

International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances (INN)

Notice is hereby given that, in accordance with article 3 of the Procedure for the Selection of Recommended International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances, the names given in the list on the following pages are under consideration by the World Health Organization as Proposed International Nonproprietary Names. The inclusion of a name in the lists of Proposed International Nonproprietary Names does not imply any recommendation of the use of the substance in medicine or pharmacy.

Lists of Proposed (1–117) and Recommended (1–78) International Nonproprietary Names can be found in *Cumulative List No. 17, 2017* (available in CD-ROM only). The statements indicating action and use are based largely on information supplied by the manufacturer. **This information is merely meant to provide an indication of the potential use of new substances at the time they are accorded Proposed International Nonproprietary Names.** WHO is not in a position either to uphold these statements or to comment on the efficacy of the action claimed. Because of their provisional nature, these descriptors will neither be revised **nor included in the Cumulative Lists of INNs.**

Dénominations communes internationales des Substances pharmaceutiques (DCI)

Il est notifié que, conformément aux dispositions de l'article 3 de la Procédure à suivre en vue du choix de Dénominations communes internationales recommandées pour les Substances pharmaceutiques les dénominations ci-dessous sont mises à l'étude par l'Organisation mondiale de la Santé en tant que dénominations communes internationales proposées. L'inclusion d'une dénomination dans les listes de DCI proposées n'implique aucune recommandation en vue de l'utilisation de la substance correspondante en médecine ou en pharmacie.

On trouvera d'autres listes de Dénominations communes internationales proposées (1–117) et recommandées (1–78) dans la *Liste récapitulative No. 17, 2017* (disponible sur CD-ROM seulement). Les mentions indiquant les propriétés et les indications des substances sont fondées sur les renseignements communiqués par le fabricant. **Elles ne visent qu'à donner une idée de l'utilisation potentielle des nouvelles substances au moment où elles sont l'objet de propositions de DCI.** L'OMS n'est pas en mesure de confirmer ces déclarations ni de faire de commentaires sur l'efficacité du mode d'action ainsi décrit. En raison de leur caractère provisoire, ces informations **ne figureront pas dans les listes récapitulatives de DCI.**

Denominaciones Comunes Internacionales para las Sustancias Farmacéuticas (DCI)

De conformidad con lo que dispone el párrafo 3 del "Procedimiento de Selección de Denominaciones Comunes Internacionales Recomendadas para las Sustancias Farmacéuticas", se comunica por el presente anuncio que las denominaciones detalladas en las páginas siguientes están sometidas a estudio por la Organización Mundial de La Salud como Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas. La inclusión de una denominación en las listas de las DCI Propuestas no supone recomendación alguna en favor del empleo de la sustancia respectiva en medicina o en farmacia.

Las listas de Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (1–117) y Recomendadas (1–78) se encuentran reunidas en *Cumulative List No. 17, 2017* (disponible sólo en CD-ROM). Las indicaciones sobre acción y uso que aparecen se basan principalmente en la información facilitada por los fabricantes. **Esta información tiene por objeto dar una idea únicamente de las posibilidades de aplicación de las nuevas sustancias a las que se asigna una DCI Propuesta.** La OMS no está facultada para respaldar esas indicaciones ni para formular comentarios sobre la eficacia de la acción que se atribuye al producto. Debido a su carácter provisional, esos datos descriptivos **no deben incluirse en las listas recapitulativas de DCI.**

Proposed International Nonproprietary Names: List 124

Comments on, or formal objections to, the proposed names may be forwarded by any person to the INN Programme of the World Health Organization within four months of the date of their publication in *WHO Drug Information*, i.e., for **List 124 Proposed INN not later than 21 May 2021.**

Publication date: 22/01/2021

Dénominations communes internationales proposées: Liste 124

Des observations ou des objections formelles à l'égard des dénominations proposées peuvent être adressées par toute personne au Programme des Dénominations communes internationales de l'Organisation mondiale de la Santé dans un délai de quatre mois à compter de la date de leur publication dans *WHO Drug Information*, c'est à dire pour la **Liste 124 de DCI Proposées le 21 mai 2021 au plus tard.**

Date de publication : 22/01/2021

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas: Lista 124

Cualquier persona puede dirigir observaciones u objeciones respecto de las denominaciones propuestas, al Programa de Denominaciones Comunes Internacionales de la Organización Mundial de la Salud, en un plazo de cuatro meses, contados desde la fecha de su publicación en *WHO Drug Information*, es decir, para **la Lista 124 de DCI Propuestas el 21 de mayo de 2021 a más tardar.**

Fecha de publicación: 22/01/2021

<i>Proposed INN</i> (Latin, English, French, Spanish)	<i>Chemical name or description: Action and use: Molecular formula</i> <i>Chemical Abstracts Service (CAS) registry number: Graphic formula</i>
<i>DCI Proposée</i>	<i>Nom chimique ou description: Propriétés et indications: Formule brute, Numéro dans le registre du CAS: Formule développée</i>
<i>DCI Propuesta</i>	<i>Nombre químico o descripción: Acción y uso: Fórmula molecular</i> <i>Número de registro del CAS: Fórmula desarrollada</i>

abequolixronum

abequolixron

(3-((3R)-3-[[[2-chloro-3-(trifluoromethyl)phenyl]methyl](2,2-diphenylethyl)amino]butoxy]phenyl)acetic acid
liver-X nuclear hormone receptor (LXR) beta agonist

abéquolixron

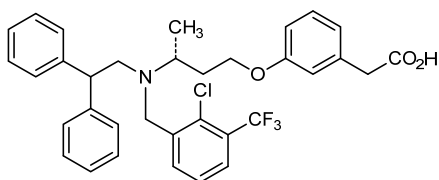
acide (3-((3R)-3-[[[2-chloro-3-(trifluorométhyl)phényl]méthyl](2,2-diphényléthyl)amino]butoxy]phényl)acétique
agoniste du récepteur nucléaire bêta des oxystérols (LXR)

abecuolixron

ácido (3-((3R)-3-[[[2-cloro-3-(trifluorometil)fenil]metil](2,2-difeniletil)amino]butoxi)fenil)acético
agonista de los receptores beta X hepáticos (LXR)

$C_{34}H_{33}ClF_3NO_3$

610318-54-2

**abrucomstatum**

abrucomstat

3-hydroxypropyl nitrate

methyl coenzyme M reductase inhibitor (for veterinary use)

abrucomstat

nitrate de 3-hydroxypropyle

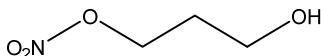
inhibiteur de la méthyl-coenzyme M réductase (usage vétérinaire)

abrucomstat

nitrato de 3-hidroxipropilo

inhibidor de la metil-coenzima M reductasa (uso veterinario) $C_3H_7NO_4$

100502-66-7

**acasunlimabum #**

acasunlimab

immunoglobulin G1-lambda/kappa, anti-[*Homo sapiens* CD274 (programmed death ligand 1, PDL1, PD-L1, B7 homolog 1, B7H1)], and anti-[*Homo sapiens* TNFRSF9 (tumor necrosis factor receptor (TNFR) superfamily member 9, 4-1BB, CD137)], humanized and *Homo sapiens* monoclonal antibody, bispecific; gamma1 heavy chain anti-CD274 humanized (1-450) [VH anti-CD274 humanized (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (87.6%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1'-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1, G1v41 CH2 F1.3, E1.2 (CH1 R120 (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 L1.3>F (238), L1.2>E (239), D27>A (269) (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362), F85.1>L (409) (345-449), CHS K>del (450)) (122-450)], (224-213')-disulfide with lambda light chain anti-CD274 *Homo sapiens* (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*02 (97.9%) -IGLJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.11] (26-31.49-51.88-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (109'-214')]; gamma1 heavy chain anti-TNFRSF9 humanized (1"-446") [VH anti-TNFRSF9 humanized (*Homo sapiens* IGHV3-49*04 (86%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.7.11] (26-33.51-57.96-106) (1"-117") -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (214) (118"-215"), hinge 1-15 (216"-230"), CH2 L1.3>F (234), L1.2>E (235), D27>A (265) (231"-340"), CH3 E12 (356), M14 (358), K88>R (409) (341"-445"), CHS K>del (446)) (118"-446")], (220"-217""')-disulfide with kappa light chain anti-TNFRSF9 humanized (1""'-217""') [V-KAPPA anti-TNFRSF9 humanized (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (85.7%) -IGKJ1*01 (90%)) CDR-IMGT [6.3.12] (27-32.50-52.89-100) (1""'-110""') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (156), V101 (194) (111""'-217""')]; dimer (230-226"-233-229")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa *immunomodulator, antineoplastic*

acasunlimab

immunoglobuline G1-lambda/kappa, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligand 1 de mort programmée, PDL1, PD-L1, homologue 1 de B7, B7H1)] et anti-[*Homo sapiens* TNFRSF9 (membre 9 de la superfamille des récepteurs du facteur de nécrose tumorale, 4-1BB, CD137)], anticorps monoclonal humanisé et *Homo sapiens*, bispécifique; chaîne lourde gamma1 anti-CD274 humanisée (1-450) [VH anti-CD274 humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (87.6%) - (IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1, G1v41 CH2 F1.3, E1.2 (CH1 R120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 L1.3>F (238), L1.2>E (239), D27>A (269) (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362), F85.1>L (409) (345-449), CHS K>del (450)) (122-450)], (224-213')-disulfure avec la chaîne légère lambda anti-CD274 *Homo sapiens* (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*02 (97.9%) -IGLJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.11] (26-31.49-51.88-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (109'-214')]; chaîne lourde gamma1 anti-TNFRSF9 humanisée (1"-446") [VH anti-TNFRSF9 humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-49*04 (86%) - (IGHD) -IGHJ2*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.7.11] (26-33.51-57.96-106) (1"-117") -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (214) (118"-215")), charnière 1-15 (216"-230"), CH2 L1.3>F (234), L1.2>E (235), D27>A (265) (231"-340"), CH3 E12 (356), M14 (358), K88>R (409) (341"-445"), CHS K>del (446)) (118"-446")], (220"-217'")-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-TNFRSF9 humanisée (1'"-217'") [V-KAPPA anti-TNFRSF9 humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (85.7%) -IGKJ1*01 (90%)) CDR-IMGT [6.3.12] (27-32.50-52.89-100) (1'"-110'") -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (156), V101 (194) (111'"-217'")]; dimère (230-226":233-229")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa immunomodulateur, antinéoplasique

acasunlimab

immunoglobulina G1-lambda/kappa, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligando 1 de muerte programada, PDL1, PD-L1, homólogo 1 de B7, B7H1)] y anti-[*Homo sapiens* TNFRSF9 (miembro 9 de la superfamilia de los receptores del factor de necrosis tumoral, 4-1BB, CD137)], anticuerpo monoclonal humanizado y *Homo sapiens*, biespecífico; cadena pesada gamma1 anti-CD274 humanizada (1-450) [VH anti-CD274 humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (87.6%) - (IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1, G1v41 CH2 F1.3, E1.2 (CH1 R120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 L1.3>F (238), L1.2>E (239), D27>A (269) (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362), F85.1>L (409) (345-449), CHS K>del (450)) (122-450)], (224-213')-disulfuro con la cadena ligera lambda anti-CD274 *Homo sapiens* (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*02 (97.9%) -IGLJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.11] (26-31.49-51.88-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (109'-214')]; cadena pesada gamma1 anti-TNFRSF9 humanizada (1"-446") [VH anti-TNFRSF9 humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-49*04 (86%) - (IGHD) -IGHJ2*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.7.11] (26-33.51-57.96-106) (1"-117") -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (214) (118"-215")), bisagra 1-15 (216"-230"), CH2 L1.3>F (234), L1.2>E (235), D27>A (265) (231"-340"), CH3 E12 (356), M14 (358), K88>R (409) (341"-445"), CHS K>del (446)) (118"-446")], (220"-217'")-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-TNFRSF9 humanizada (1'"-217'") [V-KAPPA anti-TNFRSF9 humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (85.7%) -IGKJ1*01 (90%)) CDR-IMGT [6.3.12] (27-32.50-52.89-100) (1'"-110'") -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (156), V101 (194) (111'"-217'")]; dímero (230-226":233-229")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa inmunomodulador, antineoplásico

2253937-12-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-CD274)
EVQLLEPGGG LVQPGGSLRL SCEASGSTFS TYAMSWVRQA PGKGLEWVSG 50
FSGSGGFTFY ADSVRGFTI SRDSSKNTLF LQMSSSLRAED TAVYYCAIPA 100
RGYNYGSFQH WQQTGLTVTS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVDKRVK PKSCDKTHTC PPCAPEFEFG GPSVFLFPFK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVAVV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSRE EMTKNQVSLT CLVKGFPYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTTP 400
VLDSGSGFLL YSKLTVDKSR WQQGNVFCSS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-TNFRSF9)
EVQLVESGGG LVQPGRLRL SCTASGFSLN DYWMSWVRQA PGKGLEWVGY 50
IDVGGSLYYA ASVKGRFTIS RDDSISYAL QMNSLKTEDT AVYYCARGGL 100
TYGFDLWQGG TLVTVSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPS SSLGTQTYIC 200
NVNHKPSNTK VDKRVEPKSC DKHTCTPCPC APEFEGGPSV FLFPFKPKDT 250
LMISRTPEVT CVVVAVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTIKAK GPPEPQVYT 350
LPSSREEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPVLDS 400
DGSFFLYSRL TVDKSRWQGG NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS LSLSPG 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-CD274)
SYVLTQPPSV SVAPGQTARI TCGGNIGSK SVHWYQKQP QAPVLVVYDD 50
NDRPSGLPER FSGSNSGNTA TLTISRVEAG DEADYVCQWV DSSSDHVVFG 100
GGTKLTVLGQ PKAAPSVTLF PPSSEELQAN KATLVCLISD FYPGAVTVAW 150
KADSSPVKAG VETTTPSKQS NNKYAASSYL SLTPPEQWKSH RSYSCQVTHE 200
GSTVEKTVAP TECS 214

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-TNFRSF9)
DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCQASEDIS SYLAWYQKQP GKAPKRLIYG 50
ASDLASGVPS FFSASGSGTD YTFITSSLPQ EDIATYICHY YATISGLGVA 100
FGGGTKVEIK RTVAAPSVFI FPPSDEQLKS GTASVVCLLN NFYPREAKVQ 150
WQVLDNALQSG NSQESVTEQD SKDSTYSLSS TLTLKADYK HKHYACEVT 200
HQGLSSPVTK SFNRGEC 217

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22°-96' 148°-204' 265°-325' 371°-429'
22°-95' 144°-200' 261°-321' 367°-425'
Intra-L (C23-C104) 22°-87' 136°-195'
23°-88' 137°-197"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 224°-213' 220°-217"
Inter-H-H (h 11, h 14) 230°-226' 233°-229"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
301, 297"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados

acavameranum #
acavameran

messenger RNA (mRNA), 5' capped, encoding tumour necrosis factor ligand superfamily member 4 (TNFSF4, OX40 ligand, OX40L, glycoprotein Gp34), flanked by 5' and 3' untranslated regions and a 3' polyA tail; contains N1-methylpseudouridine instead of uridine (*all-U>m¹ψ*).
immunomodulator, antineoplastic

acavaméran

ARN messenger (ARNm), protégé par une coiffe en 5', codant le membre 4 de la superfamille des ligands du facteur de nécrose tumorale (TNFSF4; ligand OX40, OX40L, glycoprotéine Gp34), flanqué de régions non traduites en 5' et 3' et d'une queue polyA en 3'; contient de la N1-méthylpseudouridine au lieu de l'uridine (*all-U>m¹ψ*).
immunomodulateur, antinéoplasique

acavamerán

RNA mensajero (mRNA), protegido en 5', que codifica para el miembro 4 de la superfamilia de ligandos del factor de necrosis tumoral (TNFSF4, ligando de OX40, OX40L, glicoproteína Gp34), flanqueado por regiones no traducidas en 5' y 3' y una cola polyA en 3'; contiene N1-metilpseudouridina en lugar de uridina (*all-U>m¹Ψ*).

inmunomodulador, antineoplásico

2159155-74-3

acazicolceptum #

acazicolcept

human inducible T-cell co-stimulator ligand (ICOS ligand) N-terminal fragment (1-122) (variant (N⁵²>H, N⁵⁷>Y, Q¹⁰⁰>R), fused via peptidyl linker ¹²³GGGSGGGGS¹³² to a human immunoglobulin G1 Fc fragment (133-363) variant (L¹⁵¹>A, L¹⁵²>E, G¹⁵⁴>A, C-terminal K³⁶⁴ deleted), dimer, glycosylated, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells; [N⁵²>H, N⁵⁷>Y, Q¹⁰⁰>R] human inducible T-cell co-stimulator ligand (ICOS ligand, ICOSL, CD275) N-terminal fragment (1-122) fused via a (G₄S)₂ linker (123-132) to a human immunoglobulin G1 C-terminal K>del Fc fragment (133-363) [*Homo sapiens*IGHG1*01; hinge 133-147; CH2 148-257 (L151A, L152E, G154A); CH3 258-362; CHS 363], dimer (143-143':146-146')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator

acazicolcept

fragment N-terminal (1-122) du ligand costimulateur de la cellule T inductible humaine (ligand ICOS) (variant (N⁵²>H, N⁵⁷>Y, Q¹⁰⁰>R), fusionné via un linker peptidique ¹²³GGGSGGGGS¹³² à un fragment Fc (133-363) de l'immunoglobuline G1 humaine, variant (L¹⁵¹>A, L¹⁵²>E, G¹⁵⁴>A, C-terminal K³⁶⁴ supprimé), dimère, glycosylé, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO); fragment N-terminal (1-122) du ligand costimulateur de la cellule T inductible humaine (ligand d'ICOS, ICOSL, CD275) [N⁵²>H, N⁵⁷>Y, Q¹⁰⁰>R] fusionné via un linker (G₄S)₂ (123-132) au fragment Fc (133-363) C-terminal K>del de l'immunoglobuline G1 humaine [*Homo sapiens*IGHG1*01; charnière 133-147; CH2 148-257 (L151A, L152E, G154A); CH3 258-362; CHS 363], dimère (143-143':146-146')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur

acazicolcept

ligando coestimulador de las células T inducible humano (ligando ICOS) fragmentoN-terminal (1-122) (variante (N⁵²>H, N⁵⁷>Y, Q¹⁰⁰>R), fusionado a través de un enlace peptidil ¹²³GGGGSGGGGS¹³² al fragmento de una inmunoglobulina humana G1 Fc (133-363) variante (L¹⁵¹>A, L¹⁵²>E, G¹⁵⁴>A, C-terminal K³⁶⁴ eliminada), dímero, glicosilado, producido en células ováricas de hámster chino (CHO); [N⁵²>H, N⁵⁷>Y, Q¹⁰⁰>R] ligando humano de coestimulador inducible de células T (ligando de ICOS, ICOSL, CD275), fragmento N-terminal (1-122), fusionado a través de un péptido (G₄S)₂ (123-132) con un fragmento Fc C-terminal K>del de la inmunoglobulina G1 humana (133-363) [*Homo sapiens*IGHG1*01; bisagra 133-147; CH2 148-257 (L151A, L152E, G154A); CH3 258-362; CHS 363], dímero (143-143':146-146')-bisdisulfuro, producido en células ováricas de hámster chino (CHO), glicoforma alfa *inmunomodulador*

2270247-50-0

Sequence / Séquence / Secuencia
DTQKEVVRAM VGSDELSCA CPEGRSFDLN DVYVYWTSE SKTVVVTYHIP 50
QHSLSLEYVDS RYRNRLMSP AGMLRGDFSL RLFNVTQDE QKFHCLVLSR 100
SLGFQEVLSV EVTLHVAANF SVGGGGSGGG GSEPKSSDKT HTCPCCPAPE 150
AEGAPSVFLF PPKPKDTLMI SRTPFVTCVV VDVSHEDPEV KFNWYVDGVE 200
VHNAKTKPRE EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW LNGKEYCKV SNKALPAIE 250
KTISKAKGQP RFQVYTLPP SRDELTKQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES 300
NGQPENNYKT TPPVLDSGGS FFLYSKLTVD KSRWQQGVF SCSVMHEALH 350
NHYTQKSLSL SPG 363

Mutation sites / Sites de mutation / Posiciones de mutación
N52, N52>H, N57>Y, Q100, Q100>R, L151, L151>A, L152, L152>E, G154, G154>A, K364, K364>del

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posición del puentes disulfuro
intra-ICOSL 19-95 intra-Fc 178-238 284-342
19'-95' 178'-238' 284'-342'
inter-Fc 143-143' 146-146'

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación
ICOSL: N84, N119, N84'; N119';
Fc: N214, N214'

acidum idroxioleicum
idroxioleic acid

rac-(2*R*,9*Z*)-2-hydroxyoctadec-9-enoic acid
sphingomyelin synthase activator, antineoplastic

acide idroxioleïque

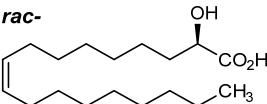
acide *rac*-(2*R*,9*Z*)-2-hydroxyoctadéc-9-énoïque
activateur de la synthase de la sphingomyéline, antinéoplasique

ácido idroxioleico

ácido *rac*-(2*R*,9*Z*)-2-hidroxiocetadec-9-enoico
activador de esfingomielina sintasa, antineoplásico

C₁₈H₃₄O₃

56472-29-8



adagrasibum

adagrasib

{{(2S)-4-[7-(8-chloronaphthalen-1-yl)-2-{{[(2S)-1-methylpyrrolidin-2-yl]methoxy}-5,6,7,8-tetrahydropyrido[3,4-*d*]pyrimidin-4-yl]-1-(2-fluoroprop-2-enoyl)piperazin-2-yl}acetonitrile
rat sarcoma viral oncogene homolog (KRAS) inhibitor, antineoplastic

adagrasib

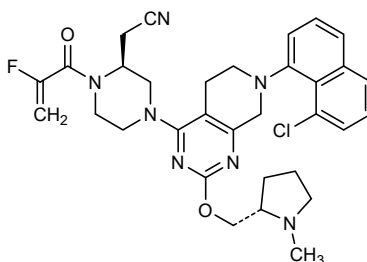
{{(2S)-4-[7-(8-chloronaphthalén-1-yl)-2-{{[(2S)-1-méthylpyrrolidin-2-yl]méthoxy}-5,6,7,8-tétrahydropyrido[3,4-*d*]pyrimidin-4-yl]-1-(2-fluoroprop-2-énoyl)pipérazin-2-yl}acétonitrile
inhibiteur de l'homologue de l'oncogène du virus du sarcome du rat (KRAS), antinéoplasique

adagrasib

{{(2S)-4-[7-(8-cloronaftalen-1-il)-2-{{[(2S)-1-metilpirrolidin-2-il]metoxi}-5,6,7,8-tetrahidropirido[3,4-*d*]pirimidin-4-il]-1-(2-fluoroprop-2-enoil)piperazin-2-il}acetonitrilo
inhibidor homólogo del oncogén del virus del sarcoma de rata (KRAS), antineoplásico

C₃₂H₃₅ClFN₇O₂

2326521-71-3

**adezmapimodum**

adezmapimod

rac-4-[5-(4-fluorophenyl)-2-{4-[(*R*)-methanesulfinyl]phenyl}-1*H*-imidazol-4-yl]pyridine
immunomodulator

adezmapimod

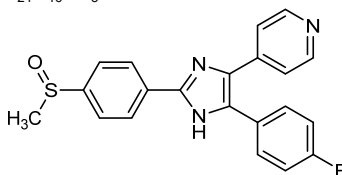
rac-4-[5-(4-fluorophényl)-2-{4-[(*R*)-méthanesulfinyl]phényl}-1*H*-imidazol-4-yl]pyridine
immunomodulateur

adezmapimod

rac-4-[5-(4-fluorofenil)-2-{4-[(*R*)-metanosulfinil]fenil}-1*H*-imidazol-4-il]piridina
inmunomodulador

C₂₁H₁₆FN₃OS

152121-47-6



aficamtenum

aficamten

N-[(1*R*)-5-(5-ethyl-1,2,4-oxadiazol-3-yl)-2,3-dihydro-1*H*-inden-1-yl]-1-methyl-1*H*-pyrazole-4-carboxamide
cardiac myosin allosteric inhibitor

aficamtène

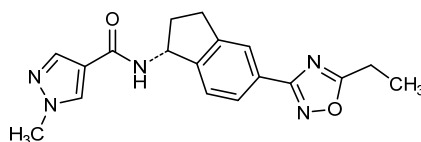
N-[(1*R*)-5-(5-éthyl-1,2,4-oxadiazol-3-yl)-2,3-dihydro-1*H*-indén-1-yl]-1-méthyl-1*H*-pyrazole-4-carboxamide
inhibiteur allostérique de la myosine cardiaque

aficamten

N-[(1*R*)-5-(5-etil-1,2,4-oxadiazol-3-il)-2,3-dihidro-1*H*-inden-1-il]-1-metil-1*H*-pirazol-4-carboxamida
inhibidor alostérico de la miosina cardíaca

C₁₈H₁₉N₅O₂

2364554-48-1

**afimotoranum**

afimotoran

2-{4-[2-(7,8-dimethyl[1,2,4]triazolo[1,5-*a*]pyridin-6-yl)-3-(propan-2-yl)-1*H*-indol-5-yl]piperidin-1-yl}acetamide
toll-like receptor antagonist, immunomodulator

afimétoran

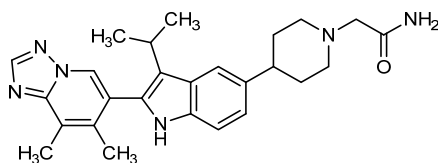
2-{4-[2-(7,8-diméthyl[1,2,4]triazolo[1,5-*a*]pyridin-6-yl)-3-(propan-2-yl)-1*H*-indol-5-yl]pipéridin-1-yl}acétamide
antagoniste des récepteurs de type toll, immunomodulateur

afimotorán

2-{4-[2-(7,8-dimetil[1,2,4]triazolo[1,5-*a*]piridin-6-il)-3-(propan-2-il)-1*H*-indol-5-il]piperidin-1-il}acetamida
antagonista de los receptores de tipo toll, inmunomodulador

C₂₆H₃₂N₆O

2171019-55-7

**alomfilimabum #**

alomfilimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ICOS (inducible T-cell costimulatory, activation-inducible lymphocyte immunomediatory molecule, AILIM, CD278)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-20*04 (94.9%) -IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%) T122>I (118)] CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113) (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (221) (125-222), hinge 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 D12 (363), L14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-215')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (92.7%) -IGKJ3*01 (100%)) CDR-IMGT [7.3.9] (27-33.51-53.90-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimer (233-233":236-236")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

alomfilimab	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> ICOS (costimulateur inductible du lymphocyte T, molécule immunomédiateur lymphocytaire inductible par activation, AILIM, CD278)], anticorps monoclonal <i>Homo sapiens</i> ; chaîne lourde gamma1 <i>Homo sapiens</i> (1-454) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-20*04 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%) T122>I (118)) CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113) (1-124) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (221) (125-222), charnière 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 D12 (363), L14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa <i>Homo sapiens</i> (1'-215') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-20*01 (92.7%) -IGKJ3*01 (100%)) CDR-IMGT [7.3.9] (27-33.51-53.90-98) (1'-108') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimère (233-233":236-236")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa immunomodulateur, antinéoplasique
alomfilimab	immunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> ICOS (coestimulador inducible del linfocito T, molécula inmunomediadora linfocitaria inducible por activación, AILIM, CD278)], anticuerpo monoclonal <i>Homo sapiens</i> ; cadena pesada gamma1 <i>Homo sapiens</i> (1-454) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-20*04 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%) T122>I (118)) CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113) (1-124) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (221) (125-222), bisagra 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 D12 (363), L14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa <i>Homo sapiens</i> (1'-215') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-20*01 (92.7%) -IGKJ3*01 (100%)) CDR-IMGT [7.3.9] (27-33.51-53.90-98) (1'-108') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dímero (233-233":236-236")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa immunomodulador, antineoplásico

2378692-24-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
EVQLVESGGG VVRPGGSLRL SCVASGVTFD DYGMSSVVRQA PGKGLEWVSG	50
INWNGGDTDY SDSVKGRFTI SRDNARNSLY LQMNSLRAED TALYYCARDP	100
YSGSSYYHPF FDYWGQGILV TVSSASTKGP SVFLAPSSK STSGGTAALG	150
CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSLS SVVTVPSSSL	200
GTQTYICNVN HKPSNTKVDK KVEPKSCDKT HTCPPCPAPE LLGGPSVFLF	250
PPPKDITLMI SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV KFNWYVDGVE VHNAKTKPFE	300
EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV SNKALPAPIE KTISKAKGQP	350
REPQVYTLFP SRDELTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES NGQPENNYKT	400
TPPVLDSDGS FFLYSKLTVD KSRWQQGNVF SCSVMHEALH NHYTQKLSLS	450
SPGK	454
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASQSVS RSYLAWYQQK RGQAPRLLIY	50
GASSRATGIP DRFSGDGGST DFTLSISRLE PEDFAVYYCH QYDMSPTFG	100
PGTKVDIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLSGT ASVVCLNNF YPREAKVQWK	150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSTL TLSKADYEKH KVYACEVTHQ	200
GLSSPVTKSF NRGEK	215
Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H (C23-C104)	22-96 151-207 268-328 374-432
	22"-96" 151"-207" 268"-328" 374"-432"
Intra-L (C23-C104)	23'-89' 135'-195'
	23'''-89''' 135'''-195'''
Inter-H-L (h 5-CL 126)	227-215' 227"-215"
Inter-H-H (h 11, h 14)	233-233* 236-236"
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación	
H CH2 N84.4:	304, 304"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.	
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal	
H CHS K2:	454, 454"

amlitelimabum #

amlitelimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFSF4 (tumor necrosis factor (TNF) superfamily member 4, OX40 ligand, OX-40L, TAX transcriptionally-activated glycoprotein 1, TXGP1, CD252)], monoclonal antibody; gamma4 heavy chain (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.20] (26-33.51-58.97-116) (1-127)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v3 E1.2 (CH1 (128-225), hinge 1-12 S10>P (235) (226-237), CH2 L1.2>E (242) (238-347), CH3 (348-452), CHS (453-454)) (128-454)], (210-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (96.8%) -IGKJ3*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (233-233":236-236")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator

amlitélimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFSF4 (membre 4 de la superfamille des ligands du facteur de nécrose tumorale, ligand de OX40, OX40L, glycoprotéine 1 activée transcriptionnellement par TAX, TXGP1, CD252)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma4 (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.20] (26-33.51-58.97-116) (1-127)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v3 E1.2 (CH1 (128-225), charnière 1-12 S10>P (235) (226-237), CH2 L1.2>E (242) (238-347), CH3 (348-452), CHS (453-454)) (128-454)], (210-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (96.8%) -IGKJ3*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (233-233":236-236")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur

amlitelimab

immunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFSF4 (miembro 4 de la superfamilia de los ligandos del factor de necrosis tumoral, ligando de OX40, OX40L, glicoproteína 1 activada transcripcionalmente por TAX, TXGP1, CD252)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma4 (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.20] (26-33.51-58.97-116) (1-127)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v3 E1.2 (CH1 (128-225), bisagra 1-12 S10>P (235) (226-237), CH2 L1.2>E (242) (238-347), CH3 (348-452), CHS (453-454)) (128-454)], (210-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (96.8%) -IGKJ3*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (233-233":236-236")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador

2378692-15-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS NYAMNWVRQA PGKGLEWVST 50
ISGSGGATRY ADSVKGRFTI SRDNSRNTVY LQMNSLRVED TAVFYCTKDR 100
LIMATVRGPY YYGMDVWGQG TTVTVSSAST KGPSVFFLAP CSRSTSESTA 150
ALGCLVKDYF PEFVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPF 200
SSLGTKTYTC NVDHKPSNTK VDKRVEKYG PCPCPCPAPE FEGGPSVFEL 250
PPKPKDTLMI SRTPEVTCVV VDVSEQDEPV QFNWYVDGVE VHNAKTKPRE 300
EQFNSTYRVV SVLTVLHQDW LNKKEYKCKV SNKGLPSSIE KTISKAKGQP 350
REPQVYTLFP SQEEMTKNQV SLTCLVKGEY PSDIAVENES NGQPENNYKT 400
TPPVLDSGGS FFLYSRITVD KSRWQEGNVF SCSVMHEALH NHYPTQKSLSL 450
SLGK 454

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCRASQGIS SYLNWYQQKP GKAPNLLIYA 50
ASSLQSGVPS RFSGSGSETD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ SHSVSFTFGP 100
GTKVDIKRTV AAFSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQMKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSTLT LSKADYERHK YVACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 154-210 268-328 374-432
22"-96" 154"-210" 268"-328" 374"-432"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23""-88"" 134""-194""
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 141-214" 141"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 233-233" 236-236"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
304, 304"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycans de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:
454, 454"

anbenitamabum #
anbenitamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (epidermal growth factor receptor 2, receptor tyrosine protein kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185cerbB2, NEU, CD340)], humanized monoclonal antibody, biparatopic, tetravalent;
gamma1 heavy chain anti-ERBB2 domain II humanized (1-449) [VH anti-ERBB2 domain II (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (78.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m7,1, G1v32 CH3 W22 (CH1 K120 (217) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360), T22>W (368), K88>A (411) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfide with kappa light chain anti-ERBB2 humanized (1'-214') [V-KAPPA anti-ERBB2 humanized (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (194) (108'-214')];
gamma1 heavy chain anti-ERBB2 domain IV humanized (1"-450") [VH anti-ERBB2 domain IV (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1"-120") -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m7,1, G1v33 CH3 S22, A24, V86 (CH1 K120 (217) (121"-218"), hinge 1-15 (219"-233"), CH2 (234"-343"), CH3 D12 (359), L14 (361) T22>S (369), L24>A (371), F85.1>K (408), Y86>V (410) (344"-448"), CHS (449"-450")) (121"-450")], (223"-214"")-disulfide with kappa light chain anti-ERBB2 humanized (1""-214"" [V-KAPPA anti-ERBB2 humanized (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1""-107""") -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (194) (108""-214""");
dimer (228-229":231-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

anbénitamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (récepteur 2 du facteur de croissance épidermique, récepteur tyrosine-protéine kinase erbB2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticorps monoclonal humanisé, biparatopique, tétravalent;

chaîne lourde gamma1 anti-ERBB2 domaine II humanisée (1-449) [VH anti-ERBB2 domaine II (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (78.8%) - (IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) - *Homo sapiens* IGHG1*01, G1m7,1, G1v32 CH3 W22 (CH1 K120 (217) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360), T22>W (368), K88>A (411) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfure avec la chaîne légère lambda anti-ERBB2 humanisée (1'-214') [V-KAPPA anti-ERBB2 (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (194) (108'-214')];

chaîne lourde gamma1 anti-ERBB2 domaine IV humanisée (1"-450") [VH anti-ERBB2 domaine IV (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) - (IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1"-120") -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m7,1, G1v33 CH3 S22, A24, V86 (CH1 K120 (217) (121"-218"), charnière 1-15 (219"-233"), CH2 (234"-343"), CH3 D12 (359), L14 (361) T22>S (369), L24>A (371), F85.1>K (408), Y86>V (410) (344"-448"), CHS (449"-450")) (121"-450")], (223"-214'")-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-ERBB2 humanisée (1'"-214'") [V-KAPPA anti-ERBB2 (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'"-107'") -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (194) (108'"-214'")]; dimère (228-229":231-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa immunomodulateur, antinéoplasique

anbenitamab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (receptor 2 del factor de crecimiento epidérmico, receptor tirosina-proteína kinasa erbB2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticuerpo monoclonal humanizado, biparatópico, tetravalente;

cadena pesada gamma1 anti-ERBB2 dominio II humanizada (1-449) [VH anti-ERBB2 dominio II (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (78.8%) - (IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) - *Homo sapiens* IGHG1*01, G1m7,1, G1v32 CH3 W22 (CH1 K120 (217) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360), T22>W (368), K88>A (411) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfuro con la cadena ligera lambda anti-ERBB2 humanizada (1'-214') [V-KAPPA anti-ERBB2 (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (194) (108'-214')];

cadena pesada gamma1 anti-ERBB2 dominio IV humanizada (1"-450") [VH anti-ERBB2 dominio IV (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) - (IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1"-120") -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m7,1, G1v33 CH3 S22, A24, V86 (CH1 K120 (217) (121"-218"), bisagra 1-15 (219"-233"), CH2 (234"-343"), CH3 D12 (359), L14 (361) T22>S (369), L24>A (371), F85.1>K (408), Y86>V (410) (344"-448"), CHS (449"-450")) (121"-450")], (223"-214'")-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-ERBB2 humanizada (1'"-214'") [V-KAPPA anti-ERBB2 (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'"-107'") - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (194) (108'"-214'")]; dímero (228-229":231-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa inmunomodulador, antineoplásico

2367012-88-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-ERBB2 domain II)
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFT DYTMDWVRQA PGKGLEWVAD 50
VNPNSGGSIY NQRFKGRFTL SVDRSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARNL 100
GPSFYFDYWG QGTLVTSSA STKGPSVFPF APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTYSW NSGALTSGVH TFPVAVLQSSG LYSLSVSVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHHKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCP CPAPPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTPE VTCVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNNA TKPREQVNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIETISK AKGQPREPOV 350
YTLPPSRDEL TKNQVSLWCL VKGYFSPDIA VEWESNGQPE NNYKTTPEVL 400
DSDGGSFFLYS ALTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-ERBB2 domain IV)
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFT DYTMDWVRQA PGKGLEWVAD 50
IYPTNGYTRY ADSVGRFTI SADTSKNTAY LQMNSLRAED TAVYYCSRWG 100
GDGFYAMDYWG QGTLVTSSA STKGPSVFPF APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
DYFPEPVTYSW NSGALTSGVH TFPVAVLQSSG LYSLSVSVTV PSSSLGTQTY 200
YICNVNHHKPSN NTKVDKKVEPK SCDKTHTCP CPAPPELLGGP SVFLFPPKPK 250
KDTLMISRTPE VTCVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNNA TKPREQVNS 300
STYRVVSVLTV VLHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIETISK AKGQPREPOV 350
VYTLPPSRDEL TKNQVSLWCL VKGYFSPDIA VEWESNGQPE NNYKTTPEVL 400
LDSDGGSFFLYS ALTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYT QKSLSLSPGK 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-ERBB2)
DIQMTQSPSS LSASVGRDVT ITCRASQDVN TAVAWYQKPK GKAPKLLIYS 50
ASFLYSGVPS RFGSGRSSTD FTLTISLQPE EDFATYCYQQ HYTTPTTFGQ 100
GTFKVEIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYERHK YVACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22"-96" 146-202 263-323 369-427
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-214' 223"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 228-229" 231-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
299, 300"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenararios complejos fucosilados
C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:
449, 450"

ansuvimabum #
ansuvimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[Zaire ebolavirus (Zaire Ebola virus (EBOV)) envelope glycoprotein subunit 1 (GP1) glycan cap], monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-13*01 (78.4%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (92.9%) T122>I (113)) CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-27*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107") -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-DG44 cell line, glycoform alfa
antiviral

ansuvimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[coiffe glycosylée de la sous-unité de la glycoprotéine d'enveloppe (GP1) de Zaire ebolavirus (virus Ebola Zaïre (EBOV))], anticorps monoclonal;

ansuvimab

chaîne lourde gamma1 (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-13*01 (78.4%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (92.9%) T122>I (113)) CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-27*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa
antiviral

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[cubierta glicosilada de la subunidad 1 de la glicoproteína de envoltura (GP1) de *Zaire ebolavirus* (virus Ebola Zaïre (EBOV))], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma1 (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-13*01 (78.4%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (92.9%) T122>I (113)) CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-27*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa
antiviral

2375952-29-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LIQPGGSLRL SCAASGFALR MYDMHWVRQT IDKRLIEWVSA 50
VGPSGDTTYA DSVKGRFAVS RENAKNSLSL QMNSLTAGDT AIYYCVRSRDR 100
GVAGLFDNSG QGILVTYSSA STKGPSVFPFL APSKSTSGG TAAAGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPFVLQSSG LYSLSVTVV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHPKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCPE CPAPELLGSP SVFLFPKPK 250
DTLMISRTPE VTCVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQVNS 300
TYRVSIVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIETISK AKGQPREPQV 350
YTLPSRDEL TRNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTFPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHTQ KSLSLSPGK 449
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS LSASVGRIT ITCRASQAFD NYVAWYQRP GKVPKLLISA 50
ASALHAGVPS RFGSGSGGTH FTLTISSLQP EDVATYYCQN YNSAPLTFGG 100
GKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQMKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSSTL LSKADYKHK VYACEVTHQG 200
LSPPVTKSFN RGEC 214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22°-95° 146°-202° 263°-323° 369°-427°
22°-95° 146°-202° 263°-323° 369°-427°

Intra-L (C23-C104) 23°-88° 134°-194°
23°-88° 134°-194°

Inter-H-L (h 5-CL 126) 222°-214° 222°-214°

Inter-H-H (h 11, h 14) 228°-228° 231°-231°

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

HCH2 N84.4:

299, 299°

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

atamparibum

atamparib

5-[[[(2S)-1-(3-oxo-3-{4-[5-(trifluoromethyl)pyrimidin-2-yl]piperazin-1-yl}propoxy)propan-2-yl]amino]-4-(trifluoromethyl)pyridazin-3(2H)-one
poly (ADP-ribose) polymerase (PARP) 7 inhibitor, antineoplastic

atamparib

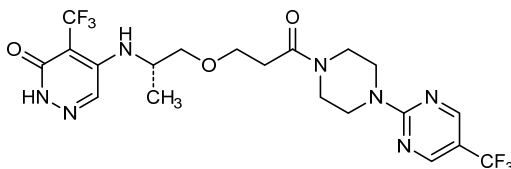
5-[[[(2S)-1-(3-oxo-3-{4-[5-(trifluorométhyl)pyrimidin-2-yl]pipérazin-1-yl}propoxy)propan-2-yl]amino]-4-(trifluorométhyl)pyridazin-3(2H)-one
inhibiteur de la PARP (poly-ADP-ribose-polymérase)-7, antinéoplasique

atamparib

5-[[[(2S)-1-(3-oxo-3-{4-[5-(trifluorometil)pirimidin-2-il]piperazin-1-il}propoxi)propan-2-il]amino]-4-(trifluorometil)piridazin-3(2H)-ona
inhibidor de PARP (poli-ADP-ribosa polimerasa)-7, antineoplásico

C₂₀H₂₃F₆N₇O₃

2381037-82-5

**atuzaginstatum**

atuzaginstat

N-[(3S)-7-amino-2-oxo-1-(2,3,6-trifluorophenoxy)heptan-3-yl]cyclopentanecarboxamide
bacterial protease lysine gingipain inhibitor

atuzaginstat

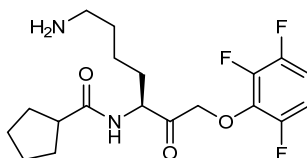
N-[(3S)-7-amino-2-oxo-1-(2,3,6-trifluorophénoxy)heptan-3-yl]cyclopentanecarboxamide
inhibiteur de la protéase de la lysine gingipaïne bactérienne

atuzaginstat

N-[(3S)-7-amino-2-oxo-1-(2,3,6-trifluorofenoxi)heptan-3-il]ciclopentanocarboxamida
inhibidor de proteasa lisina gingipaina bacteriana

C₁₉H₂₅F₃N₂O₃

2211981-76-7



aumolertinium

aumolertinib

N-(5-[[4-(1-cyclopropyl-1*H*-indol-3-yl)pyrimidin-2-yl]amino]-2-[[2-(dimethylamino)ethyl](methyl)amino]-4-methoxyphenyl)prop-2-enamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

aumolertinib

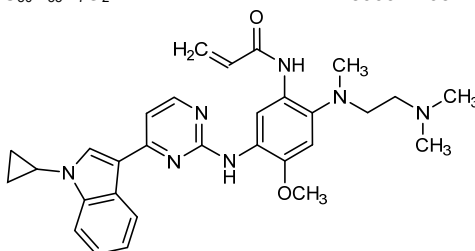
N-(5-[[4-(1-cyclopropyl-1*H*-indol-3-yl)pyrimidin-2-yl]amino]-2-[[2-(diméthylamino)éthyl](méthyl)amino]-4-méthoxyphényl)prop-2-énamide
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

aumolertinib

N-(5-[[4-(1-ciclopropil-1*H*-indol-3-il)pirimidin-2-il]amino]-2-[[2-(dimetilamino)etil](metil)amino]-4-metoxifenil)prop-2-enamida
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₃₀H₃₅N₇O₂

1899921-05-1

**bevufenogenum nofeparvovecum #**

bevufenogene nofeparvovec

A non-replicating, recombinant adeno-associated virus expressing codon-optimised human phenylalanine hydroxylase (PAH).

A non-replicating, recombinant adeno-associated virus, hematopoietic stem cell serotype 15 (AAVHSC15) expressing codon-optimised human phenylalanine hydroxylase (PAH) under control of a liver-specific hybrid promoter [comprising human hepatic control region-1 (HCR-1) enhancer element, human alpha-1-antitrypsin (hAAT) promoter and the SV40 small t intron]] and an SV40 polyA signal sequence, flanked by adeno-associated virus 2 (AAV2) inverted terminal repeats (ITRs).

gene therapy (phenylalanine hydroxylase deficiency)

bévufénogène noféparvovec

Un virus adéno-associé recombinant, non-répliquant, exprimant la phénylalanine hydroxylase humaine (PAH) aux codons optimisés.

Un virus adéno-associé recombinant, non-répliquant, de cellules souches hématopoïétiques de sérotype 15 (AAVHSC15) exprimant la phénylalanine hydroxylase humaine (PAH) aux codons optimisés sous le contrôle d'un promoteur hybride spécifique du foie [consistant en un élément activateur de la région 1 de contrôle hépatique humain (HCR-1), le promoteur de l'alpha-1-antitrypsine humaine (hAAT) et du petit intron t SV40] et d'une séquence signal polyA SV40, flanquée de répétitions terminales inversées (ITRs) du virus adéno-associé 2 (AAV2).

thérapie génique (déficit en phénylalanine hydroxylase)

bevufenogén nofeparvovec

Un virus adeno-asociado recombinante, no replicativo, que expresa la fenilalanina hidroxilasa humana (PAH) con codones optimizados.

