internacional sustitutiva, formulada con arreglo a los Principios generales y que tenga en cuenta la sustancia farmacéutica para la que se proponga la nueva denominación común internacional sustitutiva.

La Secretaría enviará al Grupo de Expertos en DCI y al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que sea una persona diferente de la que ha presentado la propuesta de sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales) una copia de la propuesta, para que sea examinada de conformidad con el procedimiento descrito en el párrafo b) *infra*.

Además, la Secretaría solicitará observaciones sobre la propuesta:

i) a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros (ello se hará incluyendo una notificación a tal efecto en la carta a la que se refiere el párrafo a) del artículo 3), y

ii) a cualquier persona que tenga un interés especial en la sustitución propuesta.

Al solicitar que se formulen estas observaciones se facilitarán los siguientes datos:

i) la denominación común internacional recomendada que se propone sustituir (y la denominación sustitutiva propuesta, si se ha facilitado);

- ii)* la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de sustitución (si lo pide esa persona);
- iii)* la identidad de la sustancia a la que se refiere la sustitución propuesta y las razones para presentar la propuesta de sustitución;
- iv)* el plazo fijado para recibir observaciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y
- v)* los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la sustitución propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a la fecha en que se realizó la solicitud de observaciones.

b) Una vez agotado el mencionado plazo para la formulación de observaciones, la Secretaría enviará todos los comentarios recibidos al Grupo de Expertos en DCI, al solicitante inicial o a su sucesor, y a la persona que haya presentado la propuesta de sustitución. Si después de examinar la propuesta de sustitución y las observaciones recibidas, el Grupo de Expertos en DCI, la persona que haya presentado la propuesta de sustitución y el solicitante inicial, o su sucesor, están de acuerdo en la necesidad de sustituir la denominación común internacional recomendada anteriormente, la Secretaría remitirá la propuesta de sustitución al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite.

No obstante lo anterior, el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone.

En caso de que la propuesta de sustitución sea presentada al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite, este grupo seleccionará una nueva denominación común internacional de conformidad con los Principios generales a los que se refiere el artículo 2 y al procedimiento establecido en los artículos 3 a 8 inclusive. En ese caso, en las notificaciones que la Secretaría ha de enviar con arreglo a los artículos 3 y 7, respectivamente, incluida la notificación al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), se indicará que la nueva denominación sustituye a una denominación común internacional recomendada anteriormente y que los Estados Miembros podrán, si lo estiman oportuno, adoptar disposiciones transitorias aplicables a los productos existentes en cuya etiqueta se utilice, con arreglo a la legislación nacional, la denominación común internacional recomendada anteriormente que se haya sustituido.

En caso de que, después de haber estudiado la propuesta de sustitución y los comentarios recibidos de conformidad con el procedimiento descrito anteriormente, el Grupo de Expertos en DCI, el solicitante inicial o su sucesor y la persona que haya presentado la propuesta de sustitución no lleguen a un acuerdo sobre la existencia de razones poderosas para sustituir una denominación común internacional recomendada anteriormente, esta denominación se mantendrá (siempre en el entendimiento de que el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone). En ese caso, la Secretaría comunicará a la persona que haya propuesto la sustitución, así como al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), a los Estados Miembros, a las comisiones

nacionales y regionales de las farmacopeas o a otros organismos designados por los Estados Miembros y a cualquier otra persona que tenga interés en la sustitución propuesta, que, pese a la presentación de una propuesta de sustitución, se ha decidido mantener la denominación común internacional recomendada anteriormente (con una descripción de la o las razones por las que se ha considerado que la propuesta de sustitución no estaba respaldada por razones suficientemente poderosas).

ANEXO 2

PRINCIPIOS GENERALES DE ORIENTACIÓN PARA FORMAR DENOMINACIONES COMUNES INTERNACIONALES PARA SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS¹

1. Las denominaciones comunes internacionales (DCI) deberán diferenciarse tanto fonética como ortográficamente. No deberán ser incómodamente largas, ni dar lugar a confusión con denominaciones de uso común.

2. La DCI de una sustancia que pertenezca a un grupo de sustancias farmacológicamente emparentadas deberá mostrar apropiadamente este parentesco. Deberán evitarse las denominaciones que puedan tener connotaciones anatómicas, fisiológicas, patológicas o terapéuticas para el paciente.

Estos principios primarios se pondrán en práctica utilizando los siguientes principios secundarios:

3. Al idear la DCI de la primera sustancia de un nuevo grupo farmacológico, deberá tenerse en cuenta la posibilidad de poder formar DCI convenientes para las sustancias emparentadas que se agreguen al nuevo grupo.

4. Al idear DCI para ácidos, se preferirán las de una sola palabra; sus sales deberán denominarse sin modificar el nombre del ácido: p. ej. «oxacilina» y «oxacilina sódica», «ibufenaco» y «ibufenaco sódico».