Un virus adeno-asociado recombinante, no replicativo, derivado de células madre hematopoyéticas serotipo 15 (AAVHSC15) que expresa la fenilalanina hidroxilasa humana (PAH) con codones optimizados, bajo el control de un promotor híbrido específico de hígado [contiene un elemento potenciador de la región de control hepático 1 humana (HCR-1), un promotor de la alfa 1 antitripsina humana (hAAT) y el intrón pequeño t de SV40] y una secuencia señal de polyA de SV40, flanqueado por las repeticiones terminales invertidas (ITRs) del virus adeno-asociado 2 (AAV2).

terapia génica (deficiencia de fenilalanina hidroxilasa)

2374772-30-0

botensilimabum #

botensilimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (cytotoxic T-lymphocyte associated protein 4, CD152)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-21*01 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (92.9%) M123>L (113)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -*Homo sapiens*IGHG1*03 G1m3, nG1m1, G1v8 CH2 D3, L115, E117 (CH1 R120 (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 S3>D (240), A115>L (331), I117>E (333) (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS K>del (447)) (119-447)], (221-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-20*01 (94.8%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa *immunomodulator, antineoplastic*

botensilimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (protéine 4 associée aux lymphocytes T cytotoxiques, CD152)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-21*01 (99%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (92.9%) M123>L (113)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -*Homo sapiens*IGHG1*03 G1m3, nG1m1, G1v8 CH2 D3, L115, E117 (CH1 R120 (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 S3>D (240), A115>L (331), I117>E (333) (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS K>del (447)) (119-447)], (221-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-20*01 (94.8%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa *immunomodulateur, antinéoplasique*

botensilimab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (proteína 4 asociada con los linfocitos T citotóxicos, CD152)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*01 (99%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (92.9%) M123>L (113)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, nG1m1, G1v8 CH2 D3, L115, E117 (CH1 R120 (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 S3>D (240), A115>L (331), I117>E (333) (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS K>del (447)) (119-447)], (221-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (94.8%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa *immunomodulador, antineoplásico*

2408310-37-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS SYSMNWVRQA PGKGLEWVSS 50
ISSSSSIYYI AESVKGRFTI SRDANKNSLY LQMNLSRAED TAVYYCARVG 100
LFGPFDIWQQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPTVSWN SGALTSGVHT FFAVLQSSGL YSLSSVTVF SSSLGTQTIY 200
CNVNHKPSMT KVDKRVFKS CDKTHTCFPC PAPELLGGPD VFLLFPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKENWYV DGEVHNNAKT KPREEQINST 300
YRVVSVLTFL HQDWLNGKEY KCRVSNKALP LPEEKTIKSA KGQPREPQVY 350
TLPPSRREMT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQFEN NYKTTFPVLD 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCVMH EALHNHYTQR SLSLSPG 447
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRAQSVS RYLGWYQKPK GQAPRLLIYG 50
ASTRATGIPD RFGSGSGSTD FTLTITRLEP EDFAVYYCQQ YGSSPWTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIIPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTQDQSKD STYLSLSTLT LSKADYERKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGECE 214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426

22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"

23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-214' 221"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

298, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires

complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

cadonilimabum #**cadonilimab**

immunoglobulin G1-kappa anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], each heavy chain being fused to a scFv anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (cytotoxic T-lymphocyte-associated protein 4, CD152)], monoclonal antibody, bispecific, tetravalent; gamma1 heavy chain anti-PDCD1 fused to scFv anti-CTLA4 (1-713) [gamma-1 heavy chain(1-448) [VH anti-PDCD1 (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (88.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (113)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17.1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 L1.3>A (235), L1.2>A (236), G1>A (238) (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)] -20-mer tetrakis(tetraglycyl-seryl) linker (449-468) -scFv heavy-lambda anti-CTLA4 (469-713) [VH anti-CTLA4 G49>C (512) (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (90.9%) S128>A (583)) CDR-IMGT [8.8.8] (494-501.519-526.565-572) (469-583) -20-mer tetrakis(tetraglycyl-seryl) linker (584-603) -V-LAMBDA anti-CTLA4 (*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (85.3%) -IGLJ3*02 (91.7%) G120>C (705)) CDR-IMGT [9.3.9] (629-637.655-657.694-702) (604-713)];

	(221-214')-disulfide with kappa light chain anti-PDCD1 (1'-214') [V-KAPPA (<i>Mus musculus</i> IGKV14-111*01 (86.3%) -IGKJ5*01 (100%)/<i>Homo sapiens</i> IGKV1-16*01 (80.0%) -IGKJ2*01 (81.8%) Q120>A (100), I126>L (106)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (227-227'':230-230'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa immunomodulator, antineoplastic
cadonilimab	immunoglobuline G1-kappa anti-[<i>Homo sapiens</i> PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], chaque chaîne lourde étant fusionnée à un scFv anti-[<i>Homo sapiens</i> CTLA4 (protéine 4 associée aux lymphocytes T cytotoxiques, CD152)], anticorps monoclonal, bispécifique, tétravalent; chaîne lourde gamma1 anti-PDCD1 fusionnée au scFv anti-CTLA4 (1-713) [chaîne lourde gamma-1 (1-448) [VH anti-PDCD1 (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*04 (88.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (113)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17.1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 L1.3>A (235), L1.2>A (236), G1>A (238) (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)] -20-mer tétrakis(tétraglycyl-séryl) linker (449-468) -scFv lourd-lambda anti-CTLA4 (469-713) [VH anti-CTLA4 G49>C (512) (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-2*02 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (90.9%) S128>A (583)) CDR-IMGT [8.8.8] (494-501.519-526.565-572) (469-583) -20-mer tétrakis(tétraglycyl-séryl) linker (584-603) -V-LAMBDA anti-CTLA4 (<i>Homo sapiens</i> IGLV7-46*01 (85.3%) -IGLJ3*02 (91.7%) G120>C (705)) CDR-IMGT [9.3.9] (629-637.655-657.694-702) (604-713)]]; (221-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-PDCD1 (1'-214') [V-KAPPA (<i>Mus musculus</i> IGKV14-111*01 (86.3%) -IGKJ5*01 (100%)/<i>Homo sapiens</i> IGKV1-16*01 (80.0%) -IGKJ2*01 (81.8%) Q120>A (100), I126>L (106)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (227-227'':230-230'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa immunomodulateur, antinéoplasique
cadonilimab	inmunoglobulina G1-kappa anti-[<i>Homo sapiens</i> PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], cada cadena pesada estando fusionada a un scFv anti-[<i>Homo sapiens</i> CTLA4 (proteína 4 asociada con los linfocitos T citotóxicos, CD152)], anticuerpo monoclonal, biespecífico, tetravalente; cadena pesada gamma1 anti-PDCD1 fusionada con scFv anti-CTLA4 (1-713) [cadena pesada gamma-1 (1-448) [VH anti-PDCD1 (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*04 (88.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (113)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17.1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 L1.3>A (235), L1.2>A (236), G1>A (238) (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)] -20-mer tetrakis(tetráglicil-seril) linker (449-468) -scFv pesado-lambda anti-CTLA4 (469-713) [VH anti-CTLA4 G49>C (512) (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-2*02 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (90.9%) S128>A (583)) CDR-IMGT [8.8.8] (494-501.519-526.565-572) (469-583) -20-mer tetrakis(tetráglicil-seril) linker (584-603) -V-LAMBDA anti-CTLA4 (<i>Homo sapiens</i> IGLV7-46*01 (85.3%) -IGLJ3*02 (91.7%) G120>C (705)) CDR-IMGT [9.3.9] (629-637.655-657.694-702) (604-713)]];];

(221-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-PDCD1 (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV14-111*01 (86.3%) -IGKJ5*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (80.0%) -IGKJ2*01 (81.8%) Q120>A (100), I126>L (106)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (227-227'':230-230'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
inmunomodulador, antineoplásico

2394841-59-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-PDCD1 and anti-CTLA4 (scFv))