5. Las DCI para las sustancias que se usan en forma de sal deberán en general aplicarse a la base activa o al ácido activo. Las denominaciones para diferentes sales o ésteres de la misma sustancia activa solamente deberán diferir en el nombre del ácido o de la base inactivos. En los compuestos de amonio cuaternario, el catión y el anión deberán denominarse adecuadamente por separado, como componentes independientes de una sustancia cuaternaria y no como sales de una amina.

6. Deberá evitarse el empleo de letras o números aislados; también es indeseable el empleo de guiones.

7. Para facilitar la traducción y la pronunciación, se emplearán de preferencia las letras «f» en lugar de «ph», «t» en lugar de «th», «e» en lugar de «ae» u «oe», e «i» en lugar de «y»; se deberá evitar el empleo de las letras «h» y «k».

8. Siempre que las denominaciones propuestas estén de acuerdo con estos principios, recibirán una consideración preferente las denominaciones propuestas por la persona que haya descubierto las sustancias, o que fabrique y comercialice por primera vez una sustancia farmacéutica, así como las denominaciones ya adoptadas oficialmente en cualquier país.

¹ En su 20º informe (OMS, Serie de Informes Técnicos, N° 581, 1975), el Comité de Expertos de la OMS en Denominaciones Comunes para las Sustancias Farmacéuticas revisó los Principios generales para formar denominaciones comunes internacionales (DCI), y su procedimiento de selección, a la luz de las novedades registradas en los últimos años en materia de compuestos farmacéuticos. El cambio más importante había consistido en hacer extensivo a la denominación de sustancias químicas sintéticas el método utilizado hasta entonces para las sustancias originadas en productos naturales o derivadas de éstos. Dicho método conlleva la utilización de una «partícula» característica que indica una propiedad común a los miembros de un grupo. En el citado informe se examinan en detalle las razones y consecuencias de este cambio.

Los Principios generales de orientación se actualizaron durante la 13ª consulta sobre denominaciones comunes para sustancias farmacéuticas (Ginebra, 27 a 29 de abril de 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 de mayo de 1983, revisado el 18 de agosto de 1983).

9. El parentesco entre sustancias del mismo grupo se pondrá de manifiesto en las DCI (véase el Principio 2) utilizando una partícula común. En la lista que figura a continuación se indican ejemplos de partículas para grupos de sustancias, en particular para grupos nuevos. Existen muchas otras partículas que se usan habitualmente.¹ Cuando una partícula aparece sin guión al final, puede utilizarse en cualquier lugar de la palabra.

Latín	Español	
-acum	-aco	antiinflamatorios derivados del ibufenaco
-adolum	-adol)	analgésicos
-adol-	-adol-)	
-astum	-ast	antiasmáticos, sustancias antialérgicas cuya acción principal no es la antihistamínica
-astinum	-astina	antihistamínicos
-azepamum	-azepam	derivados del diazepam
bol	bol	esteroides anabolizantes
-cain-	-caína-	antiarrítmicos de clase I, derivados de procainamida y lidocaína
-cainum	-caína-	anestésicos locales
cef-	cef-	antibióticos, derivados del ácido cefalosporánico
-cillinum	-cilina	antibióticos derivados del ácido 6-aminopenicilánico
-conazolum	-conazol	antifúngicos sistémicos derivados del miconazol
cort	cort	corticosteroides, excepto derivados de prednisolona
-coxibum	-coxib	inhibidores selectivos de ciclooxigenasa
-entanum	-entán	antagonistas del receptor de endotelina
gab	gab	gabamiméticos
gado-	gado-	agentes para diagnóstico derivados de gadolinio
-gartrantum	-gatrán	inhibidores de la trombina antitrombóticos
gest	gest	esteroides progestágenos
gli	gli	hipoglucemiantes, antihiper glucémicos
io-	io-	medios de contraste iodados
-metacinum	-metacina	antiinflamatorios derivados de indometacina
-mycinum	-micina	antibióticos producidos por cepas de <i>Streptomyces</i>
-nidazolum	-nidazol	antiprotozoarios derivados de metronidazol
-ololum	-olol	antagonistas de receptores β -adrenérgicos
-oxacinum	-oxacino	antibacterianos derivados del ácido nalidíxico
-platinum	-platino	antineoplásicos derivados del platino
-poetinum	-poetina	factores sanguíneos similares a la eritropoyetina
-pril(at)um	-pril(at)	inhibidores de la enzima convertidora de la angiotensina
-profenum	-profeno	antiinflamatorios derivados del ibuprofeno
prost	prost	prostaglandinas
-relinum	-relina	peptidos estimulantes de la liberación de hormonas hipofisarias
-sartanum	-sartán	antihipertensivos (no peptídicos) antagonistas del receptor de angiotensina II
-vaptanum	-vaptán	antagonistas del receptor de vasopresina
vin-	vin-)	alcaloides de la vinca
-vin-	-vin-)	

¹ En el documento de trabajo WHO/EMP/RHT/TSN/2018.1, que se actualiza periódicamente y puede solicitarse al Programa sobre Denominaciones Comunes Internacionales, OMS, Ginebra, figura una lista más amplia de partículas.