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFAPF SYDMSWVRQA PGKGLDWVAT 50
ISGGGRITYY PDSVKGRFTI SRDNSKNNLY LQMNSLRAED TALYYCANRY 100
GEAFAYWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTYSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKTHTCPPC PAPEAAGAPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSKNALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSRDELDT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTPEPVL 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGKGG 450
GGSGGGGSGG GSGGGGGSQV QLVESGAEVK KPGASVKVSC KASGYSTGY 500
TMNWVRQAPG QCLEWIGLIN PYNNITNYAQ KPGGRVTFVT DTSISTAYME 550
LSRLRSDDTG VYFCARLDYR SYWGQGTLLV TSAGGGGSGG GSGGGGSGG 600
GGSQAVVTQE PSLTVSPGGT VTLTGSSTG AVTTSNFPNW VQKPKGQAPR 650
SLIGGTNNKA SWTPARFSGS LLGGKAALTI SGAPEDEAE YYCALWYSNH 700
WVFGCGTKLT VLR 713
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-PDCD1)

```
DIQMTQSPSS MSASVGDRTV FTCRASQDIN TYLSWFQKPK GKSPKTLIYR 50
ANRLVSGVPS RFGSGSGGQD YTLTISSLPQ EDMATYYCLQ YDEPFLTEGA 100
GTKLELKRTY AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNEY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKKH YVACEVTHQG 200
LSSPFTKSNF RGEK 214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426 490-564 625-693
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426" 490"-564" 625"-693"

Intra-H (scFv VHC49-VL IGLJ C120) 512-705
512"-705"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134'-194'
23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-214' 221"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

298, 298"

H scFv VH CDR2 N63:

524, 524"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaire complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados

caficrestatum

caficrestat

(8-oxo-7-[[5-(trifluoromethyl)-1,3-benzothiazol-2-yl]methyl]-7,8-dihydropyrazino[2,3-d]pyridazin-5-yl)acetic acid
aldose reductase inhibitor

caficrestat

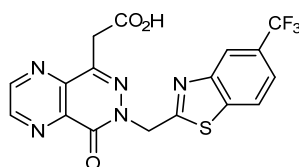
acide (8-oxo-7-[[5-(trifluorométhyli)-1,3-benzothiazol-2-yl]méthyl]-7,8-dihydropyrazino[2,3-d]pyridazin-5-yl)acétique
inhibiteur de l'aldose réductase

caficrestat

ácido (8-oxo-7-[[5-(trifluorometil)-1,3-benzotiazol-2-il]metil]-7,8-dihidropirazino[2,3-d]piridazin-5-il)acético
inhibidor de la aldosa reductasa

C₁₇H₁₀F₃N₅O₃S

1355612-71-3

**cavrotolimodum**

cavrotolimod

all-P-ambo-(17*RS*)-1-[(cholest-5-en-3β-yl)oxy]-17,20,40-trihydroxy-1,20,40-trioxo-6,9,12,15,19,21,24,27,30,33,36,39,41,44,47,50,53,56-octadeca-2-aza-20λ⁵,40λ⁵-diphosphaoctapentacontan-58-yl *P*-thiothymidyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2"-deoxy-*P*-thioguanyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-thiothymidyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-hydrogen 3'-thymidylate
toll-like receptor agonist, antineoplastic

cavrotolimod

tout-P-ambo-P-thiothymidyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2"-désoxy-*P*-thioguanyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5")-thiothymidyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-hydrogène-3'-thymidylate de (17*RS*)-1-[(cholest-5-én-3β-yl)oxy]-17,20,40-trihydroxy-1,20,40-trioxo-6,9,12,15,19,21,24,27,30,33,36,39,41,44,47,50,53,56-octadéca-2-aza-20λ⁵,40λ⁵-diphosphaoctapentacontan-58-yle
agoniste des récepteurs de type toll, antinéoplasique

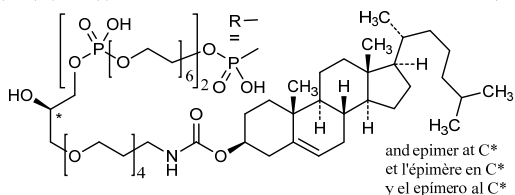
cavrotolimod

todo-P-ambo-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2"-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5")-tiotimidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-hidrógeno-3'-timidilato de (17*RS*)-1-[(colest-5-en-3β-il)oxi]-17,20,40-trihidroxi-1,20,40-trioxo-6,9,12,15,19,21,24,27,30,33,36,39,41,44,47,50,53,56-octadeca-2-aza-20λ⁵,40λ⁵-difosfaoctapentacontan-58-ilo
agonista de los receptores de tipo toll, antineoplásico

$C_{300}H_{423}N_{71}O_{161}P_{26}S_{23}$

2378664-12-9

(3'-5')d(P-thio)(T-C-G-T-C-G-T-T-T-T-G-T-C-G-T-T-T-T-G-T-C-G-T-T)-R

**cimpuciclibum**

cimpuciclib

2⁵-fluoro-1²,4⁶-dimethyl-1³-(propan-2-yl)-1³H-3,7-diaza-1(5)-benzimidazola-2(4,2)-pyrimidina-4(2,5)-pyridina-6(1,4)-piperidina-8(1)-cyclopropanaoctaphan-5-one
cyclin-dependent kinase inhibitor, antineoplastic

cimpuciclib

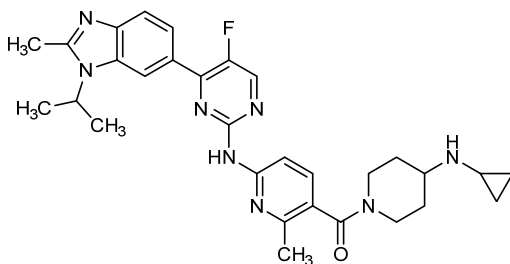
2⁵-fluoro-1²,4⁶-diméthyl-1³-(propan-2-yl)-1³H-3,7-diaza-1(5)-benzimidazola-2(4,2)-pyrimidina-4(2,5)-pyridina-6(1,4)-pipéridina-8(1)-cyclopropanaoctaphan-5-one
inhibiteur des kinases dépendantes des cyclines, antinéoplasique

cimpuciclib

2⁵-fluoro-1²,4⁶-dimetil-1³-(propan-2-il)-1³H-3,7-diaza-1(5)-benzimidazola-2(4,2)-pirimidina-4(2,5)-piridina-6(1,4)-piperidina-8(1)-ciclopropanaoctafan-5-ona
inhibidor de las kinasas dependientes de las ciclinas, antineoplásico

 $C_{30}H_{35}FN_8O$

2202767-78-8

**clesacostatatum**

clesacostat

4-{6-methoxy-4-[7-oxo-1-(propan-2-yl)-1,4,6,7-tetrahydrospiro[indazole-5,4'-piperidine]-1'-carbonyl]pyridin-2-yl}benzoic acid
acetyl CoA carboxylase (ACC) inhibitor

clésacostat

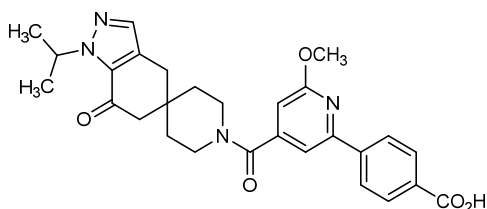
acide 4-{6-méthoxy-4-[7-oxo-1-(propan-2-yl)-1,4,6,7-tétrahydrospiro[indazole-5,4'-pipéridine]-1'-carbonyl]pyridin-2-yl}benzoïque
inhibiteur de l'acétyl CoA carboxylase (ACC)

clesacostat

ácido 4-{6-metoxi-4-[7-oxo-1-(propan-2-il)-1,4,6,7-tetrahydrospiro[indazol-5,4'-piperidina]-1'-carbonil]piridin-2-il}benzoico
inhibidor de la acetil CoA carboxilasa (ACC)

C₂₈H₃₀N₄O₅

1370448-25-1



cofirasersenum
cofirasersen

all-P-ambo-2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenilyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenilyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-5-methyluridine
epithelial sodium channel synthesis reducer

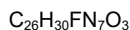
cofirasersen

tout-P-ambo-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadényl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadényl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-5-méthyluridine
réducteur de la synthèse du canal sodique épithélial

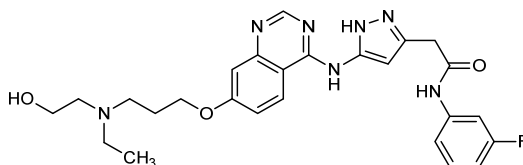
cofirasersén

todo-P-ambo-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-5-metil-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-5-metiluridina
reductor de la síntesis del canal de sodio epitelial

$$\text{C}_{172}\text{H}_{218}\text{N}_{57}\text{O}_{88}\text{P}_{15}\text{S}_{15}$$



722544-51-6

**delandistrogenum moxeparvovecum #**

delandistrogene moxeparvovec

A non-replicating adeno-associated virus (AAV) vector encoding human micro-dystrophin.

A recombinant, non-replicating, adeno-associated virus (AAV) serotype rh74 vector (AAVrh74) encoding codon-optimized human micro-dystrophin (a shortened functional version of human dystrophin), under control of a hybrid MHCK7 promoter consisting of enhancer/promoter regions of murine muscle creatine kinase (CK) and alpha-myosin heavy-chain genes, followed by a chimeric intron [including the SV40 late 16S/19S splice signals and a small 5' UTR] and a small synthetic polyadenylation (polyA) signal sequence, flanked by adeno-associated virus 2 (AAV2) inverted terminal repeats (ITRs).
gene therapy (muscular dystrophy)

délandistrogène moxéparvovec

Un vecteur adéno-associé (AAV) non-répliquant codant la micro-dystrophine humaine.

Un vecteur adéno-associé de sérotype rh74 (AAVrh74) recombinant, non-répliquant codant la micro-dystrophine humaine aux codons optimisés (une version fonctionnelle raccourcie de la dystrophine humaine), sous le contrôle d'un promoteur hybride MHCK7 consistant en régions activatrices/promotrices de la créatine kinase (CK) de muscle murin et des gènes de la chaîne lourde de l'alpha-myosine, suivi d'un intron chimérique [incluant les signaux d'épissage SV40 tardifs 16S/19S et une UTR courte en 5'] et d'une petite séquence signal synthétique de polyadénylation (polyA), flanquée de répétitions terminales inversées (ITRs) du virus adéno-associé 2 (AAV2).
thérapie génique (dystrophie musculaire)

delandistrogén moxeparvovec

Un vector de virus adeno-asociado (AAV) no replicativo que codifica para la micro distrofina humana.

Un vector de virus adeno-asociado (AAV) recombinante de serotipo rh74 (AAVrh74), no replicativo que codifica para la micro distrofina humana (una versión funcional acortada de la distrofina humana), con codones optimizados, bajo el control de un promotor híbrido MHCK7 consistente en regiones potenciadoras/promotoras de los genes de la creatinina quinasa (CK) de músculo y de la cadena pesada de la miosina alfa murinas, seguido de un intrón quimérico [incluyendo las señales de procesamiento 16S/19S del SV40 tardío y una pequeña región 5' UTR] y una pequeña secuencia señal de poliadenilación (polyA) sintética, flanqueado por las repeticiones terminales invertidas (ITRs) del virus adeno-asociado 2 (AAV2).
terapia génica (distrofia muscular)

2305040-16-6

deudomperidonum

deudomperidone

5-chloro-1-(1-{3-[2-oxo-2,3-dihydro-1*H*-(4,5,6,7-²H₄)benzimidazol-1-yl]propyl}piperidin-4-yl)-1,3-dihydro-2*H*-benzimidazol-2-one
dopamine (D2 / D3) receptor antagonist, prokinetic agent

deudompéridone

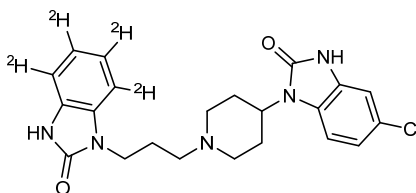
5-chloro-1-(1-{3-[2-oxo-2,3-dihydro-1*H*-(4,5,6,7-²H₄)benzimidazol-1-yl]propyl}pipéridin-4-yl)-1,3-dihydro-2*H*-benzimidazol-2-one
antagoniste des récepteurs dopaminergiques (D2 / D3), agent prokinétique

deudomperidona

5-cloro-1-(1-{3-[2-oxo-2,3-dihidro-1*H*-(4,5,6,7-²H₄)benzimidazol-1-il]propil}piperidin-4-il)-1,3-dihidro-2*H*-benzimidazol-2-ona
antagonista de los receptores (D2 / D3) de dopamina, procinético

C₂₂H₂₀²H₄ClN₅O₂

2121525-08-2

**deuruxolitinium**

deuruxolitiniib

(3*R*)-3-(2,2,3,3,4,4,5,5-²H₈)cyclopentyl-3-[4-(7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-4-yl)-1*H*-pyrazol-1-yl]propanenitrile
tyrosine kinase inhibitor

deuruxolitiniib

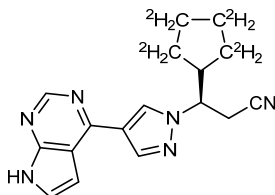
(3*R*)-3-(2,2,3,3,4,4,5,5-²H₈)cyclopentyl-3-[4-(7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-4-yl)-1*H*-pyrazol-1-yl]propanenitrile
inhibiteur de la tyrosine kinase

deuruxolitiniib

(3*R*)-3-(2,2,3,3,4,4,5,5-²H₈)ciclopentil-3-[4-(7*H*-pirrolo[2,3-*d*]pirimidin-4-il)-1*H*-pirazol-1-il]propanonitrilo
inhibidor de la tirosina kinasa

C₁₇H₁₀²H₈N₆

1513883-39-0



deutarserinum
deutarserine

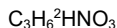
D-(2-²H)serine;
(2*R*)-2-amino-3-hydroxy(2-²H)propanoic acid
N-methyl-D-aspartate (NMDA) receptor co-agonist

deutarsérine

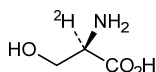
D-(2-²H)sérine;
acide (2*R*)-2-amino-3-hydroxy(2-²H)propanoïque
co-agoniste du récepteur du *N*-méthyl-D-aspartate (NMDA)

deutarserina

D-(2-²H)serina;
ácido (2*R*)-2-amino-3-hidroxi(2-²H)proapoico
coagonista del receptor de *N*-metil-D-aspartato (NMDA)



103292-62-2

**domvanalimabum #**
domvanalimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TIGIT (T-cell immunoreceptor with Ig domain and ITIM, V-set Ig member 9, VSIG9, V-set and transmembrane member 3, VSTM3)], humanized monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain humanized (1-448) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-48*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) -*Homo sapiens*IGHG1*01, G1m17,1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 L1.3>A (236), L1.2>A (237) (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS K>del (448)) (120-448)], (222-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-16*01 (89.5%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1 cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

domvanalimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TIGIT (immunorécepteur des lymphocytes T avec domaine Ig et ITIM, membre 9 de l'Ig V-set, VSIG9, membre 3 de l'Ig V-set et région transmembranaire, VSTM3)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma1 humanisée (1-448) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-48*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) -*Homo sapiens*IGHG1*01, G1m17,1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 L1.3>A (236), L1.2>A (237) (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS K>del (448)) (120-448)], (222-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-16*01 (89.5%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

domvanalimab	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> TIGIT (inmunoreceptor de los linfocitos T con dominio Ig e ITIM, miembro 9 de la Ig V-set, VSIG9, miembro 3 de la Ig V-set y región transmembrana, VSTM3)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 humanizada (1-448) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-48*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%))] CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 L1.3>A (236), L1.2>A (237) (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS K>del (448)) (120-448)], (222-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-16*01 (89.5%) -IGKJ4*01 (100%))] CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa <i>inmunomodulador, antineoplásico</i>
	2368219-35-4 Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS NFGMHVVRQA PGKGLEWVAF 50 ISSGSSSIYY ADTVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TAVYYCARMR 100 LDYYAMDYWG QGTMVTVSSA STKGPSVPEPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150 YFPEPVTWSW NSGALTVGVH TTPAVLQSSG LYSLSVVTVP SSSSLGQTQY 200 ICNVNHHKPSN TKVDKKVEEK SCDKTHTCPP CPAPEAAGP SVFLFPFKPK 250 DTLMISRTPF VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAR TKPREEQYNS 300 TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSKNAL PAPIEKTISK AKGQPRFPQV 350 YTLPPSRDEL TKNQVSLTCL VKGFPYSDIA VEWESNGQPE NNYKTTFPVL 400 DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPG 448 Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera DIQMTQSPSS LSASVGRDRT ITCRASKSIS KYLAWYQQKPK GKAPKLLIYS 50 GSTLQSGVPS RFGSGSGSTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ HNEYPWTFGG 100 GTKVEIKRTV AAPSVFIPPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSTLT LSKADYERHK VYACEVTHQG 200 LSSPVTKSFN RGEK 214 Post-translational modifications Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro Intra-H (C23-C104) 22'-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427" 22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427" Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194" 23"-88" 134"-194" Inter-H-L (h 5-CL 126) 222"-214' 222"-214" Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231" N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación H CH2 N84.4: 299, 299" Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

donidalorsenum donidalorsen	<i>all-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis[3-({6-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]hex-yl)amino]-3-oxopropoxy)methyl}-1-hydroxy-1,10,14,21-tetraoxo-2,18-dioxa-9,15,22-triaza-1λ⁵-phosphaoctacosan-1-yl)-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioguanlyl</i>
--------------------------------	---

	-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)adenyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-<i>P</i>-thioadenyl-(3'→5')-2'-deoxy-<i>P</i>-thioguanyl-(3'→5')-<i>P</i>-thiothymidyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-<i>P</i>-thiocytidyl-(3'→5')-<i>P</i>-thiothymidyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-<i>P</i>-thiocytidyl-(3'→5')-<i>P</i>-thiothymidyl-(3'→5')-2'-deoxy-<i>P</i>-thioguanyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-<i>P</i>-thiocytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)adenyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)adenyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-<i>P</i>-thioadenyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-<i>P</i>-thiocytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)adenosine <i>prekallikrein (PKK) synthesis reducer</i>
donidalorsen	<i>tout-P-ambo-5'-O</i>-(28-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis[3-({6-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]hexyl)amino)-3-oxopropoxy]méthyl)-1-hydroxy-1,10,14,21-tétraoxo-2,18-dioxa-9,15,22-triaza-1λ⁵-phosphaoctacosan-1-yl)-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-<i>P</i>-thiouridyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-<i>P</i>-thioguanyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)adényl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-<i>P</i>-thioadényl-(3'→5')-2'-désoxy-<i>P</i>-thioguanyl-(3'→5')-<i>P</i>-thiothymidyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-<i>P</i>-thiocytidyl-(3'→5')-<i>P</i>-thiothymidyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-<i>P</i>-thiocytidyl-(3'→5')-<i>P</i>-thiothymidyl-(3'→5')-<i>P</i>-thiothymidyl-(3'→5')-2'-désoxy-<i>P</i>-thioguanyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-<i>P</i>-thiocytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)adényl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)adényl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-<i>P</i>-thioadényl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-<i>P</i>-thiocytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)adénosine <i>réducteur de la synthèse de prékallitréine</i>
donidalorsén	<i>todo-P-ambo-5'-O</i>-(28-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]-16,16-bis[3-({6-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]hexil)-amino)-3-oxopropoxi]metil)-1-hydroxi-1,10,14,21-tetraoxo-2,18-dioxa-9,15,22-triaza-1λ⁵-fosfaoctacosan-1-il)-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-<i>P</i>-tio-uridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-<i>P</i>-tioguanilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)citidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)adenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxi-etil)-<i>P</i>-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-<i>P</i>-tioguanilil-(3'→5')-<i>P</i>-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-<i>P</i>-tiocitidilil-(3'→5')-<i>P</i>-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-<i>P</i>-tiocitidilil-(3'→5')-<i>P</i>-tiotimidilil-(3'→5')-<i>P</i>-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-<i>P</i>-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-<i>P</i>-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-<i>P</i>-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)adenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)adenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-<i>P</i>-tioadenilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-<i>P</i>-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)adenosina <i>reductor de la síntesis de precalicreína</i>

$C_{296}H_{435}N_{83}O_{151}P_{20}S_{15}$

2304692-48-4

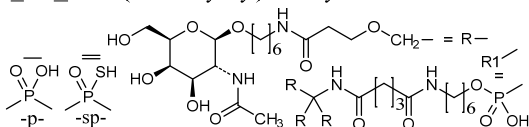
(3'-5') R1-U=G-C-A-d(G=T=C=T=C=T=G=C=A-A-C=A

Legend:

G & T : 2'-deoxynucleotide C : 2'-deoxy-5-methylcytidine

A & G : 2'-O-(2-methoxyethyl)nucleotide

C & U : 2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylnucleotide

**ebaresdaxum**

ebaresdax

(4*R*)-2-(2-hydroxyanilino)-5,5-dimethyl-4,5-dihydro-1,3-thiazole-4-carboxylic acid
analgesic

ébaresdax

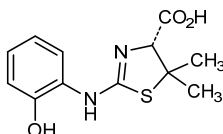
acide (4*R*)-2-(2-hydroxyanilino)-5,5-diméthyl-4,5-dihydro-1,3-thiazole-4-carboxylique
analgésique

ebaresdax

ácido (4*R*)-2-(2-hidroxianilino)-5,5-dimetil-4,5-dihidro-1,3-tiazol-4-carboxílico
analgésico

 $C_{12}H_{14}N_2O_3S$

1334471-39-4

**ebdarokimabum #**

ebdarokimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL12B (interleukin 12B, CLMF, IL-12B, NKSF, CLMF2)], humanized monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain humanized(1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449) (120-449)], (222-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (86.7%) -IGKJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9](27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator

ebdarokimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL12B (interleukine 12B, CLMF, IL-12B, NKSF, CLMF2)], anticorps monoclonal humanisé;

ebdarokimab

chaîne lourde gamma1 humanisée (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449) (120-449)], (222-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée(1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (86.7%) -IGKJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9](27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (228-228'':231-231'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL12B (interleukina 12B, CLMF, IL-12B, NKSF, CLMF2)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada gamma1 humanizada (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449) (120-449)], (222-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada(1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (86.7%) -IGKJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9](27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (228-228'':231-231'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador

2393651-11-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVQSGAE VKKPGESLKI SCQSSGYTFT SYWIGWVRQM PGQGLEWIGI 50
MSPVDSIRY NPMFRGQVTM SVDKSSSTAY LQWSSLKASD TAMYYCARRR 100
PGQGYDFDWF QGTMVTVSSA STKGPSVFPEL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPTVTSW NSGALTSGVH TTPAVLQSSG LYSLSVTVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPKPKP 250
DTLMISRTPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIETISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSREEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
EIVLTQSPAT LSASPGERAT ISCRASQSVG TWVAWYQKPK QGAPRSLIYA 50
ASNLQSGIPA RFSGSGSGTD FTLTISSLEP EDFAVYYCQQ YNIYPTYTFQ 100
GTRLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY BREAKVQWKV 150
DNLQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22'-96 146-202 263-323 369-427
22''-96'' 146''-202'' 263''-323'' 369''-427''

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'''-88''' 134'''-194'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 222'-214' 222''-214''

Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228'' 231-231''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

299, 299''

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenariños complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2:

449, 449''

ebvaciclibum

ebvaciclib

6-(difluoromethyl)-8-[(1*R*,2*R*)-2-hydroxy-2-methylcyclopentyl]-2-[[1-(methanesulfonyl)piperidin-4-yl]amino]pyrido[2,3-*d*]pyrimidin-7(8*H*)-one
cyclin-dependent kinase inhibitor, antineoplastic

ebvaciclib

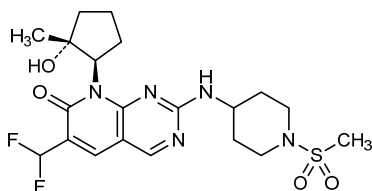
6-(difluorométhyl)-8-[(1*R*,2*R*)-2-hydroxy-2-méthylcyclopentyl]-2-[[1-(méthanesulfonyl)pipéridin-4-yl]amino]pyrido[2,3-*d*]pyrimidin-7(8*H*)-one
inhibiteur des kinases dépendantes des cyclines, antinéoplasique

ebvaciclib

6-(difluorometil)-8-[(1*R*,2*R*)-2-hidroxi-2-metilciclopentil]-2-[[1-(metanosulfonyl)piperidin-4-il]amino]pirido[2,3-*d*]pirimidin-7(8*H*)-ona
inhibidor de las kinasas dependientes de las ciclinas, antineoplásico

C₂₀H₂₇F₂N₅O₄S

2185857-97-8

**ecubectedinum**

ecubectedin

(1'*R*,3'*S*,6*R*,6*aR*,7*R*,13*S*,14*S*,16*R*)-8,14-dihydroxy-3'-(hydroxymethyl)-9-methoxy-4,10,23-trimethyl-19-oxo-2',3',4',6,6*a*,7,9',13,14,16-decahydro-2*H*,12*H*-spiro[7,13-azano-6,16-(sulfanopropanooxymethano)[1,3]dioxolo[7,8]isoquino[3,2-*b*][3]benzazocine-20,1'-pyrido[3,4-*b*]indol]-5-yl acetate
antineoplastic

écubectédine

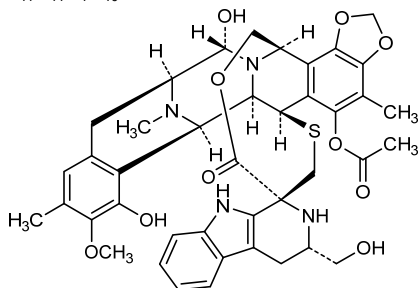
acétate de (1'*R*,3'*S*,6*R*,6*aR*,7*R*,13*S*,14*S*,16*R*)-8,14-dihydroxy-3'-(hydroxyméthyl)-9-méthoxy-4,10,23-triméthyl-19-oxo-2',3',4',6,6*a*,7,9',13,14,16-décahydro-2*H*,12*H*-spiro[7,13-azano-6,16-(sulfanopropanooxyméthano)[1,3]dioxolo[7,8]isoquino[3,2-*b*][3]benzazocine-20,1'-pyrido[3,4-*b*]indol]-5-yle
antineoplasique

ecubectedina

acetato de (1'*R*,3'*S*,6*R*,6*aR*,7*R*,13*S*,14*S*,16*R*)-8,14-dihidroxi-3'-(hidroximetil)-4,10,23-trimetil-9-metoxi-19-oxo-2',3',4',6,6*a*,7,9',13,14,16-decahidro-2*H*,12*H*-spiro[7,13-azano-6,16-(sulfanopropanooximetano)[1,3]dioxolo[7,8]isoquino[3,2-*b*][3]benzazocina-20,1'-pirido[3,4-*b*]indol]-5-ilo
antineoplásico

$C_{41}H_{44}N_4O_{10}S$

2248127-53-7

**edaxeterkibum**

edaxeterkib

6-[(3*R*)-1-benzylpiperidin-3-yl]-3-(2-methoxypyrimidin-5-yl)-1,5,6,8-tetrahydro-7*H*-pyrazolo[4,3-*g*]quinazolin-7-one
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

édaxeterkib

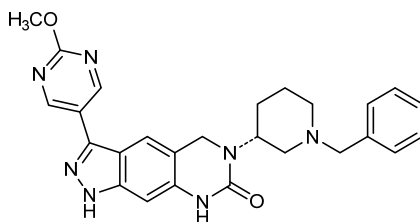
6-[(3*R*)-1-benzylpipéridin-3-yl]-3-(2-méthoxypyrimidin-5-yl)-1,5,6,8-tétrahydro-7*H*-pyrazolo[4,3-*g*]quinazolin-7-one
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

edaxeterkib

6-[(3*R*)-1-bencilpiperidin-3-il]-3-(2-metoxipirimidin-5-il)-1,5,6,8-tetrahidro-7*H*-pirazolo[4,3-*g*]quinazolin-7-ona
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

 $C_{26}H_{27}N_7O_2$

1695534-88-3

**eflimrufuspum alfa #**

eflimrufusp alfa

human vascular endothelial growth factor receptor 1 (VEGFR-1) immunoglobulin-like domain 2 containing fragment (132-232, 1-101 in the current sequence), fused via human vascular endothelial growth factor receptor 2 (VEGFR-2) immunoglobulin-like domain 3 containing fragment (227-327, 102-202 in the current sequence) to human fibroblast growth factor receptor 1 (FGFR-1) immunoglobulin-like domains 2 and 3 containing fragment (150-361, 203-414 in the current sequence), fused to human immunoglobulin G1 Fc fragment (415-641), dimer, glycosylated, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells;
 vascular endothelial growth factor receptor 1 (*Homo sapiens* VEGFR-1) (132-232)-peptide (1-101), containing the immunoglobulin-like domain 2, fused with vascular endothelial growth factor receptor 2 (*Homo sapiens* VEGFR-2) (227-327)-peptide (102-202), containing the immunoglobulin-like domain 3, with fibroblast growth factor receptor 1 (*Homo sapiens* FGFR-1) (150-361)-peptide (203-414), containing the immunoglobulin-like domains 2 and 3 (211-299 and 308-410), and with a C-terminal *Homo sapiens* immunoglobulin G1 227-peptide Fc fragment (415-641), [*Homo sapiens*IGHG1*01; hinge 415-424; CH2: 425-534; CH3: 535-639; CHS: 640-641]; dimer (420-420':423-423')-bisdissulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
angiogenesis inhibitor

éflimrufusp alfa

domaine 2 analogue à l'immunoglobuline du récepteur 1 du facteur de croissance de l'endothélium vasculaire humain (VEGFR-1) contenant le fragment (132-232, 1-101 dans la séquence actuelle), fusionné via le domaine 3 analogue à l'immunoglobuline du récepteur 2 du facteur de croissance de l'endothélium vasculaire humain (VEGFR-2) contenant le fragment (227-327, 102-202 dans la séquence actuelle) aux domaines 2 et 3 analogues à l'immunoglobuline du récepteur 1 du facteur de croissance des fibroblastes humain 21 (FGFR-1) contenant le fragment (150-361, 203-414 dans la séquence actuelle), fusionné au fragment Fc (415-641) de l'immunoglobuline G1 humaine, dimère, glycosylé, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO); peptide 132-232 du récepteur 1 du facteur de croissance de l'endothélium vasculaire (VEGFR-1 d'*Homo sapiens*) (1-101), contenant le domaine 2 analogue à l'immunoglobuline, fusionné avec le peptide-(227-327) du récepteur 2 du facteur de croissance de l'endothélium vasculaire (VEGFR-2 d'*Homo sapiens*) (102-202), contenant le domaine 3 analogue à l'immunoglobuline, avec le peptide-(150-361) du récepteur 1 du facteur de croissance des fibroblastes (FGFR-1 d'*Homo sapiens*) (203-414), contenant les domaines 2 et 3 analogues à l'immunoglobuline (211-299 et 308-410), et avec le fragment Fc du peptide-227 C-terminal de l'immunoglobuline G1 d'*Homo sapiens* (415-641), [*Homo sapiens* IGHG1*01; charnière 415-424; CH2: 425-534; CH3: 535-639; CHS: 640-641]; dimère (420-420':423-423')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa *inhibiteur de l'angiogénèse*

eflimrufusp alfa

dominio 2 de tipo inmunoglobulina del receptor 1 del factor de crecimiento endotelial vascular humano (VEGFR-1) conteniendo el fragmento (132-232, 1-101 en la secuencia actual), fusionado a través del dominio 3 de tipo inmunoglobulina del receptor 2 del factor de crecimiento endotelial vascular humano (VEGFR-2) conteniendo el fragmento (227-327, 102-202 en la secuencia actual) de los dominios 2 y 3 de tipo inmunoglobulina del receptor 1 del factor de crecimiento de fibroblastos humano (FGFR-1) conteniendo el fragmento (150-361, 203-414 en la secuencia actual), fusionado al fragmento Fc de la inmunoglobulina humana G1 (415-641), dímero, glicosilado, producido en células ováricas de hámster chino (CHO); péptido 132-232 del receptor 1 del factor de crecimiento del endotelio vascular (VEGFR-1 de *Homo sapiens*) (1-101), que contiene el dominio 2 del tipo inmunoglobulina, fusionado con el péptido 227-327 del receptor 2 del factor de crecimiento del endotelio vascular (VEGFR-2 de *Homo sapiens*) (102-202), que contiene el dominio 3 del tipo inmunoglobulina, con el péptido 150-361 del receptor 1 del factor de crecimiento de fibroblastos (FGFR-1 de *Homo sapiens*) (203-414), que contiene los dominios 2 y 3 de tipo inmunoglobulina (211-299 y 308-410), y con el fragmento Fc 227-peptídico C-terminal de la inmunoglobulina G1 de *Homo sapiens* (415-641), [*Homo sapiens* IGHG1*01; bisagra 415-424; CH2: 425-534; CH3: 535-639; CHS: 640-641]; dímero (420-420':423-423')-bisdisulfuro, producido en células ováricas de hámster chino (CHO), glicofoma alfa *inhibidor de la angiogénesis*

2363779-14-8

Sequence / Séquence / Secuencia	
GRPFVEMYSE IPEIIHMTG RELVIPCRVT SPNITVTLKK FPLDTLIPDG	50
KRIIWDSRKG FIISNATYKE IGLTCEATV NGHLYKTNYL THRQNTIID	100
VVLSPSHGIE LSVGEKLVN CTARTELVNG IDFNWEYPSS KHQHKLVNR	150
DLKTQSGSEM KKFSLTLTID GVTRSDGLY TCAASSGLMT KKNSTFVRVH	200
EKPVPAPYWT S PEKMEKKLHA VPAKTVKFK CPSSGTPNPT LRWLKNGKEF	250
KPDHRIGGYK VRYATWSIIM DSVVPSDKGN YTCIVENEYG SINHTYQLDV	300
VERSPHRFLL QAGLPANKTV ALGSNVEEMC KVISDPQPHI QWLKHIEVNG	350
SKIGPDNLPT VQILKTAGVN TTDKEMEVLH LRNVSFEDAG EYTCLAGNSI	400
GLSHSAML T VLEADKTHC PPCAPELLG GPSVFLFPPK PKDTLMISRT	450
PEVTCVVVDV SHEDPKVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY NSTYRVVSVL	500
TVLHQDWLNG KEYCKVSNK ALPAPIEKTI SKARGQPREP QVYTLPPSRD	550
ELTKNQVSLT CLVKGFPYSD IAVEWESNGQ PENNYKTPP VLDSGGSFFL	600
YSKLTVDKSR WQQGNVSCS VMHEALHNHY TQKLSLSPG K	641

VEGFR-1 Ig-like 2 / VEGFR-2 Ig-like 3 / FGFR-1 Ig-like 2+3 / IgG1 Fc

Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-VEGFR1: 27-76	Intra-VEGFR2: 121-182
27-76'	121'-182'
Intra-FGFR1: 231-283, 330-394	Intra-Fc: 455-515, 561-619
231'-283', 330'-394'	455'-515', 561'-619'
Inter-Fc: 420-420', 423-423'	
Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación	
N33, N65, N120, N193, N280, N293, N317, N349, N370, N383, N491, N33', N65', N120', N193', N280', N293', N317', N349', N370', N383', N491'	
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Supresión de lisina C-terminal	
K641, K641'	

efruxiferminum #
efruxifermin

human L-methionyl immunoglobulin G1 Fc fragment (1-228) fused via peptidyl linker²²⁹GGGGSGGGSGGGGS²⁴³ to human fibroblast growth factor 21 (FGF-21) fragment (29-209, 244-424 in the current sequence) variant (L⁹⁸>R³⁴¹, P¹⁷¹>G⁴¹⁴, A¹⁸⁰>E⁴²³), dimer, produced in *Escherichia coli*; L-methionyl-immunoglobulin G1 (*Homo sapiens*) γ1-chain C-terminal 227-peptide Fc fragment (1-228) [Homo sapiens IGHG1*1; hinge 1-11; CH2 12-121; CH3 122-226; CHS 227-228] fused with the peptide linker (G₄S)₃ (229-243) and [L⁹⁸>R³⁴¹, P¹⁷¹>G⁴¹⁴, A¹⁸⁰>E⁴²³]-fibroblast growth factor 21 (*Homo sapiens* FGF-21) (244-424), dimer (7-7':10-10')-bisdisulfide, non-glycosylated, produced in *Escherichia coli* fibroblast growth factor

éfruxifermine

fragment Fc L-méthionyl (1-228) de l'immunoglobuline G1 humaine fusionné via un linker peptidique²²⁹GGGGSGGGSGGGGS²⁴³ au fragment (29-209, 244-424 dans la séquence actuelle) du facteur de croissance des fibroblastes 21 (FGF-21), variant (L⁹⁸>R³⁴¹, P¹⁷¹>G⁴¹⁴, A¹⁸⁰>E⁴²³), dimère, produit par *Escherichia coli*; L-méthionyl-fragment Fc (1-228) de l'immunoglobuline G1 (227-peptide C-terminal de la chaîne γ1 d'*Homo sapiens*) [Homo sapiens IGHG1*1; charnière 1-11; CH2 12-121; CH3 122-226; CHS 227-228] fusionné avec le linker peptidique (G₄S)₃ (229-243) et [L⁹⁸>R³⁴¹, P¹⁷¹>G⁴¹⁴, A¹⁸⁰>E⁴²³]-facteur 21 de croissance des fibroblastes (FGF-21 d'*Homo sapiens*) (244-424), dimère (7-7':10-10')-bisdisulfure, non-glycosylé, produit par *Escherichia coli* facteur de croissance des fibroblastes

efruxifermina

inmunoglobulina humana L-metionil fragmento G1 Fc (1-228) fusionada a través de un enlace peptídil ²²⁹GGGGSGGGSGGGGS²⁴³ al factor fibroblasto humano 21 (FGF-21) fragmento (29-209, 244-424 en la secuencia actual) variante (L⁹⁸>R³⁴¹, P¹⁷¹>G⁴¹⁴, A¹⁸⁰>E⁴²³), dímero, producido en *Escherichia coli*; L-metionil-fragmento Fc de inmunoglobulina G1 (227-péptido C-terminal de la cadena γ1 de *Homo sapiens*) (1-228) [*Homo sapiens* IGHG1*1; bisagra 1-11; CH2 12-121; CH3 122-226; CHS 227-228] fusionado con el péptido conector (G₄S)₃ (229-243) y [L⁹⁸>R³⁴¹, P¹⁷¹>G⁴¹⁴, A¹⁸⁰>E⁴²³]-factor 21 de crecimiento fibroblástico (FGF-21 de *Homo sapiens*) (244-424), dímero (7-7':10-10')-bisdisulfuro, no glicosilado, producido en *Escherichia coli*
factor de crecimiento de los fibroblastos

2375240-92-7

Sequence / Séquence / Secuencia

MDKTHTCPPC	PAPELLGGPS	VFLFPPKPKD	TLMISRTPEV	TCVVVDVSHE	50
DPEVKFNWYV	DGVEVHNAKT	KPREEQYNST	YRVVSVLTVL	HQDWLNGKEY	100
KCKVSNKALP	APIEKTISKA	KGQPREPQVY	TLPPSRDELT	KNQVSLTCLV	150
KGFYPSDIAV	EWESNGQPEN	NYKTTFPVLD	SDGSFFLYSK	LTVDKSRWQQ	200
GNVFSCSVMH	EALHNHYTQK	SLSLSPGKGG	GGSGGGSGGG	GGSHPIPDSS	250
PLLQFGGQVR	QRYLYTDDAQ	QTEAHLEIRE	DGTVGGAADQ	SPESLQLLKA	300
LKPGVIQILG	VKTSRFLCQR	PDGALYGLSH	FDPEACSFRE	RLEDDGYNVY	350
QSEAHGLPLH	LPGNKSPPHR	PAPRGPAREL	PLFGLPPAPP	EPFGILAPQP	400
PDVGGSDPLS	MVGGSGGRSP	SYES			424

Mutation sites / Sites de mutation / Posiciones de mutación

L341>R, P414>G, A423>E
 L341>R, P414>G, A423>E

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-Fc:	42'-102', 148'-206'	Intra-FGF21:	318'-336'
	42'-102', 148'-206'		318'-336'

Inter-Fc 7'-7', 10'-10'

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación

none / aucun / ninguna

eganelisibum

eganelisib

2-amino-*N*-[(1*S*)-1-{8-[(1-methyl-1*H*-pyrazol-4-yl)ethynyl]-1-oxo-2-phenyl-1,2-dihidroisoquinolin-3-yl}ethyl]pyrazolo[1,5-*a*]pyrimidine-3-carboxamide
phosphatidylinositol 3-kinase (PI3K) inhibitor, antineoplastic

éganélisib

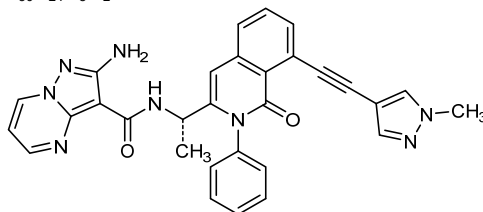
2-amino-*N*-[(1*S*)-1-{8-[(1-méthyl-1*H*-pyrazol-4-yl)éthynyl]-1-oxo-2-phényl-1,2-dihidroisoquinoléin-3-yl}éthyl]pyrazolo[1,5-*a*]pyrimidine-3-carboxamide
inhibiteur de phosphatidylinositol 3-kinase (PI3K), antinéoplasique

eganelisib

2-amino-*N*-[(1*S*)-1-{2-fenil-8-[(1-metil-1*H*-pirazol-4-il)etinil]-1-oxo-1,2-dihidroisoquinolein-3-il}etil]pirazolo[1,5-*a*]pirimidina-3-carboxamida
inhibidor de fosfatidilinositol 3-kinasa (PI3K), antineoplásico

$C_{30}H_{24}N_8O_2$

1693758-51-8

**elraglusibum**

elraglusib

3-(5-fluoro-1-benzofuran-3-yl)-4-(5-methyl-5H-[1,3]dioxolo[4,5-f]indol-7-yl)-1H-pyrrole-2,5-dione
glycogen synthase kinase inhibitor

elraglusib

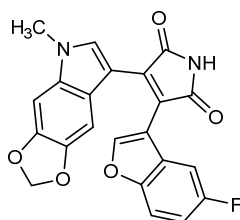
3-(5-fluoro-1-benzofuran-3-yl)-4-(5-méthyl-5H-[1,3]dioxolo[4,5-f]indol-7-yl)-1H-pyrrole-2,5-dione
inhibiteur de la glycogène synthase kinase

elraglusib

3-(5-fluoro-1-benzofuran-3-il)-4-(5-metil-5H-[1,3]dioxolo[4,5-f]indol-7-il)-1H-pirrol-2,5-diona
inhibidor de la glucógeno sintasa kinasa

 $C_{22}H_{13}FN_2O_5$

1034895-42-5

**emavusertibum**

emavusertib

N-{5-[(3*R*)-3-hydroxypyrrolidin-1-yl]-2-(morpholin-4-yl)[1,3]oxazolo[4,5-*b*]pyridin-6-yl}-2-(2-methylpyridin-4-yl)-1,3-oxazole-4-carboxamide
serine/ threonine kinase inhibitor

émavusertib

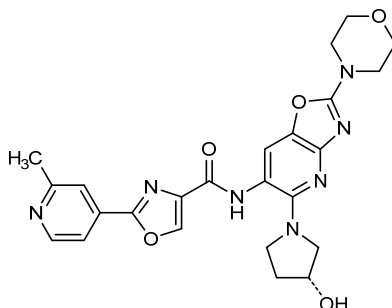
N-{5-[(3*R*)-3-hydroxypyrrolidin-1-yl]-2-(morpholin-4-yl)[1,3]oxazolo[4,5-*b*]pyridin-6-yl}-2-(2-méthylpyridin-4-yl)-1,3-oxazole-4-carboxamide
inhibiteur de sérine/ thréonine kinase

emavusertib

N-{5-[(3*R*)-3-hidroxiipirrolidin-1-il]-2-(morfolin-4-il)[1,3]oxazolo[4,5-*b*]piridin-6-il}-2-(2-metilpiridin-4-il)-1,3-oxazol-4-carboxamida
inhibidor de serina/ treonina kinasa

$C_{24}H_{25}N_7O_5$

1801344-14-8



emvododstatum
emvododstat

4-chlorophenyl (1S)-6-chloro-1-(4-methoxyphenyl)-
1,3,4,9-tetrahydro-2H-pyrido[3,4-b]indole-
2-carboxylate
dihydroorotate dehydrogenase (DHODH) inhibitor

emvododstat

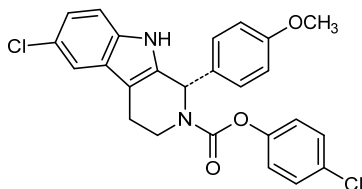
(1S)-6-chloro-1-(4-méthoxyphényl)-1,3,4,9-tétrahydro-
2H-pyrido[3,4-b]indol-2-carboxylate de
4-chlorophényle
*inhibiteur de la dihydroorotate déshydrogénase
(DHODH)*

emvododstat

(1S)-6-cloro-1-(4-metoxifenil)-1,3,4,9-tetrahidro-
2H-pirido[3,4-b]indol-2-carboxilato de 4-clorofenilo
*inhibidor de la dihidroorotato deshidrogenasa
(DHODH)*

 $C_{25}H_{20}Cl_2N_2O_3$

1256565-36-2



encoberminogenum rezmadenovectum #

encoberminogene rezmadenovect

A replication-deficient recombinant adenovirus, serotype 5, encoding multiple human vascular endothelial growth factor (VEGF) isoforms.

A replication-deficient recombinant adenovirus, serotype 5 (Ad5), encoding multiple human vascular endothelial growth factor (VEGF) isoforms (VEGF121, VEGF165 and VEGF189) under the control of a cytomegalovirus immediate early promoter/enhancer (CMV) and the simian virus 40 (SV40) polyA sequence. Alternative splicing provides mRNA that encodes the three major isoforms of VEGF: VEGF121 (exons 1-5 and 8), VEGF165 (exons 1-5, 7 and 8) and VEGF189 (exons 1-5, 6A, 7 and 8). The VEGF transgene is inserted into the region from which the adenovirus early gene *E1A* is deleted and *E1B* is partially deleted; the *E3* gene is deleted between late gene *L5* and the early gene *E4*.

gene therapy (angiogenesis inducer)

encoberminogène rezmadenovec

Un adénovirus recombinant déficient à la réplication, de sérotype 5, codant de multiples isoformes du facteur de croissance de l'endothélium vasculaire humain (VEGF).

Un adénovirus recombinant déficient à la réplication, de sérotype 5 (Ad5), codant de multiples isoformes (VEGF121, VEGF165 et VEGF189) du facteur de croissance de l'endothélium vasculaire humain (VEGF) sous le contrôle d'un promoteur/activateur précoce immédiat du cytomégalovirus (CMV) et d'une séquence polyA du virus simien (SV40). L'épissage alternatif génère un ARNm qui code trois isoformes majeures du VEGF : VEGF121 (exons 1-5 et 8), VEGF165 (exons 1-5, 7 et 8) et VEGF189 (exons 1-5, 6A, 7 et 8). Le transgène VEGF est inséré dans la région de laquelle le gène précoce de l'adénovirus *E1A* est supprimé et où *E1B* est partiellement supprimé; le gène *E3* est supprimé entre le gène tardif *L5* et le gène précoce *E4*.

thérapie génique (inducteur de l'angiogénèse)

encoberminogén rezmadenovec

Un adenovirus recombinante, deficiente en replicación, serotipo 5, que codifica para múltiples isoformas del factor de crecimiento del endotelio vascular humano (VEGF).

Un adenovirus recombinante, deficiente en replicación, serotipo 5 (Ad5), que codifica para múltiples isoformas del factor de crecimiento del endotelio vascular humano (VEGF) (VEGF121, VEGF165 y VEGF189) bajo el control de un promotor/potenciador inmediato temprano del citomegalovirus (CMV) y una secuencia polyA del virus 40 de simios (SV40). El procesamiento alternativo proporciona mRNA que codifica para las tres principales isoformas de VEGF: VEGF121 (exones 1-5 y 8), VEGF165 (exones 1-5, 7 y 8) y VEGF189 (exones 1-5, 6A, 7 y 8). El transgén VEGF está insertado en la región en la que el gen temprano *E1A* del adenovirus está delecionado y *E1B* está parcialmente delecionado; el gen *E3* está delecionado entre el gen tardío *L5* y el gen temprano *E4*.

terapia génica (inductor de la angiogénesis)

2376853-01-7

ensovibepum

ensovibep

fusion protein consisting of two identical engineered ankyrin repeats-containing binding protein domains anti-(human albumin) (1-126 fused via peptidyl linker ¹²⁷GSPTPTPTTPTPTPTTPTPT¹⁴⁸ to 149-274), fused via peptidyl linker ²⁷⁵GSPTPTPTTPTPTPTTPTPTPT²⁹⁶ to three engineered ankyrin repeats-containing binding protein domains anti-(three different epitopes of the SARS-CoV-2 spike glycoprotein) (297-455 fused via peptidyl linker ⁴⁵⁶GSPTPTPTTPTPTPTTPTPTPT⁴⁷⁷ to 478-636 in turn fused via peptidyl linker ⁶³⁷GSPTPTPTTPTPTPTTPTPTPT⁶⁵⁸ to 659-817), produced in *Escherichia coli*;

fusion protein comprising five engineered protein-binding ankyrin repeat protein domains: two identical human serum albumin (HSA)-binding 126-peptides 1-126 and 149-274 plus three different 159-peptides 297-455, 478-636 and 659-817 that bind to three different epitopes of the spike glycoprotein (S protein, S1S2 protein) of SARS-CoV-2 (severe acute respiratory syndrome coronavirus 2), connected by four GS(PT)₃T(PT)₃ 22-peptide linkers 127-148, 275-296, 456-477 and 637-658, produced in *Escherichia coli* *antiviral*

ensovibep

protéine de fusion consistant de deux répétitions ankryrine identiques issues de l'ingénierie-contenant des domaines de protéines de liaison anti-(albumine humaine) (1-126 fusionné via un linker peptidique ¹²⁷GSPTPTTTPTPTTTPTPTPT¹⁴⁸ au 149-274), fusionné via un linker peptidique ²⁷⁵GSPTPTTTPTPTTTPTPTPT²⁹⁶ à trois répétitions ankryrine issues de l'ingénierie-contenant des domaines de protéines de liaison anti-(trois épitopes différents de la glycoprotéine de spicule) (297-455 fusionné via un linker peptidique ⁴⁵⁶GSPTPTTTPTPTTTPTPTPT⁴⁷⁷ au 478-636 fusionné à son tour via un linker peptidique ⁶³⁷GSPTPTTTPTPTTTPTPTPT⁶⁵⁸ au 659-817), produit chez *Escherichia coli*;

protéine de fusion consistant de cinq protéines issues de l'ingénierie-liant des domaines protéiques de répétitions ankryrine: deux albumines sériques humaines identiques (HAS)-liant 126-peptides 1-126 et 149-274 plus trois différents 159-peptides 297-455, 478-636 et 659-817 liés aux trois épitopes différents de la glycoprotéine de spicule (protéine S, protéine S1S2) du SARS-CoV-2 (coronavirus 2 du syndrome respiratoire aigu sévère), connectés par quatre GS(PT)₃T(PT)₃T(PT)₃ 22-linkers peptidiques 127-148, 275-296, 456-477 et 637-658, produit chez *Escherichia coli* *antiviral*

ensovibep

proteína de fusión consistente en dos dominios anti-(albúmina humana) diseñados de forma idéntica conteniendo repeticiones de anquirina (1-126 fusionada a través de un enlace peptidil ¹²⁷GSPTPTTTPTPTTTPTPTPT¹⁴⁸ a 149-274), fusionado a través de un enlace peptidil ²⁷⁵GSPTPTTTPTPTTTPTPTPT²⁹⁶ a tres dominios anti-(tres épitopos diferentes de SARS-CoV-2 glicoproteína espícula) diseñados conteniendo repeticiones de anquirina (297-455 fusionados a través del enlace peptidil ⁴⁵⁶GSPTPTTTPTPTTTPTPTPT⁴⁷⁷ a 478-636 por turno fusionado a través de un enlace peptidil ⁶³⁷GSPTPTTTPTPTTTPTPTPT⁶⁵⁸ to 659-817), producido en *Escherichia coli*;

proteína de fusión que comprende cinco dominios diseñados conteniendo repeticiones de union a proteína anquirina: dos albúminas séricas idénticas humanas aglutinantes-(HSA) 126-péptidos 1-126 y 149-274 y además 159-péptidos 297-455, 478-636 y 659-817 que se une a 3 épitopos distintos de la glicoproteína espícula (S proteína, S1S2 proteína) de SARS-CoV-2 (síndrome severo agudo respiratorio del coronavirus 2) conectado por cuatro enlaces tipo péptido 127-148, 275-296, 456-477 y 637-658, producido en *Escherichia coli* *antiviral*

2451126-06-8

Sequence / Séquence / Secuencia	
M	0
GSDLGKKLLE AARAGQDDEV RELKAGADV NAKDYFSHTP LHLAARNGHL	50
KIVEVLLKAG ADVNAKDFAG KTFPLHLAANE GHLEIVEVLL KAGADVNAQD	100
IFGKTPADIA ADAGHEDIAE VLQKAAGSPT <i>PTTPTPTPTT</i> <i>TTPTPTPTGS</i>	150
DLGKKLLEAA RAGQDDEVRE LLKAGADVNA KDYFSHTPLH LAARNGHLKI	200
VEVLLKAGAD VNAKDFAGKT PLHLAANEGH LEIVEVLLKA GADVNAQDIF	250
GKTPADIAAD AGHEDIAEVL QKAAGSPT <i>PTTPTPTPTT</i> <i>PTPTPTGS</i> DL	300
GKKLLQAARA GQLDEVRELL KAGADVNAKD REGITPLHLA AQHGHLEIVE	350
VLLKAGADV NAKDVWGRTP LHLAAWQGHLE IVEVLLKAGA DVNAKDLAGA	400
TPLHVAALYG HLEIVEVLLK AGADVNAQDK SGKTPADLAA RAGHQDIAEV	450
LQKAAGSPT <i>PTTPTPTPTT</i> <i>PTPTPTGS</i> D LGKKLLQAAR AGQLDEVREL	500
LKAGADVNAK DREGKTPLVV AAQEGHLEIV EVLLKAGADV NAKDVWGRTP	550
LHLAAWIGHL EIVEVLLKAG ADVNAKDVSG ATPLHAAALH GHLEIVEVLL	600
NAGADVNAQD KSGKTPADLA ARAGHQDIAE VLQKAAGSPT <i>PTPTPTPTPTT</i>	650
<i>TTPTPTPTGS</i> DLGKKLLQAA RAGQLDEVRE LLKAGADVNA KDQEGITPLH	700
VAAHQGHLEI VEVLLKAGAD VNAKDVWGRTP PLHLAAWRGH LEIVEVLLKA	750
GADVNAKDHA GATPLHAAAL SGHLEIVEVL LKAGADVNAQ DKSGKTPADL	800
AARAGHQDIA EVLQKAA	817

italicized underlined letters: 22-peptide linkers GS(PT)₃T(PT)₃T(PT)₃

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación:
none / aucune / ninguna

M: Met⁰ is clipped

enuvaptanum
enuvaptan

3-({3-(4-chlorophenyl)-5-oxo-4-[(2S)-3,3,3-trifluoro-2-hydroxypropyl]-4,5-dihydro-1*H*-1,2,4-triazol-1-yl)methyl}-1-[3-(trifluoromethyl)pyridin-2-yl]-1*H*-1,2,4-triazole-5-carboxamide
vasopressin receptor antagonist

énuvaptan

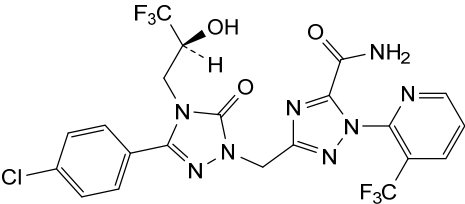
3-({3-(4-chlorophényl)-5-oxo-4-[(2S)-3,3,3-trifluoro-2-hydroxypropyl]-4,5-dihydro-1*H*-1,2,4-triazol-1-yl)méthyl}-1-[3-(trifluorométhyl)pyridin-2-yl]-1*H*-1,2,4-triazole-5-carboxamide
agoniste du récepteur de la vasopressine

enuvaptán

3-({3-(4-clorofenil)-5-oxo-4-[(2S)-3,3,3-trifluoro-2-hidroxipropil]-4,5-dihidro-1*H*-1,2,4-triazol-1-il}metil)-1-[3-(trifluorometil)piridin-2-il]-1*H*-1,2,4-triazol-5-carboxamida
agonista del receptor de la vasopresina

C₂₁H₁₅ClF₆N₈O₃

2145062-48-0



eramkafuspum alfa #
eramkafusp alfa

chimeric immunoglobulin G1-kappa anti-(human B-lymphocyte antigen CD20) (*rituximab* (77)(39)), fused at the C-terminus of both heavy chains (1-451) via peptidyl linker ⁴⁵²SGGGGS⁴⁵⁷ to human interferon α -2b (IFN α -2b) fragment (24-188, 458-622 in the current sequence) variant (²³K>^R⁴⁸⁰), dimer, glycosylated, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells; immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD20 antigen (B-lymphocyte antigen CD20)], humanized monoclonal antibody (*rituximab* (77)(39)), gamma1 heavy chain humanized (1-451) [*Mus musculus* IGHV1-12*01; *Mus musculus* IGHJ1*01; *Homo sapiens* IGHG1*01; VH: 1-121; CH1: 122-219; hinge 220-234; CH2: 235-344; CH3: 345-449; CHS: 450-451; CDRKabatH1: SYNMH (31-35); CDRKabatH2: AIYPGNGDTSYNQKFKG (50-66); CDRKabatH3: STYYGGDWYFNV (99-110)], fused via a SG₄S linker (452-457) with interferon α -2b (*Homo sapiens*) [^K²³>^R⁴⁸⁰]-variant (458-622), (224-213')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-213') [*Mus musculus* IGKJ1*01; *Homo sapiens* IGKC*01; VL: 1-111; CL: 112-218; CDRKabatL1: RASSSVSYIH (24-33); CDRKabatL2: ATSNLAS (49-55); CDRKabatL3: QQWTSNPPT (88-96)]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

éramkafusp alfa

immunoglobuline chimérique G1-kappa anti-(antigène CD20 du lymphocyte B humain) (*rituximab* (77)(39)), fusionnée à la partie C-terminale des deux chaînes lourdes (1-451) via le linker peptidique ⁴⁵²SGGGGS⁴⁵⁷ du fragment (24-188, 458-622 de la séquence actuelle) de l'interféron α -2b (IFN α -2b) variant (23K>R480), dimère, glycosylée, produite dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO); immunoglobuline G1-kappa, anti-[antigène CD20 *Homo sapiens* des lymphocytes B], anticorps monoclonal humanisé (*rituximab* (77)(39)), chaîne lourde gamma1 humanisée (1-451) [*Mus musculus* IGHV1-12*01; *Mus musculus* IGHJ1*01; *Homo sapiens* IGHG1*01; VH: 1-121; CH1: 122-219; charnière 220-234; CH2: 235-344; CH3: 345-449; CHS: 450-451; CDRKabatH1: SYNMH (31-35); CDRKabatH2: AIYPGNGDTSYNQKFKG (50-66); CDRKabatH3: STYYGGDWYFNV (99-110)], fusionnée via le linker SG₄S (452-457) avec l'interféron α -2b (*Homo sapiens*) variant K²³>R⁴⁸⁰ (458-622), (224-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-213') [*Mus musculus* IGKJ1*01; *Homo sapiens* IGKC*01; VL: 1-111; CL: 112-218; CDRKabatL1: RASSSVSYIH (24-33); CDRKabatL2: ATSNLAS (49-55); CDRKabatL3: QQWTSNPPT (88-96)]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produite dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

eramkafusp alfa

inmunoglobulina quimérica G1-kappa anti-(antígeno de linfocitos B CD20 humano) (*rituximab* (77)(39)), fusionado en la C-terminal de ambas cadenas pesadas (1-451) a través de un enlace peptidil ⁴⁵²SGGGGS⁴⁵⁷ al fragmento del interferón α-2b (IFNα-2b) humano (24-188, 458-622 en la secuencia actual) variante (²³K>R⁴⁸⁰), dímero, glicosilado, producido en células ováricas de hámster chino (CHO); inmunoglobulina G1-kappa, anti-(*Homo sapiens* antígeno CD20 de los linfocitos B), anticuerpo monoclonal humanizado (*rituximab* (77)(39)), cadena pesada gamma1 humanizada (1-451) [*Mus musculus* IGHV1-12*01; *Mus musculus* IGHJ1*01; *Homo sapiens* IGHG1*01; VH: 1-121; CH1: 122-219; bisagra 220-234; CH2: 235-344; CH3: 345-449; CHS: 450-451; CDRKabatH1: SYNMH (31-35); CDRKabatH2: AIYPGNGDTSYNQKFKG (50-66); CDRKabatH3: STYYGGDWYFNV (99-110)], fusionado a través de un péptido conector SG₄S (452-457) con interferón α-2b (*Homo sapiens*) variante K²³>R⁴⁸⁰ (458-622), (224-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-213') [*Mus musculus* IGKJ1*01; *Homo sapiens* IGKC*01; VL: 1-111; CL: 112-218; CDRKabatL1: RASSSVSYIH (24-33); CDRKabatL2: ATSNLAS (49-55); CDRKabatL3: QQWTSNPPT (88-96)]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en células ováricas de hámster chino (CHO), glicofoma alfa *inmunomodulador, antineoplásico*

2388499-82-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
QVQLQQPGAE LVKPGASVKM SCKASGYTFT SYNMHWVKQT PGRGLEWIGA	50
IYPGNGDTSY NQKFKGKATL TADKSSSTAY MQLSSLTSED SAVYYCARST	100
YYGGDWYFNV WGAGTTVTVS AASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGLV	150
KDYFPEPFTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TTPSSSLGTQ	200
TYICNVNHKP SNTKVDKKVE PKSCDKTHTC PCPAPPELLG GPSVFLFPPK	250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY	300
NSTYRVVSVL TVLHQDMLNG KEYCKKVSNK ALPAPIEKT I SKAKGQPREP	350
QVYTLPPSRD ELTKNQVSLT CLVKGFPYSD IAVENESNGQ PENNYKTTTP	400
VLDSDGSFFL YSKLTVDKSR WQGNVVFCS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG	450
KSGGGGSCDL PQTHSLGSRR TMLLAQMRR ISLFSCLDKR HDFGFQEEF	500
GNQFQKAETI PVLHEMIQQT FNLFTSKDS AAWDETLLD FYTELYQQLN	550
DLEACVIQGV GVTETPLMKE DSLAVRKYF QRITLYLKEK KYSPCAWEVV	600
RAEIMRSFSL STNLQESLRS KE	622

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
QIVLSQSPAI LSASPGKEVT MTRASSSVS YIHWFQQKPG SSPKFWIYAT	50
SNLASGVFVR FSGSGSGTSY SLTISRVEAE DAATYYCQW TSNPPTFGGG	100
TKLEIKRTVA APSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLLNFPY REAKVQWKVD	150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYLSLSTLT SKADYERHKV YACEVTHQGL	200
SSPVTKSFNR GEC	213

Mutation site / Site de mutation / Posición de mutación
K480>R

Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H	22"-96 148"-204 265"-325 371"-429 Intra-IFN 458"-555 486"-595
	22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429" 458"-555" 486"-595"
Intra-L	23"-87" 133"-193" 23"-87" 133"-193"
Inter-H-L	224"-213' 224"-213"
Inter-H-H	230"-230" 233"-233"
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación	
N301, N301"	
O-glycosylation sites / Sites de O-glycosylation / Posiciones de O-glicosilación	
T563, T563"	

erfonrilimabum #

erfonrilimab

immunoglobulin G1 VH-VH-h-CH2-CH3 dimer, anti-[*Homo sapiens* CD274 (programmed death ligand 1, PDL1, PD-L1, B7 homolog 1, B7H1)] and anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (cytotoxic T-lymphocyte-associated protein 4, CD152)], chimeric and humanized monoclonal antibody, bispecific; gamma1 VH-VH-h-CH2-CH3 chain, chimeric and humanized (1-493) [VH anti-CD274 Vicpac/Homsap (*Vicugna pacos* IGHV3-3*01 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (92.3)/*Homo sapiens* IGHV3-64*04 (78.4%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.21] (26-33.51-58.97-117) (1-128)] -3-mer glycyl-alanyl-prolyl linker (129-131) - [VH anti-CTLA4 humanized (*Homo sapiens* IGHV3-NL1*01 (86.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.21] (157-164.182-189.228-248) (132-259)] -2-mer glycyl-seryl linker (260-261) -[*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m1 D12, L14, G1v37 h S5, hinge-CH2-CH3 (100%) (hinge 1-15 C5>S (266) (262-276), CH2 (277-386), CH3 D12 (402), L14 (404) (387-491), CHS (492-493)) (262-493)], dimer (272-272":275-275")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

erfonrilimab

immunoglobuline G1 VH-VH-h-CH2-CH3 dimère, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligand 1 de mort programmée, PDL1, PD-L1, homologue 1 de B7, B7H1)] et anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (protéine 4 associée aux lymphocytes T cytotoxiques, CD152)], anticorps monoclonal chimérique et humanisé, bispécifique; gamma1 VH-VH-h-CH2-CH3 chaîne, chimérique et humanisée (1-493) [VH anti-CD274 Vicpac/Homsap (*Vicugna pacos* IGHV3-3*01 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (92.3)/*Homo sapiens* IGHV3-64*04 (78.4%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.21] (26-33.51-58.97-117) (1-128)] -3-mer glycyl-alanyl-prolyl linker (129-131) - [VH anti-CTLA4 humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-NL1*01 (86.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.21] (157-164.182-189.228-248) (132-259)] -2-mer glycyl-séryl linker (260-261) -[*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m1 D12, L14, G1v37 h S5, charnière-CH2-CH3 (100%) (charnière 1-15 C5>S (266) (262-276), CH2 (277-386), CH3 D12 (402), L14 (404) (387-491), CHS (492-493)) (262-493)], dimère (272-272":275-275")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

erfonrilimab

inmunoglobulina G1 VH-VH-h-CH2-CH3 dímero, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligando 1 de muerte programada, PDL1, PD-L1, homólogo 1 de B7, B7H1)] y anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (proteína 4 asociada con los linfocitos T citotóxicos, CD152)], anticuerpo monoclonal quimérico y humanizado, biespecífico; gamma1 VH-VH-h-CH2-CH3 cadena, quimérica y humanizada (1-493) [VH anti-CD274 Vicpac/Homsap (*Vicugna pacos* IGHV3-3*01 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (92.3)/*Homo sapiens* IGHV3-64*04 (78.4%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.21] (26-33.51-58.97-117) (1-128)] -3-mer glicil-alanil-proil linker (129-131) -[VH anti-CTLA4 humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-NL1*01 (86.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.21]

(157-164.182-189.228-248) (132-259)] -2-mer glicil-seril linker (260-261) -[*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m1 D12, L14, G1v37 h S5, bisagra-CH2-CH3 (100%) (bisagra 1-15 C5>S (266) (262-276), CH2 (277-386), CH3 D12 (402), L14 (404) (387-491), CHS (492-493)) (262-493)], dímero (272-272":275-275")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa *inmunomodulador, antineoplásico*

2367013-69-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

QVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGKMSS RRCMAWFRQA PGKERERVAK 50
LLTTSGSTYL ADSVKGRFTI SRDNSKNTVY LQMNSLRAED TAVYCAADS 100
FEDPTCTLTAV SSGAFQYWGQ GTLVTVSSGA PQVQLVESGG GLVQPGGSLR 150
LSCAASGYIY SAYCMGWERQ APGKGLEGVA AIYIGGGSTY YADSVKGRFT 200
ISRDNASKNTL YLQMNSLRAE DTAVYCAAD VIPTETCLIG SWSGPFGYWG 250
QGLTVTVSSG SEPKSSDKTH TCPPCAPEL LGGPSVLEFP PKPKDTLMIS 300
RTPEVTCVVV DVSHEDEPKV FNNVYDGEV HNATKPREE QYNSTYRVVS 350
VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKALPAPIEK TSKAKGQPR EPQVYTLPPS 400
RDELTKNQVLS LTCLVKGFPY SDIAVEWESN GQFPENNYKTT PPVLDSDGSF 450
FLYSKLTVDK SRWQQGNVES CSVMHEALHN HYTKQSLSLG PGK 493

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 153-227 307-367 413-471
 22"-96" 153"-227" 307"-367" 413"-471"

Intra-H VH (C38-C111.3) 33-106 164-237
 33"-106" 164"-237"

Inter-H-H (h 11, h 14) 272-272" 275-275"

N-terminal glutaminy cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)

H V H Q I:

I, I"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

HCH2 N84.4:

343, 343"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

HCHS K2:

493, 493"

ervogastatum

ervogastat

2-{5-[(3-ethoxypyridin-2-yl)oxy]pyridin-3-yl}-N-[(3S)-oxolan-3-yl]pyrimidine-5-carboxamide
diacylglycerol acyltransferase type 2 (DGAT-2) inhibitor

ervogastat

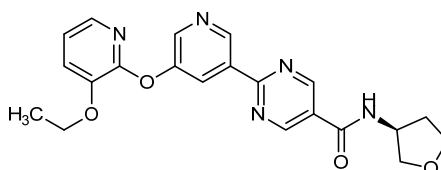
2-{5-[(3-éthoxypyridin-2-yl)oxy]pyridin-3-yl}-N-[(3S)-oxolan-3-yl]pyrimidine-5-carboxamide
inhibiteur de l'acyltransférase du diacylglycérol type 2 (DGAT-2)

ervogastat

2-{5-[(3-etoxipiridin-2-il)oxi]piridin-3-yl}-N-[(3S)-oxolan-3-il]pirimidina-5-carboxamida
inhibidor de aciltransferasa del diacilglicerol tipo 2 (DGAT-2)

C₂₁H₂₁N₅O₄

2186700-33-2



etavopivat

etavopivat

(2*S*)-1-[5-(2,3-dihydro[1,4]dioxino[2,3-*b*]pyridine-7-sulfonyl)-3,4,5,6-tetrahydropyrrolo[3,4-*c*]pyrrol-2(1*H*)-yl]-3-hydroxy-2-phenylpropan-1-one
pyruvate kinase activator

étavopivat

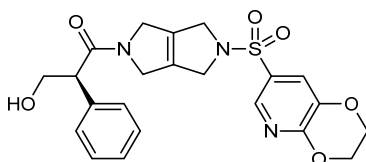
(2*S*)-1-[5-(2,3-dihydro[1,4]dioxino[2,3-*b*]pyridine-7-sulfonyl)-3,4,5,6-tétrahydropyrrolo[3,4-*c*]pyrrol-2(1*H*)-yl]-3-hydroxy-2-phénylpropan-1-one
activateur de la pyruvate kinase

etavopivat

(2*S*)-1-[5-(2,3-dihydro[1,4]dioxino[2,3-*b*]piridina-7-sulfonyl)-3,4,5,6-tetrahidropirrol[3,4-*c*]pirrol-2(1*H*)-il]-2-fenil-3-hidroxiopropan-1-ona
activador de la piruvato kinasa

C₂₂H₂₃N₃O₆S

2245053-57-8

**etrumadenant**

etrumadenant

3-[2-amino-6-(1-[[6-(2-hydroxypropan-2-yl)pyridin-2-yl]methyl]-1*H*-1,2,3-triazol-4-yl)pyrimidin-4-yl]-2-methylbenzonitrile
adenosine receptor antagonist

étrumadénant

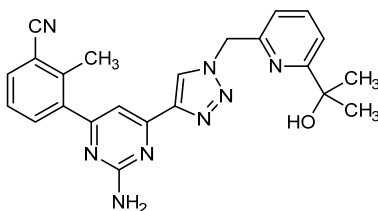
3-[2-amino-6-(1-[[6-(2-hydroxypropan-2-yl)pyridin-2-yl]méthyl]-1*H*-1,2,3-triazol-4-yl)pyrimidin-4-yl]-2-méthylbenzonitrile
antagoniste des récepteurs de l'adénosine

etrumadenant

3-[2-amino-6-(1-[[6-(2-hidroxiopropan-2-il)piridin-2-il]metil]-1*H*-1,2,3-triazol-4-il)pirimidin-4-il]-2-metilbenzonitrilo
antagonista de los receptores de la adenosina

C₂₃H₂₂N₈O

2239273-34-6



exagamglogenum autotemcelum #

exagamglogene autotemcel

Autologous CD34+ cells isolated from mobilised peripheral blood by positive selection, modified by CRISPR/Cas9 (clustered regularly interspaced short palindromic repeats/CRISPR-associated protein 9) mediated gene editing consisting of a guide RNA (gRNA) introduced transiently as ribonucleoprotein (RNP) complex, targeting the erythroid lineage-specific enhancer region of *BCL11A* (B-cell lymphoma/leukemia 11A). The site-specific cleavage by Cas9 forms a double strand break (DSB), which is subsequently repaired by nonhomologous end-joining (NHEJ), leading to the transcriptional repression of *BCL11A*, a repressor of γ -globin gene transcription. *cell-based gene therapy (hemoglobinopathy)*

exagamglogène autotemcel

Cellules CD34+ autologues isolées du sang périphérique mobilisé par sélection positive, modifiées par CRISPR/Cas9 (courtes répétitions palindromiques groupées et régulièrement espacées / protéine 9 associée à CRISPR) induisant une édition génétique consistant de deux ARN guides (gRNA) introduisant transitoirement un complexe ribonucléoprotéique, ciblant la région activatrice spécifique du lignage des érythroïdes de *BCL11A* (lymphome des cellules B/ leucémie 11A). Le clivage site-spécifique par Cas9 forme une cassure double brin (DSB), qui est ensuite réparée par la jonction d'extrémités non homologues (NHEJ), menant à la répression transcriptionnelle de *BCL11A*, un répresseur de la transcription du gène γ -globine. *thérapie génique à base de cellules (hémoglobinopathie)*

exagamglogén autotemcel

Células CD34+ autólogas aisladas de células movilizadas en sangre periférica mediante selección positiva, modificadas por CRISPR/Cas9 (repeticiones palindrómicas cortas agrupadas y regularmente espaciadas/proteína asociada a CRISPR 9) mediante edición genética consistente en un RNA guía (gRNA) introducido transitoriamente como un complejo de ribonucleoproteína (RNP), dirigido a la región potenciadora específica de linaje eritroide de *BCL11A* (linfoma/leucemia de linfocitos B11A). El corte específico de sitio por Cas9 forma una rotura de la doble hélice (DSB) que es subsiguientemente reparada mediante unión de extremos no homóloga (NHEJ), lo que conduce a la represión transcripcional de *BCL11A*, un represor de la transcripción del gen de la γ -globina. *terapia génica basada en células (hemoglobinopatía)*

fesomersenum
fesomersen

all-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis[3-((6-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]hex-yl)amino)-3-oxopropoxy)methyl]-1-hydroxy-1,10,14,21-tetraoxo-2,18-dioxo-9,15,22-triaza-1λ⁵-phosphaoctacosan-1-yl)-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)guanylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)guanylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)adenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)guanylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyluridine
blood coagulation factor XI synthesis reducer, anticoagulant

fésomersen

tout-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis[3-((6-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]hexyl)amino)-3-oxopropoxy)méthyl]-1-hydroxy-1,10,14,21-tétraoxo-2,18-dioxo-9,15,22-triaza-1λ⁵-phosphaoctacosan-1-yl)-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)guanylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)guanylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)adénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)guanylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridine
réducteur de la synthèse du facteur de coagulation sanguine XI, anticoagulant

fesomersén

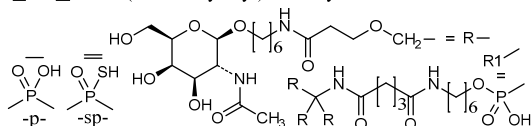
todo-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]-16,16-bis[3-((6-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]hexil)-amino)-3-oxopropoxi]metil]-1-hidroxi-1,10,14,21-tetraoxo-2,18-dioxo-9,15,22-triaza-1λ⁵-fosfaoctacosan-1-il)-2'-O-(2-metoxietil)citidilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)guanilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)guanilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)citidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)adenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)guanilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-P-tiouridilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-P-tiouridilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)uridina
reductor de la síntesis del factor de coagulación sanguíneo XI, anticoagulante

C₂₉₆H₄₃₄N₈₂O₁₅₆P₂₀S₁₃

2380135-03-3

(3'-5') R1-A-C-G-C-d(A=T=G=T=G=C=A=C)-A-G-U=ULegend:

A, G & T : 2'-deoxynucleotide C : 2'-deoxy-5-methylcytidine

A & G : 2'-O-(2-methoxyethyl)nucleotideC & U : 2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylnucleotide**finotonlimabum #**

finotonlimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], monoclonal antibody;
 gamma4 heavy chain (1-445) [VH (*Mus musculus* IGHV5-9-2*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (90.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (90.9%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (119-216), hinge 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-218')-disulfide with kappa light chain (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (81.9%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (224-224":227-227")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-DG44 cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

finotonlimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal;
 chaîne lourde gamma4 (1-445) [VH (*Mus musculus* IGHV5-9-2*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (90.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (90.9%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (119-216), charnière 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée(1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (81.9%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (224-224":227-227")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

finotonlimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma4 (1-445) [VH (*Mus musculus* IGHV5-9-2*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (90.9%)]/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (90.9%)] CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (119-216), bisagra 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-218') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (81.9%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (224-224":227-227")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa
inmunomodulador, antineoplásico

2350298-85-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS SYGMSWVRQA PGKRLIEWVAT 50
ISGGGRDTYY SDSVKGRPTI SRDNAKNNLY LQMNSLRAED TAVYYCSRQY 100
GTWVFFNWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PCSRSTSEST AALGCLVKDY 150
FPFPTVTSWN SGALTSQVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTRKTY 200
CNVDHKPSNT KVDKRRESKY GPCCPPCPAP EFLGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
ISRTPEVTVCV VVDVSQEDPE VQFNWYVDGV EVHNATKPR EEQFNSTYRV 300
VSRLTVLHQD WLNGKEYCKC VSNKGLPSSI EKTISKAGQ PREPQVYTL 350
PSQEEMTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
SFFLYSRLTV DKSRWQEGNV FSCVMHEAL HNHYTKQSL SLSLGK 445
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASESVD SYGNSFMHWY QKPKGPFPRL 50
LIYAASNGQS GVPARFSGSG SGTDFTLTIS SLEPEDFAMY FCQSQKEVPW 100
TFQGGRKVEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSL STLTLVKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSPVPT KSFNRGEC 218
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 259-319 365-423
22"-96" 145"-201" 259"-319" 365"-423"
Intra-L (C23-C104) 23"-92" 138"-198"
23""-92"" 138""-198""

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 132-218" 132"-218"

Inter-H-H (h 8, h 11) 224-224" 227-227"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

295, 295"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupe de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2:

445, 445"

firzacorvirum

firzacorvir

(3*S*,5*R*)-*N*-(3-chloro-4-fluorophenyl)-2-methyl-5-[5-(1-methyl-1*H*-imidazol-4-yl)-1,3-thiazol-2-yl]-1,1-dioxo-1λ⁶,2,6-thiadiazinane-3-carboxamide
antiviral

firzacorvir

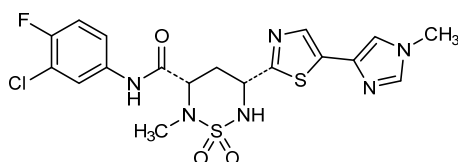
(3*S*,5*R*)-*N*-(3-chloro-4-fluorophényl)-2-méthyl-5-[5-(1-méthyl-1*H*-imidazol-4-yl)-1,3-thiazol-2-yl]-1,1-dioxo-1λ⁶,2,6-thiadiazinane-3-carboxamide
antiviral

firzacorvir

(3*S*,5*R*)-*N*-(3-cloro-4-fluorofenil)-2-metil-5-[5-(1-metil-1*H*-imidazol-4-il)-1,3-tiazol-2-il]-1,1-dioxo-1λ⁶,2,6-tiadiazinano-3-carboxamida
antiviral

C₁₈H₁₈ClFN₆O₃S₂

2243747-96-6

**foscenvivintum**

foscenvivint

4-({(6*S*,9*S*,9*aS*)-1-(benzylcarbamoyl)-2,9-diméthyl-4,7-dioxo-8-[(quinoléin-8-yl)méthyl]octahydro-2*H*-pyrazino[2,1-*c*][1,2,4]triazin-6-yl)méthyl)phényl dihydrogen phosphate

Wnt pathway inhibitor

foscenvivint

dihydrogénophosphate de 4-({(6*S*,9*S*,9*aS*)-1-(benzylcarbamoyl)-2,9-diméthyl-4,7-dioxo-8-[(quinoléin-8-yl)méthyl]octahydro-2*H*-pyrazino[2,1-*c*][1,2,4]triazin-6-yl)méthyl)phényle

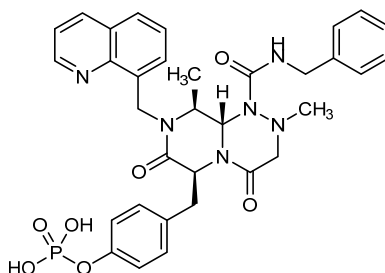
inhibiteur de la voie Wnt

foscenvivint

dihidrogenofosfato de 4-({(6*S*,9*S*,9*aS*)-1-(bencilcarbamoi)-2,9-dimetil-4,7-dioxo-8-[(quinolein-8-il)metil]octahidro-2*H*-pirazino[2,1-*c*][1,2,4]triazin-6-il)metil)fenilo

*inhibidor de la vía Wnt*C₃₃H₃₅N₆O₇P

1422253-38-0

**govorestatum**

govorestat

(4-oxo-3-[[5-(trifluorométhyl)-1,3-benzothiazol-2-yl]méthyl]-3,4-dihydrothiéno[3,4-*d*]pyridazin-1-yl)acetic acid

aldose reductase inhibitor

govorestat

acide (4-oxo-3-[[5-(trifluorométhyl)-1,3-benzothiazol-2-yl]méthyl]-3,4-dihydrothiéno[3,4-*d*]pyridazin-1-yl)acétique

inhibiteur de l'aldose réductase

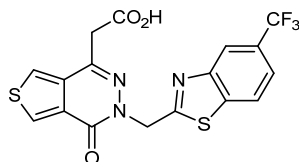
govorestat

ácido (4-oxo-3-[[5-(trifluorometil)-1,3-benzotiazol-2-il]metil]-3,4-dihidrotieno[3,4-*d*]piridazin-1-il)acético

inhibidor de la aldosa reductasa

$C_{17}H_{10}F_3N_3O_3S_2$

2170729-29-8

**guretolimodum**

guretolimod

[[{4-[(2-amino-4-[(3S)-1-hydroxyhexan-3-yl]amino)-6-methylpyrimidin-5-yl)methyl]-3-methoxyphenyl)methyl](2,2,2-trifluoroethyl)amino]acetic acid

toll-like receptor agonist, antineoplastic

gurétolimod

acide [[{4-[(2-amino-4-[(3S)-1-hydroxyhexan-3-yl]amino)-6-méthylpyrimidin-5-yl)méthyl]-3-méthoxyphényl)méthyl](2,2,2-trifluoroéthyl)amino]acétique

agoniste des récepteurs de type toll, antinéoplasique

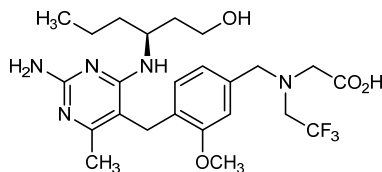
guretolimod

ácido [[{4-[(2-amino-4-[(3S)-1-hidroxihexan-3-il]amino)-6-metilpirimidin-5-il]metil]-3-metoxifenil]metil](2,2,2-trifluoroetil)amino]acético

agonista de los receptores de tipo toll, antineoplásico

 $C_{24}H_{34}F_3N_5O_4$

1488364-57-3

**ibrigamparum**

ibrigampar

2,4-dichloro-N-{3,5-dichloro-4-[(quinolin-3-yl)oxy]phenyl}benzene-1-sulfonamide

peroxisome proliferator activated receptor (PPAR) gamma agonist

ibrigampar

2,4-dichloro-N-{3,5-dichloro-4-[(quinoléin-3-yl)oxy]phényl}benzène-1-sulfonamide

agoniste des récepteurs gamma activés par les proliférateurs de peroxysomes

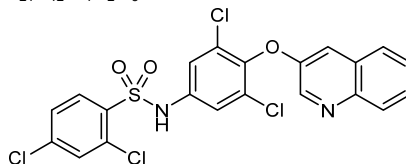
ibrigampar

2,4-dicloro-N-{3,5-dicloro-4-[(quinolein-3-il)oxi]fenil}benceno-1-sulfonamida

agonista de los receptores activados por los proliferadores peroxisómicos tipo gamma

 $C_{21}H_{12}Cl_4N_2O_3S$

315224-26-1



ilofotasum alfa #

ilofotase alfa

human intestinal-type alkaline phosphatase (IAP) variant (H²⁷⁹>L, L³²⁸>V, P⁴⁷⁸>L), engineered by substituting its crown domain (366-430) with the human placental-type alkaline phosphatase (placental alkaline phosphatase 1, PLAP-1) crown domain (364-428, 366-430 in the current sequence), C-terminal linked glycosylphosphatidylinositol anchor removed, dimer, glycosylated, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells; human intestinal-type alkaline phosphatase (ALPI, intestinal alkaline phosphatase, IAP) variant [H²⁷⁹>L, L³²⁸>V, P⁴⁷⁸>L] (1-484) with its crown domain (65-peptide 366-430) being replaced by the human placental-type alkaline phosphatase (ALPP, alkaline phosphatase Regan isozyme, placental alkaline phosphatase 1, PLAP-1) crown domain (65-peptide 364-428) (366-430), dimer (481-481')-disulfide, without glycosylphosphatidylinositol (GPI) anchors at Asp-484 and Asp-484' (secretable, soluble enzyme), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
alkaline phosphatase

ilofotase alfa

variant (H279>L, L328>V, P478>L) de la phosphatase alcaline humaine de type intestinal (IAP), conçu en substituant son domaine couronne (366-430) avec le domaine couronne (364-428, 366-430 dans la séquence actuelle) de la phosphatase alcaline humaine de type placentaire (phosphatase alcaline placentaire 1, PLAP-1), élimination de l'ancrage glycosylphosphatidylinositol lié à la partie C-terminale, dimère, glycosylé, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO);
phosphatase alcaline humaine de type intestinal (ALPI, phosphatase alcaline intestinale, IAP) variant [H279>L, L328>V, P478>L] (1-484), dont le domaine couronne (65-peptide 366-430) étant remplacé par le domaine couronne (65-peptide 364-428) de la phosphatase alcaline humaine de type placentaire (ALPP, isoenzyme Regan de la phosphatase alcaline, phosphatase alcaline placentaire 1, PLAP-1) (366-430), dimère (481-481')-disulfure, sans ancrage glycosylphosphatidylinositol (GPI) à Asp-484 et Asp-484' (sécrétable, enzyme soluble), produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
phosphatase alcaline

ilofotasa alfa

fosfatasa alcalina de tipo intestinal humana (IAP) variante (H²⁷⁹>L, L³²⁸>V, P⁴⁷⁸>L), diseñada por sustitución de su propio dominio de corona (366-430) con la fosfatasa alcalina de tipo placentaria humana (fosfatasa alcalina placentaria 1, PLAP-1) dominio de corona (364-428, 366-430 en la secuencia actual), C-terminal unido al glicosilfosfatidilinositol anclaje eliminado, dímero, glicosilado, producido en células ováricas de hámster chino (CHO);
fosfatasa alcalina humana del tipo intestinal (ALPI, fosfatasa alcalina intestinal, IAP) variante [H²⁷⁹>L, L³²⁸>V, P⁴⁷⁸>L] (1-484) con su dominio corona (65-péptido 366-430) siendo reemplazado por el dominio corona (65-péptido 364-428) de la fosfatasa alcalina humana del tipo placentario (ALPP, isoenzima Regan de fosfatasa alcalina, fosfatasa alcalina placentaria 1, PLAP-1) (366-430), dímero (481-481')-disulfuro, sin anclajes de amidas de glicosilfosfatidilinositol (GPI) en Asp-484 y Asp-484' (soluble y secretable), producido en células ováricas de hámster chino (CHO), glicofoma alfa
fosfatasa alcalina

2387636-92-0

Sequence / Séquence / Secuencia

VIPAEENPA FNNRQAAEAL DAARKLQPIQ KVAKNLILFL GDGLGVPVT 50
 ATRILKGQKN GKLGPETPLA MDRFPYLALS KTYNVDRQVP DSAATATAYL 100
 CGVKANFQTI GLSAAARFNQ CNTRRGNEVI SVMNRAKQAG KSVGVTTR 150
 VQHASPAGTY AHTVNRNWYS DADMPASARQ EGCQDIATQL ISNMDIDVIL 200
 GGGRKYMFFM GTFDPEYPAD ASQNGIRLDG KNLVQEWLAK HQGAWYVWNR 250
 TELMQASLDQ SVTHLMGLFE PGDTKYEILR DPTLDPSLME MTEAALRLLS 300
 RNPREFYLFV EGGRIDHGHG EGVAYQAVTE AVMFDDAIER AGOLTSEEDT 350
 LTLVTADHSH VFSFGGYPLR GSSIFGLAPG KARDRKAYTV LLYNGPGYV 400
LKDGARPDVT ESESGSPEYR QSSAVPLDEE THGGEDVAVF ARGPQAHLVH 450
 GVQEQSFVAH VMAFAACLEP YTACDLALPA CTTD 484

Mutation sites / Sites de mutation / Posiciones de mutación

H279>L₁, L328>V, P478>L₁, crown domain replacement G366-E430
 H279>L₁, L328>V, P478>L₁, crown domain replacement G366-E430

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posición del puentes disulfuro
 intra-monomer 121-183 467-474 121'-183' 467'-474' (Cys-SH: 101, 101')
 inter-monomer 481-481'

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación
 N122, N249, N122', N249'

iltamioceleum

iltamiocelel

Autologous human skeletal muscle progenitor cells derived from muscle biopsy (*vastus lateralis*). The progenitor cells are isolated by enzymatic digestion and expanded in culture in growth media containing human recombinant basic fibroblast growth factor (rbFGF), human recombinant endothelial growth factor (rEGF) and fetal bovine serum (FBS). Cell function and phenotype are maintained through control of culture confluence. The cells are positive for the myogenic cell marker desmin (on average 89%), and other muscle specific genes. The final substance contains also non-myogenic cell populations, such as fibroblasts. The cells have been demonstrated to have myogenic cell differentiation capacity.

cell therapy

iltamiocelel

Cellules progénitrices autologues humaines du muscle squelettique dérivées d'une biopsie de muscle (*vastus lateralis*). Les cellules progénitrices ont été isolées par digestion enzymatique et placées en culture d'expansion dans un milieu de croissance contenant le facteur de croissance recombinant des fibroblastes humain (rbFGF), le facteur de croissance recombinant de l'endothélium humain (rEGF) et le sérum bovin fœtal (FBS). Le phénotype et la fonction cellulaire ont été maintenus en contrôlant la confluence de la culture. Les cellules sont positives pour le marqueur cellulaire myogénique desmine (en moyenne 89%), et d'autres gènes spécifiques des muscles. La substance finale contient aussi des populations cellulaires non-myogéniques tels que les fibroblastes. Il a été démontré que les cellules ont une capacité de différenciation en cellules myogéniques.

thérapie cellulaire

iltamiocelel

Células progenitoras de músculo esquelético humano autólogas derivadas de biopsia muscular (*vastus lateralis*). Las células progenitoras se aíslan mediante digestión enzimática y se expanden en cultivo con medio de crecimiento que contiene factor de crecimiento de fibroblastos básico humano recombinante (rbFGF), factor de crecimiento endotelial humano recombinante (rEGF) y suero bovino fetal (FBS). La función y el fenotipo celular se mantienen mediante el control de la confluencia del cultivo. Las células son positivas para el marcador de células miogénicas desmina (89% de media), y otros genes específicos de músculo. La sustancia final contiene también poblaciones de células no miogénicas, tales como fibroblastos. Se ha demostrado que las células tienen capacidad de diferenciación de células miogénicas.

terapia celular

imsidolimabum #

imsidolimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL36R (interleukin 36 receptor)], monoclonal antibody; gamma4 heavy chain (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (100%), G4v5 h P10 (CH1 (121-218), hinge 1-12 S10>P (228) (219-230), CH2 (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447) (121-447)], (134-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV2-109*01 (85%) -IGKJ1*01 (90.9%)/*Homo sapiens* IGKV2D-29*01 (84%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-S cell line, glycoform alfa
immunomodulator

imsidolimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL36R (récepteur de l'interleukine 36)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma4 (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (100%), G4v5 h P10 (CH1 (121-218), charnière 1-12 S10>P (228) (219-230), CH2 (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447) (121-447)], (134-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV2-109*01 (85%) -IGKJ1*01 (90.9%)/*Homo sapiens* IGKV2D-29*01 (84%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa
immunomodulateur

imsidolimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL36R (receptor de la interleukina 36)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma4 (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (100%), G4v5 h P10 (CH1 (121-218), bisagra 1-12 S10>P (228) (219-230), CH2 (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447) (121-447)], (134-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV2-109*01 (85%) -IGKJ1*01 (90.9%)/*Homo sapiens* IGKV2D-29*01 (84%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-S, forma glicosilada alfa
inmunomodulador

2102543-86-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SKASGYTFT NYWMNWVRQA PRQGLEWMGM 50
FHPTGQVTRL NQKFKDRVTM TRDTSSTSTVY MELSSLRSED TAVVYCARTT 100
SMIIGGFAYW GQGTIAVTSS ASTKGPSVFP LAPCSRSTSE STAAIGCLAVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTKT 200
YTCNVDHKPS NTKVDKRVES KYGPPCPFCP APEFLGGPSV FLFFPKPKDT 250
LMISRTPEVT CVVVDVSDQD PEVQFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQFNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKGLPS SIEKTISKAK GQPREPQVYT 350
LPFSQEEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTFPFLDS 400
DGSFFLYSRL TVDKSRWQEG NVFSCSVME ALHNHYTQKS LSLSLGK 447

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVMTQTPLS LSVTPGQPAS ISCRSSKSLH HRNAITYFYW YLHKPGQPPQ 50
LLIYQMSNLA SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEADVGW YYCAQNLLEP 100
LTFGGGTKVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVCLV LNNFYPREAK 150
VQWKNVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDYSTYS SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC 219

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 261-321 367-425
22"-96" 147"-203 261"-321" 367"-425"
Intra-L (C23-C104) 23-93" 139-199"
23"-93" 139"-199"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 134-219" 134-219"
Inter-H-H (h 8, h 11) 226-226" 229-229"

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl)
HVH Q1:
I, I"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
297, 297"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanes de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:
447, 447"

inetagugenum geperpavecum #
inetagugene geperpavec

A replication-defective Herpes simplex virus encoding human transglutaminase 1 (TGM1).
A recombinant replication-deficient, non-integrating Herpes simplex virus type 1 (HSV-1) (strain KOS) vector encoding two copies of codon-optimised human transglutaminase 1 [TGM1, (EC:2.3.2.13)], also known as protein-glutamine gamma-glutamyltransferase K (TGK) with both copies being expressed under the control of a human cytomegalovirus (hCMV) immediate early promoter and bovine growth hormone polyadenylation signal (bGH polyA). The vector was generated by deleting both copies of the viral immediate early (IE) gene ICP4 and inserting a copy of the TGM1 gene into each ICP4 locus. The vector is also deleted for the IE gene ICP22.
gene therapy (ichthyosis)

inétagugène géperpavec

Un virus Herpès simplex incompetent à la réplication codant la transglutaminase 1 humaine (TGM1).
Un vecteur recombinant du virus Herpès simplex de type 1 (HSV-1) (lignée KOS) incompetent à la réplication, non intégrant, codant deux copies de la transglutaminase 1 humaine [TGM1, (EC:2.3.2.13)] aux codons optimisés aussi connue comme la gamma-glutamyltransférase protéine-glutamine K (TGK) avec deux copies étant exprimées sous le contrôle du promoteur précoce immédiat du cytomégalovirus humain (CMV) et du signal de polyadénylation de l'hormone de croissance bovine (bGH polyA). Le vecteur a été généré en supprimant les deux copies du ICP4, gène viral précoce immédiat (IE) et en insérant une copie du gène TGM1 dans chaque locus ICP4. Le vecteur a aussi été supprimé du gène ICP22 IE.
thérapie génique (ichtyose)

inetagugén geperpavec

Un virus Herpes simplex deficiente en replicación que codifica para la transglutaminasa humana 1 (TGM1). Un vector del virus Herpes simplex tipo 1 (HSV-1) (cepa KOS) recombinante, deficiente en replicación, no integrativo, que codifica dos copias de la transglutaminasa humana 1[TGM1, (EC:2.3.2.13)] , también conocida como proteína-glutamina gamma-glutamyltransferasa K (TGK), con codones optimizados, y ambas copias siendo expresadas bajo el control del promotor inmediato temprano del citomegalovirus humano (hCMV) y la señal de poliaadenilación de la hormona del crecimiento bovina (bGH polyA). El vector se generó mediante la delección de ambas copias del gen inmediato temprano (IE) viral ICP4 y la inserción de una copia del gen TGM1 en cada locus ICP4. El vector tiene también delecionado el gen IE ICP22.

terapia génica (ictiosis)

2374924-65-7

isargalagenum civaparovvecum #

isargalagene civaparovvec

A non-replicating adeno-associated viral vector encoding codon-optimised human alpha-galactosidase A (GLA).

A recombinant, non-replicating adeno-associated viral vector serotype 6 (AAV6) encoding codon-optimised human alpha-galactosidase A (GLA) under control of liver-specific regulatory elements [comprising enhancer and hepatic control region from the human apolipoprotein E (ApoE) gene, the human α -1-antitrypsin (hAAT) promoter, a chimeric human β -globin/IgG (HBB-IgG) intron, as well as a WPREmut6 region] and a bovine growth hormone (bGH) poly A sequence, flanked by adeno-associated virus 2 (AAV2) inverted terminal repeats.

cell-based gene therapy (Fabry disease)

isargalagène civaparovvec

Un vecteur viral adéno-associé non-répliquant codant la galactosidase alpha A humaine (GLA) aux codons optimisés.

Un vecteur viral adéno-associé non-répliquant, recombinant, de sérotype 6 (AAV6) codant la galactosidase alpha A humaine (GLA) aux codons optimisés sous le contrôle d'éléments régulateurs spécifiques du foie [comprenant un activateur et une région de contrôle hépatique provenant du gène de l'apolipoprotéine E humaine (ApoE), le promoteur de l'alpha-1-antitrypsine humaine (hAAT), un intron chimérique de la β -globine/IgG humaine (HBB-IgG), ainsi qu'une région WPREmut6] et d'une séquence polyA de l'hormone de croissance bovine (bGH), flanquée de répétitions terminales inversées du virus adéno-associé 2 (AAV2).

thérapie génique à base de cellules (maladie de Fabry)

isaralgagén civaparvovec

Un vector viral adeno-asociado, deficiente en replicación, que codifica para la alfa galactosidasa A (GLA) humana, con codones optimizados.

Un vector viral adeno-asociado de serotipo 6 (AAV6) recombinante, no replicativo, que codifica para la alfa galactosidasa A (GLA) humana, con codones optimizados, bajo el control de elementos reguladores específicos de hígado [comprende el potenciador y la región de control hepático del gen de la apolipoproteína (ApoE) humana, el promotor de la α -1-antitripsina humana (hAAT), un intrón quimérico de β -globina humana/IgG (HBB-IGG), así como una región WPREmut6] y una secuencia polyA de la hormona decrecimiento bovina (bGH), flanqueado por la repeticiones terminales invertidas del virus adeno-asociado 2 (AAV2).

terapia génica basada en células (enfermedad de Fabry)

2378601-29-5

isuzinaxibum

isuzinaxib

3-phenyl-4-propyl-1-(pyridin-2-yl)-1H-pyrazol-5-ol
NADPH oxidase (NOX) inhibitor

isuzinaxib

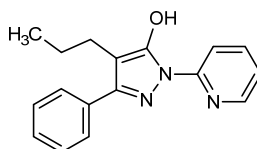
3-phényl-4-propyl-1-(pyridin-2-yl)-1H-pyrazol-5-ol
inhibiteur de la nicotinamide adénine dinucléotide phosphate hydrogène (NADPH) oxidase

isuzinaxib

3-fenil-4-propil-1-(piridin-2-il)-1H-pirazol-5-ol
inhibidor de nicotinamida adenina dinucleótido fosfato hidrógeno (NADPH) oxidasa

C₁₇H₁₇N₃O

1270084-92-8



labuvirtidum

labuvirtide

N^α-1-acetyl-N^{6,13}-[(2-{2-[3-(2,5-dioxo-2,5-dihydro-1H-pyrrol-1-yl)propan-amido]ethoxy}ethoxy)acetyl]-[M¹¹⁸>E², S¹²⁹>K¹³, S¹³³>E¹⁷]-[(117-150)-peptide (1-34)-34-amide (non-glycosylated) of the transmembrane glycoprotein 41 (gp41) of the human immunodeficiency virus type 1 (HIV-1):

N-acetyl-L-tryptophyl-L- α -glutamyl-L- α -glutamyl-L-tryptophyl-L- α -aspartyl-L-arginyl-L- α -glutamyl-L-isoleucyl-L-asparaginyll-L-asparaginyll-L-tyrosyl-L-threonyll-N⁶-[(2-{2-[3-(2,5-dioxo-2,5-dihydro-1H-pyrrol-1-yl)propanamido]-ethoxy}ethoxy)acetyl]-L-lysyl-L-leucyl-L-isoleucyl-L-histidyl-L- α -glutamyl-L-leucyl-L-isoleucyl-L- α -glutamyl-L- α -glutamyl-L-seryl-L-glutaminyll-L-asparaginyll-L-glutaminyll-L-glutaminyll-L- α -glutamyl-L-lysyl-L-asparaginyll-L- α -glutamyl-L-glutaminyll-L- α -glutamyl-L-leucyl-L-leucinamide

antiviral

labuvirtide

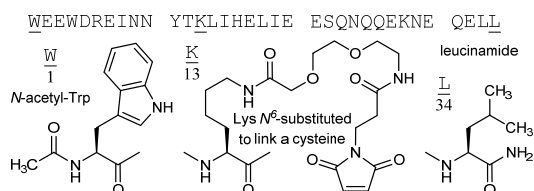
$N^{\alpha 1}$ -acétyl- $N^{6,13}$ -[(2-{2-[3-(2,5-dioxo-2,5-dihydro-1H-pyrrol-1-yl)propan-amido]éthoxy]éthoxy]acétyl]-[$M^{118}>E^2$, $S^{129}>K^{13}$, $S^{133}>E^{17}$]-peptide 117-150 (1-34)-34-amide (non glycosylé) de la glycoprotéine transmembranaire 41 (gp41) du virus de l'immunodéficience humaine de type 1 (VIH-1, HIV-1): *N*-acétyl-L-tryptophyl-L- α -glutamyl-L- α -glutamyl-L-tryptophyl-L- α -aspartyl-L-arginyl-L- α -glutamyl-L-isoleucyl-L-asparaginyl-L-asparaginyl-L-tyrosyl-L-thréonyl- N^6 -[(2-{2-[3-(2,5-dioxo-2,5-dihydro-1H-pyrrol-1-yl)propanamido]éthoxy]éthoxy]acétyl]-L-lysyl-L-leucyl-L-isoleucyl-L-histidyl-L- α -glutamyl-L-leucyl-L-isoleucyl-L- α -glutamyl-L- α -glutamyl-L-séryl-L-glutaminyl-L-asparaginyl-L-glutaminyl-L-glutaminyl-L- α -glutamyl-L-lysyl-L-asparaginyl-L- α -glutamyl-L-glutaminyl-L- α -glutamyl-L-leucyl-L-leucinamide *antiviral*

labuvirtida

$N^{\alpha 1}$ -acetil- $N^{6,13}$ -[(2-{2-[3-(2,5-dioxo-2,5-dihidro-1H-pirrol-1-il)propan-amido]etoxi]etoxi]acetil]-[$M^{118}>E^2$, $S^{129}>K^{13}$, $S^{133}>E^{17}$]-péptido 117-150 (1-34)-34-amida (no glicosilado) de la glicoproteína transmembranaria 41 (gp41) del virus de inmunodeficiencia humana del tipo 1 (VIH-1, HIV-1): *N*-acetil-L-triptofil-L- α -glutamil-L- α -glutamil-L-triptofil-L- α -aspartil-L-arginil-L- α -glutamil-L-isoleucil-L-asparaginil-L-asparaginil-L-tirosil-L-treonil- N^6 -[(2-{2-[3-(2,5-dioxo-2,5-dihidro-1H-pirrol-1-il)propanamido]-etoxi]etoxi]acetil]-L-lisil-L-leucil-L-isoleucil-L-histidil-L- α -glutamil-L-leucil-L-isoleucil-L- α -glutamil-L- α -glutamil-L-seril-L-glutaminil-L-asparaginil-L-glutaminil-L-glutaminil-L- α -glutamil-L-lisil-L-asparaginil-L- α -glutamil-L-glutaminil-L- α -glutamil-L-leucil-L-leucinamida *antiviral*

 $C_{204}H_{306}N_{54}O_{72}$

2395796-76-4



larsuosterolum

larsuosterol

25-hydroxycholest-5-en-3 β -yl hydrogen sulfate
liver X receptor (LXR) antagonist

larsuostérol

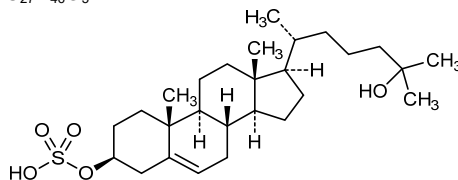
hydrogénosulfate de 25-hydroxycholest-5-én-3 β -yle
antagoniste du récepteur nucléaire des oxystérols (LXR)

larsuosterol

hidrogenosulfato de 25-hidroxicolest-5-en-3 β -ilo
antagonista de los receptores X hepáticos (LXR)

$C_{27}H_{46}O_5S$

884905-07-1



latozinemabum #
latozinemab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SORT1 (sortilin 1, Gp95, NT3)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-38-2*01 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) CDR-IMGT [9.7.15] (26-34.52-58.97-111) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1, G1v40 CH2 A1.3, A1.2, S116 (CH1 K120 (219) (123-220), hinge 1-15 (221-235), CH2 L1.3>A (239), L1.2>A (240), P116>S (336) (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-219')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (93.0%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (231-231'':234-234'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-K1SV cell line lacking the glutamine synthetase gene (GSKO), glycoform alfa *neurological*

latozinémab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SORT1 (sortiline 1, Gp95, NT3)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-38-2*01 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) CDR-IMGT [9.7.15] (26-34.52-58.97-111) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1, G1v40 CH2 A1.3, A1.2, S116 (CH1 K120 (219) (123-220), charnière 1-15 (221-235), CH2 L1.3>A (239), L1.2>A (240), P116>S (336) (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (93.0%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (231-231'':234-234'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1SV ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GSKO), glycoforme alfa *neurologique*

latozinemab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SORT1 (sortilina 1, Gp95, NT3)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-38-2*01 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) CDR-IMGT [9.7.15] (26-34.52-58.97-111) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1, G1v40 CH2 A1.3, A1.2, S116 (CH1 K120 (219) (123-220), bisagra 1-15 (221-235), CH2 L1.3>A (239), L1.2>A (240), P116>S (336) (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (93.0%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (231-231'':234-234'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1SV en ausencia del gen glutamina sintetasa (GSKO), forma glicosilada alfa *neurológico*

2376132-27-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLQESGPG LVKPFSETLSL TCAVSGYSIS SGYYWGWIQ PPGKGLEWIG 50
TIYHSGSTYY NPSLKSRTVI SVDTSKNQFS LKLSSTVTAAD TAVYYCARQG 100
SIKQGYGMD VWGQGTITTV SSASTKGFSV FPLAPSSKST SGGTAALGCL 150
VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTPVSSSLGT 200
QTYICNVNHHK PSNTKVDDKV EPKSCDKTHT CPFCPAPEAA GGPSVFLFPP 250
KPKDITLMISR TFEVTCVVVD VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
YNSTRYRVSV LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KALPASIEKT ISKAKGQPRE 350
PQVYTLPPSR DELTKNQVSL TCLVKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTTT 400
PVLDSGSEFF LYSKLTVDKS RWQQGNVFSC SVMHEALHNN YTQKSLSLSP 450
GK 452

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVMTQSPLS LPVTPGEPAS ISCRSSQSLR RSTGYNYLDW YLQKPGQSPQ 50
LLIYLGSNRA SGVTPDRFSGS GSGTDFTLKI SRAEADVGV YYCMQSQEAP 100
LTFGGGTVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQRESVE QDSKDSYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
THQGLSPV TKSFRNGEC 219

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205 266-326 372-430
22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"
Intra-L (C23-C104) 23"-93" 139"-199"
23"-93" 139"-199"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 225-219" 225"-219"
Inter-H-H (h 11, h 14) 231-231" 234-234"

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)
H V H Q I:
1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
302, 302"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:
452, 452"

lemzoparlimabum #
lemzoparlimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD47 (integrin associated protein, IAP, MER6, OA3)], monoclonal antibody; gamma4 heavy chain (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-15*07 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [8.10.9] (26-33.51-60.99-107) (1-118)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (100%), G4v5 h P10 (CH1 (119-216), hinge 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-220')-disulfide with kappa light chain (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (89.1%) -IGKJ2*01 (90%) Q120>G (106)) CDR-IMGT [12.3.9] (27-38.56-58.95-103) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dimer (224-224":227-227")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1 cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

lemzoparlimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD47 (protéine associée à l'intégrine, IAP, MER6, OA3)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma4 (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-15*07 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [8.10.9] (26-33.51-60.99-107) (1-118)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (100%), G4v5 h P10 (CH1 (119-216), charnière 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-220')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (89.1%) -IGKJ2*01 (90%) Q120>G (106)) CDR-IMGT [12.3.9] (27-38.56-58.95-103) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dimère (224-224":227-227")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

lenzoparlimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD47 (proteína asociada a la integrina, IAP, MER6, OA3)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma4 (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-15*07 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [8.10.9] (26-33.51-60.99-107) (1-118)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (100%), G4v5 h P10 (CH1 (119-216), bisagra 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-220')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (89.1%) -IGKJ2*01 (90%) Q120>G (106)) CDR-IMGT [12.3.9] (27-38.56-58.95-103) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dímero (224-224"-227-227")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa *inmunomodulador, antineoplásico*

2377483-71-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGLTPE RAWMNWVRQA PGKGLEWVGR 50
IKRKTDGETT DYAAPVKGRF SISRDDSKNT LYLQMNLSKT EDTAVYYCAG 100
SNRAFDIWGQ GTMVTVSSAS TKGPSVFPLA PCSRSTSEST AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSKVHT FPAVLQSSGL YSLGSVTVTP SSSLGKTKYT 200
CNVDHKPSNT KVDKRVESKY GPCCPCPCAP EFLGGPSVVEL FPPKPKDTLM 250
ISRTPEVTCV VVDVSKQDPE VQFNWYVDGV EVHNAKTKPR EQFNSITYRV 300
VSVLTVLHQD WLNKKEYCKK VSNKGLPSSI EKTISKAKGQ PREPQVYTL 350
PSQEEMTKNQ VSLTCLVKG F YPSDIAVEWE SNGQFENNYK TTPVLDSDG 400
SFFLYSRLTV DKSRWQEGNV FSCSVMEAL HNHYTQKSL SLSLGK 445
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIVMTQSPDS LAVSLGERAT INCKSSQSVL YAGNNRYLA WYQQKPGQPP 50
KLLINQASTR ASGVPDFRFSG SGSGTEFTLI ISSLQAEDVA IYYCQYYTP 100
PLAFGGGTLK EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDSSTYS LSSTLTLSKA DYERHKVYAC 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 220
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-98 145-201 259-319 365-423
22"-98" 145"-201" 259"-319" 365"-423"
Intra-L (C23-C104) 23'-94' 140'-200'
23"-94" 140"-200"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 132-220' 132"-220"
Inter-H-H (h 8, h 11) 224-224" 227-227"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2N84.4:

295, 295"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2:

445, 445"

lenrispodunum

lenrispodun

(6aR,9aS)-3-anilino-2-[[4-(6-fluoropyridin-2-yl)phenyl]methyl]-5-methyl-5,6a,7,8,9,9a-hexahydrocyclopenta[4,5]imidazo[1,2-a]pyrazolo[4,3-e]pyrimidin-4(2H)-one
phosphodiesterase 1 (PDE1) inhibitor

lenrispodun

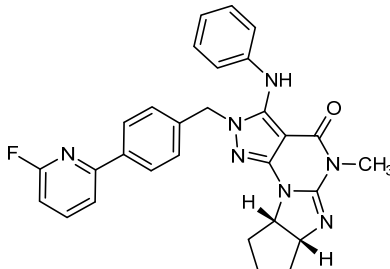
(6aR,9aS)-3-anilino-2-[[4-(6-fluoropyridin-2-yl)phényl]méthyl]-5-méthyl-5,6a,7,8,9,9a-hexahydrocyclopenta[4,5]imidazo[1,2-a]pyrazolo[4,3-e]pyrimidin-4(2H)-one
inhibiteur de la phosphodiesterase 1 (PDE1)

lenrispodun

(6a*R*,9a*S*)-3-anilino-2-[[4-(6-fluoropiridin-2-yl)fenil]metil]-5-metil-5,6a,7,8,9,9a-hexahidrociclopenta[4,5]imidazo[1,2-*a*]pirazolo[4,3-*e*]pirimidin-4(2*H*)-ona
inhibidor de la fosfodiesterasa 1 (PDE1)

C₂₉H₂₆FN₇O

1160521-50-5



libvatrepum

libvatrep

4-[7-hydroxy-4-oxo-2-(propan-2-yl)quinazolin-3(4*H*)-yl]benzonitrile
transient receptor potential vanilloid 1 (TRPV1)
antagonist

libvatrep

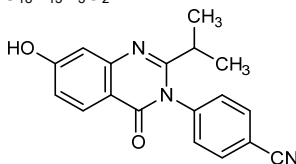
4-[7-hydroxy-4-oxo-2-(propan-2-yl)quinazolin-3(4*H*)-yl]benzonitrile
antagoniste des récepteurs membranaires vanilloïdes sous-type 1 (TRPV1)

libvatrep

4-[7-hidroxi-4-oxo-2-(propan-2-il)quinazolin-3(4*H*)-il]benzonitrilo
antagonista de los receptores membranarios vaniloides subtipo 1 (TRPV1)

C₁₈H₁₅N₃O₂

871814-52-7



licaminlimabum #

licaminlimab

immunoglobulin scFv, anti-[*Homo sapiens* TNF (tumor necrosis factor, TNFSF2, DIF, TNF- α)], humanized monoclonal antibody single chain;
 IG scFv humanized single chain (V-KAPPA-VH) (1-254) [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (79.2%) - (IGHD) -IGKJ2*02 (77.8%)) CDR-IMGT [8.3.11] (28-35.53-55.92-102) (1-112)] -21-mer glycyl-tetrakis(tetraglycyl-seryl) linker (113-133) -[VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (76%) -IGHJ6*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.8.14] (159-166.184-191.230-243) (134-254)], produced in the bacteria *Escherichia coli* (*E. coli*), non-glycosylated
immunomodulator

licaminlimab

immunoglobuline scFv, anti-[*Homo sapiens* TNF (facteur de nécrose tumorale, TNFSF2, DIF, TNF- α)], anticorps monoclonal humanisé à chaîne unique;
 IG scFv chaîne unique humanisée (V-KAPPA-VH) (1-254) [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (79.2%) -(IGHD) - IGKJ2*02 (77.8%)) CDR-IMGT [8.3.11] (28-35.53-55.92-102) (1-112)] -21-mer glycyil-tétrakis(tétraglycyl-séryl) linker (113-133) -[VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (76%) - IGHJ6*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.8.14] (159-166.184-191.230-243) (134-254)], produit dans la bactérie *Escherichia coli* (*E. coli*), non-glycosylé
immunomodulateur

licaminlimab

inmunoglobulina scFv, anti-[*Homo sapiens* TNF (factor de necrosis tumoral, TNFSF2, DIF, TNF- α)], anticuerpo monoclonal humanizado con cadena única;
 IG scFv cadena única humanizada (V-KAPPA-VH) (1-254) [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (79.2%) -(IGHD) - IGKJ2*02 (77.8%)) CDR-IMGT [8.3.11] (28-35.53-55.92-102) (1-112)] -21-mer glicilil-tetrakis(tetraglicil-seril) linker (113-133) -[VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (76%) - IGHJ6*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.8.14] (159-166.184-191.230-243) (134-254)], producido en la bacteria *Escherichia coli* (*E. coli*), no glicosilado
immunomodulador

1688648-13-6

scFv chain / Chaîne scFv / Cadena scFv

```
MEIVMTQSPS TLSASVGRV IITCQSSQSV YGNIMAWYQ QKPRAPKLL 50
IYQASKLASG VPSRFSGSGS GAFTLTISS LQPDDEATYY CQGNENTGDR 100
YAFGQGTKLT VLGGGGSGGG GSGGGSGGG GGSEVQLVES GGSVQPGGS 150
LRLSCTASGF TISRSYWICW VRQAPGKGLE WVGCIYGDND ITPLFANWAK 200
GRFTISRDTG KNTVYLQMNS LRAEDTATYY CARLGYADYA YDLWGQGTIV 250
TVSS 254
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
 Intra-scFv (C23-C104) 24-91 155-231 169-184

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación

lirentelimabum

lirentelimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SIGLEC8 (sialic acid binding Ig-like lectin 8, SIGLEC-8, SAF2, SIGLEC8L)], humanized monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain humanized (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (79.4%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (90.9%)) CDR-IMGT [8.7.14] (26-33.51-57.96-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-213')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (86.3%) - IGKJ3*01 (91.7%)) CDR-IMGT [5.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (152), V101 (190) (108'-213')]; dimer (229-229'':232-232'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator

lirentélimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SIGLEC8 (lectine 8 de type Ig-like liant l'acide sialique, SIGLEC-8, SAF2, SIGLEC8L)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma1 humanisée (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (79.4%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (90.9%)) CDR-IMGT [8.7.14] (26-33.51-57.96-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (86.3%) -IGKJ3*01 (91.7%)) CDR-IMGT [5.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (152), V101 (190) (108'-213')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur

lirentelimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SIGLEC8 (lectina 8 de tipo Ig-like de unión al ácido siálico, SIGLEC-8, SAF2, SIGLEC8L)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 humanizada (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (79.4%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (90.9%)) CDR-IMGT [8.7.14] (26-33.51-57.96-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (86.3%) -IGKJ3*01 (91.7%)) CDR-IMGT [5.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (152), V101 (190) (108'-213')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador

2283348-97-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFSLT IYGAHWVRQA PGKGLEWVG 50
IWAGGSTNYN SALMSRFTIS KDNSKNTVYL QMNSLRAEDT AVYYCARDGS 100
SPYYYSMEYW GQGTITVTSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKRVEP KSCDKHTTCE PCPAPELLGG PSVFLFPPK 250
KDTLMISRTPEVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVSVSLT VLHQDWLNGK EYCKVSNKA LPAPIKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTFPV 400
LSDSGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCSATSSVS YMHWFQKPG QAPRLLIYST 50
SNLASGIPAR FSGSGSGTDF LTITSSLEPE DFAVYYQQR SSYPFTFGPG 100
TKLDIKRTVA APSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLLNFFYP REAKVQWKVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSTLTSL SKADYERHKV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFN R GEC 213
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-95 147-203 264-324 370-428
22"-95" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23'-87' 133'-193'
23"-87'" 133"-193'"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-213' 223"-213"

Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

HCH2 N84.4:

300, 300"

Afucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes afucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos afucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

HCHS K2:

450, 450"

locnartecanum #

locnartecan

(4S)-4,11-diethyl-4-hydroxy-3,14-dioxo-3,4,12,14-tetrahydro-1H-pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinolin-9-yl 4-[2-(5-{3-[2,4-dihydroxy-5-(propan-2-yl)phenyl]-5-oxo-1,5-dihydro-4H-1,2,4-triazol-4-yl}-1H-indol-1-yl)ethyl]piperidine-1-carboxylate
topoisomerase I inhibitor, antineoplastic

locnartécán

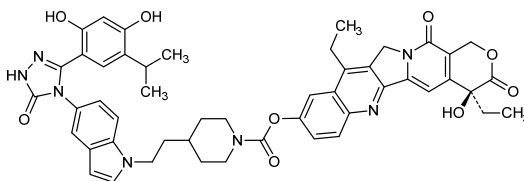
4-[2-(5-{3-[2,4-dihydroxy-5-(propan-2-yl)phényl]-5-oxo-1,5-dihydro-4H-1,2,4-triazol-4-yl]-1H-indol-1-yl)éthyl]pipéridine-1-carboxylate de (4S)-4,11-diéthyl-4-hydroxy-3,14-dioxo-3,4,12,14-tétrahydro-1H-pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinoléin-9-yle
inhibiteur de la topoisomerase I, antinéoplasique

locnartecán

4-[2-(5-{3-[2,4-dihidroxi-5-(propan-2-il)fenil]-5-oxo-1,5-dihidro-4H-1,2,4-triazol-4-il]-1H-indol-1-il)etil]piperidina-1-carboxilato de (4S)-4,11-dietil-4-hidroxi-3,14-dioxo-3,4,12,14-tetrahidro-1H-pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinolein-9-ilo
inhibidor de la topoisomerasa I, antineoplásico

C₄₉H₄₉N₇O₉

1472614-83-7

**lonigutamabum #**

lonigutamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IGF1R (insulin like growth factor 1 receptor, IGF1-R, IGF-1R, CD221)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain humanized (1-449) [VH humanized (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (92.8%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA humanized (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-K1SV cell line lacking the glutamine synthetase gene (GSKO), glycoform alfa
antineoplastic

lonigutamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IGF1R (récepteur du facteur de croissance 1 analogue à l'insuline, IGF1-R, IGF-1R, CD221)], anticorps monoclonal humanisé;

chaîne lourde gamma1 humanisée (1-449) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (92.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), charnière 11-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1SV ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GSKO), glycoforme alfa antinéoplasique

lonigutamab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IGF1R (receptor del factor de crecimiento 1 análogo a la insulina, IGF-1R, IGF-1R, CD221)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 humanizada (1-449) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (92.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), bisagra 11-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1SV en ausencia del gen glutamina sintetasa (GSKO), forma glicosilada alfa antineoplásico

2362015-67-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT SYIIHWVRQA PGQGLEWMGW 50
IWFGDGSSTKY AQKFQGRVTM TRDTSSTSTVY MELSSLRSED TAVYFCASPM 100
ITPNYAMDYV GQGLTLTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKRVFP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTPEVTCVVVDV HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLNQDNLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTI KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTCLVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV 400
LSDSGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 449

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCRASQDIS KYLNWYQQKP GKAPKLLIYY 50
TSRLQSGVPS RFSGRGSGTD YSLTISSLPQ EDFATYFCQQ GSTLPYTFGG 100
GKVEIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWVK 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEHKK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22'-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194'

23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223'-214" 223"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-terminal glutaminy cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)

HVHQI:

I, I'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300'

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

lonigutamabum ugodotinum #

lonigutamab ugodotin

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IGF1R (insulin like growth factor 1 receptor, IGF1-R, IGF-1R, CD221)], humanized monoclonal antibody conjugated to a dolastatin derivative (*ugodotin* groups); gamma1 heavy chain humanized (1-449) [VH humanized (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (92.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) - *Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA humanized (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-K1SV cell line lacking the glutamine synthetase gene (GSKO), glycoform alfa; conjugated at the cysteines 223, 214', 223" and 214"" with four (3S,6R,7R,8²S,11R,12S,15S,18S,30³RS)-12-[(2S)-butan-2-yl]-3-carboxy-7,11-dimethoxy-6,13,19,23-tetramethyl-5,9,14,17,24,30²,30⁵-heptaoso-15,18-di(propan-2-yl)-4,13,16,19,23-pentaaza-8(2,1),30(1)-dipyrrolidina-1(1),22(1,4)-dibenzenatriacontaphan-30³-yl (*ugodotin*) groups *antineoplastic*

lonigutamab ugodotine

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IGF1R (récepteur du facteur de croissance 1 analogue à l'insuline, IGF1-R, IGF-1R, CD221)], anticorps monoclonal humanisé conjugué à un dérivé de dolastatine (groupes ugodotine); chaîne lourde gamma1 humanisée (1-449) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (92.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) - *Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1SV ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GSKO), glycoforme alfa; conjugué aux cystéines 223, 214', 223" et 214"" avec quatre groupes (3S,6R,7R,8²S,11R,12S,15S,18S,30³RS)-12-[(2S)-butan-2-yl]-3-carboxy-7,11-diméthoxy-6,13,19,23-tétraméthyl-5,9,14,17,24,30²,30⁵-heptaoso-15,18-di(propan-2-yl)-4,13,16,19,23-pentaaza-8(2,1),30(1)-dipyrrolidina-1(1),22(1,4)-dibenzénatriacontaphan-30³-yle (*ugodotine*) *antinéoplasique*

lonigutamab ugodotina

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IGF1R (receptor del factor de crecimiento 1 análogo a la insulina, IGF1-R, IGF-1R, CD221)], anticuerpo monoclonal humanizado conjugado a un derivado de dolastatina (grupos ugodotina);

cadena pesada gamma1 humanizada (1-449) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (92.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'')]; dímero (229-229'':232-232'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1SV en ausencia del gen glutamina sintetasa (GSKO), forma glicosilada alfa; conjugado a cisteínas 223, 214', 223'' y 214''' con cuatro grupos (3S,6R,7R,8²S,11R,12S,15S,18S,30³RS)-12-[(2S)-butan-2-il]-3-carboxi-6,13,19,23-tetrametil-7,11-dimetoxi-5,9,14,17,24,30²,30⁵-heptaoxo-15,18-di(propan-2-il)-4,13,16,19,23-pentaaza-8(2,1),30(1)-dipirrolidina-1(1),22(1,4)-dibencenatriacontafan-30³-il (ugodotina)
antineoplásico

2363754-30-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYFT SYIIHWVRQA PGQGLEWMGW 50
IWPGDGSSTKY AQKFQGRVTM TRDTSTSTVY MELSSLRSED TAVYFCASPM 100
ITPNYAMDYW GQGTILVTSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPTVTS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKRVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTPT EPTCVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LDSGGSFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 449

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCRASQDIS KYLNWYQKPK GKAPKLLIYY 50
TSRLQSGVPS RFSGRGSGTD YSLTISSLQP EDFATYFCQQ GSTLPYTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSPVIFPP SDEQLKSGTA SVVCLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEQ 214

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
22''-96'' 147''-203'' 264''-324'' 370''-428''

Intra-L (C23-C104) 23'''-88''' 134'''-194'''
23'''-88''' 134'''-194'''

Inter-H-L (h 5-CL 126)* 223-214' 223''-214''
Inter-H-H (h 11, h 14)* 229-229'' 232-232''

*At least two of the four inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 4 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker. *Au moins deux des quatre ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 4 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif. *Al menos dos de los cuatro puentes disulfuro inter-catenarios no están presentes, una media de 4 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)

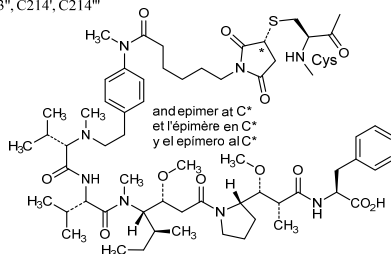
H VHQI:
1, 1''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:
300, 300''

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

Conjugation sites / Sites de conjugaison / Posiciones de conjugación:
C223, C223'', C214', C214'''



lusvertikimabum #

lusvertikimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL7R (interleukin 7 receptor, CD127, IL7RA)], humanized monoclonal antibody;
 gamma4 heavy chain humanized (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111) (1-122)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (100%), G4v5 h P10 (CH1 (123-220), hinge 1-12 S10>P (230) (221-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (123-449)], (136-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-NL1*01 (86.3%) -IGKJ4*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1 cell line, glycoform alfa
immunomodulator

lusvertikimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL7R (récepteur de l'interleukine 7, CD127, IL7RA)], anticorps monoclonal humanisé;
 chaîne lourde gamma4 humanisée (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111) (1-122)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (100%), G4v5 h P10 (CH1 (123-220), charnière 1-12 S10>P (230) (221-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (123-449)], (136-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-NL1*01 (86.3%) -IGKJ4*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunomodulateur

lusvertikimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL7R (receptor de la interleukina 7, CD127, IL7RA)], anticuerpo monoclonal humanizado;
 cadena pesada gamma4 humanizada (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111) (1-122)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (100%), G4v5 h P10 (CH1 (123-220), bisagra 1-12 S10>P (230) (221-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (123-449)], (136-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-NL1*01 (86.3%) -IGKJ4*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
inmunomodulador

2375835-91-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAVSGFTLS DYYMAWIRQA PGKGLEWVST 50
ISASGLRTYY PDSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TAVYICARPL 100
SAHYGFNVFD YWQGGLTVTV SSASTKGPSV FPLAPCSRST SESTAALGCL 150
VKDYFFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTFPSSSLGT 200
KTYTCNVDHK PSNTKVDKRV ESKYGPPCPP CPAPEFLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMSIRTPF VTCVVDVDSQ EDPEVQFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQFNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKGL PSSIEKTSK AKGQPREPQV 350
YTLFPSQSEEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTFPVL 400
DSDGSFFLYS RLTVDKSRWQ EGNVFSCSVM HEALHNNHTQ KSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRTSEDIY QGLAWYQQKPK GKAPKLLLYS 50
ANTLHIGVES RFGSGSGSDT YTLTISSLQP EDFATYYCQQ YIDYPLAFGG 100
GTRKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNEY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYERHK VIACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205 263-323 369-427
22"-96" 149"-205" 263"-323" 369"-427"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 136-214" 136"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 228-228" 231-231"

N-terminal glutaminy cyclization to pyroglutamyl (pE, S-oxoprolyl)
H VH Q1:
1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
299, 299"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:
449, 449"

mevidalenum
mevidalen

2-(2,6-dichlorophenyl)-1-[(1*S*,3*R*)-3-(hydroxymethyl)-5-(3-hydroxy-3-methylbutyl)-1-methyl-3,4-dihydroisoquinolin-2(1*H*)-yl]ethan-1-one
dopamine D1 receptor positive allosteric modulator

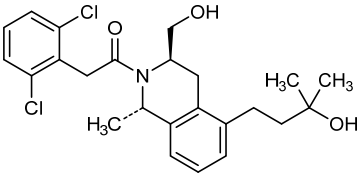
mévidalène

2-(2,6-dichlorophényl)-1-[(1*S*,3*R*)-3-(hydroxyméthyl)-5-(3-hydroxy-3-méthylbutyl)-1-méthyl-3,4-dihydroisoquinoléin-2(1*H*)-yl]éthan-1-one
modulateur allostérique positif des récepteurs D1 de la dopamine

mevidaleno

2-(2,6-diclorofenil)-1-[(1*S*,3*R*)-3-(hidroximetil)-5-(3-hidroxi-3-metilbutil)-1-metil-3,4-dihidroisoquinolein-2(1*H*)-il]etan-1-ona
modulador alostérico positivo del receptor D1 de la dopamina

C₂₄H₂₉Cl₂NO₃ 1638667-79-4



mibavademabum #

mibavademab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* LEPR (leptin receptor, OBR, CD295)], monoclonal antibody; gamma4 heavy chain (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*15 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (100%), G4v5 h P10 (CH1 (120-217), hinge 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-446)], (133-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.10] (27-32.50-52.89-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
leptin receptor agonist

mibavadémab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* LEPR (récepteur de la leptine, OBR, CD295)], anticorps monoclonal;
chaîne lourde gamma4 (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*15 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (100%), G4v5 h P10 (CH1 (120-217), charnière 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-446)], (133-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.10] (27-32.50-52.89-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
agoniste du récepteur de la leptine

mibavademab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* LEPR (receptor de la leptina, OBR, CD295)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma4 (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*15 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (100%), G4v5 h P10 (CH1 (120-217), bisagra 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-446)], (133-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.10] (27-32.50-52.89-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
agonista del receptor de leptina

2305770-44-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVESGGG VVQPGRSRLR SCAASGFTFS TYAMYWVRQT PGKGLEWVAV 50
LYSDGSGNKYY IDSVKGRFTI SRDTSTNTLY LQMSSLRADD SALYYCARLN 100
WDYWFYDLWG RGLTIVTVSSA STKGPSVFEL APCSRSTSES TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFFAVLQSSG LYSLSSTVTV PSSSLGKTKY 200
TCNVDPKPSN TKVDKRVESK YGPPCPPCPA PEFLLGGPSVF LFPFKPKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVSQEDP EVQFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQFNSTYR 300
VVSVLTIVLHQ DWLNGKEYKC KVSNGKLPSI IEKTIKAKG QPREPQVYTL 350
PPSQEEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTTPVLDSO 400
GSFFLYSRLT VDKSRWQEGN VFSCSVMEHA LHNHYTQKSL SLSLGK 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCRASQSI SYLNWYQQK GRAPKLLIYA 50
ASSLQSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ SYSTPPITFG 100
QGTRLEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLNNF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYISLSSTL TISKADYEKH KVVACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEK 215

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22°-96' 146°-202' 260°-320' 366°-424'
22°-96" 146°-202" 260°-320" 366°-424"
Intra-L (C23-C104) 23°-88' 135°-195'
23°-88" 135°-195"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 133°-215' 133°-215"
Inter-H-H (h 8, h 11) 225°-225" 228°-228"

N-terminal glutaminy cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)
H VHQI:
I, I"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2N84.4:
296, 296"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHSK2:
446, 446"

mipicoledinum
mipicoledine

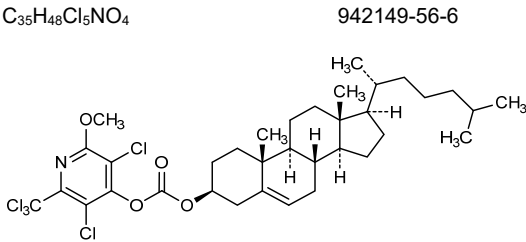
cholest-5-en-3β-yl 3,5-dichloro-2-methoxy-6-(trichloromethyl)pyridin-4-yl carbonate
alkylating agent

mipicolédine

carbonate de cholest-5-én-3β-yle et de 3,5-dichloro-2-méthoxy-6-(trichlorométhyl)pyridin-4-yle
agent alkylant

mipicoledina

carbonato de colest-5-en-3β-ilo y de 3,5-dicloro-2-metoxi-6-(triclórometil)piridin-4-ilo
agente alquilante



nadecnemabum #

nadecnemab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* GFRA3 (glial cell derived neurotrophic factor family receptor alpha 3, GFRa-3)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (94.4%)) CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113) (1-124)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (100%), G4v5 h P10 (CH1 (125-222), hinge 1-12 S10>P (232) (223-234), CH2 (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (125-451)], (138-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (98.9%) -IGKJ3*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
analgesic

nadecnémb

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* GFRA3 (récepteur-3 alfa de la famille du facteur neurotrophe dérivé de la glie, GFRa-3)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
 chaîne lourde gamma4 *Homo sapiens* (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (94.4%)) CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113) (1-124)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (100%), G4v5 h P10 (CH1 (125-222), charnière 1-12 S10>P (232) (223-234), CH2 (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (125-451)], (138-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (98.9%) -IGKJ3*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
analgésique

nadecnemab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* GFRA3 (receptor-3 alfa de la familia del factor neurotrófico derivado de la glia, GFRa-3)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
 cadena pesada gamma4 *Homo sapiens* (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (94.4%)) CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113) (1-124)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (100%), G4v5 h P10 (CH1 (125-222), bisagra 1-12 S10>P (232) (223-234), CH2 (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (125-451)], (138-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (98.9%) -IGKJ3*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
analgésico

2377679-19-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYAMSWVRQA PGKGLEWVS 50
ISGSGGSTYY ADAVKGRFTI SRDNSKHTLY LQMNSLRAED TAVYYCTKPS 100
SYSSSNFYYG MDVWGQGTTV TVSSASTKGP SVFPLAPCSR STSESTAALG 150
CLVKDYFFEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPV LQSSGLYSLS SVVTVPSSSL 200
GKTTYTCNVD HKPSNTKVDK RVESKYGPCC PPCPAPEFLG GPSVFLFPPK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SQEDPEVQFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQF 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK GLPSSIEKTI SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSQE EMTKNQVSLT CLVKGFPYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTTP 400
VLDSGDSFFL YSRLTVDKSR WQEGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSLG 450
K 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPFSS VSASVGDRTV ITCRASQGIS SWLAWYQQKP GKAPKLLIYA 50
ASSLQSGVPS RFGSGSGSTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ TNSFPFFPGP 100
GTKVDIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTIT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGE 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22"-96" 151"-207" 265"-325" 371"-429"
22"-96" 151"-207" 265"-325" 371"-429"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 138"-214" 138"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 230"-230" 233"-233"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
301, 301"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:
451, 451"

nanvuranlatum
nanvuranlat

O-[(5-amino-2-phenyl-1,3-benzoxazol-7-yl)methyl]-3,5-dichloro-L-tyrosine
L-type amino acid transporter 1 (LAT1) inhibitor, antineoplastic

nanvuranlat

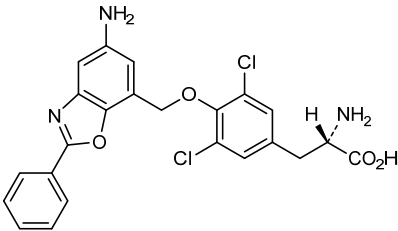
O-[(5-amino-2-phényl-1,3-benzoxazol-7-yl)méthyl]-3,5-dichloro-L-tyrosine
inhibiteur du transporteur-1 des acides aminés L (LAT1), antinéoplasique

nanvuranlat

O-[(5-amino-2-fenil-1,3-benzoxazol-7-il)metil]-3,5-dicloro-L-tirosina
inhibidor del transportador 1 de aminoácidos L (LAT1), antineoplásico

C₂₃H₁₉Cl₂N₃O₄

1037592-40-7



navtemadlinum

navtemadlin

{{(3*R*,5*R*,6*S*)-5-(3-chlorophenyl)-6-(4-chlorophenyl)-3-methyl-1-[(2*S*)-3-methyl-1-(propane-2-sulfonyl)butan-2-yl]-2-oxopiperidin-3-yl}acetic acid
E3 ubiquitin-protein ligase Mdm2 (Hdm2) inhibitor, antineoplastic

navtémadline

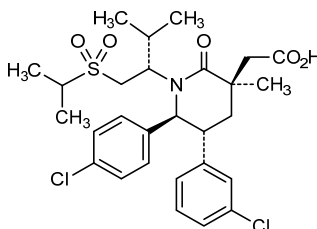
acide {(3*R*,5*R*,6*S*)-5-(3-chlorophényl)-6-(4-chlorophényl)-3-méthyl-1-[(2*S*)-3-méthyl-1-(propane-2-sulfonyl)butan-2-yl]-2-oxopipéridin-3-yl}acétique
inhibiteur de l'ubiquitine-protéine ligase E3 Mdm2, antinéoplasique

navtemadlina

ácido {(3*R*,5*R*,6*S*)-5-(3-clorofenil)-6-(4-clorofenil)-3-metil-1-[(2*S*)-3-metil-1-(propano-2-sulfonyl)butan-2-il]-2-oxopiperidin-3-il}acético
inhibidor de ubiquitina-proteína ligasa E3 Mdm2, antineoplásico

C₂₈H₃₅Cl₂NO₅S

1352066-68-2

**nemtabrutinibum**

nemtabrutinib

(1³*R*,1⁶*S*)-5²-chloro-1⁶-(hydroxymethyl)-3⁷*H*-6-oxa-2-aza-3(4,5)-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidina-1(3)-oxana-5(1,4),7(1)-dibenzenaheptaphan-4-one
Bruton's tyrosine kinase inhibitor

nemtabrutinib

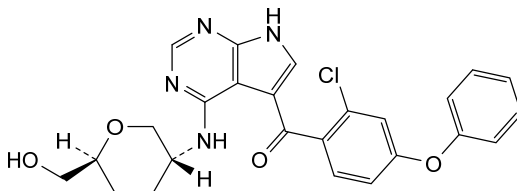
(1³*R*,1⁶*S*)-5²-chloro-1⁶-(hydroxyméthyl)-3⁷*H*-6-oxa-2-aza-3(4,5)-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidina-1(3)-oxana-5(1,4),7(1)-dibenzénaheptaphan-4-one
inhibiteur de la tyrosine kinase de Bruton

nemtabrutinib

(1³*R*,1⁶*S*)-5²-cloro-1⁶-(hidroximetil)-3⁷*H*-6-oxa-2-aza-3(4,5)-pirrolo[2,3-*d*]pirimidina-1(3)-oxana-5(1,4),7(1)-dibencenaheptafan-4-ona
inhibidor de la tirosina kinasa de Bruton

C₂₅H₂₃ClN₄O₄

2095393-15-8



nendratareotidum

nendratareotide

S^2, S^7 -cyclo(D-phenylalanyl-L-cysteinyl-L-tyrosyl-D-tryptophyl-L-lysyl-L-threonyl-L-cysteinyl-L-cysteinamide)
somatostatin analogue

nendrataréotide

S^2, S^7 -cyclo(D-phénylalanyl-L-cystéinyl-L-tyrosyl-D-tryptophyl-L-lysyl-L-thréonyl-L-cystéinyl-L-cystéinamide)
analogue de la somatostatine

nendratareotida

S^2, S^7 -ciclo(D-fenilalanil-L-cisteinil-L-tirosil-D-triptofil-L-lisil-L-treonil-L-cisteinil-L-cisteinamide)
análogo de la somatostatina

 $C_{48}H_{63}N_{11}O_{10}S_3$

2251119-65-8

H-D-Phe—Cys— $\overbrace{\text{Tyr—D-Trp—Lys—Thr—Cys}}^{\text{—}}\text{—NH}_2$

nendratareotidum uzatansinum

nendratareotide uzatansine

S^2, S^7 -cyclo[D-phenylalanyl-L-cysteinyl-L-tyrosyl-D-tryptophyl-L-lysyl-L-threonyl-L-cysteinyl-3-[(3-[[[(2S)-1-[[[(1⁴S, 1⁶S, 2R, 3²S, 3³S, 4S, 10E, 12E, 14R)-8⁶-chloro-1⁴-hydroxy-8⁵, 14-dimethoxy-2, 3³, 7, 10-tetramethyl-1², 6-dioxo-7-aza-1(6, 4)-[1, 3]oxazinana-3(2, 3)-oxirana-8(1, 3)-benzenacyclotetradecaphane-10, 12-dien-4-yl]oxy}-1-oxopropan-2-yl](methyl)amino)-3-oxopropyl)disulfanyl]-L-alaninamide}
cytotoxic agent targeting somatostatin receptor-expressing cells

nendrataréotide uzatansine

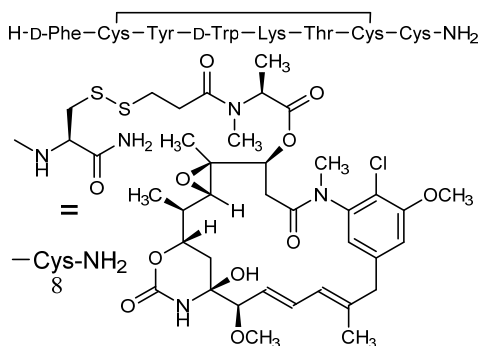
S^2, S^7 -cyclo[D-phénylalanyl-L-cystéinyl-L-tyrosyl-D-tryptophyl-L-lysyl-L-thréonyl-L-cystéinyl-3-[(3-[[[(2S)-1-[[[(1⁴S, 1⁶S, 2R, 3²S, 3³S, 4S, 10E, 12E, 14R)-8⁶-chloro-1⁴-hydroxy-8⁵, 14-diméthoxy-2, 3³, 7, 10-tétraméthyl-1², 6-dioxo-7-aza-1(6, 4)-[1, 3]oxazinana-3(2, 3)-oxirana-8(1, 3)-benzénacyclotétradecaphane-10, 12-dién-4-yl]oxy}-1-oxopropan-2-yl](méthyl)amino)-3-oxopropyl)disulfanyl]-L-alaninamide}
agent cytotoxique ciblant des cellules exprimant les récepteurs de la somatostatine

nendratareotida uzatansina

S^2, S^7 -ciclo[D-fenilalanil-L-cisteinil-L-tirosil-D-triptofil-L-lisil-L-treonil-L-cisteinil-3-[(3-[[[(2S)-1-[[[(1⁴S, 1⁶S, 2R, 3²S, 3³S, 4S, 10E, 12E, 14R)-8⁶-cloro-1⁴-hidroxi-2, 3³, 7, 10-tetrametil-8⁵, 14-dimetoxi-1², 6-dioxo-7-aza-1(6, 4)-[1, 3]oxazinana-3(2, 3)-oxirana-8(1, 3)-bencenacicotetradecafano-10, 12-dien-4-il]oxi}-1-oxopropan-2-il](metil)amino)-3-oxopropil)disulfanil]-L-alaninamida}
agente citotóxico dirigido a las células que expresan receptores de la somatostatina

$C_{83}H_{109}ClN_{14}O_{20}S_4$

1853254-97-3

**nilofabacinum**

nilofabacin

1-[(3-amino-2-methylphenyl)methyl]-4-[2-(thiophen-2-yl)ethoxy]pyridin-2(1H)-one
enoyl-acyl carrier protein (ACP) reductase (FabL) inhibitor, antibacterial

nilofabicine

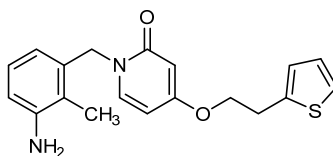
1-[(3-amino-2-méthylphényl)méthyl]-4-[2-(thiophén-2-yl)éthoxy]pyridin-2(1H)-one
inhibiteur de la réductase de la protéine de transport de l'énole-acyle, antibactérien

nilofabicina

1-[(3-amino-2-metilfenil)metil]-4-[2-(tiofen-2-il)etoxil]piridin-2(1H)-ona
inhibidor de la reductasa de la proteína transportadora de enoilo-acilo, antibacteriano

 $C_{19}H_{20}N_2O_2S$

934628-27-0

**ninerafaxstatum**

ninerafaxstat

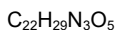
2-{4-[(2,3,4-trimethoxyphenyl)methyl]piperazin-1-yl}ethyl pyridine-3-carboxylate
3-ketoacyl-CoA thiolase inhibitor

ninérafaxstat

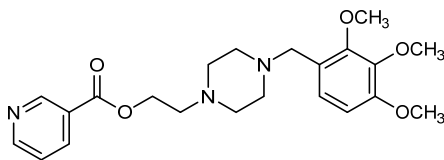
pyridine-3-carboxylate de 2-{4-[(2,3,4-triméthoxyphényl)méthyl]pipérazin-1-yl}éthyle
inhibiteur de la 3-cétoacyl-coenzyme-A thiolase

nineraxfaxstat

piridina-3-carboxilato de 2-{4-[(2,3,4-trimetoxifenil)metil]piperazin-1-il}etilo
inhibidor de 3-cetoacil-CoA tiolasa



2254741-41-6

**nivadstrocelum**

nivadstrocel

Allogeneic mesenchymal stromal cells derived from subcutaneous adipose tissue collected by liposuction. The cells are isolated from the adipose tissue by enzymatic digestion and are expanded in a three-dimensional hydrogel matrix with scaffold structure. The cells express cell surface markers CD105 and CD90 ($\geq 95\%$), lack cell surface expression ($< 2\%$ positive) of CD45, CD34, and do not express T cell co-stimulatory molecules CD40, CD80 or CD86 and major histocompatibility complex (MHC) class II (HLA-DR). The cells also secrete various growth factors (e.g. insulin-like growth factor (IGF), hepatocyte growth factor (HGF) and vascular endothelial growth factor (VEGF)) and express extracellular matrix proteins, in particular collagen type VII.

cell therapy

nivadstrocel

Cellules stromales mésenchymateuses allogéniques dérivées du tissu adipeux sous-cutané recueillies par liposuction. Les cellules ont été isolées du tissu adipeux par digestion enzymatique et ont été expansées dans une matrice d'hydrogel tridimensionnelle avec une structure d'échafaudage. Les cellules expriment les marqueurs cellulaires de surface CD105 et CD90 ($\geq 95\%$), présentent une absence d'expression à la surface cellulaire ($< 2\%$ positive) de CD45, CD34, et n'expriment pas les molécules co-stimulatrices des lymphocytes T CD40, CD80 ou CD86 ainsi que le complexe majeur d'histocompatibilité (MHC) de classe II (HLA-DR). Les cellules sécrètent aussi différents facteurs de croissance (p. ex. le facteur de croissance analogue à l'insuline (IGF), le facteur de croissance des hépatocytes (HGF) et le facteur de croissance de l'endothélium vasculaire (VEGF)) et expriment des protéines de la matrice extracellulaire, en particulier le collagène de type VII.

thérapie cellulaire

nivadstrocel

Células estromales mesenquimales alogénicas derivadas de tejido adiposo subcutáneo obtenido por liposucción. Las células se aíslan del tejido adiposo mediante digestión enzimática y se expanden en una matriz tridimensional de hidrogel con estructura de andamiaje. Las células expresan los marcadores de superficie CD105 y CD90 ($\geq 95\%$), carecen de expresión en la superficie celular ($< 2\%$ positivo) de CD45, CD34 y no expresan las moléculas coestimuladoras de linfocitos T CD40, CD80 o CD86 ni complejo principal de histocompatibilidad (MHC) clase II (HLA-DR). Las células también secretan varios factores de crecimiento (por ejemplo el factor de crecimiento similar a insulina (IGF), el factor de crecimiento de hepatocitos (HGF) y el factor de crecimiento del endotelio vascular (VEGF)) y expresan proteínas de la matriz extracelular, en particular colágeno tipo VII.

terapia celular

nivatrotamabum #
nivatrotamab

immunoglobulin G1-kappa anti-[*Homo sapiens* GD2 (ganglioside GD2)], each kappa chain being fused to a scFv anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], monoclonal antibody, bispecific; gamma1 heavy chain anti-GD2 (1-449) [VH (*Mus musculus* IGHV2-9*02 (79.2%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (91.7%) A128>S (119)/*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (72.2%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*08p (100%), G1m3,1, G1v29 CH2 A84.4, G1v20 CH2 A105 (CH1 R120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 N84.4>A (299), K105>A (324) (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-211')-disulfide with kappa light chain anti-GD2 fused to scFv anti-CD3E (1'-484') [kappa light chain anti-GD2 (1'-211') [V-KAPPA anti-GD2 (*Mus musculus* IGKV6-32*02 (84.9%) -(IGHD) -IGKJ2*03 (90.0%) S120>Q (97)/*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (78.9%) -IGKJ2*03 (100%)) CDR-IMGT [6.3.6] (27-32.50-52.89-94) (1'-104') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (150), V101 (188) (105'-211')]-17-mer threonyl-seryl-tris(tetraglycyl-seryl) linker (212'-228') -scFv heavy-kappa anti-CD3E (229'-484') [VH anti-CD3E G49>C (272), C114>S (333) (*Homo sapiens* IGHV3-30*10 (70.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%) L123>P (342)) CDR-IMGT [8.8.12] (254-261.279-286.325-336) (229'-347') -30-mer hexakis(tetraglycyl-seryl) linker (348'-377') -V-KAPPA anti-CD3E (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (81.1%) -IGKJ2*02 (80.0%) Q120>C (476), E125>Q (481)) CDR-IMGT [5.3.9] (404-408.426-428.465-473) (378'-484')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, non-glycosylated
antineoplastique

nivatrotamab

immunoglobuline G1-kappa anti-[*Homo sapiens* GD2 (ganglioside GD2)], chaque chaîne kappa étant fusionnée à un scFv anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticorps monoclonal, bispécifique; chaîne lourde gamma1 anti-GD2 (1-449) [VH (*Mus musculus* IGHV2-9*02 (79.2%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (91.7%) A128>S (119)/*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (72.2%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*08p (100%), G1m3,1, G1v29 CH2 A84.4, G1v20 CH2 A105 (CH1 R120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 N84.4>A (299), K105>A (324) (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-211')-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-GD2 fusionnée au scFv anti-CD3E (1'-484') [chaîne légère kappa anti-GD2 (1'-211') [V-KAPPA anti-GD2 (*Mus musculus* IGKV6-32*02 (84.9%) -(IGHD) -IGKJ2*03 (90.0%) S120>Q (97)/*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (78.9%) -IGKJ2*03 (100%)) CDR-IMGT [6.3.6] (27-32.50-52.89-94) (1'-104') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (150), V101 (188) (105'-211')]-17-mer thréonyle-séryl-tris(tétraglycyl-séryl linker) (212'-228') -scFv lourd-kappa anti-CD3E (229'-484') [VH anti-CD3E G49>C (272), C114>S (333) (*Homo sapiens* IGHV3-30*10 (70.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%) L123>P (342)) CDR-IMGT [8.8.12] (254-261.279-286.325-336) (229'-347') -30-mer hexakis(tétraglycyl-séryl linker) (348'-377') -V-KAPPA anti-CD3E (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (81.1%) -IGKJ2*02 (80.0%) Q120>C (476), E125>Q (481)) CDR-IMGT [5.3.9] (404-408.426-428.465-473) (378'-484')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), non-glycosylé
antineoplasique

nivatrotamab

inmunoglobulina G1-kappa anti-[*Homo sapiens* GD2 (gangliósido GD2)], cada cadena kappa estando fusionada a un scFv anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 épsilon, Leu-4)], anticuerpo monoclonal, biespecífico;

cadena pesada gamma1 anti-GD2 (1-449) [VH (*Mus musculus* IGHV2-9*02 (79.2%) -IGHD) -IGHJ3*01 (91.7%) A128>S (119)/*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (72.2%) -IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)] CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*08p (100%), G1m3.1, G1v29 CH2 A84.4, G1v20 CH2 A105 (CH1 R120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 N84.4>A (299), K105>A (324) (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-211')-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-GD2 fusionada con scFv anti-CD3E (1'-484') [cadena ligera kappa anti-GD2 (1'-211' [V-KAPPA anti-GD2 (*Mus musculus* IGKV6-32*02 (84.9%) -IGHD) -IGKJ2*03 (90.0%) S120>Q (97)/*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (78.9%) -IGKJ2*03 (100%)] CDR-IMGT [6.3.6] (27-32.50-52.89-94) (1'-104') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (150), V101 (188) (105'-211')]-17-mer treonil-seril-tris(tetraglicil-seril) linker (212'-228') -scFv pesado-kappa anti-CD3E (229'-484') [VH anti-CD3E G49>C (272), C114>S (333) (*Homo sapiens* IGHV3-30*10 (70.4%) -IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%) L123>P (342)] CDR-IMGT [8.8.12] (254-261.279-286.325-336) (229'-347') -30-mer hexakis(tetraglicil-seril) linker (348'-377') -V-KAPPA anti-CD3E (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (81.1%) -IGKJ2*02 (80.0%) Q120>C (476), E125>Q (481)) CDR-IMGT [5.3.9] (404-408.426-428.465-473) (378'-484')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), no glicosilado

antineoplásico

2278244-14-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVESGPG VVQPGRLRI SCAVSGFSVT NYGVHWVRQP PGKGLEWLGV 50
 IWAGGITNIN SAFMSRLTIS KDNSKNTVYL QMNSLRAEDT AMYICASRG 100
 HYGYALDYWG QGTLVTSSA STKGPSVFLP APSKSTSGG TAALGCLVKD 150
 YFPEPVTISW NSGALTSGVH TTPAVLQSSG LYSLSVTVV PSSLTGTQY 200
 ICNVNKKFSN TKVDKRVPEK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250
 DTLMIKRTPE VTCVVDVSH EDPEVKFNMY VDGVEVHNAK TKPREEQYAS 300
 TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCAVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
 YTLFPPSRDEL TRNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
 DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

EIVMTQTPAT LSVSAGERVT ITCKASQSVS NDTVWYQQPK GQAPRLIYS 50
 ASNRYSGVPA RFGSGGYGTE FTFTISSVQS EDFAVYFCQK DYSSFGQGTK 100
 LEIKRTVAAP SVFIFFPSDE QLKSGTASV CLNNFYPRE AKVQWVDNA 150
 LQSGNSQESV TEQDSKDSYI SLSTLTLSK ADYEKHKVYA CEVTHQGLSS 200
 PVTKSFNRGE CTSGGGGSGG GSGGGGSGV QLVQSGGGV QPGRSLRLSC 250
 KASGYTFTRY TMHWVRQAPG KCLEWIGYIN PSRGYTNYNQ KFKDRFTISR 300
 DNSKNTAFIQ MDSLRPEDTG VYFCARYDD HYSLDYWGQG TPTVSSGGG 350
 GSGGGGSGG GSGGGGSGG GSGGGGSDIQ MTQSPSSLAS SVGDRVTITC 400
 SASSTVSVMN WYQQTPGKAP KRWIYDTSLK ASGVPSRFSG SGSGTDYTF 450
 ISSLPEDIA TYQQQWSSN PFTFGCGTKL QITR 484

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-95" 146"-202" 263"-323" 369"-427"
 22"-95" 146"-202" 263"-323" 369"-427"
 Intra-L (C23-C104) 23"-88" 131"-191" 250"-324" 400"-464"
 23"-88" 131"-191" 250"-324" 400"-464"
 Intra-L (scFv VH C49 -VL IGKJ C120) 272'-476"
 272"-476"
 Inter-H-L (h 5-CL 126) 222'-211" 222"-211"
 Inter-H-H (h 11, h 14) 228'-228" 231'-231"

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamy (pE, 5-oxoprolyl)

L VH Q1:
 1, 1"

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación

CH2 N84.4>A:
 299, 299"

Aglycosylated

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2:
 449, 449"

ocarocoxibum

ocarocoxib

rac-(2*R*)-6-(trifluoromethoxy)-2-(trifluoromethyl)-2*H*-1-benzopyran-3-carboxylic acid
non-steroidal anti-inflammatory (veterinary use)

ocarocoxib

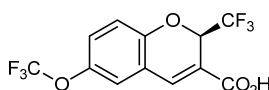
acide *rac*-(2*R*)-6-(trifluorométhoxy)-2-(trifluorométhyl)-2*H*-1-benzopyrane-3-carboxylique
anti-inflammatoire non-stéroïdien (usage vétérinaire)

ocarocoxib

ácido *rac*-(2*R*)-2-(trifluorometil)-6-(trifluorometoxi)-2*H*-1-benzopirano-3-carboxílico
antiinflamatorio no esteroide (uso veterinario)

C₁₂H₆F₆O₄

215122-22-8



and enantiomer
 et énantiomère
 y enantiómero

onilcamotidum

onilcamotide

RhoC (Rho-related GTP-binding protein RhoC, Ras homolog gene family member C protein) proprotein C-terminal (174-193)-peptide:

L-alanyl-L-threonyl-L-arginyl-L-alanylglycyl-L-leucyl-L-glutaminyl-L-valyl-L-arginyl-L-lysyl-L-asparaginyl-L-lysyl-L-arginyl-L-arginyl-L-arginylglycyl-L-cysteinyl-L-prolyl-L-isoleucyl-L-leucine

immunological agent for active immunization, antineoplastic

onilcamotide

peptide 174-193 C-terminal de la proprotéine de RhoC (protéine RhoC de liaison au GTP RhoC apparentée à Rho, membre C des protéines de la famille de gènes homologues Ras):

L-alanyl-L-thréonyl-L-arginyl-L-alanylglycyl-L-leucyl-L-glutaminyl-L-valyl-L-arginyl-L-lysyl-L-asparaginyl-L-lysyl-L-arginyl-L-arginyl-L-arginylglycyl-L-cystéinyl-L-prolyl-L-isoleucyl-L-leucine

agent immunologique permettant une immunisation active, antinéoplasique

onilcamotida

péptido 174-193 C-terminal de la proproteína del RhoC (proteína RhoC de unión a GTP relacionada con Rho, miembro C de proteínas en la familia de genes homólogos Ras):

L-alanil-L-treonil-L-arginil-L-alanilglicil-L-leucil-L-glutaminil-L-valil-L-arginil-L-lisil-L-asparaginil-L-lisil-L-arginil-L-arginil-L-arginilglicil-L-cisteinil-L-proil-L-isoleucil-L-leucina

agente inmunológico para inmunización activa, antineoplásico

$C_{96}H_{177}N_{39}O_{24}S$

1164096-85-8

H-Ala-Thr-Arg-Ala-Gly-Leu-Gln-Val-Arg-Lys-
 10
 Asn-Lys-Arg-Arg-Arg-Gly-Cys-Pro-Ile-Leu-OH
 20

onzigolidum

onzigolide

S^2, S^7 -cyclo[N^2, N^6 -bis({[(6-propylergolin-8 β -yl)methyl]sulfanyl}acetyl)-D-lysyl-L-cysteinyl-L-tyrosyl-D-tryptophyl-L-lysyl-(2S)-2-aminobutanoyl-L-cysteinyl-L-threoninamide]
somatostatin analogue and dopamine receptor agonist

onzigolide

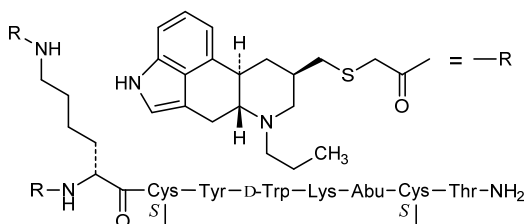
S^2, S^7 -cyclo[N^2, N^6 -bis({[(6-propylergolin-8 β -yl)méthyl]sulfanyl}acétyl)-D-lysyl-L-cystéinyl-L-tyrosyl-D-tryptophyl-L-lysyl-(2S)-2-aminobutanoyl-L-cystéinyl-L-thréoninamide]
analogue de la somatostatine et agoniste des récepteurs dopaminergiques

onzigolida

S^2, S^7 -ciclo[N^2, N^6 -bis({[(6-propilergolin-8 β -il)metil]sulfanil}acetil)-D-lisil-L-cisteinil-L-tirosil-D-triptofil-L-lisil-(2S)-2-aminobutanoil-L-cisteinil-L-treoninamida]
análogo de la somatostatina y agonista de los receptores de la dopamina

 $C_{86}H_{116}N_{16}O_{12}S_4$

778630-77-6

**opelconazolum**

opelconazole

(6 $^2R, 6^4R$)-6 2 -(2,4-difluorophenyl)- N -(4-fluorophenyl)-3 3 -methyl-4-oxa-2(1,4)-piperazina-8(1)-[1,2,4]triazola-6(4,2)-oxolana-1(1),3(1,4)-dibenzenaocetaphane-1 4 -carboxamide
antifungal

opelconazole

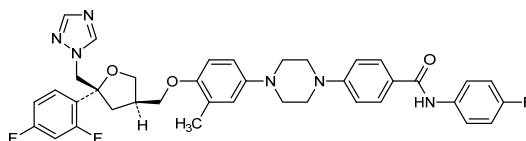
(6 $^2R, 6^4R$)-6 2 -(2,4-difluorophényl)- N -(4-fluorophényl)-3 3 -méthyl-4-oxa-2(1,4)-pipérazina-8(1)-[1,2,4]triazola-6(4,2)-oxolana-1(1),3(1,4)-dibenzénaocetaphane-1 4 -carboxamide
antifongique

opelconazol

(6 $^2R, 6^4R$)-6 2 -(2,4-difluorofenil)- N -(4-fluorofenil)-3 3 -metil-4-oxa-2(1,4)-piperazina-8(1)-[1,2,4]triazola-6(4,2)-oxolana-1(1),3(1,4)-dibencenaocetafano-1 4 -carboxamida
antifúngico

$C_{38}H_{37}F_3N_6O_3$

1931946-73-4



ordesekimabum #
ordesekimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL15 (interleukin 15, IL-15)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*08p (100%), G1m3,1 (CH1 R120 (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), E14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (97.9%) -IGKJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [7.3.8] (27-33.51-53.90-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (227-227'':230-230'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator

ordésékimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL15 (interleukine 15, IL-15)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*08p (100%), G1m3,1 (CH1 R120 (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), E14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (97.9%) -IGKJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [7.3.8] (27-33.51-53.90-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (227-227'':230-230'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur

ordesekimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL15 (interleukina 15, IL-15)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*08p (100%), G1m3,1 (CH1 R120 (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), E14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (97.9%) -IGKJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [7.3.8] (27-33.51-53.90-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (227-227'':230-230'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
inmunomodulador

2394931-19-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada			
EVQLVQSGAE	VKKPGESLKI	SCKVSGYFFT	TYWIGWVRQM PGKGLEYMGI 50
IYPGDSSTRY	SPSFQGQVTI	SADKSIATAY	LQWSSLKASD TAMYICARGG 100
NWNCFDYWGQ	GTLVTSSAS	TGKPSVFPLA	PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEFPTVSWN	SGALTSGVHT	FPAVLQSSGL	YSLSSVTVP SSSLGTLQTYI 200
CNVNHKPSNT	KVDKRVPEKS	CDKTHTCPPC	PAPELLGGES VFLFPPKPKD 250
TLMISTRTEV	TCVVVDVSHE	DPEVKFNWYV	DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL	HQDWLNGKEY	KCKVSNKALP	APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSRDELDT	KNQVSLTCLV	KGFYPSDIAV	EWESNGQPEN NYKTTTPPVL 400
SDGSFFLYSK	LTVDKSRWQQ	GNVFSCSVMH	EALHNNHYTK SLSLSPGK 448
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera			
EIVLTQSPGT	LSLSPGERAT	LSCRASQSVS	SSYLAWYQOK PGQAPRLLIY 50
GASRRATGIP	DRFSGGSGST	DFTLTISRLE	PEDFAVYCYQ RYGSSHTFGQ 100
GTKLEISRTV	AAPSVFIIPP	SDEQLKSGTA	SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ	ESVTEQDSKD	STYSLSTLT	LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN	RGECL		214
Post-translational modifications			
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro			
Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426			
22-96 145-201 262-322 368-426			
Intra-L (C23-C104) 23-89 134-194			
23-89 134-194			
Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-214 221-214			
Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227 230-230			
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación			
H CH2 N84.4:			
298, 298			
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.			
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal			
H CHS K2:			
448, 448			

oremepерminum alfa #
oremepерmin alfa

human hepatocyte growth factor isoform 3 (HGF3, hepatopoietin A isoform 3, five amino acid-deleted variant of hepatocyte growth factor, dHGF), heterodimer (alpha and beta chains), glycosylated, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells; hepatocyte growth factor isoform 3 (*Homo sapiens* HGF3, hepatopoietin A isoform 3, des[SFLPS (130-134)]-hepatocyte growth factor, dHGF), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
hepatocyte growth factor

orémépermine alfa

isoforme 3 du facteur de croissance des hépatocytes humains (HGF3, isoforme 3 de l'hépatopoïétine A, variant du facteur de croissance des hépatocytes avec cinq acides aminés supprimés, dHGF), hétérodimère (chaînes alpha et bêta), glycosylée, produite dans des cellules ovariennes de hamster (CHO); isoforme 3 du facteur de croissance des hépatocytes (HGF3 d'*Homo sapiens*, isoforme 3 de l'hépatopoïétine A, dés[SFLPS (130-134)]-facteur de croissance des hépatocytes, dHGF), produite dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
facteur de croissance des hépatocytes

oremepерmina alfa

factor de crecimiento de hepatocitos humano isoforma 3 (HGF3, hepatopoyetina A isoforma 3, cinco aminoácidos eliminados variante del factor de crecimiento de hepatocitos, dHGF), heterodímero (cadenas alfa y beta), glicosilado, producido en células ováricas de hámster chino (CHO); factor de crecimiento de hepatocitos, isoforma 3 (HGF3 de *Homo sapiens*, isoforma 3 de hepatopoyetina A, des[SFLPS (130-134)]-factor de crecimiento de hepatocitos, dHGF), producido en células ováricas de hámster chino (CHO), glicoforma alfa
factor de crecimiento de los hepatocitos

2396744-46-8

α Chain / Chaîne α / Cadena α

RRKRNTTIE	FKKKKQVTL	KIDPALKKTK	KKVNADTQCA	NRCTNRKGLP	500
FTCKAFVDFK	ARKQCLWFFP	SSMSGVKIKE	FGYDITNIE	KDYINRITCIG	1000
KGKRSYGVDF	ITKSGIKQCP	WSSMIPEHS	YRGKGLDITN	CNRNPGEERG	1500
PCWCTSNPEV	RYEVCDDPIL	SEVEVCTNCT	ESYGLYMDTH	ESGKICQRWD	2000
QDTPHRHKFL	PERYVDPKGD	FNDCRYNPDQ	PRWVCTYCTD	HTRWECYAIK	2500
TCADTNTMND	VDPLETTETK	QCGQCEYGRY	VTWINGNIPG	QRWDSQYPHE	3000
HDGTFENECR	KDLRENYCRN	PDGSESPFWD	TDTPNIRYRG	CSQIPNDCMS	3500
QWQDQCYRNG	KNYMGNLSLT	RSGLTSCMWD	KNMDEDLHRI	FPEWPAKSLN	4000
ENYCRNPPDD	AHGFWCYTGN	PLIPWDYCPI	SRCEGDTTPT	IVNLDHPIVS	4500
CACTKQIR.					4558

β Chain / Chaîne β / Cadena β

VVNGIGPTRTN	IGWMLSLRYR	NKHICGGS LI	KESWVLTARQ	CFPSRDLKDY	50
EAWLGIHDVH	GRGDEKCKQV	LNVSQVLVYP	EGSDLVLMKL	ARPAVLDDFV	100
STIDLPNYGC	TIPEKTSCSV	YGWGYTGLIN	YDGLLRVAHL	YIMGNEKCSQ	150
HRRGKVTLNE	SEICAGAEEKI	GSGPGCEDYG	GPLVCEQHKM	RMVLGVIVPE	200
RGCAIPNPRG	IFVRVAYYAK	WIHKILTYLT	VPOS		234

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra- α 39-65, 43-53, 97-170, 118-153, 141-165, 175-252, 196-235, 224-247, 269-347, 290-329, 318-341, 355-433, 376-416, 404-428

Intra- β	25'-41', 118'-185', 148'-164', 175'-203'
----------------	--

Intra- β	25-41, 1
Inter- α - β	451-110'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

 α N258, α N366, β N72, β N159

O-glycosylation sites / Sites de O-glycosylation / Posiciones de O-glicosilación

 α T440**orludodstatum**

orlyudodstat

N-(2-chloro-6-fluorophenyl)-4-[4-ethyl-3-(hydroxymethyl)-5-oxo-4,5-dihydro-1*H*-1,2,4-triazol-1-yl]-5-fluoro-2-[[[(2*S*)-1,1,1-trifluoropropan-2-yl]oxy]benzamide
dihydroorotate dehydrogenase (DHODH) inhibitor

orludodstat

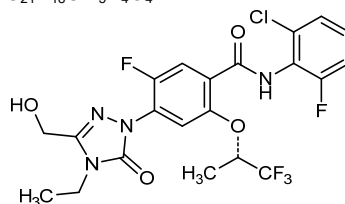
N-(2-chloro-6-fluorophényl)-4-[4-éthyl-3-(hydroxyméthyl)-5-oxo-4,5-dihydro-1*H*-1,2,4-triazol-1-yl]-5-fluoro-2-[(2*S*)-1,1,1-trifluoropropan-2-yl]oxy]benzamide
inhibiteur de la dihydroorotate déshydrogénase (DHODH)

orludodstat

N-(2-cloro-6-fluorofenil)-4-[4-etil-3-(hidroximetil)-5-oxo-4,5-dihidro-1*H*-1,2,4-triazol-1-il]-5-fluoro-2-[[[(2*S*)-1,1,1-trifluoropropan-2-il]oxi]benzamida
inhibidor de la dihidroorotato deshidrogenasa (DHODH)

$$\text{C}_{21}\text{H}_{18}\text{ClF}_5\text{N}_4\text{O}_4$$

2225819-06-5



osugacestatum

osugacestat

(2*R*,3*S*)-*N*¹-[(3*S*)-1-méthyl-2-oxo-5-phényl-2,3-dihydro-1*H*-1,4-benzodiazépin-3-yl]-2,3-bis(3,3,3-trifluoropropyl)butanediamide
gamma-secretase inhibitor

osugacestat

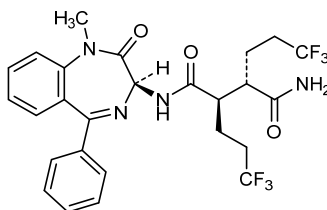
(2*R*,3*S*)-*N*¹-[(3*S*)-1-méthyl-2-oxo-5-phényl-2,3-dihydro-1*H*-1,4-benzodiazépin-3-yl]-2,3-bis(3,3,3-trifluoropropyl)butanediamide
inhibiteur de la gamma-sécrétase

osugacestat

(2*R*,3*S*)-*N*¹-[(3*S*)-5-fenil-1-metil-2-oxo-2,3-dihydro-1*H*-1,4-benzodiazépin-3-il]-2,3-bis(3,3,3-trifluoropropil)butanodiamida
inhibidor de la gamma secretasa

C₂₆H₂₆F₆N₄O₃

1401066-79-2

**ozarlimogenum inteplasmidum #**

ozarlimogene inteplasmid

A DNA plasmid encoding *Streptococcus pyogenes* serotype M55 (emm55) cell surface protein (variant).

A DNA plasmid encoding *Streptococcus pyogenes* serotype M55 (emm55) cell surface protein [variant, with 98% identity to the original source isolate A928171 (X72090.1)] under the control of a human cytomegalovirus (CMV) enhancer/promoter and an SV40 polyA signal sequence. Absence of the original stop codon results in the addition of 15 C-terminal plasmid-encoded amino acid residues. The plasmid also contains a bacterial origin (ori) of replication, F1 bacteriophage origin of replication, the SV40 virus origin of replication and a NeoR/KanR resistance coding sequence under the control of AmpR/SV40 promoters and a Herpes simplex virus (HSV) thymidine kinase (TK) poly(A) signal.
gene therapy (antineoplastic)

ozarlimogène intéplasmide

Un plasmide d'ADN codant pour une protéine de surface cellulaire (variant) du *Streptococcus pyogenes* de sérotype M55 (emm55).

Un plasmide d'ADN codant pour une protéine de surface cellulaire du *Streptococcus pyogenes* de sérotype M55 (emm55) [variant, ayant une identité de 98% avec la source originelle de l'isolat A928171 (X72090.1)] sous le contrôle d'un activateur/promoteur du cytomégalovirus (CMV) humain et d'une séquence signal polyA SV40. L'absence du codon stop originel résulte de l'addition de 15 résidus d'acides aminés en C-terminal encodés par le plasmide. Le plasmide contient aussi une origine (ori) de réplication bactérienne, une origine de réplication du bactériophage F1, une origine de réplication du virus SV40 et une séquence codant une résistance NeoR/KanR sous le contrôle des promoteurs AmpR/SV40 et d'un signal poly(A) de la thymidine kinase (TK) du virus Herpès simplex (HSV).
thérapie génique (antinéoplasique)

ozarlimogén inteplásmido

Un plásmido de DNA que codifica para una variante de la proteína de superficie de *Streptococcus pyogenes* serotipo M55 (emm55).

Un plásmido de DNA que codifica para la proteína de superficie de *Streptococcus pyogenes* serotipo M55 (emm55) [variante, con un 98% de identidad con el aislado original A928171 (X72090.1)] bajo el control de un potenciador/promotor del citomegalovirus (CMV) humano y una secuencia señal polyA de SV40. La ausencia del codón de terminación original resulta en la adición a la región C-terminal de 15 residuos de aminoácidos codificados en el plásmido. El plásmido también contiene un origen de replicación (ori) bacteriano, un origen de replicación del bacteriófago F1, el origen de replicación del virus SV40 y una secuencia que codifica la resistencia NeoR/KanR, bajo el control de los promotores AmpR/SV40 y una señal poly(A) de la timidín quinasa (TK) del virus Herpes simplex (HSV).

terapia génica (antineoplásico)

2366304-08-5

pafolacianinum
pafolacianine

(2*E*,4³*E*,8*S*)-14²-amino-8-carboxy-4³-{[(2*E*)-2-[3,3-dimethyl-5-sulfo-1-(4-sulfobutyl)-1,3-dihydro-2*H*-indol-2-ylidene]ethylidene]-1³,1³-dimethyl-10,14⁴-dioxo-1¹-(4-sulfobutyl)-14³,14⁴-dihydro-1³*H*-5-oxa-9,12-diaza-14(6)-pteridina-1(2)-indola-6,11(1,4)-dibenzena-4(1,2)-cyclohexanetetradecaphane-2,4¹-dien-1¹-ium-1⁵-sulfonate

folate receptor-directing imaging agent

pafolacianine

(2*E*,4³*E*,8*S*)-14²-amino-8-carboxy-4³-{[(2*E*)-2-[3,3-diméthyl-5-sulfo-1-(4-sulfobutyl)-1,3-dihydro-2*H*-indol-2-ylidène]éthylidène)-1³,1³-diméthyl-10,14⁴-dioxo-1¹-(4-sulfobutyl)-14³,14⁴-dihydro-1³*H*-5-oxa-9,12-diaza-14(6)-ptéridina-1(2)-indola-6,11(1,4)-dibenzéna-4(1,2)-cyclohexanatétradécaphane-2,4¹-dién-1¹-ium-1⁵-sulfonate

agent de diagnostic dirigé vers le récepteur de folates

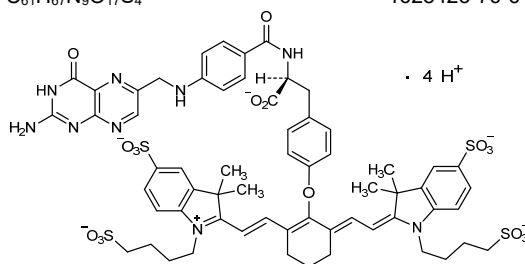
pafolacianina

(2*E*,4³*E*,8*S*)-14²-amino-8-carboxi-4³-{[(2*E*)-2-[3,3-dimetil-5-sulfo-1-(4-sulfobutil)-1,3-dihidro-2*H*-indol-2-ilideno]etilideno]-1³,1³-dimetil-10,14⁴-dioxo-1¹-(4-sulfobutil)-14³,14⁴-dihidro-1³*H*-5-oxa-9,12-diaza-14(6)-pteridina-1(2)-indola-6,11(1,4)-dibencena-4(1,2)-ciclohexanetetradecafano-2,4¹-dien-1¹-ium-1⁵-sulfonato

agente de diagnóstico guiado al receptor de folato

C₆₁H₆₇N₉O₁₇S₄

1628423-76-8



palopegteriparatidum
palopegteriparatide

human parathyroid hormone (PTH) synthetic peptide fragment (1-34), conjugated at the N-terminal amino group via a cleavable linker to O-methylpolyethylene glycol (2 x 20 kDa mPEG);
2-methylalanyl-(1-34)-peptide of parathyroid hormone (*Homo sapiens* parathyrin, parathormone, PTH) conjugated with O-methylpolyethylene glycol via a cleavable linker at the N-terminal amino group:
N-({2-[(6-[[[(3*RS*)-1-{3-[(3-[(2*E*)-2,3-bis[α-methylpoly(oxyethylene)-ω-oxy]propoxy}propyl)amino]-3-oxopropyl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl)sulfanyl]hexyl)amino]ethyl}carbamoyl)-2-methylalanyl-L-seryl-L-valyl-L-seryl-L-α-glutamyl-L-isoleucyl-L-glutamyl-L-leucyl-L-methionyl-L-histidyl-L-asparaginy-L-leucylglycyl-L-lysyl-L-histidyl-L-leucyl-L-asparaginy-L-seryl-L-methionyl-L-α-glutamyl-L-arginyl-L-valyl-L-α-glutamyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-arginyl-L-lysyl-L-lysyl-L-leucyl-L-glutamyl-L-α-aspartyl-L-valyl-L-histidyl-L-asparaginy-L-phenylalanine
parathyroid hormone

palopegteriparatide

fragment peptidique synthétique (1-34) de l'hormone parathyroïdienne humaine (HPT) conjugué au groupe aminé en N-terminal via un linker clivable au O-méthylpolyéthylène glycol (2 x 20 kDa mPEG);
2-méthylalanyl-(1-34)-peptide de l'hormone parathyroïdienne d'*Homo sapiens* (parathyrine, parathormone, PTH), conjugué à un O-méthylpoly-éthylène glycol via un linker clivable au groupe aminé en N-terminal:
N-({2-[(6-[[[(3*RS*)-1-{3-[(3-[(2*E*)-2,3-bis[α-méthylpoly(oxyéthylène)-ω-oxy]propoxy}propyl)amino]-3-oxopropyl]-2,5-dioxopyrrolidine-3-yl)sulfanyl]hexyl)amino]éthyl}carbamoyl)-2-méthylalanyl-L-séryl-L-valyl-L-séryl-L-α-glutamyl-L-isoleucyl-L-glutamyl-L-leucyl-L-méthionyl-L-histidyl-L-asparaginy-L-leucylglycyl-L-lysyl-L-histidyl-L-leucyl-L-asparaginy-L-séryl-L-méthionyl-L-α-glutamyl-L-arginyl-L-valyl-L-α-glutamyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-arginyl-L-lysyl-L-lysyl-L-leucyl-L-glutamyl-L-α-aspartyl-L-valyl-L-histidyl-L-asparaginy-L-phénylalanine
hormone parathyroïdienne

palopegteriparatida

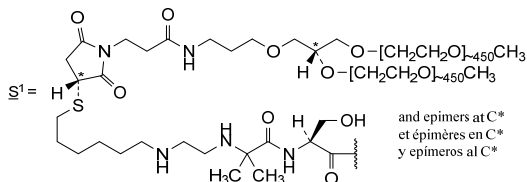
fragmento de péptido sintético (1-34) de la hormona paratiroidea humana (PTH) conjugado en el grupo amino N-terminal, a través de un enlace escindible, al glicol O-metilpolietileno (2 x 20 kDa mPEG);
2-metilalanil-péptido 1-34 de la hormona paratiroidiea del *Homo sapiens* (paratirina, parathormona, PTH), conjugado con O-metilpolietilenglicol a través de un grupo de unión separable escindible en el grupo amino N-terminal:
N-({2-[(6-[[[(3*RS*)-1-{3-[(3-[(2*E*)-2,3-bis[α-metilpoli(oxietileno)-ω-oxi]propoxi}propil)amino]-3-oxopropil]-2,5-dioxopirrolidin-3-il)sulfanil]hexil)amino]etil}carbamoil)-2-metilalanil-L-seril-L-valil-L-seril-L-α-glutamil-L-isoleucil-L-glutaminil-L-leucil-L-metionil-L-histidil-L-asparaginil-L-leucilglicil-L-lisil-L-histidil-L-leucil-L-asparaginil-L-seril-L-metionil-L-α-glutamil-L-arginil-L-valil-L-α-glutamil-L-triptofil-L-leucil-L-arginil-L-lisil-L-lisil-L-leucil-L-glutaminil-L-α-aspartil-L-valil-L-histidil-L-asparaginil-L-fenilalanina
hormona paratiroidea

$C_{209}H_{340}N_{60}O_{59}S_3(C_2H_4O)_{2n}$, $n \approx 450$ 222514-07-8
($2 \times \sim 20$ kDa)

Sequence / Séquence / Secuencia

SVSEIQLMHN LGKHLNSMER VEWLRKKLQD VHNF 34

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados



pebocotocogenum camaparvovecum

pebocotocogene camaparvovec

A non-replicating adeno-associated virus serotype hu37 (AAVhu37) vector encoding B-domain deleted human blood-coagulation factor VIII.

A recombinant, non-replicating, adeno-associated virus serotype hu37 (AAVhu37) vector, encoding a codon-optimised B-domain deleted SQ variant of human blood-coagulation factor VIII (hFVIII-SQ), under the control of a hybrid liver promoter (*Mus musculus* transthyretin enhancer-human transthyretin promoter) and a synthetic polyA signal sequence, flanked by AAV2 inverted terminal repeats; the A2 and A3 domains of hFVIII are linked by a DNA sequence encoding a 14-amino acid peptide (SQ) from the B domain.

gene therapy (haemophilia A)

pebocotocogène camaparvovec

Un vecteur du virus adéno-associé de sérotype hu37 (AAVhu37) non-répliquant codant le facteur VIII de coagulation sanguine humaine avec délétion du domaine B.

Un vecteur du virus adéno-associé de sérotype hu37 (AAVhu37) non-répliquant, recombinant, codant un variant SQ aux codons optimisés avec délétion du domaine B du facteur VIII de coagulation sanguine humaine (hFVIII-SQ), sous le contrôle d'un promoteur hybride de foie (activateur de la transthyréline de *Mus musculus* - promoteur de la transthyréline humaine) et d'une séquence signal polyA synthétique, flanquée de répétitions terminales inversées du AAV2; les domaines A2 et A3 du hFVIII sont liés par une séquence d'ADN codant un peptide (SQ) de 14 acides aminés provenant du domaine B.

thérapie génique (hémophilie A)

pebocotocogén camaparvovec

Un vector de virus adeno-asociado de serotipo hu37 (AAVhu37) no replicativo que codifica para el factor de coagulación sanguínea VIII humano con el dominio B delecionado.

Un vector de virus adeno-asociado de serotipo hu37 (AAVhu37) recombinante, no replicativo, que codifica una variante SQ con el dominio B delecionado del factor de coagulación sanguínea VIII humano (hFVIII-SQ), con

codones optimizados, bajo el control de un promotor híbrido de hígado (potenciador de transtiretina de *Mus musculus* - promotor de transtiretina humana) y una secuencia señal de polyA sintética, flanqueado por las repeticiones terminales invertidas de AAV2; los dominios A2 y A3 de hFVIII están ligados mediante una secuencia de DNA que codifica para un péptido de 14 aminoácidos (SQ) del dominio B.
terapia génica (hemofilia A)

2408734-39-2

pelgifatamabum corixetanum #

pelgifatamab corixetan

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLH1 (folate hydrolase, prostate specific membrane antigen, PSMA)], *Homo sapiens* monoclonal antibody conjugated to chelator *corixetan*; gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112) (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (220) (124-221), hinge 1-15 (222-236), CH2 (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-27*01 (94.7%) -IGKJ3*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (232-232":235-235")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1 cell line, glycoform alfa; conjugated to chelator *corixetan*, with an average of 0.8 chelator groups per antibody

For the *corixetan* part, please refer to the Proposed INN List 121, published in the WHO Drug Information, Vol.33, No.2, 2019.

antineoplastic

pelgifatamab corixétan

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLH1 (folate hydrolase, antigène membranaire spécifique de la prostate, PSMA)], anticorps monoclonal *Homo sapiens* conjugué au chélateur *corixétan*;

chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112) (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (220) (124-221), charnière 1-15 (222-236), CH2 (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-27*01 (94.7%) -IGKJ3*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (232-232":235-235")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa; conjugué au chélateur *corixétan*, avec une moyenne de 0.8 groupes chélateurs par anticorps

Pour la partie *corixétan*, veuillez-vous référer à la Liste 121 des DCI proposées, publiée dans le WHO Drug Information, Vol.33, No.2, 2019.

antineoplasique

pelgifatamab corixetán

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLH1 (folato hidrolasa, antígeno membranario específico de la próstata, PSMA)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens* conjugado con el quelante *corixetán*;

cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112) (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (220) (124-221), bisagra 1-15 (222-236), CH2 (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-27*01 (94.7%) -IGKJ3*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (232-232'':235-235'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa; conjugado con el quelante *corixetán*, con una media de 0.8 grupos quelantes por anticuerpo

Para la parte *corixetán*, por favor vaya a la Lista 121 de los DCI propuestas, publicada en el WHO Drug Information, Vol.33, No.2, 2019.
antineoplásico

2413858-99-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVESGGG VVQPGRSRLR SCAASGFAFS RYGMHWVRQA PGKGLEWVAV 50
IYWDGSKYY ADSVKGRFTI SRDNSKNTQY LQMNSLRAED TAVYYCARG 100
DFLYYYYYGM DVMQGGTIVT VSSASTKGFES VFELAPSSKKS TSGGTAALGC 150
LVKDYFPEPV TVSNWSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYSLS VVTVPSSSLG 200
TQTYICNVNH KPSNTKVDKR VEPKSCDKTH TCPPCPAPEL LGGPSVFLFP 250
FKPKDTLMIS RTPEVTCVVV DVSHEDPEVK FNWYVDGVEV HNAKTKPRE 300
QYNSTYRVVS VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKALPAIEK TISKARGQPR 350
EPQVYTLPPS REEMTKNQS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN GQFENNYKTT 400
FPVLDSGDSF FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSVMHEALHN HYTKSLSLS 450
FGK 453

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCRASQGIS NYLAWYQKQT GKVPKFLIYE 50
ASTLQSGVPS RFGSGSGSDT FTLTISLQP EDVATYYCQN YNSAPFTFGP 100
GTKVDIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYKHKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 150-206 267-327 373-431
22"-96" 150"-206" 267"-327" 373"-431"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 226-214' 226"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 232-232" 235-235"

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)

L VH Q1:

I, I"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

303, 303"

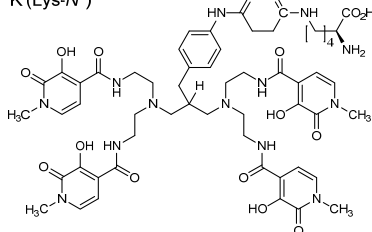
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2:

453, 453"

Potential modified residues / résidus modifiés potentiels / restos modificados potenciales:

K (Lys-N⁶)

plazinemdorum

plazinemdor

5-(3-chloro-4-fluorophenyl)-7-cyclopropyl-3-[2-(3-fluoro-3-methylazetidin-1-yl)-2-oxoethyl]-3,7-dihydro-4H-pyrrolo[2,3-d]pyrimidin-4-one
N-methyl-*D*-aspartate (NMDA) receptor positive allosteric modulator

plazinemdor

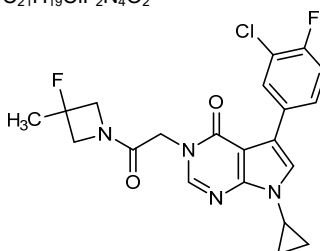
5-(3-chloro-4-fluorophényl)-7-cyclopropyl-3-[2-(3-fluoro-3-méthylazétidin-1-yl)-2-oxoéthyl]-3,7-dihydro-4H-pyrrolo[2,3-d]pyrimidin-4-one
modulateur allostérique positif du récepteur du N-méthyl-D-aspartate (NMDA)

plazinemdor

7-ciclopopil-5-(3-cloro-4-fluorofenil)-3-[2-(3-fluoro-3-metilazetidin-1-il)-2-oxoetil]-3,7-dihidro-4H-pirrol[2,3-d]pirimidin-4-ona
modulador alostérico positivo del receptor de N-metil-D-aspartato (NMDA)

C₂₁H₁₉ClF₂N₄O₂

2378285-59-5

**plonmarlimabum #**

plonmarlimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CSF2 (colony stimulating factor 2 (granulocyte-macrophage), GM-CSF, GMCSF)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain humanized (1-450) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-2*02 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%) M123>T (115)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-9*01 (78.9%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator

plonmarlimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CSF2 (facteur 2 stimulant les colonies (granulocyte-macrophage), GM-CSF, GMCSF)], anticorps monoclonal humanisé;

plonmarlimab

chaîne lourde gamma1 humanisée (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%) M123>T (115)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-9*01 (78.9%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (229-229'':232-232'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CSF2 (factor 2 estimulante de las colonias (granulocito-macrófago), GM-CSF, GMCSF)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 humanizada (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%) M123>T (115)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-9*01 (78.9%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (229-229'':232-232'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
inmunomodulador

2377482-36-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT SHYLHWVRQA PGQGLEWMGW 50
IPGDDDKTKY NEKFKGRVTM TSDTSISTAY MELSLRLSDD TAVVYCARGT 100
KYLNNWFDVW QGGTTVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVWT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTPEVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLNQDNLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV 400
LSDSGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQLTQSPSF LSASVGDRTV ITCKANQNVG TTLAWYQQKP GKSPKALIYS 50
ASYRYSQSPD RFGSGSGSDT FTLTISLQEP EDFATYFCHQ YTTYPLTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYKHKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214' 223"-214"

Inter-H-H (h 11, h14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenariós complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2:

450, 450"

ponsegromabum #

ponsegromab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* GDF15 (growth differentiation factor 15, PLAB, MIC-1, PDF, MIC1, NAG-1, PTGFB)], monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 R120>K (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 L1.3>A (237), L1.2>A (238), G1>A (240) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (91.6%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-K1SV cell line lacking the glutamine synthetase gene (GSKO), glycoform alfa
human growth differentiation factor 15 binder

ponségromab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* GDF15 (facteur 15 de croissance et de différenciation, PLAB, MIC-1, PDF, MIC1, NAG-1, PTGFB)], anticorps monoclonal;
 chaîne lourde gamma1 (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 R120>K (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 L1.3>A (237), L1.2>A (238), G1>A (240) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (91.6%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1SV ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GSKO), glycoforme alfa
ligand du facteur de différenciation de croissance 15 humain

ponsegromab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* GDF15 (factor 15 de crecimiento y de diferenciación, PLAB, MIC-1, PDF, MIC1, NAG-1, PTGFB)], anticuerpo monoclonal;
 cadena pesada gamma1 (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 R120>K (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 L1.3>A (237), L1.2>A (238), G1>A (240) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (91.6%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1SV en ausencia del gen glutamina sintetasa (GSKO), forma glicosilada alfa
ligando del factor de diferenciación de crecimiento 15 humano

2368950-15-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SKASGYTFS SYNIDWVRQA PGQGLEWMGG 50
 INPIFGTAFY NQKFGQGRVTI TADESTSTAY MELSSLRSED TAVVYCAREA 100
 ITTVGAMDHW GQGTLTVTSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
 DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
 YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTHCP PCPAPAEAGA PSVFLFPPKP 250
 KDTLMISRTF EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
 STYRVVSVLT VLHQDNLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
 VYTLPPSREE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTPPV 400
 LDSGGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALNNHYT QKSLSLSPG 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRTQSVH NYLAWYQQKP GQAPRLLIYD 50
 ASTRADGIPA RFGSGSGTD FTLTISLSEI EDFAVYVYCCQ FWSWPWTFGQ 100
 GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
 LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428

22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"

23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214' 223"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-terminal glutaminy cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl)

H VH Q1:

I, I"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados.

prusogliptinum

prusogliptin

(2*S*,4*S*)-4-fluoro-1-({[2-methyl-4-oxo-4-(pyrrolidin-1-yl)butan-2-yl]amino}acetyl)pyrrolidine-2-carbonitrile
dipeptidyl peptidase 4 (DPP4) inhibitor

prusogliptine

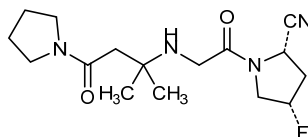
(2*S*,4*S*)-4-fluoro-1-({[2-méthyl-4-oxo-4-(pyrrolidin-1-yl)butan-2-yl]amino}acétyle)pyrrolidine-2-carbonitrile
inhibiteur de la dipeptidyle peptidase 4 (DPP4)

prusogliptina

(2*S*,4*S*)-4-fluoro-1-({[2-metil-4-oxo-4-(pirrolidin-1-il)butan-2-il]amino}acetil)pirrolidina-2-carbonitrilo
inhibidor de la dipeptidilo peptidasa 4 (DPP4)

C₁₆H₂₅FN₄O₂

1186426-66-3

**pucotenlimabum #**

pucotenlimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD1, PD-1, CD279)], monoclonal antibody;

	gamma4 heavy chain (1-445) [VH (<i>Mus musculus</i> IGHV5-9-2*01 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*04 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118)-<i>Homo sapiens</i> IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v22 CH2 T16, P91, CH3 A114 (CH1 (119-216), hinge 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 S16>T (252), V91>P (306) (229-338), CH3 N114>A (432) (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-218')-disulfide with kappa light chain (1'-218') [V-KAPPA (<i>Mus musculus</i> IGKV3-2*01 (92.9%) -IGKJ1*01 (100%)/<i>Homo sapiens</i> IGKV3D-11*02 (64.9%) -IGKJ4*01 (90.9%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (224-224":227-227")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
pucotenlimab	immunoglobuline G4-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma4 (1-445) [VH (<i>Mus musculus</i> IGHV5-9-2*01 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*04 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118)-<i>Homo sapiens</i> IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v22 CH2 T16, P91, CH3 A114 (CH1 (119-216), charnière 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 S16>T (252), V91>P (306) (229-338), CH3 N114>A (432) (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-218') [V-KAPPA (<i>Mus musculus</i> IGKV3-2*01 (92.9%) -IGKJ1*01 (100%)/<i>Homo sapiens</i> IGKV3D-11*02 (64.9%) -IGKJ4*01 (90.9%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (224-224":227-227")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
pucotenlimab	inmunoglobulina G4-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma4 (1-445) [VH (<i>Mus musculus</i> IGHV5-9-2*01 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*04 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118)-<i>Homo sapiens</i> IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v22 CH2 T16, P91, CH3 A114 (CH1 (119-216), bisagra 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 S16>T (252), V91>P (306) (229-338), CH3 N114>A (432) (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-218') [V-KAPPA (<i>Mus musculus</i> IGKV3-2*01 (92.9%) -IGKJ1*01 (100%)/<i>Homo sapiens</i> IGKV3D-11*02 (64.9%) -IGKJ4*01 (90.9%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (224-224":227-227")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa <i>immunomodulador, antineoplásico</i>

2403647-03-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVQSGGG LVQPGGSLKL SCAASGFTFS SYGMSWVRQA PGKGLDWVAT 50
ISGGGRDTYY PDSVKGRFTI SRDNSKNNLY LQMNSLRAED TALYYCARQK 100
GEAWFAYWGY GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PCSRSTSEST AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVTP SSSLGKTITYT 200
CNVDHKPSNT KVDKRVESKY GPFCPCPAP EFLGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
ITRTPEVTCV VVDVSQEDPE VQFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQFNSTYRV 300
VSVLTFLHQD WLNGKEYKCK VSNKGLPSSI EKTISKAKGQ PREPQVYTLF 350
PSQEEMTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
SFFLYSRLTV DKSRWQEGNV FSCSVMEAL HAHYTRKSL SLSLCK 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVLTQSPAS LAVSPGQRAT ITCRAESVD NYGISFMNWF QOKPGQPPKL 50
LIYAASNKGT GVPARFSGSG SGTDFTLNIN PMEENDTAMY FCQQSKEVPW 100
TFGGGKTLEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSL STLTLSKADY ERHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC 218

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22"-96" 145"-201" 259"-319" 365"-423"
22"-96" 145"-201" 259"-319" 365"-423"
Intra-L (C23-C104) 23"-92" 138"-198"
23"-92" 138"-198"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 132"-218" 132"-218"
Inter-H-H (h 8, h 11) 224"-224" 227"-227"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
295, 295"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:
445, 445"

pulrodemstatum
pulrodemstat

4-[2-(4-aminopiperidin-1-yl)-5-(3-fluoro-4-methoxyphenyl)-1-methyl-6-oxo-1,6-dihydropyrimidin-4-yl]-2-fluorobenzonitrile
lysine-specific histone demethylase 1 (LSD1) inhibitor, antineoplastic

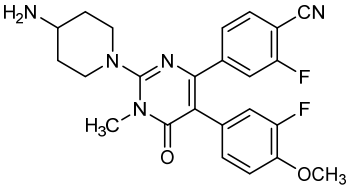
pulrodemstat

4-[2-(4-aminopipéridin-1-yl)-5-(3-fluoro-4-méthoxyphényl)-1-méthyl-6-oxo-1,6-dihydropyrimidin-4-yl]-2-fluorobenzonitrile
inhibiteur de l'histone déméthylase-1 spécifique de la lysine (LSD1), antinéoplasique

pulrodemstat

4-[2-(4-aminopiperidin-1-il)-5-(3-fluoro-4-metoxifenil)-1-metil-6-oxo-1,6-dihidropirimidin-4-il]-2-fluorobenzonitrilo
inhibidor de la histona demetilasa-1 específica de la lisina (LSD1), antineoplásico

C₂₄H₂₃F₂N₅O₂ 1821307-10-1



quaratusugenum ozeplasmidum #
quaratusugene ozeplasmid

A DNA plasmid encoding tumour suppressor candidate 2 (TUSC2).

A DNA plasmid encoding tumour suppressor candidate 2 (TUSC2), also referred to as fusion 1 protein (FUS1), under the control of an adenovirus E1 enhancer, human cytomegalovirus (hCMV) immediate early enhancer/ promoter and a bovine growth hormone (bGH) polyadenylation signal (polyA). The plasmid also contains a pMB1 origin of replication and a NeoR/KanR antibiotic resistance coding sequence.
gene therapy (antineoplastic)

quaratusugène ozéplasmide

Un plasmide d'ADN codant pour le candidat 2 suppresseur de tumeur (TUSC2).

Un plasmide d'ADN codant pour le candidat 2 suppresseur de tumeur (TUSC2), aussi appelé la protéine de fusion 1 (FUS1), sous le contrôle d'un activateur de l'adénovirus E1, du promoteur/activateur précoce immédiat du cytomégalo­virus humain (hCMV) et d'un signal de polyadénylation (polyA) de l'hormone de croissance bovine (bGH). Le plasmide contient aussi une origine de réplication pMB1 et une séquence codant une résistance aux antibiotiques NeoR/KanR.
thérapie génique (antinéoplasique)

quaratusugén ozeplásmido

Un plásmido de DNA que codifica para el candidato supresor de tumores 2 (TUSC2).

Un plásmido de DNA que codifica para el candidato supresor de tumores 2 (TUSC2), también referido como proteína de fusión 1 (FUS1), bajo el control de un potenciador E1 de adenovirus, un potenciador/promotor inmediato temprano de citomegalovirus humano (hCMV) y una señal de poliadenilación (polyA) de la hormona de crecimiento bovina (bGH). El plásmido también contiene un origen de replicación pMB1 y una secuencia NeoR/KanR que codifica para la resistencia a antibióticos.
terapia génica (antineoplásico)

1396823-56-5

quemliclstatum
quemliclstat

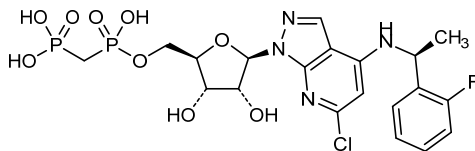
2-chloro-*N*⁶-[(1*S*)-1-(2-fluorophenyl)ethyl]-8-aza-1,7-dicarbaadenosine 5'-(trihydrogen 2-carbadiphosphate) 5'-*nucleotidase* (CD73) *inhibitor, antineoplastic*

quémliclstat

2-chloro-*N*⁶-[(1*S*)-1-(2-fluorophényl)éthyl]-8-aza-1,7-dicarbaadenosine 5'-(trihydrogène-2-carbadiphosphate)
inhibiteur de 5'-nucleotidase (CD73), antinéoplasique

quemliclstat

2-cloro-*N*⁶-[(1*S*)-1-(2-fluorofenil)etil]-8-aza-1,7-dicarbaadenosina 5'-(trihidrógeno-2-carbadifosfato)
inhibidor de la 5'-nucleotidasa (CD73), antineoplásico



retlirafuspum alfa #

retlirafusp alfa

human immunoglobulin G4-kappa anti-(human programmed cell death 1 ligand 1, PD-L1) variant (H⁵²>G, G⁵⁷>F, S²²⁷>P, F²³³>A, L²³⁴>A, K⁴⁴⁶>A in the heavy chain and N⁸⁵>E in the light chain), fused at the C-terminus of both heavy chains (1-446) via peptidyl linker ⁴⁴⁷GGGGSGGGGSGGGGSGGGGSG⁴⁶⁷ to human transforming growth factor β type II (TGFR-2) extracellular fragment (20-136, 468-584 in the current sequence), dimer; glycosylated; produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells; immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* programmed cell death 1 ligand 1 (PD-L1, programmed cell death 1, PDCD1 ligand 1, B7 homolog 1, B7-H1, CD274)], *Homo sapiens* monoclonal antibody, fused at the C-terminus of both heavy chains via a (G₄S)₄G peptide linker (447-467) to fragment 20-136 of the extracellular domain of transforming growth factor β receptor type II (*Homo sapiens* TGF- β receptor 2, TGFR-2, TGFR2) (468-584); gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-446) [*Homo sapiens* IGHV1-46*01; *Homo sapiens* IGHJ4*01; *Homo sapiens* IGHG4*01; VH: 1-119 (H52G G57F); CH1: 120-217; hinge 218-229 (S227P); CH2: 230-339 (F233A L234A); CH3: 340-444; CHS: 445-446 (K446A); CDRKabatH1: SYWMH (31-35); CDRKabatH2: RIGPNSGHTSYNEKFN (50-66); CDRKabatH3: GGSSDYDFY (99-108)], (133-218')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-218') [*Homo sapiens* IGKV4-1*01; *Homo sapiens* IGKJ2*01; *Homo sapiens* IGKC*01; VL: 1-111 (N85E); CL: 112-218; CDRKabatL1: RASESVSIHGTHL (24-38); CDRKabatL2: AASNLES (54-60); CDRKabatL: QQSFEPLT (93-101)]; dimer (225-225':228-228')-bisdissulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa immunomodulator, antineoplastic

rétlirafusp alfa

immunoglobuline G4-kappa humaine anti-(ligand 1 humain de mort cellulaire programmée 1, PD-L1) variant (H52>G, G57>F, S227>P, F233>A, L234>A, K446>A dans la chaîne lourde et N85>E dans la chaîne légère), fusionné à la partie C-terminale des deux chaînes lourdes (1-446) via le linker peptidique ⁴⁴⁷GGGGSGGGSGGGSGGGSG⁴⁶⁷ au fragment extracellulaire (20-136, 468-584 dans la séquence actuelle) du récepteur de type II du facteur β de croissance transformant humain (TGFR-2), dimère; glycosylé; produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO):

immunoglobuline G4-kappa, anti-[ligand 1 de mort cellulaire programmée 1 d'*Homo sapiens* (PD-L1, ligand 1 de PDCD1, homologue 1 de B7, B7-H1, CD274)], anticorps monoclonal d'*Homo sapiens*, fusionnée à la partie C-terminale des deux chaînes lourdes via un linker peptidique (G₄S)₄G (447-467) au fragment 20-136 du domaine extracellulaire du récepteur de type II du facteur β de croissance transformant (récepteur 2 de TGF- β d'*Homo sapiens*, TGFR-2, TGFR2) (468-584); chaîne lourde gamma4 d'*Homo sapiens* (1-446) [*Homo sapiens* IGHV1-46*01; *Homo sapiens* IGHJ4*01; *Homo sapiens* IGHG4*01; VH: 1-119 (H52G G57F); CH1: 120-217; charnière 218-229 (S227P); CH2: 230-339 (F233A L234A); CH3: 340-444; CHS: 445-446 (K446A); CDRKabatH1: SYWMH (31-35); CDRKabatH2: RIGPNSGFTSYNEKFKN (50-66); CDRKabatH3: GGSSYDYFDY (99-108)], (133-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa d'*Homo sapiens* (1'-218') [*Homo sapiens* IGKV4-1*01; *Homo sapiens* IGKJ2*01; *Homo sapiens* IGKC*01; VL: 1-111 (N85E); CL: 112-218; CDRKabatL1: RASESVSIHGTHLMH (24-38); CDRKabatL2: AASNLES (54-60); CDRKabatL: QQSFEPLT (93-101)]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produite dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

retirafusp alfa

inmunoglobulina G4-kappa humana anti-(muerte celularprogramada 1 humana ligando 1, PD-L1) variante (H⁶²>G, G⁵⁷>F, S²²⁷>P, F²³³>A, L²³⁴>A, K⁴⁴⁶>A en la cadena pesada y N⁸⁵>E en la cadena ligera), fusionado al C-terminal de ambas cadenas pesadas (1-446) a través de un enlace peptidil 447GGGGSGGGSGGGSGGGSGG⁴⁶⁷ al factor de crecimiento transformante β tipo II humano (TGFR-2) fragmento extracelular (20-136, 468-584 en la secuencia actual), dímero; glicosilado; producido en células ováricas de hámster chino (CHO);
inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* ligando 1 de muerte programada (PD-L1, ligando 1 de PDCD1, homólogo 1 de B7, B7-H1, CD274)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*, fusionado en los residuos C-terminales de ambas cadenas pesadas a través de un péptido conector (G₄S)₄G (447-467) con el fragmento 20-136 del dominio extracelular del receptor de tipo II del factor β de crecimiento transformante (receptor 2 de TGF- β de *Homo sapiens*, TGFR-2, TGFR2) (468-584);
cadena pesada gamma4 *Homo sapiens* (1-446) [*Homo sapiens* IGHV1-46*01; *Homo sapiens* IGHJ4*01; *Homo sapiens* IGHG4*01; VH: 1-119 (H52G G57F); CH1: 120-217; hinge 218-229 (S227P); CH2: 230-339 (F233A L234A); CH3: 340-444; CHS: 445-446 (K446A); CDRKabatH1: SYWMH (31-35); CDRKabatH2: RIGPNSGFTSYNEKFKN (50-66); CDRKabatH3: GGSSYDYFDY (99-108)], (133-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [*Homo sapiens* IGKV4-1*01; *Homo sapiens* IGKJ2*01; *Homo sapiens* IGKC*01; VL: 1-111 (N85E); CL: 112-218; CDRKabatL1: RASESVSIHGTHLMH (24-38); CDRKabatL2: AASNLES (54-60); CDRKabatL: QQSFEPLT (93-101)];dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido en células ováricas de hámsters chinos (CHO), glicofoma alfa
immunomodulador, antineoplásico

2395839-91-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada		
QVQLVQSGAE	VKKPGASVK	SCRASGITFT SYWMHWVRQA PGQGLEWMGR 50
IGDNSGETSY	NEKFKNVVM	TRDTSTSTVY MELSLSRSD TRVYICARGG 100
SSYDYFYWG	QGTVTYVSSA	STKGPSVPEL APCSRSTSES TAALGCLVKD 150
YFPEPTVSW	NSGALTSQVH	TTPAVLQSSG LYSLSVVTV PSSSLGKTKY 200
TCNVDRKFSN	TKVDRKVESK	YGPPCPCEPA PEAGGSPSVF LFFPKPKDTL 250
MISRTPEVTC	VVDVDSQEDP	EVQFNWYVDG VEVHNAKTP REEQFNSTYR 300
VVSVLTVLHQ	DWLNKGEYKC	KVSNKGLPSS IEKTIISKAG QPREPQVYTL 350
PPSQEEMTRN	QVSLTCLVKG	FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTTPVLDSD 400
GSFFLYSRLT	VDKSRWQEGN	VFSCSMVHEA LHNHYTKSL SLSLGAGGGG 450
SGGGSGGGGG	SGGGSGGAV	KFPLCKEFD VRFSTCDNQK SCMSNCSITS 500
ICEKPGEVCV	AVWRKNDENI	TLETVCHDEK LPYHDFILED AASPKCIMKE 550
KKKPGETTFM	CSCSSDECND	NIIFSEIYNT SNPD 584

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera				
DIVLTQSPAS	LAVSPGQRAT	ITCRASESVS	IHGTHIMHWY QQKPGQPPKL 50	
LIYAASNLES	GVPARFSGSG	SGTDFTLTIN	PVEAEDTANY YCQSFDEPL 100	
TFGGGTKLEI	KRTVAAPSVF	IFPPSDEQLK	SGTASVCLL NNFYPREAKV 150	
QWKVDNALQS	GNQSQSVTEQ	DSKDSYSTLS	STLTLSKADY EKHKVYACEV 200	
THQGLSSPVT	KSFNRGEC			218

Mutation sites/ Sites de mutation / Posiciones de mutación						
H52> <u>G</u>	G57> <u>E</u>	S227> <u>E</u>	F233> <u>A</u>	L234> <u>A</u>	K446> <u>A</u>	N85> <u>E</u>
H52" <u>>G</u>	G57" <u>>E</u>	S227" <u>>E</u>	F233" <u>>A</u>	L234" <u>>A</u>	K446" <u>>A</u>	N85" <u>>E</u>

Post-translational modifications / Modifications post-traductionnelles / Modificaciones postraduccionales						
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro						
Intra-H	22-96	146-202	260-320	366-424		
	22"-96"	146"-202"	260"-320"	366"-424"		
Intra-PDLI	476-509	479-496	486-492	502-526	546-561	563-568
	476"-509"	479"-496"	486"-492"	502"-526"	546"-561"	563"-568"
Intra-L	23-92	138-198				
	23"-92"	138"-198"				
Inter-H-L	133-218	133"-218"				
Inter-H-H	225-225"	228-228"				

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación		
N296,	N495,	N519, N579,
N296",	N495",	N519", N579"

N-terminal pyroglutamylyl / Pyroglutamyl N-terminal / Piroglutamil N-terminal
Q1,Q1">pE (5-oxo-L-prolyl, pyroglutamylyl)

ropanicantum
ropanicant

(1*R*,3*S*,5*R*)-3-[[[(6-chloropyridin-3-yl)oxy]methyl]-2-azabicyclo[3.1.0]hexane
nicotinic alpha-4-beta-2 receptor antagonist

ropanicant

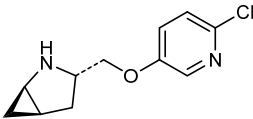
(1*R*,3*S*,5*R*)-3-[[[(6-chloropyridin-3-yl)oxy]méthyl]-2-azabicyclo[3.1.0]hexane
antagoniste du récepteur nicotinique à l'acétylcholine type alpha 4 bêta 2

ropanicant

(1*R*,3*S*,5*R*)-3-[[[(6-cloropiridin-3-il)oxi]metil]-2-azabicyclo[3.1.0]hexano
agonista del receptor nicotínico de la acetilcolina tipo alfa 4 beta 2

C₁₁H₁₃ClN₂O

2414674-70-5



runimotamabum #
runimotamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (epidermal growth factor receptor 2, receptor tyrosine protein kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185cerbB2, NEU, CD340)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], monoclonal antibody, bispecific;

	gamma1 heavy chain anti-ERBB2 (1-450) [VH anti-ERBB2 (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, G1v30 CH2 G84.4, G1v32 CH3 W22 (CH1 R120>K (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 N84.4>G (300) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361), T22>W (369) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfide with kappa light chain anti-ERBB2 (1'-214') [V-KAPPA anti-ERBB2 (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; gamma1 heavy chain anti-CD3E (1"-449") [VH anti-CD3E (<i>Mus musculus</i> IGHV1-66*01 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (86.7%)/<i>Homo sapiens</i> anti-CD3E IGHV1-3*01 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1"-119") -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, G1v30 CH2 G84.4, G1v33 CH3 S22, A24, V86 (CH1 R120>K (216) (120"-217"), hinge 1-15 (218"-232"), CH2 N84.4>G (299) (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360), T22>S (368), L24>A (370), Y86>V (409) (343"-447"), CHS (448"-449")) (120"-449")], (222"-219'")-disulfide with kappa light chain anti-CD3E (1'"-219'") [V-KAPPA anti-CD3E (<i>Homo sapiens</i> IGKV4-1*01 (91.8%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [12.3.8] (27-38.56-58.95-102) (1'"-112'") -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'"-219'")]; dimer (229-228":232-231'")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, non-glycosylated <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
runimotamab	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> ERBB2 (récepteur 2 du facteur de croissance épidermique, récepteur tyrosine-protéine kinase erbB2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)] et anti-[<i>Homo sapiens</i> CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticorps monoclonal, bispécifique; chaîne lourde gamma1 anti-ERBB2 (1-450) [VH anti-ERBB2 (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, G1v30 CH2 G84.4, G1v32 CH3 W22 (CH1 R120>K (217) (121-218), charnière1-15 (219-233), CH2 N84.4>G (300) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361), T22>W (369), (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-ERBB2 (1'-214') [V-KAPPA anti-ERBB2 (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; chaîne lourde gamma1 anti-CD3E (1"-449") [VH anti-CD3E (<i>Mus musculus</i> IGHV1-66*01 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (86.7%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV1-3*01 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1'"-119") -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, G1v30 CH2 G84.4, G1v33 CH3 S22, A24, V86 (CH1 R120>K (216) (120"-217"), charnière1-15 (218"-232"), CH2 N84.4>G (299) (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360), T22>S (368), L24>A (370), Y86>V (409) (343"-447"), CHS (448"-449")) (120"-449")], (222"-219'")-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-CD3E (1'"-219'") [V-KAPPA anti-CD3E (<i>Homo sapiens</i> IGKV4-1*01 (91.8%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [12.3.8] (27-38.56-58.95-102) (1'"-112'") -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'"-219'")]; dimère (229-228":232-231'")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), non-glycosylé <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
runimotamab	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> ERBB2 (receptor 2 del factor de crecimiento epidérmico, receptor tirosina-proteína kinasa erbB2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)] y anti-[<i>Homo sapiens</i> CD3E (CD3 épsilon, Leu-4)], anticuerpo monoclonal, biespecífico;

cadena pesada gamma1 anti-ERBB2 (1-450) [VH anti-ERBB2 (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1'-120') -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, G1v30 CH2 G84.4, G1v32 CH3 W22 (CH1 R120>K (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 N84.4>G (300) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361), T22>W (369), (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-ERBB2 (1'-214') [V-KAPPA anti-ERBB2 (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];

cadena pesada gamma1 anti-CD3E (1"-449") [VH anti-CD3E (*Mus musculus* IGHV1-66*01 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV1-3*01(82.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1"-119") -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, G1v30 CH2 G84.4, G1v33 CH3 S22, A24, V86 (CH1 R120>K (216) (120"-217"), bisagra 1-15 (218"-232"), CH2 N84.4>G (299) (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360), T22>S (368), L24>A (370), Y86>V (409) (343"-447"), CHS (448"-449")) (120"-449")], (222"-219")-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-CD3E (1"-219") [V-KAPPA anti-CD3E (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (91.8%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [12.3.8] (27-38.56-58.95-102) (1"-112") -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113"-219")]; dímero (229-228":232-231")-bidisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), no glicosilado

inmunomodulador, antineoplásico

2361325-98-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-ERBB2)

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFNIK DTYIHVWRQA PGKGLEWVAR 50
IYPTNGYTRY ADSVKGRTFI SADTSKNTAY LQMNLSRAED TAVYYCSRWG 100
GDGFYAMDYW GQGLTIVTVSS ASTRGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTTCP PCPAPELLGG SVFLFPFKPK 250
KDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYG 300
STYRVVSVLT VILHQDLNKG EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLWC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTPPV 400
LSDSGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450
```

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-CD3E)

```
EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCASGYTFT NYIHWVRQA PGQGLEWIGW 50
IYPGDGNTRY NEKFKGRATL TADTSTSTAY LELSSLSRSD TAVYYCARDS 100
YSNYFYDYWG QGLTIVTVSSA STKGPSVFPF APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPFVLQSSG LYSLSVSVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDKKVEPK SCDKHTCTCP CPAPELLGGP SVFLFPFKPK 250
DTLMISRTPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYGS 300
TYRVVSVLT VILHQDLNKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSREEM TKNQVLSLCA VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTPPV 400
LSDSGSFFLV KLTVDKSRWQ QGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 449
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-ERBB2)

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCRASQDVN TAVAWYQQKP GKAPKLLIYS 50
ASFLYSGVPS RFGSGRSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ HYTTPPTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIAPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYKHK YFACEVTHGQ 200
LSSPVTKSFN RGEK 214
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-CD3E)

```
DIVMTQSPDS LAVSLGERAT INCKSSQLL NSRTRKNYLA WYQKPGQPP 50
KLLIYWASTR ESGVPRDFSG SGSGSDFTLT ISSLQAEDVA VYYCQSFIL 100
RTFGQGTQVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVC LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSSTYS SSTITLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNREG 219
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-94" 139"-199"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214' 222"-219"

Inter-H-H (h 1 l, h 14) 229-228" 232-231"

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación

CH2 N84.4>G:

300, 299"

Aglycosylated

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
HCHSK2:

450, 449"

sapablursenum
sapablursen

*all-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis[{3-({6-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]hexyl}amino)-3-oxopropoxy]methyl}-1-hydroxy-1,10,14,21-tetraoxo-2,18-dioxo-9,15,22-triaza-1λ⁵-phosphaoctacosan-1-yl)-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyluridyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyluridyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)adenyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)adenyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-*P*-thioguanyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyluridine*
transmembrane protease serine 6 synthesis reducer

sapablursen

*tout-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis[{3-({6-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]hexyl}amino)-3-oxopropoxy]méthyl}-1-hydroxy-1,10,14,21-tétraoxo-2,18-dioxa-9,15,22-triaza-1λ⁵-phosphaoctacosan-1-yl)-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)adényl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadényl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadényl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)adényl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioguanyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridine*
réducteur de la synthèse de la protéase transmembranaire à sérine 6

sapablursén

*todo-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]-16,16-bis[{3-({6-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]hexil}amino)-3-oxopropoxi]metil}-1-hidroxi-1,10,14,21-tetraoxo-2,18-dioxa-9,15,22-triaza-1λ⁵-fosfaoctacosan-1-il)-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)uridilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)uridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)adenilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)citidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)adenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-*P*-tioguanilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)uridina*
reductor de la síntesis de la proteasa transmembranaria a la serina 6

$C_{296}H_{436}N_{80}O_{155}P_{20}S_{13}$

2273007-95-5

(3'-5') R1-C=U-U-U-A-d(T=T=C=C=A=A=A=G=G=G)C-A-G=C=U

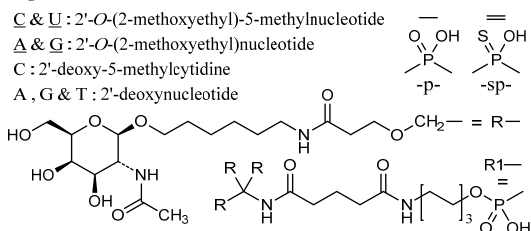
Legend:

C & U : 2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylnucleotide

A & G : 2'-O-(2-methoxyethyl)nucleotide

C : 2'-deoxy-5-methylcytidine

A, G & T : 2'-deoxynucleotide

**sesiclenegenum cosaparvovecum #**

sesiclenegene cosaparvovec

A non-replicating self-complementary adeno-associated virus (scAAV) vector encoding human ceroid-lipofuscinosis neuronal protein 6.

A recombinant non-replicating self-complementary adeno-associated virus serotype 9 (scAAV9) vector, encoding human ceroid-lipofuscinosis neuronal protein 6 (CLN6), under the control of a hybrid CMV enhancer/chicken-beta-actin promoter and a bovine growth hormone (bGH) polyA sequence, with an SV40 intron 5' to the transgene, and flanked by AAV2 inverted terminal repeats (ITRs). The vector genome is a head-to-head, self-complementary dimer, with the vector genome cassette located 5' of the mutated internal inverted terminal repeat (Δ -ITR) in a reverse complementary orientation and 3' of the Δ -ITR in a forward orientation.

gene therapy (neuronal ceroid lipofuscinosis)

sésiclénégène cosaparvovec

Un vecteur viral adéno-associé auto-complémentaire (scAAV) non-répliquant codant la protéine neuronale céréoïde-lipofuscinose 6 humaine.

Un vecteur viral adéno-associé de sérotype 9 auto-complémentaire (scAAV9), recombinant, non-répliquant, codant la protéine neuronale céréoïde-lipofuscinose 6 (CLN6) humaine, sous le contrôle de l'activateur hybride CMV/promoteur de la bêta-actine de poulet et d'une séquence polyA de l'hormone de croissance bovine (bGH), avec un intron SV40 dans la partie 5' du transgène, et flanquée de répétitions terminales inversées (ITRs) AAV2. Le génome du vecteur est un dimère en tête à tête, auto-complémentaire, avec la cassette génomique du vecteur localisée en 5' des répétitions terminales internes inversées mutées (Δ -ITR) en une orientation complémentaire inverse et en 3' de la Δ -ITR en une orientation en avant.

thérapie génique (céréoïde-lipofuscinose neuronale)

sesiclenegén cosaparvovec

Un vector de virus adeno-asociado auto complementario (scAAV), no replicativo, que codifica para la proteína 6 de la lipofuscinosis neuronal ceroida humana.

Un vector de virus adeno-asociado serotipo 9 auto complementario (scAAV9), recombinante, no replicativo, que codifica para la proteína 6 de la lipofuscinosis neuronal cerioidea (CLN6) humana, bajo el control de un híbrido del potenciador de CMV/promotor de la beta actina de pollo y una secuencia polyA de la hormona de crecimiento bovina (bGH), con un intrón de SV40 en 5' del transgén, y flanqueado por las repeticiones terminales invertidas (ITRs) del AAV2. El genoma del vector es un dímero cabeza con cabeza auto complementario, con el casete del genoma del vector localizado 5' de la repetición terminal invertida mutada (Δ -ITR) en una orientación complementaria reversa y 3' de (Δ -ITR) en orientación hacia delante.

terapia génica (lipofuscinosis cerioide neuronal)

2379806-98-9

sibeprenlimabum #
sibeprenlimab

immunoglobulin G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFSF13 (tumor necrosis factor (TNF) superfamily member 13, APRIL, CD256)], humanized monoclonal antibody; gamma2 heavy chain humanized (1-446) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens*IGHG2*01 (100%), G2m.. CH2 V45.1 (CH1 (121-218), hinge 1-12 (219-230), CH2 V45.1 (281) (231-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (121-446)], (134-218')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-15*01 (85.9%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (222-222'':223-223'':226-226'':229-229'')-tetrakisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1 derived cell line, glycoform alfa *immunomodulator*

sibéprelimab

immunoglobuline G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFSF13 (membre 13 de la superfamille du facteur de nécrose tumorale, APRIL, CD256)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma2 humanisée (1-446) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens*IGHG2*01 (100%), G2m.. CH2 V45.1 (CH1 (121-218), charnière 1-12 (219-230), CH2 V45.1 (281) (231-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (121-446)], (134-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-15*01 (85.9%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (222-222'':223-223'':226-226'':229-229'')-tétrakisdisulfure, produite dans une lignée cellulaire dérivée des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO)-K1, glycoforme alfa *immunomodulateur*

sibeprenlimab

inmunoglobulina G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFSF13 (miembro 13 de la superfamilia del factor de necrosis tumoral, APRIL, CD256)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada gamma2 humanizada (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (85.7%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (100%), G2m.. CH2 V45.1 (CH1 (121-218), bisagra 1-12 (219-230), CH2 V45.1 (281) (231-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (121-446)], (134-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (85.9%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (222-222":223-223":226-226":229-229")-tetrakisdisulfuro, producido en una línea celular derivada de las células ováricas de hámster chino (CHO)-K1, forma glicosilada alfa *immunomodulador*

2382896-07-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTF DYTIHWVRQA TGGGLEWGMW 50
IYPLRGSINY AQKFQGRVTM TADKSISTVY MELSSLRSED TAVYFCARHG 100
AYYSNADFVW GQGTLTVTSS ASTKGPSVFP LAPCSRSTSE STAALGCLVK 150
DYFPEPPTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSNFGTQT 200
YTCNVDRKPS NTKVDKTVR KCCVECPCEP APPVAGPSVF LFPFKPKDTL 250
MISRTPEVTC VVVVDSHEDP EVQENWYVDG VEVHNAKTKP REEQFNSTFR 300
VVSVLTVVHQ DWLNGKEYKC KVSNGKLPAE IEKTIKSTKG QPREPQVYTL 350
PPSREEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTTPMLDSV 400
GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMHAE LHNHYTQKSL SLSPGK 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

EIVMTQSPAT LSVSPGERAT LSCRASEVD NDGIRFLHWY QQKFGQAPRL 50
LIYRASTRAT GIPARFSGSG SRTEFTLTIS SLQSEDFAVY YCQQSNKDPY 100
TFGGGTKEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFPYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLS STLTLSKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSPVVT KSFNRGEC 218

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 260-320 366-424
22"-96" 147"-203" 260"-320" 366"-424"

Intra-L (C23-C104) 23"-92" 138"-198"
23"-92" 138"-198"

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 134-218' 134"-218"

Inter-H-H (h 4, h 5, h 8, h 11) 222-222" 223-223" 226-226" 229-229"

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)

H VH Q1:

I, I"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

296, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2:

446, 446"

simpiniclinum
simpinicline

5-((1*E*)-2-[(3*R*)-pyrrolidin-3-yl]ethen-1-yl)pyrimidine
nicotinic acetylcholine receptor (nAChR) agonist

simpinicline

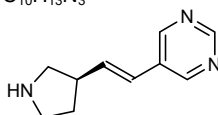
5-((1*E*)-2-[(3*R*)-pyrrolidin-3-yl]éthén-1-yl)pyrimidine
agoniste du récepteur nicotinique à l'acétylcholine

simpiniclina

5-((1*E*)-2-[(3*R*)-pirrolidin-3-il]eten-1-il)pirimidina
agonista del receptor nicotínico de la acetilcolina



753015-44-0



sirelretigenum suboparvovecum #
sirelretigene suboparvovec

A non-replicating self-complementary adeno-associated virus serotype 8 (scAAV8) vector, encoding human cellular retinaldehyde-binding protein 1 (RLBP1).

A recombinant non-replicating self-complementary adeno-associated virus serotype 8 (scAAV8) vector, encoding human cellular retinaldehyde-binding protein 1 (RLBP1) under the control of the retinaldehyde-binding protein 1 promoter (pRLBP1) and SV40 polyadenylation (polyA) sequence. The vector genome is a head-to-head, self-complementary dimer, with the vector genome cassette located 5' of the mutated internal inverted terminal repeat (Δ -ITR) in a reverse complementary orientation and 3' of the Δ -ITR in a forward orientation.

gene therapy (retinal dystrophy)

sirelrétigène suboparvovec

Un vecteur du virus adéno-associé de sérotype 8 auto-complémentaire (scAAV8), non-répliquant, codant la protéine 1 cellulaire humaine liée au rétinaldéhyde (RLBP1).

Un vecteur du virus adéno-associé de sérotype 8 auto-complémentaire (scAAV8) recombinant, non-répliquant codant la protéine 1 cellulaire humaine liée au rétinaldéhyde (RLBP1) sous le contrôle du promoteur de la protéine 1 liée au rétinaldéhyde (pRLBP1) et de la séquence polyadénylée (polyA) SV40. Le génome du vecteur est un dimère en tête à tête, auto-complémentaire, avec la cassette génomique du vecteur localisée en 5' des répétitions terminales internes inversées mutées (Δ -ITR) en une orientation complémentaire inverse et en 3' de la Δ -ITR en une orientation en avant.

thérapie génique (dystrophie rétinienne)

sirelretigén suboparvovec

Un vector de virus adeno-asociado serotipo 8 auto complementario (scAAV8), no replicativo, que codifica para la proteína de unión a retinaldehído celular 1 (RLBP1) humana.

Un vector de virus adeno-asociado serotipo 8 auto complementario (scAAV8) recombinante, no replicativo, que codifica para la proteína de unión a retinaldehído celular 1 (RLBP1) humana bajo el control del promotor de la proteína de unión a retinaldehído 1 (pRLBP1) y la secuencia de poliadenilación (polyA) de SV40. El genoma del vector es un dímero cabeza con cabeza auto complementario, con el casete del genoma del vector localizado 5' de la repetición terminal invertida mutada (Δ -ITR) en una orientación complementaria reversa y 3' de (Δ -ITR) en orientación hacia delante.

terapia génica (distrofia retiniana)

2395524-75-9

sudubrilimabum #

sudubrilimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD274 (programmed death ligand 1, PDL1, PD-L1, B7 homolog 1, B7H1)], monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-447) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*04 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) - *Homo sapiens*IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 N84.4>A (298) (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS K>del (447)) (119-447)], (221-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-12*01 (90.0%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (227-227'':230-230'')-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1 cell line, non-glycosylated *immunomodulator, antineoplastic*

sudubrilimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligand 1 de mort programmée, PDL1, PD-L1, homologue 1 de B7, B7H1)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-447) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*04 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) - *Homo sapiens*IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 N84.4>A (298) (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS K>del (447)) (119-447)], (221-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-12*01 (90.0%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (227-227'':230-230'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1, non-glycosylé *immunomodulateur, antinéoplasique*

sudubrilimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligando 1 de muerte programada, PDL1, PD-L1, homólogo 1 de B7, B7H1)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-447) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*04 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) - *Homo sapiens*IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 N84.4>A (298) (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS K>del (447)) (119-447)], (221-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-12*01 (90.0%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (227-227'':230-230'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1, no glicosilado *inmunomodulador, antineoplásico*

2387417-06-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGTFPS ETWLHWVRQA PGKGLEWVAW 50
VSPFPGSTYY ADSVKGRFTI SADTSKNATY LQMNSLRAED TAVYYCARRH 100
WPGGFDYWGQ GTLTVTSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSQGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVTF SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKTHCTPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYAST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPVY 350
TLPSPREEMT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTFPVLD 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPG 447

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCRASQDVS TAVAWYQQK GKAPKLLIYS 50
ASFLYSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISLQP EDFATYYCQ FLYHPATFGQ 100
GTRVEIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGECC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22°-96' 145°-201' 262°-322' 368°-426'
22°-96" 145°-201" 262°-322" 368°-426"
Intra-L (C23-C104) 23°-88' 134°-194'
23°-88" 134°-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 221°-214' 221°-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 227°-227" 230°-230"

No N-glycosylation sites / Pas des sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación
CH2 N84,4>A:
298, 298"
Aglycosylated

sunobinopum
sunobinop

4-[(1*R*,1'*R*,3*r*,3'*r*,5*S*,5'*S*)-9'-aza[3,9'-
bi(bicyclo[3.3.1]nonan)]-3'-yl]-3-oxo-3,4-
dihydroquinoxaline-2-carboxylic acid
nociceptin (orphanin FQ) receptor agonist

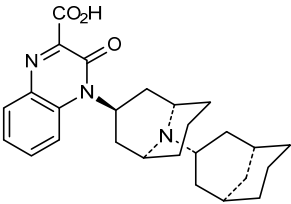
sunobinop

acide 4-[(1*R*,1'*R*,3*r*,3'*r*,5*S*,5'*S*)-9'-aza[3,9'-
bi(bicyclo[3.3.1]nonan)]-3'-yl]-3-oxo-3,4-
dihydroquinoxaline-2-carboxylique
agoniste du récepteur de la nociceptine (orphanine FQ)

sunobinop

ácido 4-[(1*R*,1'*R*,3*r*,3'*r*,5*S*,5'*S*)-9'-aza[3,9'-
bi(biciclo[3.3.1]nonan)]-3'-il]-3-oxo-3,4-
dihidroquinoxalina-2-carboxílico
agonista del receptor de la nociceptina (orfanina FQ)

C₂₆H₃₃N₃O₃ 1126793-40-5



surzebiclimabum #
surzebiclimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens*
HAVCR2 (hepatitis A virus cellular receptor 2, T-cell
immunoglobulin mucin family member 3, Tim-3, TIM3,
TIMD3, CD366)], monoclonal antibody;

	gamma1 heavy chain (1-448) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*04 (93.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108) (1-119) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1, G1v4 CH2 A114 (CH1 K120 (217) (120-217), hinge 1-15 (218-232), linker (233-237), CH2 P114>A (330) (238-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (120-448)], (222-218')-disulfide with kappa light chain (1'-218')] [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-15*01 (84%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
surzébiclimab	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> HAVCR2 (récepteur cellulaire 2 du virus de l'hépatite A, CD366, membre 3 de la famille mucine immunoglobuline des cellules T, Tim-3, TIM3, TIMD3, CD366)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-448) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*04 (93.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108) (1-119) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1, G1v4 CH2 A114 (CH1 K120 (217) (120-217), charnière 1-15 (218-232), linker (233-237), CH2 P114>A (330) (238-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (120-448)], (222-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-218')] [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-15*01 (84.0%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
surzebiclimab	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> HAVCR2 (receptor celular 2 del virus de la hepatitis A, CD366, miembro 3 de la familia mucina inmunoglobulina de las células T, Tim-3, TIM3, TIMD3, CD366)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-448) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*04 (93.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108) (1-119) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1, G1v4 CH2 A114 (CH1 K120 (217) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), linker (233-237), CH2 P114>A (330) (238-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (120-448)], (222-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-218')] [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-15*01 (84.0%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa <i>immunomodulador, antineoplásico</i>

2342597-90-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada			
EVQLVDSGGG	LVQPGGSLRL	SCAASGFTFS	RYAMSWVRQA 50
ISSGGSLYYP	DSVKGRFTIS	RDNAKNTLYL	QMNSLRADET 100
ADGGYFDYWG	QGTLYTVSSA	STKGPSVFPL	APSSKSTSGG 150
YFPEPVTVSW	NSGALTSGVH	TFFAVLQSSG	LYSLSSVTV 200
ICNVNHKFSN	TKVDKKVEPK	SCDKTHTCFP	CPAPFAAGES 250
TLMISRTFEV	TCVVVDVDSH	DPEVKFNWYV	DGVEVHNAKT 300
YRVVSVLTVL	QDWLNGKEY	KCKVSNKALA	APIETKISKA 350
TLPPSRDELT	KNQVSLTCLV	KGFYPSDIAV	EWESNGQPEN 400
SDGSFFLYSK	LTVDKSRWQQ	GNVFSCSVMH	EALHNYTQK 448
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera			
EIVLTQSPAT	LSVSPGERAT	LSCRASESVE	YYGTSMLQWY 50
LIYAASNVES	GIPARFSGSG	SGTEFTLTIS	SLQSEDAFVY 100
TFGGGTKVEL	KRTVAAPSVF	IFPPSDEQLK	SGTASVCLL 150
QWKVDNALQS	GNSQESVTEQ	DSKDSSTYSL	STLTLSKADY 200
THQGLSSPVT	KSFNRGEC		218
Post-translational modifications			
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro			
Intra-H (C23-C104)	22-95	146-202	262-322 368-426
	22"-95"	146"-202"	262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104)	23'-92'	138"-198"	
	23'''-92'''	138'''-198'''	
Inter-H-L (h 5-CL 126)	222-218'	222"-218"	
Inter-H-H (h 11, h 14)	228-228"	231-231"	
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación			
H CH2N84.4:			
298, 298"			
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.			
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal			
H CHS K2:			
448, 448"			

tacatresgenum autoleucelum #
tacatresgene autoleucel

Autologous T cells obtained from the peripheral blood of patients, collected by leukapheresis, modified by CRISPR/Cas9 (clustered regularly interspaced short palindromic repeats/CRISPR-associated protein 9) mediated gene editing consisting of two guide RNAs (gRNAs) introduced transiently as ribonucleoprotein (RNP) complex, and a neoepitope T cell receptor (neo-TCR) gene cassette encoded by plasmid DNA to replace the endogenous T cell receptor (TCR) with a single patient-derived tumour-specific neo-TCR per T cell, with a maximum of three different neo-TCRs in the final drug substance. The constant elements of the neo-TCR are identical for each patient and the neo-TCR gene expression is regulated by the native endogenous TCR promoter. The T cells are cultured in the presence of growth media containing IL-7 and IL-15 and a combination of membrane bound anti-CD3 and anti-CD28 for activation. The T cells are predominantly CD4 and CD8 T cells (generally >80%), including Tmsc (memory stem cells) and Tcm (central memory) phenotypes.
cell-based gene therapy (antineoplastic)

tacatresgène autoleucel

Lymphocytes T autologues obtenus du sang périphérique de patients, recueillis par leucophérèse, modifiés par CRISPR/Cas9 (courtes répétitions palindromiques groupées et régulièrement espacées / protéine 9 associée à CRISPR) induisant une édition génétique consistant en deux ARN guides (gRNAs) introduisant transitoirement un complexe ribonucléoprotéique, et la cassette du gène du récepteur néo-épitope du lymphocyte T (néo-TCR)

encodés par un plasmide d'ADN pour remplacer le récepteur endogène du lymphocyte T (TCR) avec un seul néo-TCR tumeur-spécifique dérivé de patients pour chaque lymphocyte T, avec un maximum de trois néo-TCRs différents dans la substance médicamenteuse finale. Les éléments constants des néo-TCR sont identiques pour chaque patient et l'expression du gène néo-TCR est régulée par le promoteur natif endogène du TCR. Les lymphocytes T sont cultivés en présence de milieu de croissance contenant IL-7 et IL-15 et une combinaison d'anti-CD3 et anti-CD28 liés à la membrane pour l'activation. Les lymphocytes T sont majoritairement des lymphocytes T CD4 et CD8 (généralement >80%), incluant les phénotypes Tmsc (cellules souches à mémoire) et Tcm (à mémoire centrale).

thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)

tacatresgén autoleucel

Linfocitos T autólogos obtenidos de sangre periférica de pacientes, recogidos por leucoaféresis, modificados por CRISPR/Cas9 (repeticiones palindrómicas cortas agrupadas y regularmente espaciadas/proteína asociada a CRISPR 9) mediante edición genética consistente en dos RNAs guía (gRNAs) introducidos transitoriamente como un complejo de ribonucleoproteína (RNP), y un casete genético de un receptor de linfocitos T para un neoepítipo (neo-TCR) codificado en un plásmido de DNA, para reemplazar el receptor de linfocitos T (TCR) endógeno con un solo neo-TCR específico de tumor y derivado del paciente por linfocito T, con un máximo de tres neo-TCRs diferentes en el principio activo final. Los elementos constantes de los neo-TCR son idénticos para cada paciente y la expresión del gen del neo-TCR está regulada por el promotor nativo del TCR endógeno. Los linfocitos T se cultivan en presencia de medio de crecimiento que contiene IL-7 e IL-15 y una combinación de anti-CD3 y anti-CD28 de membrana para la activación. Los linfocitos T son predominantemente CD4 y CD8 (generalmente >80%), incluyendo fenotipos de Tmsc (células madre de memoria) y Tcm (memoria central).

terapia génica basada en células (antineoplásico)

tadnersenum

tadnersen

all-P-ambo-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiocytidyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-P-thiocytidyl-(3'→5')-P-thiothymidyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-P-thiocytidyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-P-thiocytidyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)guanylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)adenyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiocytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidine
mutated C9orf72 gene expression reducer

tadnersen

tout-P-ambo-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidilyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidilyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidilyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)guanylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)adénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidine
réducteur de l'expression du gène muté C9orf72

tadnersén

todo-P-ambo-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioguanilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)citidilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)citidilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-deoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-deoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-deoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-deoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-deoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-deoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-deoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)citidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)guanilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)adenilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-P-tiocitidilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-P-tiouridilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)citidina
reductor de la expresión del gen C9orf72 mutado

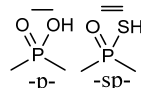
C₂₁₀H₂₉₇N₆₆O₁₁₄P₁₇S₁₂

2170507-65-8

(3'-5') $\overline{\text{G}}=\overline{\text{C}}=\overline{\text{C}}-\overline{\text{C}}-\overline{\text{d}}(\text{C}=\text{T}=\text{A}=\text{G}=\text{C}=\text{G}=\text{C}=\text{G}=\text{G})\overline{\text{C}}=\overline{\text{G}}-\overline{\text{A}}-\overline{\text{C}}=\overline{\text{U}}=\overline{\text{C}}$ Legend:

A, G & T : 2'-deoxynucleotide

C : 2'-deoxy-5-methylnucleotide

 $\overline{\text{A}}$ & $\overline{\text{G}}$: 2'-O-(2-methoxyethyl)nucleotide $\overline{\text{C}}$ & $\overline{\text{U}}$: 2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylnucleotide

tasurgratinibum

tasurgratinib

1¹-(2-hydroxyethyl)-7⁶-(2-methoxyethoxy)-N-methyl-3-oxo-7¹H-6-oxa-4-aza-7(5)-indola-5(2,4)-pyridina-1(4)-piperidina-2(1,4)-benzenaheptaphane-7¹-carboxamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

tasurgratinib

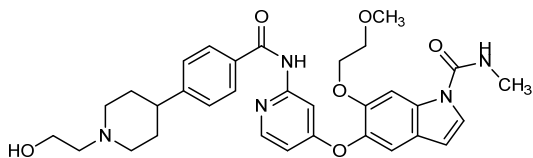
1¹-(2-hydroxyéthyl)-7⁶-(2-méthoxyéthoxy)-N-méthyl-3-oxo-7¹H-6-oxa-4-aza-7(5)-indola-5(2,4)-pyridina-1(4)-pipéridina-2(1,4)-benzénaheptaphane-7¹-carboxamide
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

tasurgratinib

1¹-(2-hidroxietyl)-N-metil-7⁶-(2-metoxietoxi)-3-oxo-7¹H-6-oxa-4-aza-7(5)-indola-5(2,4)-piridina-1(4)-piperidina-2(1,4)-bencenaheptafano-7¹-carboxamida
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

$C_{32}H_{37}N_5O_6$

1622204-21-0

**temgicolurilum**

temgicoluril

cis-1,3,4,6-tetramethyltetrahydroimidazo[4,5-*d*]imidazole-2,5(1*H*,3*H*)-dione
anxiolytic

temgicoluril

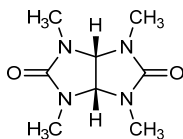
cis-1,3,4,6-tétraméthyltétrahydroimidazo[4,5-*d*]imidazole-2,5(1*H*,3*H*)-dione
anxiolytique

temgicoluril

cis-1,3,4,6-tetrametiltetrahydroimidazo[4,5-*d*]imidazola-2,5(1*H*,3*H*)-diona
ansiolítico

 $C_8H_{14}N_4O_2$

10095-06-4

**tigulixostatium**

tigulixostat

1-[3-cyano-1-(propan-2-yl)-1*H*-indol-5-yl]-1*H*-pyrazole-4-carboxylic acid
xanthine oxidase inhibitor

tigulixostat

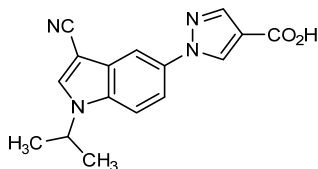
acide 1-[3-cyano-1-(propan-2-yl)-1*H*-indol-5-yl]-1*H*-pyrazole-4-carboxylique
inhibiteur de la xanthine oxydase

tigulixostat

ácido 1-[3-ciano-1-(propan-2-il)-1*H*-indol-5-il]-1*H*-pirazola-4-carboxílico
inhibidor de la xantina oxidasa

 $C_{16}H_{14}N_4O_2$

1287766-55-5

**tirnovetmabum #**

tirnovetmab

immunoglobulin G2-kappa, anti-[*Canis lupus familiaris* IL31 (interleukin 31)], caninized monoclonal antibody;

	gamma2 heavy chain caninized 1-453) [VH caninized (<i>Canis lupus familiaris</i> IGHV4-1*01 (61.2%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107) (1-118) -<i>Canis lupus familiaris</i> IGHG2*02 (100%) (CH1 (119-215), hinge 1-19 (216-234), CH2 (235-344), CH3 (345-451), CHS (452-453)) (119-453)], (133-217')-disulfide with kappa light chain caninized (1'-221') [V-KAPPA caninized (<i>Canis lupus familiaris</i> IGKV3-18*01 (63.8%) -IGKJ3*01 (83.3%) Q120>G (104)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -<i>Canis lupus familiaris</i> IGKC*01 (100%) (112'-221')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1 cell line, glycoform alfa <i>immunomodulator (veterinary use)</i>
tirnovetmab	immunoglobuline G2-kappa, anti-[<i>Canis lupus familiaris</i> IL31 (interleukine 31)], anticorps monoclonal caninisé; chaîne lourde gamma2 caninisée (1-453) [VH caninisée (<i>Canis lupus familiaris</i> IGHV4-1*01 (61.2%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107) (1-118) CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107) (1-118) -<i>Canis lupus familiaris</i> IGHG2*02 (100%) (CH1 (119-215), charnière 1-19 (216-234), CH2 (235-344), CH3 (345-451), CHS (452-453)) (119-453)], (133-217')-disulfure avec la chaîne légère kappa caninisée (1'-221') [V-KAPPA caninisé (<i>Canis lupus familiaris</i> IGKV3-18*01 (63.8%) -IGKJ3*01 (83.3%) Q120>G (104)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -<i>Canis lupus familiaris</i> IGKC*01 (100%) (112'-221')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa <i>immunomodulateur (usage vétérinaire)</i>
tirnovetmab	inmunoglobulina G2-kappa, anti-[<i>Canis lupus familiaris</i> IL31 (interleukina 31)], anticuerpo monoclonal caninizado; cadena pesada gamma2 caninizada (1-453) [VH caninizado (<i>Canis lupus familiaris</i> IGHV4-1*01 (61.2%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107) (1-118) CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107) (1-118) -<i>Canis lupus familiaris</i> IGHG2*02 (100%) (CH1 (119-215), bisagra 1-19 (216-234), CH2 (235-344), CH3 (345-451), CHS (452-453)) (119-453)], (133-217')-disulfuro con la cadena ligera kappa caninizada (1'-221') [V-KAPPA caninizado (<i>Canis lupus familiaris</i> IGKV3-18*01 (63.8%) -IGKJ3*01 (83.3%) Q120>G (104)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -<i>Canis lupus familiaris</i> IGKC*01 (100%) (112'-221')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa <i>immunomodulador (uso veterinario)</i>

2364504-80-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGSPS LVPKPGGSLRL TCSVTGDSIT SGYWNWIRKF PGNKLEYMGY 50
ISYSGITDYN PSLKSRITIS RDTSKNYYL QLSNVTTEDT ATYYCARYGN 100
YGYAMDYWGQ GTSVTVSSAS TTAPSVFPLA PSCGSTSGST VALACLVSIGY 150
FPEPVTVSWN SGLSTSGVHT FPSVLQSSGL YLSLSMVTVP SSRWPSETFT 200
CNVAHPASKT KVDKVPKRE NGRVPRPDC PKCPAPEMLG GPSVFIFPPK 250
PKDTLLIART PEVTCVVVDL DPEDPEVQIS WFDGKQMQT AKTQPREEQF 300
NGTYRVVSVL PIGHQDWLKG KQFTCKVNNK ALPSPFIERTI SKARGQAHQP 350
SVYVLPSPRE ELSKNTVSLT CLIKDFPPFD IDVEWQSNQG QEPESKYRRT 400
PFQLDEDEGSY FLYSKLSVDK SRWQRGDTFI CAVMHEALHN HYTQESLSHS 450
PGK 453

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVMTQSPAS LSVSLGQGRAT ISCRASESVD TYGNSFMHWY QQKPGQSPKL 50
LIYRASNLGS GIPARFGGSG SGTDFTLTID PVQADDVATY YCQQSYEDPW 100
TFGGGKLEI KRNDQPAVY LFQSPDQLH TGSASVCLL NSFYPKDINV 150
KWKVDGVIQD TGIQESVTEQ DKDSTYSLSS TLTMSSTEYL SHELYSCEIT 200
HKSLPSTLIK SFQRSECQRV D 221

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-95 145-201 265-325 371-431
22"-95" 145"-201" 265"-325" 371"-431"
Intra-L (C23-C104) 23"-92" 138"-197"
23"-92" 138"-197"
Inter-H-L (CH1 11-CL 126) 133-217" 133"-217"
Inter-H-H (h 15, h 18) 230-230" 233-233"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
301, 301"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:
453, 453"

tolinapantum
tolinapant

(6²R,6⁵R,8³R)-1⁴-fluoro-3⁵-(hydroxymethyl)-3³,3³,6⁵,8³-
tetramethyl-3^{2,3}-dihydro-3(6,1)-pyrrolo[3,2-*b*]pyridina-
8(4)-morpholina-6(1,2)-piperazina-1(1)-
benzenaoctaphan-4-one
inhibitor of apoptosis protein (IAP) antagonist

tolinapant

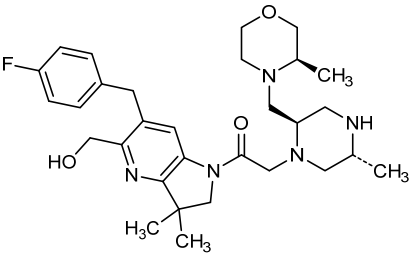
(6²R,6⁵R,8³R)-1⁴-fluoro-3⁵-(hydroxymethyl)-3³,3³,6⁵,8³-
tetramethyl-3^{2,3}-dihydro-3(6,1)-pyrrolo[3,2-*b*]pyridina-
8(4)-morpholina-6(1,2)-piperazina-1(1)-
benzenaoctaphan-4-one
antagoniste de protéine inhibitrice de l'apoptose (PIA)

tolinapant

(6²R,6⁵R,8³R)-1⁴-fluoro-3⁵-(hidroximetil)-3³,3³,6⁵,8³-
tetrametil-3^{2,3}-dihidro-3(6,1)-pirrolo[3,2-*b*]piridina-8(4)-
morfolina-6(1,2)-piperazina-1(1)-bencenaoctafan-4-
ona
antagonista de la proteína inhibidora de la apoptosis (PIA)

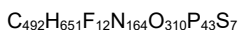
C₃₀H₄₂FN₅O₃

1799328-86-1

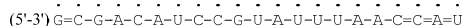
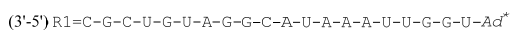


désoxy-2'-fluoroadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-
(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-
méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-
(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-
fluoroguanilyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-
désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-
(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(3'→5')-2'-O-
méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-
(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-
thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanosine
antiviral

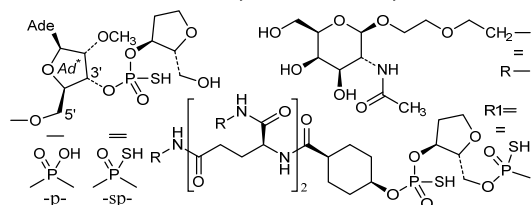
tomligisirán

[illegible]

2202803-58-3



Legend: X: 2'-O-methylNucl. X: 2'-deoxy-2'-fluoroNucl.



torudokimabum #

torudokimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL33 (interleukin 33, interleukin-1 family member 11, IL1F11, nuclear factor for high endothelial venules, NF-HEV)], monoclonal antibody;
 gamma4 heavy chain (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*04 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (87.5%) M123>L (118)) CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112) (1-123)-*Homo sapiens*IGHG4*01 G4v5 h P10, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (124-221), hinge 1-12 S10>P (231) (222-233), CH2 F1.3>A (237), L1.2>A (238) (234-343), CH3 (344-448), CHS K>del (449)) (124-449)], (137-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-20*01 (88.5%) -IGKJ4*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.10] (27-32.50-52.89-98) (1'-108') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimer (229-229'':232-232'')-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1 cell line, glycoform alfa
immunomodulator

torudokimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL33 (interleukine 33, membre 11 de la famille 1 d'interleukines, IL1F11, facteur nucléaire des veinules à haut endothélium, NF-HEV)], anticorps monoclonal;
 chaîne lourde gamma4 (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*04 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (87.5%) M123>L (118)) CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112) (1-123)-*Homo sapiens*IGHG4*01 G4v5 h P10, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (124-221), charnière 1-12 S10>P (231) (222-233), CH2 F1.3>A (237), L1.2>A (238) (234-343), CH3 (344-448), CHS K>del (449)) (124-449)], (137-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-20*01 (88.5%) -IGKJ4*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.10] (27-32.50-52.89-98) (1'-108') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimère (229-229'':232-232'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunomodulateur

torudokimab

immunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL33 (interleukina 33, miembro 11 de la familia 1 de interleukinas, IL1F11, factor nuclear de las vénulas del alto endotelio, NF-HEV)], anticuerpo monoclonal;
 cadena pesada gamma4 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*04 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (87.5%) M123>L (118)) CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112) (1-123)-*Homo sapiens*IGHG4*01 G4v5 h P10, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (124-221), bisagra 1-12 S10>P (231) (222-233), CH2 F1.3>A (237), L1.2>A (238) (234-343), CH3 (344-448), CHS K>del (449)) (124-449)], (137-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-20*01 (88.5%) -IGKJ4*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.10] (27-32.50-52.89-98) (1'-108') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dímero (229-229'':232-232'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
immunomodulador

2241728-76-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVETGGG LIQPGGSLRL SCAASGTFES FYAMSWVRQA PGKGLEWVSA 50
ISGSGGSTYY ADSVKGRTFI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARTI 100
HGIRAAAYDAF IIWGQGLTVT VSSASTKGPS VFPLAPCSRS TSESTAALGC 150
LVKDYFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG 200
TKTYTCNVDH KPSNTKVDKR VESKYGPCCP PCPAPEAAGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTF EYTCVVVDVS QEDPEVQFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQFN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKG LPSSIEKTIIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSQEE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LDSGDSFFLY SRLTVDKSRW QEGNVFSCSV MHEALHNNHYT QKSLSLSLG 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASQSVG INLSWYQQKQ GQAPRLLIYG 50
ASHRLTGIPD RFGSGSGSTD FTLTISRLEP EDFAVYIYCHQ YSQPPPTFTG 100
GGTKVEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNPF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSSLT TLKADYERKH KRYACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEK 215

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 150-206 264-324 370-428
22"-96" 150"-206" 264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 135"-195"
23"-88" 135"-195"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 137-215' 137"-215"
Inter-H-H (h 8, h 11) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
300, 300"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

tozorakimabum #
tozorakimab

immunoglobulin G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* IL33 (interleukin 33, DVS27, NF-HEV, IL1F11)], monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-456) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%) L123>M (121)) CDR-IMGT [8.8.19] (26-33.51-58.97-115) (1-126) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (223) (127-224), hinge 1-15 (225-239), CH2 (240-349), CH3 E12 (365), M14 (367) (350-454), CHS (455-456)) (127-456)], (229-211')-disulfide with lambda2 light chain (1'-212') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-1*01 (86.2%) -IGLJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (26-31.49-51.88-96) (1'-106') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (107'-212')]; dimer (235-235":238-238")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO) cell line derived from CHO-K1, glycoform alfa
immunomodulator

tozorakimab

immunoglobuline G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* IL33 (interleukine 33, DVS27, NF-HEV, IL1F11)], anticorps monoclonal;
chaîne lourde gamma1 (1-456) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%) L123>M (121)) CDR-IMGT [8.8.19] (26-33.51-58.97-115) (1-126) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (223) (127-224), charnière 1-15 (225-239), CH2 (240-349), CH3 E12 (365), M14 (367) (350-454), CHS (455-456)) (127-456)], (229-211')-disulfure avec la chaîne légère lambda2 (1'-212') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-1*01 (86.2%) -IGLJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (26-31.49-51.88-96) (1'-106') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (107'-212')]; dimère (235-235":238-238")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunomodulateur

tozorakimab

inmunoglobulina G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* IL33 (interleukina 33, DVS27, NF-HEV, IL1F11)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma1 (1-456) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%) L123>M (121)) CDR-IMGT [8.8.19] (26-33.51-58.97-115) (1-126) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (223) (127-224), bisagra 1-15 (225-239), CH2 (240-349), CH3 E12 (365), M14 (367) (350-454), CHS (455-456)) (127-456)], (229-211')-disulfuro con la cadena ligera lambda2 (1'-212') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-1*01 (86.2%) -IGLJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (26-31.49-51.88-96) (1'-106') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (107'-212')]; dímero (235-235":238-238")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa
inmunomodulador

2376858-66-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYAMSWVRQA PGKLEWVSG 50
ISAIIDQSTYY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARQK 100
FMQLWGGLR YPFGYWGQGT MVTVSSASTK GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA 150
LGCLVKDYFP EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLSQSSGLYS LSSVVTVPSS 200
SLGTTYICN VNHKPSNTKV DKRVEPKSCD KTHTCPPCPA PELLGGPSVF 250
LFPPKPKDTL MISRTPEVTC VVVDVSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP 300
REEQYNSTYR VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNNALPAP IEKTIKAKG 350
QPREPQVYTL PPSREEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY 400
KTPPEVLDSG GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMEHA LHNHYTQKSL 450
SLSPGK 456

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
SYVLTQPPSV SVSPGQTASI TCSGEGMDK YAAWYQKPG QSPVLVIYRD 50
TKRPSGIPER FSGSNSGNTA TLTIISGTQAM DEADYYCGVI QDNTGVFPGG 100
TKLTVLGQPK AAPSVTLFPP SSEEIQAANKA TLVCLISDFY PGAVTVAWKA 150
DSSPVKAGVE TTPFSKQNN KYAASSYLSL TPEQWKSHRS YSCQVTHEGS 200
TVEKTVAPTE CS 212

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 153-209 270-330 376-434
22*-96* 153*-209* 270*-330* 376*-434*
Intra-L (C23-C104) 22*-87 134*-193*
22*-87** 134***-193**
Inter-H-L (h 5-CL 126) 229-211' 229*-211"
Inter-H-H (h 11, h 14) 235-235* 238-238"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
306, 306"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:
456, 456"

ulevostinagum
ulevostinag

cyclo[(*P*³*R*,2'*S*)-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-(*P*²*R*)-3'-deoxy-3'-fluoro-*P*-thioguanlylyl-(2'→5')]
stimulator of interferon genes (STING), antineoplastic

ulévostinag

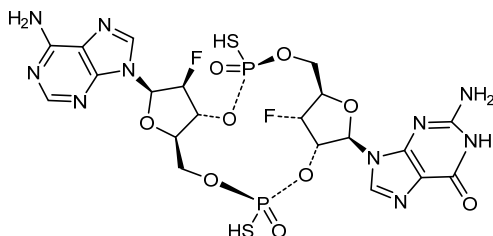
cyclo[(*P*³*R*,2'*S*)-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-(*P*²*R*)-3'-désoxy-3'-fluoro-*P*-thioguanlylyl-(2'→5')]
stimulateur des gènes de l'interféron (STING), antinéoplasique

ulevostinag

cyclo[(*P*³*R*,2'*S*)-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-(*P*²*R*)-3'-désoxy-3'-fluoro-*P*-thioguanlylyl-(2'→5')]
estimulador del gen de interferon (STING), antineoplásico

$C_{20}H_{22}F_2N_{10}O_9P_2S_2$

2082743-96-0

**ulilédlimabum #**

ulilédlimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* NT5E (5'-nucleotidase ecto, 5' nucleotidase, NT5, eN, eNT NTE, CALJA, CD73)], monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-38-2*01 (87.6%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) CDR-IMGT [9.7.13] (26-34.52-58.97-109) (1-120) - *Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R>K 120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 N84.4>A (300) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS(449-450)) (121-450)], (223-213')-disulfide with kappa light chain (1'-215') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV4-72*01 (81.1%) - IGKJ1*01 (90.9%) L124>V (103)]/*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (77.9%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [5.3.9] (26-31.59-51.88-96) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dimer (229-229':232-232'')-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1 cell line, non-glycosylated

immunomodulator, antineoplastic

ulilédlimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* NT5E (5' ecto nucléotidase, 5' nucléotidase, NT5, eN, eNT NTE, CALJA, CD73)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-38-2*01 (87.6%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) CDR-IMGT [9.7.13] (26-34.52-58.97-109) (1-120) - *Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R>K 120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 N84.4>A (300) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS(449-450)) (121-450)], (223-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-215') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV4-72*01 (81.1%) - IGKJ1*01 (90.9%) L124>V (103)]/*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (77.9%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [5.3.9] (26-31.59-51.88-96) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dimère (229-229':232-232'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1, non-glycosylé

immunomodulateur, antinéoplasique

uliledlimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* NT5E (5' ecto nucleotidasa, 5' nucleotidasa, NT5, eN, eNT NTE, CALJA, CD73)], anticuerpo monoclonal;
 cadena pesada gamma1 (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-38-2*01 (87.6%) -IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) CDR-IMGT [9.7.13] (26-34.52-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R>K 120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 N84.4>A (300) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS(449-450)) (121-450)], (223-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-215') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV4-72*01 (81.1%) -IGKJ1*01 (90.9%) L124>V (103)/*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (77.9%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [5.3.9] (26-31.59-51.88-96) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1, no glicosilado
inmunomodulador, antineoplásico

2378407-27-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLQESGGPG LVKPSSETLSL TCAVSGYSIT SGYYWNWIRQ PPGKKLEWMG 50
YNYGGSGNGY NPSLKSRTIT SRDTSKNQFS LKLSSTVAAD TAVYYCARDY 100
DAYYEALDDW GQGTTVTVSS ASTKGPVSVPF LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPTVTS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYLSSTVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKFS NTKVDKKVBP KSCDKHTTCTP PCFAPPELLGG PSVFLFPFKP 250
KDTLMISRTPE EVTCVVVDVSH HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYA 300
STYRVSVSLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIETIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTLC LVKGFYPSDI AVEWESNQQP ENNYKTTTTPV 400
LSDSGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
EIVLSQSPAT LSLSPGERAT LSCRSSRVN YMHVYQKPG QSPRPWISAT 50
SNLASGVFAR FSGSGSGTSY TLTISLSLEPE DFAVYYCQW SSNPPTFGGG 100
TKVELKRTVA AFSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLLNNFYP REAKVQWQVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSSTLT LSKADYERHKV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFNR GEC 213
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22°-96' 147°-203' 264°-324' 370°-428'
 Intra-L (C23-C104) 23°-87' 133°-193'
 23°-87" 133°-193"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223°-213' 223°-213"

Inter-H-H (h 11, h 14) 229°-229" 232°-232"

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación

CH2 N84.4>A:

300, 300"

Aglycosylated

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

HCHS K2:

450, 450"

ulotarontum

ulotaront

1-[(7S)-4,7-dihydro-5H-thieno[2,3-c]pyran-7-yl]-N-methylmethanamine
serotonin receptor (5-HT1A) and trace amine-associated receptor 1 (TAAR1) agonist, neuroleptic

ulotaront

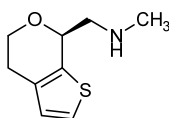
1-[(7S)-4,7-dihydro-5H-thiéo[2,3-c]pyran-7-yl]-N-méthylméthanamine
agoniste des récepteurs de la sérotonine (5-HT1A) et des récepteurs amine de trace associée 1 (TAAR1), neuroleptique

ulotaront

1-[(7S)-4,7-dihidro-5H-tieno[2,3-c]piran-7-il]-N-metilmetanamina
agonista del receptor de la serotonina (5-HT1A) y del receptor de trazas de amina asociado 1 (TAAR1), neuroléptico

C₉H₁₃NOS

1310426-33-5

**umifoxolanerum**

umifoxolaner

4-[(5S)-5-[3-chloro-4-fluoro-5-(trifluoromethyl)phenyl]-5-(trifluoromethyl)-4,5-dihydro-1,2-oxazol-3-yl]-N-[2-oxo-2-[(2,2,2-trifluoroethyl)amino]ethyl]naphthalene-1-carboxamide
gamma-aminobutyric acid (GABA) regulated chloride channels antagonist, antiparasitic agent (veterinary use)

umifoxolaner

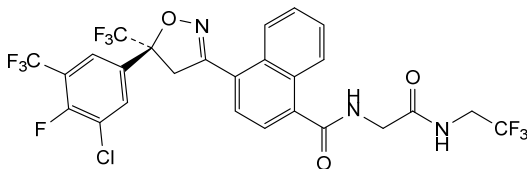
4-[(5S)-5-[3-chloro-4-fluoro-5-(trifluorométhyl)phényl]-5-(trifluorométhyl)-4,5-dihydro-1,2-oxazol-3-yl]-N-[2-oxo-2-[(2,2,2-trifluoroéthyl)amino]éthyl]naphtalène-1-carboxamide
antagoniste des canaux chlorure réglementés par l'acide gamma-aminobutyrique (GABA), antiparasitaire (usage vétérinaire)

umifoxolaner

4-[(5S)-5-[3-cloro-4-fluoro-5-(trifluorometil)fenil]-5-(trifluorometil)-4,5-dihidro-1,2-oxazol-3-il]-N-[2-oxo-2-[(2,2,2-trifluoroetil)amino]etil]naftaleno-1-carboxamida
antagonista de los canales de cloruro regulado por ácido gamma-aminobutírico (GABA), antiparasitario (uso veterinario)

C₂₆H₁₆ClF₁₀N₃O₃

2021230-37-3

**unasnemabum #**

unasnemab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* RGMA (repulsive guidance molecule BMP co-receptor a, RGM)], monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain (1-446) [VH (*Mus musculus*IGHV6-6*01 (87%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (90.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-49*04 (85%) -(IGHD) -IGHJ6*04 (100%)) CDR-IMGT [8.10.7] (26-33.51-60.99-105) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (213) (117-214), hinge 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (81.8%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (225-225"-228-228")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa *neurological*

unasnémaab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* RGMA (co-récepteur BMP de la molécule d'orientation répulsive a, RGM)], anticorps monoclonal;
chaîne lourde gamma1 (1-446) [VH(*Mus musculus* IGHV6-6*01 (87%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (90.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-49*04 (85%) -(IGHD) -IGHJ6*04 (100%)) CDR-IMGT [8.10.7] (26-33.51-60.99-105) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (213) (117-214), charnière 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (81.8%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa neurologique

unasnemab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* RGMA (co-receptor BMP de la molécule de orientation repulsiva a, RGM)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma1 (1-446) [VH(*Mus musculus* IGHV6-6*01 (87%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (90.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-49*04 (85%) -(IGHD) -IGHJ6*04 (100%)) CDR-IMGT [8.10.7] (26-33.51-60.99-105) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (213) (117-214), bisagra 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (81.8%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa neurologico

2379805-59-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

EIVLVESGGG LVQPGRSLRL SCTASGFTFS DAWMDWVRQA PGKGLEWVAE 50
IRSKANNHAT YYAESVKGRF TISRDDSKSI VYLQMNLSLT EDTALYYCTR 100
RDGAYWGKGT TVTVSSASTK GSVVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVVTVESS SLGTQTYICN 200
VNHKFSNTKV DKKVEPKSCD KTHTCPPCPA PELLGGPSVF LFPPKPKDIL 250
MISRTPVETC VVVDVSHEDP EVKENWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR 300
VVSILTVLHQ DNLNGKEYKC KVSNALEAP IEKTISKAKG QPREPQVYTL 350
PFSRDELTKN QVSLTCLVKG FYFSDIAVEW ESNQGPFENNY RTTPPVLDSD 400
GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSMHEA LHNHYTQKSL SLSPGK 446

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DIQMTQSPSS VSASVGDRTV ITCRASQDIS SYLNWYQQKP GKAPKLLIYY 50
TSRLHSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISLQEP EDFASYFCQQ LNTLPWTFGG 100
GTKVEMERTV AAPSVFIPPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNEY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYERKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGECC 214

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-98 143"-199 260"-320 366"-424
22"-98" 143"-199" 260"-320" 366"-424"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 219"-214" 219"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 225"-225" 228"-228"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

296, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2:

446, 446"

unesbulinum

unesbulin

5-fluoro-2-(6-fluoro-2-methyl-1*H*-benzimidazol-1-yl)-*N*⁴-[4-(trifluoromethyl)phenyl]pyrimidine-4,6-diamine
tubulin binder, antineoplastic

unesbuline

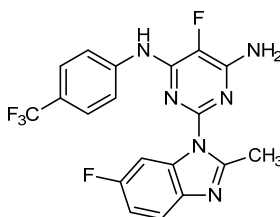
5-fluoro-2-(6-fluoro-2-méthyl-1*H*-benzimidazol-1-yl)-*N*⁴-[4-(trifluorométhyl)phényl]pyrimidine-4,6-diamine
ligand de la tubuline, antinéoplasique

unesbulina

5-fluoro-2-(6-fluoro-2-metil-1*H*-benzimidazol-1-il)-*N*⁴-[4-(trifluorometil)fenil]pirimidina-4,6-diamina
ligando de tubulina, antineoplásico

C₁₉H₁₃F₅N₆

1610964-64-1

**usmarapridum**

usmarapride

3-{5-[1-(3-methoxypropyl)piperidin-4-yl]-1,3,4-oxadiazol-2-yl}-1-(propan-2-yl)-1*H*-indazole
serotonin (5-HT₄) receptor partial agonist

usmarapride

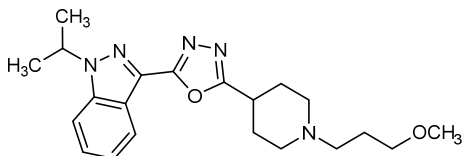
3-{5-[1-(3-méthoxypropyl)pipéridin-4-yl]-1,3,4-oxadiazol-2-yl}-1-(propan-2-yl)-1*H*-indazole
agoniste partiel des récepteurs de la sérotonine (5-HT₄)

usmaraprida

3-{5-[1-(3-metoxipropil)piperidin-4-il]-1,3,4-oxadiazol-2-il}-1-(propan-2-il)-1*H*-indazol
agonista parcial de los receptores de la serotonina (5-HT₄)

C₂₁H₂₉N₅O₂

1428862-32-1

**vanglusagenum ensiparvovecum #**

vanglusagenum ensiparvovec

A recombinant liver-directed adeno-associated virus vector expressing human acid alpha-glucosidase (GAA).

A recombinant liver-directed adeno-associated virus serotype rh74 (AAVrh74) vector that contains a bio-engineered capsid derived from AAVrh74 by four amino-acid substitutions and a codon-optimized transgene expression cassette to drive hepatic

synthesis and secretion of the lysosomal enzyme human acid alpha-glucosidase (GAA, α -1,4-glucosidase, acid maltase) via an apolipoprotein E hepatic control region 1 (ApoE HCR1) enhancer/ human alpha 1-antitrypsin (hAAT) promoter, a modified human beta-globin intron 2 (HBB2) and a bovine growth hormone (bGH) polyA signal sequence, flanked by adeno-associated virus 2 (AAV2) inverted terminal repeats (ITRs).
gene therapy (Pompe disease)

vanglusagène ensiparvec

Un vecteur viral adéno-associé recombinant ciblant le foie exprimant l'alpha-glucosidase acide (GAA) humaine.
Un vecteur viral adéno-associé de sérotype rh74 recombinant (AAVrh74) ciblant le foie qui contient une capsid issue de la bio-ingénierie dérivée du AAVrh74 par quatre substitutions d'acides aminés et une cassette d'expression d'un transgène aux codons optimisés pour induire la synthèse hépatique et la sécrétion de l'alpha-glucosidase acide (GAA, α -1,4-glucosidase, maltase acide) enzyme humaine des lysosomes via un activateur de la région 1 de contrôle hépatique de l'apolipoprotéine E (ApoE HCR1)/promoteur de l'alpha 1-antitrypsine humaine (hAAT), un intron 2 modifié de la bêta-globine humaine (HBB2) et une séquence signal polyA de l'hormone de croissance bovine (bGH), flanquée de répétitions terminales inversées (ITRs) du virus adéno-associé 2 (AAV2).
thérapie génique (maladie de Pompe)

vanglusagén ensiparvec

Un vector de virus adeno-asociado recombinante dirigido al hígado que expresa la alfa-glucosidasa ácida (GAA) humana.
Un vector de virus adeno-asociado serotipo rh74 (AAVrh74) recombinante dirigido al hígado que contiene una cápside bioingenierizada derivada de AAVrh74 mediante sustituciones de cuatro aminoácidos y un casete de expresión con codones optimizados para dirigir la síntesis hepática y la secreción de la enzima lisosomal alfa-glucosidasa ácida humana (GAA, α -1,4-glucosidasa, maltasa ácida) mediante un potenciador de la región de control hepática 1 de la apolipoproteína E (ApoE HCR1)/promotor de alfa 1-antitripsina humana (hAAT), un intrón 2 modificado de la beta-globina humana (HBB2) y una secuencia señal polyA de la hormona de crecimiento bovina (bGH), flanqueado por las repeticiones terminales invertidas (ITRs) del virus adeno-asociado 2 (AAV2).
terapia génica (enfermedad de Pompe)

2382896-00-4

varoglutamstatum
varoglutamstat

(5S)-1-(1H-benzimidazol-5-yl)-5-(4-propoxyphenyl)imidazolidin-2-one
glutaminyl cyclase inhibitor

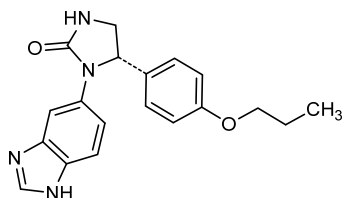
varoglutamstat

(5S)-1-(1H-benzimidazol-5-yl)-5-(4-propoxyphényl)imidazolidin-2-one
inhibiteur de la glutaminye cyclase

varoglutamstat

(5*S*)-1-(1*H*-benzimidazol-5-yl)-5-(4-propoxifenil)imidazolidin-2-ona
inhibidor de la glutaminilo ciclase $C_{19}H_{20}N_4O_2$

1276021-65-8

**vemircopanum**

vemircopan

(1*R*,3*S*,5*R*)-2-[[3-acetyl-5-(2-methylpyrimidin-5-yl)-1*H*-indazol-1-yl]acetyl]-*N*-(6-bromo-3-methylpyridin-2-yl)-5-methyl-2-azabicyclo[3.1.0]hexane-3-carboxamide
complement factor D inhibitor

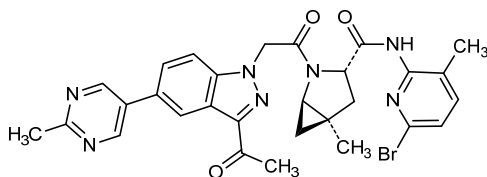
vémircopan

(1*R*,3*S*,5*R*)-2-[[3-acétyl-5-(2-méthylpyrimidin-5-yl)-1*H*-indazol-1-yl]acétyl]-*N*-(6-bromo-3-méthylpyridin-2-yl)-5-méthyl-2-azabicyclo[3.1.0]hexane-3-carboxamide
inhibiteur du facteur D du complément

vemircopán

(1*R*,3*S*,5*R*)-2-[[3-acetil-5-(2-metilpirimidin-5-il)-1*H*-indazol-1-il]acetil]-*N*-(6-bromo-3-metilpiridin-2-il)-5-metil-2-azabicyclo[3.1.0]hexano-3-carboxamida
inhibidor de factor D del complemento $C_{29}H_{28}BrN_7O_3$

2086178-00-7

**vixtimotamabum #**

vixtimotamab

immunoglobulin V-kappa-VH-V-lambda-VH' chain homodimer, anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)] and anti-[*Homo sapiens* CD33 (sialic acid binding Ig-like lectin 3, SIGLEC3, SIGLEC-3, gp67, p67)], monoclonal antibody V-kappa-VH-V-lambda-VH' chain noncovalent homodimer, bispecific, tetravalent; IG V-kappa-VH-V-lambda-VH' chain anti-CD3E and anti-CD33 (1-483) [anti-CD3E V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-17*01 (72.5%) - IGKJ1*01 (91.7%)) CDR-IMGT [9.3.9] (27-35.53-55.92-100) (1-110)] -6-mer bis(diglycyl-seryl) linker (111-116) -anti-CD33 VH (*Homo sapiens*IGHV1-8*01 (94.9%) -IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.15] (142-149.167-174.213-227) (117-238) -4-mer diglycyl-seryl-glycyl linker (239-242) -anti-CD33 V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-44*01 (95.9%) -IGLJ3*01 (86.7%)) CDR-IMGT [8.3.11] (268-275.293-295.332-342) (243-352)] -6-mer bis(diglycyl-seryl) linker

	(353-358) -anti-CD3E VH (<i>Mus musculus</i> IGHV10-1*02 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV3-72*01 (88.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.10.16] (384-391.409-418.457-472) (359-483)]; noncovalent homodimer, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-derived cell line transfected with the glutamine synthetase (GS) gene, non-glycosylated <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
vixtimotamab	immunoglobuline chaîne V-kappa-VH-V-lambda-VH' homodimère, anti-[<i>Homo sapiens</i> CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)] et anti-[<i>Homo sapiens</i> CD33 (lectine 3 de type Ig-like liant l'acide sialique, SIGLEC3, SIGLEC-3, gp67, p67)], anticorps monoclonal chaîne V-kappa-VH-V-lambda-VH' homodimère non-covalent, bispécifique, tétravalent; IG chaîne V-kappa-VH-V-lambda-VH' anti-CD3E et anti-CD33 (1-483) [anti-CD3E V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-17*01 (72.5%) -IGKJ1*01 (91.7%)) CDR-IMGT [9.3.9] (27-35.53-55.92-100) (1-110)] -6-mer bis(diglycyl-séryl) linker (111-116) -anti-CD33 VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-8*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.15] (142-149.167-174.213-227) (117-238) -4-mer diglycyl-séryl-glycyl linker (239-242) -anti-CD33 V-LAMBDA (<i>Homo sapiens</i> IGLV1-44*01 (95.9%) -IGLJ3*01 (86.7%)) CDR-IMGT [8.3.11] (268-275.293-295.332-342) (243-352)] -6-mer bis(diglycyl-séryl) linker (353-358) -anti-CD3E VH (<i>Mus musculus</i> IGHV10-1*02 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV3-72*01 (88.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.10.16] (384-391.409-418.457-472) (359-483)]; homodimère non-covalent, produite dans une lignée cellulaire dérivée des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) transfectée avec le gène de la glutamine synthétase (GS), non-glycosylé <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
vixtimotamab	immunoglobulina cadena V-kappa-VH-V-lambda-VH' homodímero, anti-[<i>Homo sapiens</i> CD3E (CD3 épsilon, Leu-4)] y anti-[<i>Homo sapiens</i> CD33 (lectina 3 de tipo Ig-like de unión al ácido siálico, SIGLEC3, SIGLEC-3, gp67, p67)], anticuerpo monoclonal cadena V-kappa-VH-V-lambda-VH' homodímero no covalente, biespecífica, tetravalente; IG cadena V-kappa-VH-V-lambda-VH' anti-CD3E y anti-CD33 (1-483) [anti-CD3E V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-17*01 (72.5%) -IGKJ1*01 (91.7%)) CDR-IMGT [9.3.9] (27-35.53-55.92-100) (1-110)] -6-mer bis(diglicil-seril) linker (111-116) -anti-CD33 VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-8*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.15] (142-149.167-174.213-227) (117-238) -4-mer diglicil-seril-glicil linker (239-242) -anti-CD33 V-LAMBDA (<i>Homo sapiens</i> IGLV1-44*01 (95.9%) -IGLJ3*01 (86.7%)) CDR-IMGT [8.3.11] (268-275.293-295.332-342) (243-352)] -6-mer bis(diglicil-seril) linker (353-358) -anti-CD3E VH (<i>Mus musculus</i> IGHV10-1*02 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV3-72*01 (88.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.10.16] (384-391.409-418.457-472) (359-483)]; homodímero no covalente, producido en una línea celular derivada de las células ováricas de hámster chino (CHO) transfectada con el gen de la glutamina sintetasa (GS), no glicosilado <i>immunomodulador, antineoplásico</i>

2243775-32-6

Chain / Chaîne / Cadena

DIQMTQSFSS LSASVGDVRT ITCRSSTGAV TTSNYANWVQ QKPGKAPKAL 50
 IGGTNKRAPG VPSRFSGSLI GDKATLTISS LQPEDFATYY CALWYSNLAV 100
 FGQGTKEVEIK GSGSGSQVL VQSGAEVKKP GASVKVSKA SGYTFTSYDI 150
 NWVRQAPQGG LEWGMWMPN SGTGFAQKF QGRVTMTRDT STSTVYMELS 200
 SLRSEDNAVY YCARDRANDT YSLGMDVWQ GTLVTVSSGG SGQSVLTQPP 250
 SASGTFQQRV TISCSGSRSN IGSNTVNWYQ QLPGTAPKLL IYGNQRPSG 300
 VPDFRSGSKS GTSASLAISG LQSEDEADYY CATWDDSLIG WVFGGTKLT 350
 VLGSGSGSEV QLVESGGGLV QPGGSLRLSC AASGFTFSTY AMNWVRQAPG 400
 KGLEWVGRIR SKYNNYATYY ADSVKDRFTI SRDDSKNSLY LQMNSLKTED 450
 TAVYYCARHG NFGNSYVSF AYWGQGLVT VSS 483

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
 Intra-chain (C23-C104) 23-91 138-212 264-331 380-456

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación

voxeralgagenum autotemcelum #

voxeralgagene autotemcel

Autologous CD34+ hematopoietic stem cells (HSCs) transduced *ex vivo* with a self-inactivating lentiviral vector encoding human alpha-galactosidase A (GLA).

Autologous CD34+ hematopoietic stem cells (HSCs) obtained by apheresis, transduced with a non-replicating, self-inactivating lentiviral vector encoding codon-optimized human alpha-galactosidase A (GLA) under the control of the human elongation factor 1 alpha short (EFS-1 alpha) promoter and a modified woodchuck hepatitis virus posttranscriptional regulatory element (WPRE). The vector genome also contains a packaging signal, a partial *gag* sequence, a Rev response element (RRE), a central polypurine tract (cPPT) and a Kozak sequence.

cell-based gene therapy (Fabry disease)

voxéralgagène autotemcel

Cellules souches hématopoïétiques autologues CD34+ (HSCs) transduites *ex vivo* avec un vecteur lentiviral auto-inactifant codant pour la galactosidase-alpha A (GLA).

Les cellules souches hématopoïétiques autologues CD34+ (HSCs) obtenues par aphérèse, transduites avec un vecteur lentiviral non-répliquant, auto-inactifant codant pour une galactosidase-alpha A humaine aux codons optimisés (GLA) sous le contrôle du promoteur humain du facteur d'élongation 1 alpha court (EFS-1 alpha) et un élément de régulation post-transcriptionnelle du virus de l'hépatite de la marmotte (WPRE). Le génome du vecteur contient aussi un signal de compaction, une séquence partielle *gag*, un élément de réponse Rev (RRE), un tractus central de polypurine (cPPT) et une séquence Kozak.

thérapie génique à base de cellules (maladie de Fabry)

voxeralgagén autotemcel

Células madre hematopoyéticas (HSC) CD34+ autólogas transducidas *ex vivo* con un vector lentiviral auto inactivante que codifica para la galactosidasa alfa A (GLA) humana.

Células madre hematopoyéticas (HSC) CD34+ autólogas obtenidas por aféresis, transducidas con un vector lentiviral no replicativo y auto inactivante que codifica para la galactosidasa alfa A (GLA) humana, con codones optimizados, bajo el control del promotor del factor de elongación corto 1 alfa (EFS-1 alfa) humano y un elemento regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE) modificado. El genoma del vector también contiene una señal empaquetadora, una secuencia *gag* parcial, un elemento de respuesta Rev (RRE), un segmento central de polipurinas (cPPT) y una secuencia Kozak.

terapia génica basada en células (enfermedad de Fabry)

zabedoseritibum

zabedoseritib

N-{6-(2-hydroxypropan-2-yl)-2-[2-(methanesulfonyl)ethyl]-2*H*-indazol-5-yl}-6-(trifluoromethyl)pyridine-2-carboxamide
serine/ threonine kinase inhibitor

zabédoseritib

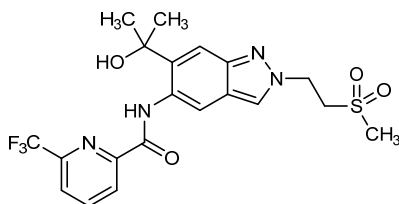
N-{6-(2-hydroxypropan-2-yl)-2-[2-(méthanesulfonyl)éthyl]-2*H*-indazol-5-yl}-6-(trifluorométhyl)pyridine-2-carboxamide
inhibiteur de sérine/ thréonine kinase

zabedoseritib

N-{6-(2-hidroxipropan-2-il)-2-[2-(metanosulfonil)etil]-2*H*-indazol-5-il}-6-(trifluorometil)piridina-2-carboxamida
inhibidor de serina / treonina kinasa

C₂₀H₂₁F₃N₄O₄S

1931994-81-8

**zaloglanstatum**

zaloglanstat

N-[(4-chloro-3-{5-oxo-1-[4-(trifluoromethyl)phenyl]-2,5-dihydro-1*H*-1,2,4-triazol-3-yl}phenyl)methyl]-2,2-dimethylpropanamide
prostaglandin synthase inhibitor

zaloglanstat

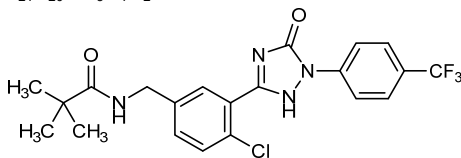
N-[(4-chloro-3-{5-oxo-1-[4-(trifluorométhyl)phényl]-2,5-dihydro-1*H*-1,2,4-triazol-3-yl}phényl)méthyl]-2,2-diméthylpropanamide
inhibiteur de la prostaglandine synthase

zaloglanstat

N-[(4-cloro-3-{5-oxo-1-[4-(trifluorometil)fenil]-2,5-dihidro-1*H*-1,2,4-triazol-3-il}fenil)metil]-2,2-dimetilpropanamida
inhibidor de la prostaglandina sintasa

C₂₁H₂₀ClF₃N₄O₂

1513852-12-4

**zamtocabtagenum autoleucelum #**

zamtocabtagene autoleucel

Autologous T cells obtained from peripheral blood collected by leukapheresis, transduced with a non-replicating lentiviral vector, pseudotyped with vesicular stomatitis virus (VSV) glycoprotein (G), encoding a codon-optimized chimeric antigen receptor (CAR) targeting the human B-lymphocyte antigens CD19 and CD20.

Cells are activated in the presence of a colloidal polymeric nanomatrix covalently attached to anti-CD3 and anti-CD28, transduced, and then cultured in the presence of IL-7 and IL-15. The T cells are predominantly central memory (>80%; CD4+/CD8+, CD62L+, CD45RO+) and effector memory T cells (CD4+/CD8+, CD62L-, CD45RO+). The target binding moieties of the CAR are two single-chain variable fragments (scFv), derived from a murine anti-human CD20 and a murine anti-human CD19 hybridoma clone linked with a (GGGGS)₅ sequence, fused to intracellular signaling domains from 4-1BB and CD3 zeta, under the control of the elongation factor 1 alpha (EF1α) promoter. The genome also contains a 5' splice donor site and a 3' splice acceptor site, a *gag* truncated open reading frame, an *env* truncated open reading frame, a Rev response element (RRE) 5' to the transgene, and a non-coding artificial sequence for viral titre determination and a *nef* truncated open reading frame 3' to the transgene.

cell-based gene therapy (antineoplastic)

zamtocabtagène autoleucel

Lymphocytes T autologues du sang périphérique recueillis par leucophérèse, transduits avec un vecteur lentiviral non-répliquant, pseudotypés avec une glycoprotéine (G) du virus de la stomatite vésiculaire (VSV), codant un récepteur antigénique chimérique (CAR) aux codons optimisés ciblant les antigènes CD19 et CD20 du lymphocyte B humain. Les cellules sont activées en présence d'une nanomatrice polymérique colloïdale attachée de manière covalente à l'anti-CD3 et l'anti-CD28, transduites, et ensuite cultivées en présence d'IL-7 and IL-15. Les cellules sont majoritairement des lymphocytes T à mémoire centrale (>80%; CD4+/CD8+, CD62L+, CD45RO+) et à mémoire effectrice (CD4+/CD8+, CD62L-, CD45RO+). Les moitiés liées aux cibles du CAR sont deux fragments variables à chaîne simple (scFv), dérivées des clones murins antihumains d'hybridome CD19 et CD20 liés à la séquence (GGGGS)₅, fusionnées aux domaines de signalisation intracellulaire des zêta 4-1BB et CD3, sous le contrôle du promoteur du facteur 1 alpha d'élongation (EF1α). Le génome contient aussi un site d'épissage donneur en 5' et un site d'épissage accepteur en 3', un cadre de lecture ouvert *gag* tronqué, un cadre de lecture ouvert *env* tronqué, un élément de réponse Rev (RRE) dans la partie 5' du transgène, et une séquence artificielle non-codante pour la détermination de la titration virale et un cadre de lecture *nef* tronqué dans la partie 3' du transgène.

thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)

zamtocabtagén autoleucel

Linfocitos T autólogos obtenidos de sangre periférica recogidos por leucoaféresis, transducidos con un vector lentiviral no replicativo, seudotipado con la glicoproteína (G) del virus de la estomatitis vesicular (VSV), que codifica, con codones optimizados, para un receptor de antígenos quimérico (CAR) dirigido a los antígenos CD19 y CD20 de los linfocitos B humanos. Las células se activan en presencia de una nanomatriz coloidal polimérica anclada covalentemente a anti-CD3 y anti-CD28, transducidas, y luego se cultivan en presencia de IL-7 e IL-15. Los linfocitos T son predominantemente de memoria central (>80%; CD4+/CD8+, CD62L+, CD45RO+) y memoria efectora (CD4+/CD8+, CD62L-, CD45RO+). Las fracciones de unión a la diana del CAR son dos fragmentos de cadena variable sencilla (scFv), derivados de un clon de hibridoma murino anti-CD20 humano y anti-CD19 humano ligados con una secuencia (GGGGS)₅, fusionada a los dominios de señalización intracelulares de 4-1BB y CD3 zeta, bajo el control del promotor del factor de elongación 1 alfa (EF1α). El genoma también contiene un sitio 5' donante del procesamiento y un sitio 3' aceptor del procesamiento, un marco de lectura abierto truncado *gag*, un marco de lectura abierto truncado *env*, un elemento de respuesta Rev (RRE) en 5' con respecto al transgén, y una secuencia no codificante artificial para la determinación del título viral y un marco de lectura abierto truncado *nef* en 3' con respecto al transgén.

terapia génica basada en células (antineoplásico)

zavegepantum
zavegepant

N-{(2*R*)-3-(7-methyl-1*H*-indazol-5-yl)-1-[4-(1-methylpiperidin-4-yl)piperazin-1-yl]-1-oxopropan-2-yl]-4-(2-oxo-1,2-dihydroquinolin-3-yl)piperidine-1-carboxamide

calcitonin gene-related peptide receptor antagonist

zavégépant

N-{(2*R*)-3-(7-méthyl-1*H*-indazol-5-yl)-1-[4-(1-méthylpipéridin-4-yl)pipérazin-1-yl]-1-oxopropan-2-yl]-4-(2-oxo-1,2-dihydroquinoléin-3-yl)pipéridine-1-carboxamide

antagoniste du récepteur du peptide lié au gène de la calcitonine

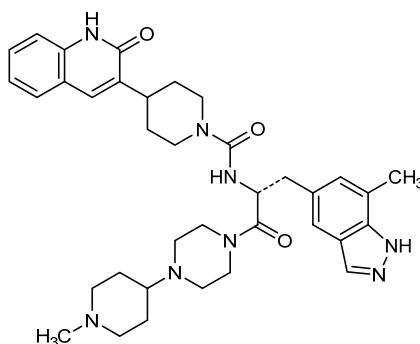
zavegepant

N-{(2*R*)-3-(7-metil-1*H*-indazol-5-il)-1-[4-(1-metilpiperidin-4-il)piperazin-1-il]-1-oxopropan-2-il]-4-(2-oxo-1,2-dihidroquinolein-3-il)piperidina-1-carboxamida

antagonista del receptor del péptido relacionado con el gen de la calcitonina

$C_{36}H_{46}N_8O_3$

1337918-83-8



zeluvalimabum #
zeluvalimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (92.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.50-58.97-109) (1-120) - *Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 R83>C (295), N84.4>G (300), V85>C (305) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9](27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, non-glycosylated *immunomodulator, antineoplastic*

zéluvalimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (92.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.50-58.97-109) (1-120) - *Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 R83>C (295), N84.4>G (300), V85>C (305) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9](27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), non-glycosylé *immunomodulateur, antinéoplasique*

zeluvalimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (92.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.50-58.97-109) (1-120) - *Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 R83>C (295), N84.4>G (300), V85>C (305) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9](27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), no glicosilado
inmunomodulador, antineoplásico

2315361-37-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYDMSWVRQA PGKLEWVSL 50
ISGGGSQTTY AESVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYFCASPS 100
GHYFYAMDVW GQGTITVTSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTCP PCPAPELLGG PSVFLPPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPCEEQYG 300
STYRCVSVLT VLGQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSRBE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LSDGGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS VSASVGDRVT ITCRASQGIS NWLAWYQQKPK GKAPKLLIFA 50
ASSLQSGVPS RFGSGSGSDT FTLTISSLQP EDFATYCCQQ AESFPHTFGG 100
GTRKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY BREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYERKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22"-96" 147"-203" 264"-324" 295"-305" 370"-428"
22"-96" 147"-203" 264"-324" 295"-305" 370"-428"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223'-214' 223"-214"
Inter-H-H (h 11, h14) 229-229" 232-232"

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación
CH2 N84.4>G:
300, 300"
Aglycosylated

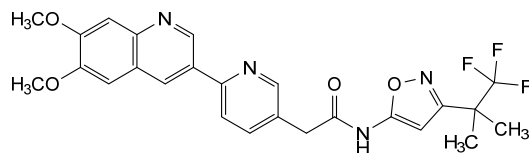
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:
450, 450"

zeteletinibum	2-[6-(6,7-dimethoxyquinolin-3-yl)pyridin-3-yl]-N-[3-(1,1,1-trifluoro-2-methylpropan-2-yl)-1,2-oxazol-5-yl]acetamide
zeteletinib	2-[6-(6,7-diméthoxyquinoléin-3-yl)pyridin-3-yl]-N-[3-(1,1,1-trifluoro-2-méthylpropan-2-yl)-1,2-oxazol-5-yl]acétamide
zeteletinib	2-[6-(6,7-dimetoxiquinolein-3-il)piridin-3-il]-N-[3-(1,1,1-trifluoro-2-metilpropan-2-il)-1,2-oxazol-5-il]acetamida

tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic
inhibiteur de tyrosine kinase, antinéoplasique
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₂₅H₂₃F₃N₄O₄

2216753-97-6

**zilebesiranum**

zilebesiran

[(2*S*,4*R*)-1-{1-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis({3-[(3-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}propyl)amino]-3-oxopropoxy)methyl}-5,11,18-trioxo-14-oxa-6,10,17-triazanonacosan-29-oyl)-4-hydroxypyrrolidin-2-yl)methyl *all-P-ambo*-2'-*O*-methyl-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-3'-adenylate, duplex with *all-P-ambo*-2'-*O*-methyl-*P*-thioadenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyl-*P*-thioguanlyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroguanlyl-(5'→3')-2'-*O*-methylguanylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→2')-1-de-β-D-ribofuranosyl-1-[(2*S*)-2,3-dihydroxypropyl]-5-methyluridylyl-(3'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyl-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thioguanlyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridine
angiotensinogen synthesis reducer, antihypertensive

zilébésiran

tout-P-ambo-2'-*O*-méthyl-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladenylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyl-3'-adénylate de [(2*S*,4*R*)-1-{1-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis({3-[(3-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}propyl)amino]-3-oxopropoxy)méthyle)-5,11,18-trioxo-14-oxa-6,10,17-triazanonacosan-29-oyl)-4-hydroxypyrrolidin-2-yl)méthyle, duplex avec *tout-P-ambo*-2'-*O*-méthyl-*P*-thioadenylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyl-*P*-thioguanlyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladenylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladenylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroguanlyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladenylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→2')-1-des-β-D-ribofuranosyl-1-[(2*S*)-2,3-dihydroxypropyl]-5-méthyluridylyl-(3'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladenylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyl-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thioguanlyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridine
réducteur de la synthèse de l'angiotensinogène, antihypertenseur

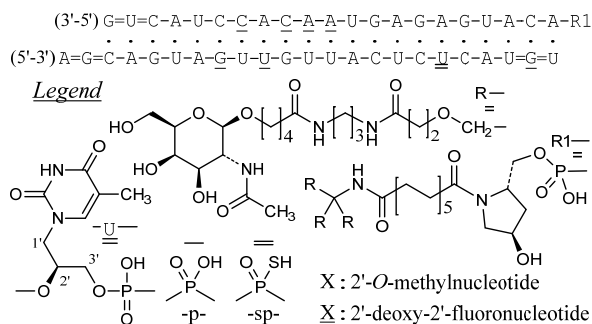
zilebesirán

*todo-P-ambo-2'-O-metil-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-metil-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-metil-3'-adenilato de [(2S,4R)-1-{1-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxil]-16,16-bis[{3-[(3-{5-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxil]pentanamido)propil)amino]-3-oxopropoxi}metil)-5,11,18-trioxo-14-oxa-6,10,17-triazanomonacosa-29-ol]-4-hidroxipirrolidin-2-il]metilo, dúplex con *todo-P-ambo-2'-O-metil-P-tioadenilil-(5'→3')-2'-O-metil-P-tioguanilil-(5'→3')-2'-O-metilcitidilil-(5'→3')-2'-O-metiladenilil-(5'→3')-2'-O-metilguanilil-(5'→3')-2'-O-metiluridilil-(5'→3')-2'-O-metiladenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroguanilil-(5'→3')-2'-O-metilguanilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(5'→3')-2'-O-metilguanilil-(5'→3')-2'-O-metiluridilil-(5'→3')-2'-O-metiluridilil-(5'→3')-2'-O-metiladenilil-(5'→3')-2'-O-metilcitidilil-(5'→3')-2'-O-metiluridilil-(5'→3')-2'-O-metilcitidilil-(5'→2')-1-des-β-D-ribofuranosil-1-[(2S)-2,3-dihidroxipropil]-5-metiluridilil-(3'→3')-2'-O-metilcitidilil-(5'→3')-2'-O-metiladenilil-(5'→3')-2'-O-metil-P-tiouridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoro-P-tioguanilil-(5'→3')-2'-O-metiluridina**

reductor de la síntesis de angiotensinógeno, antihipertensivo

C₅₃₂H₇₂₁F₇N₁₇₇O₃₂₁P₄₃S₆

2380166-33-4



zilovertamabum #

zilovertamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ROR1 (receptor tyrosine kinase like orphan receptor 1, NTRKR1)], humanized monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain humanized (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-70*19 (65.0%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (93.3%) Q120>H (108)) CDR-IMGT [8.7.10] (26-33.51-57.96-105) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17.1 (CH1 K120 (213) (117-214), hinge 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (67.8%) -IGKJ4*01 (90.9%) G120>E (100)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (225-225'':228-228'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa

antineoplastic

zilovortamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ROR1 (récepteurs orphelins de type récepteur 1 à tyrosine kinase, NTRKR1)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma1 humanisée (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-70*19 (65%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%) Q120>H (108)) CDR-IMGT [8.7.10] (26-33.51-57.96-105) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (213) (117-214), charnière 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (67.8%) -IGKJ4*01 (90.9%) G120>E (100)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa antinéoplasique

zilovortamab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ROR1 (receptores huérfanos de tipo receptor 1 con tirosina kinasa, NTRKR1)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada gamma1 humanizada (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-70*19 (65%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%) Q120>H (108)) CDR-IMGT [8.7.10] (26-33.51-57.96-105) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (213) (117-214), bisagra 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (67.8%) -IGKJ4*01 (90.9%) G120>E (100)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa antineoplásico

2485779-13-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLQESGPG LVRPSQTLTL TCTVSGYAPT AYNHWRVQA PGQGLEWMSG 50
FDPYDGGSSY NQRFKDRITI SKDTSKNQVV LTMTNMDPVD TATYYCARGW 100
YYFDYWGHT LVTVSSASTK GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTYWSNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVTVTPSS SLGTQTYICN 200
VNHKPSNTKV DKKVEPKSCD KHTCPPCPA PELLGGPSVF LFPFKPKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR 300
VVSVLTLVHQ DWLNGKEYKC KVSNKALPAP IEKTISKAKG QPREPQVYTL 350
PPSRDELTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTFPPVLDS 400
GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCVMHEA LHNHYTQKSL SLSPGK 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIVMTQTPLS LPVTPGEPAS ISCRASKSIS KYLAWYQQKP GQAPRLLIYS 50
GSTLQSGIPP RFGSGGYGTD FTLTINNIES EDAAYYFCQQ HDESPYTFGE 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSPVPTKSFN RGE 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 143-199 260-320 366-424
22"-96" 143"-199" 260"-320" 366"-424"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 219-214' 219"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 225-225" 228-228"

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)

HVH Q1:
1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

HCH2 N84.4:

296, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycans de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenariños complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

HCHS K2:

446, 446"

zilovertamabum vedotinum #
zilovertamab vedotin

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ROR1 (receptor tyrosine kinase like orphan receptor 1, NTRKR1)], humanized monoclonal antibody conjugated to auristatin E;
gamma1 heavy chain humanized (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-70*19 (65.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%) Q120>H (108)) CDR-IMGT [8.7.10] (26-33.51-57.96-105) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (213) (117-214), hinge 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (67.8%) -IGKJ4*01 (90.9%) G120>E (100)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa; conjugated on an average of 4.0 ± 0.5 cysteinyl to monomethylauristatin E (MMAE), via a cleavable maleimidocaproyl-valyl-citrullinyl-*p*-aminobenzoyloxycarbonyl (mc-val-cit-PABC) type linker
For the vedotin part, please refer to the document "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others"

antineoplastic

zilovertamab védotine

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ROR1 (récepteurs orphelins de type récepteur 1 à tyrosine kinase, NTRKR1)], anticorps monoclonal humanisé conjugué à l'auristatine E;
chaîne lourde gamma1 humanisée (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-70*19 (65%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%) Q120>H (108)) CDR-IMGT [8.7.10] (26-33.51-57.96-105) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (213) (117-214), charnière 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (67.8%) -IGKJ4*01 (90.9%) G120>E (100)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa; conjugué sur 4.0 ± 0.5 cystéinyl en moyenne, au monométhylauristatine E (MMAE), via un linker clivable de type maléimidocaproyl-valyl-citrullinyl-*p*-aminobenzoyloxycarbonyl (mc-val-cit-PABC)
Pour la partie védotine, veuillez-vous référer au document "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others"

antinéoplasique

zilovertamab vedotina

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ROR1 (receptores huérfanos de tipo receptor 1 con tirosina kinasa, NTRKR1)], anticuerpo monoclonal humanizado conjugado con la auristatina E;
cadena pesada gamma1 humanizada (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-70*19 (65%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%) Q120>H (108)) CDR-IMGT [8.7.10] (26-33.51-57.96-105) (1-116) -*Homo sapiens*

IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (213) (117-214), bisagra 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada 1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (67.8%) -IGKJ4*01 (90.9%) G120>E (100)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa; conjugado en 4.0 ± 0.5 restos cisteinil por término medio, con monometilauristatina E (MMAE), mediante un conector escindible de tipo maleimidocaproyl-valil-citrulinil-*p*-aminobenziloxicarbonil (mc-val-cit-PABC) Para la parte vedotina, por favor vaya al documento "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others" antineoplásico

2376463-48-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLQESGPG LVPKPSQTLST TCTVSGYAF AYNIHWRVQA PGQGLEWMGS 50
 FDPYDGGSSY NQKFKDRLTI SKDTSKNQVV LTMTNMDPVD TATYYCARGW 100
 YFPDYWGHT LVTVSSASTK GPSVFPLAPS SKSTSGGTA LGCLVKDYFP 150
 EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVVTVPSS SLGTQTYICN 200
 VNHKPSNTRV DKKVEPKSCD KTHCTPPCPA PELLGGPSVF LFPKPKDITL 250
 MISRTPEVTC VVVDVSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNAKTRP REEQYNSTYR 300
 VVSVLTVLHQ DNLNGEKYKC KVSNAKALPAP IEKTIKAKG QPREPQVYTL 350
 PPSRDELTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTTPVLDSD 400
 GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSSVMHEA LHNHYTQKSL SLSPGK 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIVMTQTPLS LPVTPGEPAS ISCRASKSIS KYLAWYQQKP GQAPRLLIYS 50
 GSTLQSGIIP RFSGSGYGT DFTLTINNIES EDAAYYFCQQ HDESPYTFGE 100
 GTKVEIKRTV AAFSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSTLT LSKADYKHKH VYACEVTHQG 200
 LSSPVTKSFN RGEC 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 143"-199" 260"-320" 366"-424"
 22"-96" 143"-199" 260"-320" 366"-424"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
 23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126)* 219-214' 219"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14)* 225-225" 228-228"

*At least two of the four inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 4 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker. *Au moins deux des quatre ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 4 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif. *Al menos dos de los cuatro puentes disulfuro inter-catenarios no están presentes, una media de 4 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)

H VH Q1:
 I, I"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

296, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2:

446, 446"

Electronic structure available on Mednet: <http://mednet.who.int/>

Structure électronique disponible sur Mednet: <http://mednet.who.int/>

Estructura electrónica disponible en Mednet: <http://mednet.who.int/>

* <http://www.who.int/medicines/services/inn/publication/en/>

**AMENDMENTS TO PREVIOUS LISTS
MODIFICATIONS APPORTÉES AUX LISTES ANTÉRIEURES
MODIFICACIONES A LAS LISTAS ANTERIORES**

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 114
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 114
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 114
(WHO Drug Information, Vol. 29, No. 4, 2015)

p.508	blontuvmabum #	
-509	blontuvmab	<i>replace the description by the following one</i>
	blontuvmab	<i>remplacer la description par la suivante</i>
	blontuvmab	<i>sustitúyase la descripción por la siguiente</i>
	immunoglobulin G2_V-kappa-C-lambda, anti-[Canis lupus familiaris MS4A1 (membrane-spanning 4-domains subfamily A member 1, CD20)], caninized monoclonal antibody; gamma2 heavy chain chimeric (1-448) [<i>Mus musculus</i> VH (<i>Mus musculus</i>IGHV1-15*01 -(IGHD) -IGHJ1*03) [8.8.6] (1-113) -<i>Canis lupus familiaris</i>IGHG2*02 (CH1 T26>Q (131) (114-211), hinge (212-229), CH2 (230-339), CH3 (340-446), CHS (447-448)) (114-448)], (128-218')-disulfide with V-kappa-C-lambda light chain chimeric (1'-219') [<i>Mus musculus</i> V-KAPPA (<i>Mus musculus</i>IGKV8-30*01 -IGKJ5*01) [12.3.9] (1'-112') -<i>Canis lupus familiaris</i> IGL1CS1*01 V45.3>I (162) (114'-219'))]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide immunoglobuline G2_V-kappa-C-lambda, anti-[Canis lupus familiaris MS4A1 (membre 1 de la sous-famille A à 4 domaines transmembranaires, CD20)], anticorps monoclonal caninisé; chaîne lourde gamma2 chimérique (1-448) [<i>Mus musculus</i> VH (<i>Mus musculus</i>IGHV1-15*01 -(IGHD) -IGHJ1*03) [8.8.6] (1-113) -<i>Canis lupus familiaris</i>IGHG2*02 (CH1 T26>Q (131) (114-211), charnière (212-229), CH2 (230-339), CH3 (340-446), CHS (447-448)) (114-448)], (128-218')-disulfure avec la chaîne légère V-kappa-C-lambda chimérique (1'-219') [<i>Mus musculus</i> V-KAPPA (<i>Mus musculus</i>IGKV8-30*01 -IGKJ5*01) [12.3.9] (1'-112') -<i>Canis lupus familiaris</i> IGL1CS1*01 V45.3>I (162) (114'-219'))]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure inmunoglobulina G2_V-kappa-C-lambda, anti-[Canis lupus familiaris MS4A1 (miembro 1 de la subfamilia A con 4 dominios transmembranarios, CD20)], anticuerpo monoclonal caninizado; cadena pesada gamma2 quimérica (1-448) [<i>Mus musculus</i> VH (<i>Mus musculus</i>IGHV1-15*01 -(IGHD) -IGHJ1*03) [8.8.6] (1-113) -<i>Canis lupus familiaris</i>IGHG2*02 (CH1 T26>Q (131) (114-211), bisagra (212-229), CH2 (230-339), CH3 (340-446), CHS (447-448)) (114-448)], (128-218')-disulfuro con la cadena ligera V-kappa-C-lambda quimérica (1'-219') [<i>Mus musculus</i> V-KAPPA (<i>Mus musculus</i>IGKV8-30*01 -IGKJ5*01) [12.3.9] (1'-112') -<i>Canis lupus familiaris</i> IGL1CS1*01 V45.3>I (162) (114'-219'))]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro	
p.568	tamtuvmabum #	
	tamtuvmab	<i>replace the description by the following one</i>
	tamtuvmab	<i>remplacer la description par la suivante</i>
	tamtuvmab	<i>sustitúyase la descripción por la siguiente</i>
	immunoglobulin G2_V-kappa-C-lambda, anti-[Canis lupus familiaris CD52], caninized monoclonal antibody; gamma2 heavy chain chimeric (1-456) [chimeric VH (<i>Rattus norvegicus</i>IGHV7S6*01 (97.00%) -(IGHD) -<i>Canis lupus familiaris</i>IGHJ-E2RCC8) [8.10.12]	

(1-121) -*Canis lupus familiaris* IGHG2*02 (CH1 (122-219), hinge (220-237), CH2 (238-347), CH3 (348-454), CHS (455-456))(122-456)], (136-212')-disulfide with V-kappa-C-lambda light chain chimeric (1'-213') [*Rattus norvegicus* V-KAPPA (*Rattus norvegicus* IGKV22S7 (93.70%) -IGKJ1*01) [6.3.9] (1'-107')] -*Canis lupus familiaris* IGLC1S1*01 V45.3>I (156) (108'-213')]; dimer (233-233'':236-236'')-bisdisulfide

immunoglobuline G2_V-kappa-C-lambda, anti-[*Canis lupus familiaris* CD52], anticorps monoclonal caninisé;
chaîne lourde gamma2 chimérique (1-456) [VH chimérique (*Rattus norvegicus* IGHV7S6*01 (97.00%) - (IGHD) -*Canis lupus familiaris* IGHJ-E2RCC8) [8.10.12] (1-121) -*Canis lupus familiaris* IGHG2*02 (CH1 (122-219), charnière (220-237), CH2 (238-347), CH3 (348-454), CHS (455-456)) (122-456)], (136-212')-disulfure avec la chaîne légère V-kappa-C-lambda chimérique (1'-213') [*Rattus norvegicus* V-KAPPA (*Rattus norvegicus* IGKV22S7 (93.70%) -IGKJ1*01) [6.3.9] (1'-107')] -*Canis lupus familiaris* IGLC1S1*01 V45.3>I (156) (108'-213')]; dimère (233-233'':236-236'')-bisdisulfure

immunoglobulina G2_V-kappa-C-lambda, anti-[*Canis lupus familiaris* CD52], anticuerpo monoclonal caninizado;
cadena pesada gamma2 quimérica (1-456) [VH quimérico (*Rattus norvegicus* IGHV7S6*01 (97.00%) - (IGHD) -*Canis lupus familiaris* IGHJ-E2RCC8) [8.10.12] (1-121) -*Canis lupus familiaris* IGHG2*02 (CH1 (122-219), bisagra (220-237), CH2 (238-347), CH3 (348-454), CHS (455-456))(122-456)], (136-212')-disulfuro con la cadena ligera V-kappa-C-lambda quimérica (1'-213') [*Rattus norvegicus* V-KAPPA (*Rattus norvegicus* IGKV22S7 (93.70%) -IGKJ1*01) [6.3.9] (1'-107')] -*Canis lupus familiaris* IGLC1S1*01 V45.3>I (156) (108'-213')]; dímero (233-233'':236-236'')-bisdisulfuro

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 115

Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 115

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 115

(WHO Drug Information, Vol. 30, No. 2, 2016)

p.301 ranevetmabum

-302	ranevetmab	replace the description by the following one
	ranevetmab	remplacer la description par la suivante
	ranevetmab	sustitúyase la descripción por la siguiente

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Canis lupus familiaris* NGF (nerve growth factor, nerve growth factor beta polypeptide, NGFB, beta-NGF)], caninized monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-453) [caninized VH (*Rattus norvegicus* IGHV5S13*01 (71.40%) - (IGHD) -IGHJ4*01) [8.7.16] (1-122) -*Canis lupus familiaris* IGHG1*01 (CH1 (123-219), hinge (220-233), CH2 (234-343), CH3 (344-451), CHS (452-453)) (123-453)], (137-213')-disulfide with kappa light chain (1'-217') [caninized V-KAPPA (*Rattus norvegicus* IGKV12S34*01 (76.80%) - IGKJ2-3*01) [6.3.9] (1'-107')] -*Canis lupus familiaris* IGKC*01 (108'-213') -4-mer (214'-217')]; dimer (224-224'':226-226'':232-232'')-trisdisulfide

immunoglobuline G2-kappa, anti-[*Canis lupus familiaris* NGF (facteur de croissance du nerf, facteur de croissance du nerf polypeptide bêta, NGFB, bêta-NGF)], anticorps monoclonal caninisé;
chaîne lourde gamma2 (1-453) [VH caninisé (*Rattus norvegicus* IGHV5S13*01 (71.40%) - (IGHD) -IGHJ4*01) [8.7.16] (1-122) -*Canis lupus familiaris* IGHG1*01 (CH1 (123-219), charnière (220-233), CH2 (234-343), CH3 (344-451), CHS (452-453)) (123-453)], (137-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-217') [V-KAPPA caninisé (*Rattus norvegicus* IGKV12S34*01 (76.80%) - IGKJ2-3*01) [6.3.9] (1'-107')] -*Canis lupus familiaris*

IGKC*01 (108'-213') -4-mer (214'-217'); dimère (224-224'':226-226'':232-232'')-trisdisulfure

inmunoglobulina G2-kappa, anti-[**Canis lupus familiaris** NGF (factor de crecimiento de los nervios, factor de crecimiento de nervios polipéptido beta, NGFB, beta-NGF)], anticuerpo monoclonal caninizado; cadena pesada gamma2 (1-453) [VH caninizado (*Rattus norvegicus* IGHV5S13*01 (71.40%) -(IGHD)-IGHJ4*01) [8.7.16] (1-122) -*Canis lupus familiaris* IGHG1*01 (CH1 (123-219), bisagra (220-233), CH2 (234-343), CH3 (344-451), CHS (452-453)) (123-453)], (137-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-217')] [V-KAPPA caninizado (*Rattus norvegicus* IGKV12S34*01 (76.80%) -IGKJ2-3*01) [6.3.9] (1'-107') -*Canis lupus familiaris* IGKC*01 (108'-213') -4-mer (214'-217'); dímero (224-224'':226-226'':232-232'')-trisdisulfuro

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 119

Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 119

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 119

(WHO Drug Information, Vol. 32, No. 2, 2018)

olenasufligenum relduparvovecum #

olenasufligene relduparvovec *A revised sequence has been uploaded to the INN MedNet, which includes three nucleotide insertions within the CAG promoter compared to the previous version, increasing the total length of the vector to 4075bp. The table of features was revised accordingly.*

olénasufligène relduparvovec *Une séquence révisée a été téléchargée sur MedNet DCI, et comprend trois insertions de nucléotides dans le promoteur CAG par rapport à la version précédente, augmentant la longueur totale du vecteur à 4075 pb. Le tableau des caractéristiques a été révisé en conséquence.*

olenasufligén relduparvovec *Se cargó una secuencia revisada en MedNet DCI e incluye tres inserciones de nucleótidos dentro del promotor CAG en comparación con la versión anterior, aumentando la longitud total del vector a 4075 pb. La tabla de características se revisó en consecuencia.*

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 121

Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 121

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 121

(WHO Drug Information, Vol. 33, No. 2, 2019)

p.261 efbemalenograstimum alfa #

-262 efbemalenograstim alfa *replace the description and the structure by the following ones*
 efbémalénograstim alfa *remplacer la description et la structure par les suivantes*
 efbemalenograstim alfa *sustitúyase la descripción y la estructura por las siguientes*

human granulocyte colony-stimulating factor (G-CSF) fragment fused via a peptidyl linker to a human immunoglobulin G2 Fc fragment variant, dimer: [human granulocyte colony-stimulating factor (G-CSF, pluripoietin) short **V³⁶**,

S³⁷, E³⁸>del] isoform (1-174)]-[GSG₃S(G₄S)₂ linker (175-190)]-[human immunoglobulin G2 Fc fragment (223 C-terminal residues) (*Homo sapiens*IGHG2*01 (natural S³⁴⁴>A variant); hinge (191-197), CH2 (P²⁹⁷>S) (198-306), CH3 (307-411), CHS (412-413) (191-413)] fusion protein, dimer (193-193':196-196')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa

fragment du facteur de stimulation des colonies de granulocytes humain (G-CSF) lié par un peptide à un variant du fragment Fc de l'immunoglobuline humaine G2, dimère:

[facteur humain de stimulation des colonies de granulocytes (G-CSF, pluripoiétine) **[V³⁶, S³⁷, E³⁸>del]** isoforme courte (1-174)]-[GSG₃S(G₄S)₂ linker (175-190)]-[fragment Fc de l'immunoglobuline humaine G2 (résidu 223 C-terminaux) (*Homo sapiens* IGHG2*01 (variant naturel S³⁴⁴>A); charnière (191-197), CH2 (P²⁹⁷>S) (198-306), CH3 (307-411), CHS (412-413) (191-413)] protéine de fusion, dimère (193-193':196-196')-bisdisulfure, produit par des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa

fragmento del factor de estimulación de las colonias de granulocitos humano (G-CSF) que se une por un péptido a una variante del fragment Fc de la inmunoglobulina humana G2, dímero:

[factor humano de estimulación de las colonias de granulocitos (G-CSF, pluripoyetina) **[V³⁶, S³⁷, E³⁸>del]** isoforma corta (1-174)]-[GSG₃S(G₄S)₂ conector (175-190)]-[fragmento Fc de la inmunoglobulina humana G2 (residuo 223 C-terminal) (*Homo sapiens* IGHG2*01 (variante natural S³⁴⁴>A); bisagra (191-197), CH2 (P²⁹⁷>S) (198-306), CH3 (307-411), CHS (412-413) (191-413)] proteína de fusión, dímero (193-193':196-196')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa

Sequence / Séquence / Secuencia:

```
TPLGPASSLP QSFLLKCLEQ VRKIQGDGAA LQEKLCATYK LCHPEELVLL 50
GHSLGIPWAP LSSCPSQALQ LAGCLSQLHS GLFLYQGLLQ ALEGISPELG 100
PTLDTLQLDV ADFATTIWQQ MEELGMAPAL QPTQGAMPAF ASAFQRRAGG 150
VLVASHLQSF LEVSYRVLRLH LAQPGSGGGS GGGGSGGGGS VECPPCPAPP 200
VAGPSVFLFP PKPKDTLMIS RTPEVTCVVV DVSHEDPEVQ FNWYVDGVEV 250
HNAKTKPREE QFNSTFRVVS VLTVVHQDWL NGKEYKCKVS NKGLPASIEK 300
TISKTKGQPR EPQVYTLPPS REEMTKNQVS LTCVLKGFYP SDIAVEWESN 350
GQFENNYKTT PMLDSDSGSF FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSVMHEALHN 400
HYTQKSLSLG PGK 413
```

Disulfide bridge location / Position de la pont disulfure / Posición del puente disulfuro:

intra-G-CSF: 36-42, 64-74, 36'-42', 64'-74'

intra-IgG2 Fc: 227-287, 333-391, 227'-287', 333'-391'

inter-IgG2 Fc: 193-193', 196-196'

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación

N-linked glycans: Asn263, Asn263'

O-linked glycans: Thr133, Thr133'

p.298
-299

narsoplimabum

narsoplimab *replace the description by the following one*
narsoplimab *remplacer la description par la suivante*
narsoplimab *sustitúyase la descripción por la siguiente*

immunoglobulin G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* MASP2 (mannan-binding lectin serine peptidase 2, mannan-binding lectin serine protease 2, mannan-binding lectin serine protease 1 pseudogene 1, MASP1P1)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens*IGHV2-26*01 (94.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)] [10.7.10] (1-118) -

Homo sapiens IGHG4*01 (CH1 (119-216), hinge 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-211')-disulfide with lambda light chain *Homo sapiens* (1'-212') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-1*01 (93.5%) -IGLJ2*01 (100%))] [6.3.9] (1'-106') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (107'-212')]; dimer (224-224":227-227")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-S cell line, glycoform alfa

immunoglobuline G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* MASP2 (sérine peptidase 2 de la lectine liant le mannane, sérine protéase 2 de la lectine liant le mannane, pseudogène 1 de la protéase 1 de la lectine liant le mannane, MASP1P1)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde gamma4 *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-26*01 (94.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%))] [10.7.10] (1-118) - *Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (119-216), charnière 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-211')-disulfure avec la chaîne légère lambda *Homo sapiens* (1'-212') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-1*01 (93.5%) -IGLJ2*01 (100%))] [6.3.9] (1'-106') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (107'-212')]; dimère (224-224":227-227")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) lignée cellulaire S, glycoforme alfa

immunoglobulina G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* MASP2 (serina peptidasa 2 de la lectina que se une al manano, serina proteasa 2 de la lectina unida al manano, pseudogen 1 de la proteasa 1 de la lectina unida al manano, MASP1P1)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma4 *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-26*01 (94.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%))] [10.7.10] (1-118) - *Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (119-216), bisagra 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-211')-disulfuro con la cadena ligera lambda *Homo sapiens* (1'-212') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-1*01 (93.5%) -IGLJ2*01 (100%))] [6.3.9] (1'-106') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (107'-212')]; dímero (224-224":227-227")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO) línea celular S, glicoforma alfa

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 122

Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 122

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 122

(WHO Drug Information, Vol. 33, No. 2, 2019)

p.831 eflapedocokinum alfa#

-832 eflépédockine alfa *remplacer la description par la suivante*
 eflapedocokina alfa *sustitúyase la descripción por la siguiente*

interleukine 22 humaine (IL22, cytokine Zcyto18, facteur inductible dérivé des lymphocytes T lié à IL10, IL-TIF) (1-146), fusionnée via un peptide liant GSG₃S(G₄S)₂ (147-162) au fragment Fc C-terminal de l'immunoglobuline G2 humaine (163-385), P²⁶⁹>S-mutant **S³¹⁶>A-variant**, dimère (165-165':168-168')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa

interleukina 22 humana (IL22, citoquina Zcyto18, factor inducible derivado de los linfocitos T relacionado con IL10, IL-TIF) (1-146), fusionada a través de un péptido que se une a GSG₃S(G₄S)₂ (147-

162) con el fragmento Fc C-terminal de la inmunoglobulina G2 humana (163-385), P²⁶⁹>S-mutante S³¹⁶>A-variante, dímero (165-165':168-168')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamster chino (CHO), glicoforma alfa

p.842 -843	<i>delete/supprimer/suprimáse</i> icatolimabum icatolimab icatolimab icatolimab	<i>insert/insérer/insertese</i> tifcemalimabum tifcemalimab tifcémalimab tifcemalimab
p.887	<i>delete/supprimer/suprimáse</i> rulabricinum alfa rulabricin alfa rulabricine alfa rulabricina alfa	<i>insert/insérer/insertese</i> ledelabricinum alfa ledelabricin alfa ledélabricine alfa ledelabricina alfa

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 123
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 123
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 123
(WHO Drug Information, Vol. 34, No. 2, 2020)

p.266	acapatamabum #	<i>replace the structure by the following one</i>
	acapatamab	<i>remplacer la structure par la suivante</i>
	acapatamab	<i>sustitúyase la estructura por la siguiente</i>

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVESGGG	LVPKGESLRL	SCAASGFTFS	DYYMYWVRQA	PGKLEWVAI	50
ISDGGYYTYY	SDIIRGRFTI	SRDNAKNSLY	LQMNSLKAED	TAVYYCARGF	100
PLLRHGAMDY	WQGTLVTVS	SGGGSGGGG	SGGGGSDIQM	TQSPSSLSAS	150
VGDRVITICK	ASQNVDTNVA	WYQQKPGQAP	KSLIYSASYV	YWDVPSRFSG	200
SASGTDFTLT	ISSVQSEDF	TYQCQYDQD	LITFGCGTKL	EIKSGGGGSE	250
QVQLVESGGG	VQPGGSLKLS	CAASGFTFNK	YAMNWRQAP	KGLEWVARI	300
RSKYNRYATY	YADSVKDRFT	ISRDDSKNTA	YLQMNVLKTE	DTAVYYCVRH	350
GNFGNSYISY	WAYWQGQTLV	TVSSGGGGSG	GGSGGGGGSQ	TVVTQEPESLT	400
VSPGGTVTLT	CGSSTGAVTS	GNYPNWWQK	PGQAPRGLIG	GTKFLAPGTP	450
ARFSGSLGG	KAALTLGSGV	PEDEAEYCV	LWYSNRWVFG	GGTKLTVLGG	500
GGDKTHTCPP	CPAPELLGGP	SVFLFPPKPK	DTLMISRTP	VTCVVDVSH	550
EDPEVKFNWY	VDGVEVHNAK	TKPCEEQYGS	TYRCVSVLTV	LHQDWLNGKE	600
YKCKVSNKAL	PAPIEKTISK	AKGQPREPQV	YTLPPSREEM	TKNQVSLTCL	650
VKGFPSPDIA	VEWESNGQPE	NNYKTTTPVL	DSGGSFFLYS	KLTVDKSRWQ	700
QGNVFSCVM	HEALHNHYTQ	KSLSLSPGKG	GGSGGGGGSG	GGSGGGGGSG	750
GGSGGGGGSD	KHTTCCPCPA	PELLGGPSVF	LFPPKPKDTL	MISRTPPEVTC	800
VVVDVSHEDP	EVKFNWYVDG	VEVHNAKTKP	CEEQYGSTYR	CVSVLTVLHQ	850
DWLNGKEYKC	KVSNKALPAP	IEKTISKAKG	QPREPQVYTL	PPSREEMTKN	900
QVSLTCLVKG	FYPSDIAVEW	ESNGQPENNY	KTTTPVLDSD	GSFFLYSKLT	950
VDKSRWQQGN	VFSCVMHEA	LHNHYTQKSL	SLSPGK		986

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-V (C23-C104)	22-96	159-224	271-347	411-479
Intra-C (C23-C104)	543-603	649-707	800-860	906-964
Intra-CH2 (C83-C85)	574-584	831-841		
Inter-VH-VL (C49-C120)	44-236			
Inter-h11 (h 11 - h 11)	508-765			
Inter-h14 (h 14 - h 14)	511-768			

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación

CH2 N84,4>G:
579, 836
Aglycosylated

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
CHS K2:
986

p.379
-380**atidarsagenum autotemcelum #**

atidarsagene autotemcel

atidarsagène autotemcel

atidarsagén autotemcel

*replace the description by the following one**remplacer la description par la suivante**sustitúyase la descripción por la siguiente*

Autologous CD34+ hematopoietic stem and progenitor cells transduced *ex vivo* with a replication-**incompetent** lentiviral vector encoding human arylsulfatase A (ARSA).

Autologous CD34+ hematopoietic stem and progenitor cells (HSPC), obtained from bone marrow (BM) or mobilised peripheral blood (mPB), transduced *ex vivo* with a replication-**incompetent** pseudotyped HIV-1 based lentiviral vector encoding the human arylsulfatase A (ARSA) transgene under the control of a human phosphoglycerate kinase (PGK) promoter. The vector is pseudotyped with the vesicular stomatitis virus (VSV) envelope glycoprotein. The vector genome also contains a **mutated Woodchuck hepatitis virus post-transcriptional regulatory element (WPRE)**, a fragment of the HIV-1 *gag*, the HIV-1 Rev response element (RRE), the HIV-1 central polypurine tract (cPPT) and a fragment of *nef*. The CD34+ cell population **corresponds to an heterogenous population of stem and progenitor cells, some expressing the CD90 and/or CD133 markers.**

Des cellules souches et progénitrices hématopoïétiques CD34+ autologues ont été transduites *ex vivo* avec un vecteur lentiviral **incompétent** à la réplication codant pour l'arylsulfatase A humaine (ARSA).

Des cellules souches et progénitrices hématopoïétiques CD34+ autologues (HSPC), obtenues à partir de moelle osseuse (BM) ou de sang périphérique mobilisé (mPB), ont été transduites *ex vivo* avec un vecteur lentiviral, à base de VIH-1 pseudotypé et **incompétent** à la réplication, codant pour le transgène de l'arylsulfatase A humaine (ARSA), sous le contrôle d'un promoteur de la phosphoglycérate kinase (PGK) humaine. Le vecteur est pseudotypé avec la glycoprotéine d'enveloppe du virus de la stomatite vésiculeuse (VSV). Le génome du vecteur contient également **l'élément régulateur post-transcriptionnel Woodchuck (WPRE) du virus de l'hépatite**, un fragment du *gag* du VIH-1, l'élément de réponse Rev (RRE) du VIH-1 et le tractus central de polypurine du VIH-1 (cPPT), ainsi qu'un fragment de *nef*. La population de cellules CD34+ **correspond à une population hétérogène de cellules souches et progénitrices, certaines exprimant les marqueurs CD90 et/ou CD133.**

Células troncales y progenitoras hematopoyéticas CD34+ autólogas transducidas *ex vivo* con un vector lentiviral **incompetente** en replicación que codifica para la arilsulfatasa A humana (ARSA). Las células troncales y progenitoras hematopoyéticas CD34+ autólogas, obtenidas de médula ósea o movilizadas de sangre periférica, se transducen *ex vivo* con un vector lentiviral basado en VIH-1 seudotipado y **incompetente** en replicación, que codifica el transgen de la arilsulfatasa A humana (ARSA) bajo el control de un promotor de la fosfoglicerato quinasa humana (PGK). El vector está seudotipado con la glicoproteína de la envuelta del virus de la estomatitis vesicular (VSV). El genoma del vector también contiene **el elemento regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE)**, un fragmento de *gag* del VIH-1, el elemento de respuesta Rev (RRE) del VIH-1 y el tramo central de poli-purinas (cPPT) de VIH-1, así como un fragmento de *nef*. La población de células CD34+ **corresponde en una población de celulas troncales y progenitoras, algunas expressando los marcadores CD90 y/o CD133.**

p.276	azercabtagenum zapreleucelum #
-278	azercabtagene zapreleucel <i>replace the description by the following one</i> azercabtagène zapréleucel <i>remplacer la description par la suivante</i> azercabtagén zapreleucel <i>sustitúyase la descripción por la siguiente</i>

Adult allogeneic CD4+ and CD8+ enriched T cells transduced with an anti-CD19 chimeric antigen receptor (CAR) that is site-specific integrated into the cellular genome.

Adult allogeneic CD4+ and CD8+ enriched T cells, gene edited through the electroporation of homing endonuclease mRNA, which is translated into endonuclease protein that introduces a double-stranded DNA break in exon 1 of the endogenous T cell receptor alpha constant (TRAC) locus. Cells are subsequently transduced with a recombinant non-replicating adeno-associated virus type 6 (rAAV6) vector, encoding an anti-CD19 CAR transgene consisting of a murine CD19-specific scFv (clone FMC63), a CD8 hinge/transmembrane domain, a novel 6 (N6) co-stimulatory domain and CD3 zeta signaling domain, under the control of the synthetic promoter JeT and the SV40 poly(A) signal. CAR transgene integration is achieved via homology directed recombination at the endonuclease target site (exon 1 of TRAC). Depletion of CD3+ cells is performed on the transduced cells to remove cells with functional endogenous T cell receptor (TCR).

The substance is a mixture of non-effector (naïve, stem cell memory, central memory) (CCR7+) and effector memory and effector (CCR7-) CD4+ and CD8+ T cells with generally ≥99% T cell receptor knockout, and ≥40% anti-CD19 CAR knock-in.

Activation of the cells is accompanied *in vitro* by release of IFN γ , IL-2, IL-6, and TNF α in an antigen-dependent manner.

Lymphocytes T adultes allogéniques de type CD4+ et CD8+ transduits avec un récepteur d'antigène chimérique (CAR) anti-CD19 qui est intégré de manière spécifique au site.

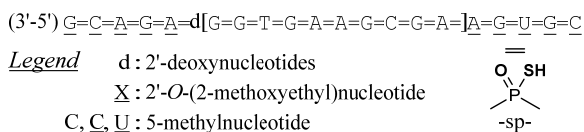
Lymphocytes T allogéniques enrichies en cellules de type CD4+ et CD8+, dont les gènes ont été édités par l'électroporation du mRNA de l'endonuclease de ciblage, qui est traduite en une protéine endonuclease qui introduit une rupture d'ADN double brin dans l'exon 1 du locus du récepteur alpha endogène aux cellules T (TRAC). Les cellules sont transduites ensuite avec un vecteur du virus recombinant adéno-associé, non réplicatif de type 6 (rAAV6), qui code pour un transgène anti-CD19 CAR, qui consiste en un scFv spécifique à CD19 (clone FMC63), un domaine CD8 transmembranaire/charnière, en un nouveau domaine de co-stimulation 6 (N6) et en un domaine de signalisation CD3 zéta, sous le contrôle du promoteur synthétique JeT et d'un signal poly(A) SV40. L'intégration du transgène CAR est obtenue via la recombinaison homologue dirigée au site de ciblage de l'endonuclease (l'exon 1 du TRAC). La déplétion des cellules CD3+ est effectuée sur les cellules transduites pour éliminer les cellules avec des récepteurs T (TCR) endogènes. **La substance est un mélange de lymphocytes T non-effecteurs (naïfs, cellules souches mémoire, mémoire centrale) (CCR7+) et lymphocytes T mémoire effecteurs et effecteurs (CCR7-) CD4+ et CD8+ avec en général ≥99% de récepteurs des lymphocytes T knock-out et ≥40% de CAR anti-CD19 knock-in.** L'activation des cellules est accompagnée *in vitro* par le relâchement d'IFN γ , IL-2, IL-6, et TNF α d'une manière antigène-dépendante.

Linfocitos T adultos, alogénicos, enriquecidos en CD4+ y CD8+, transducidos con un receptor de antígenos quimérico (CAR) anti-CD19 que se integra en el genoma celular de forma específica de sitio.

Linfocitos T adultos, alogénicos, enriquecidos en CD4+ y CD8+, con genes editados mediante la electroporación del ARNm de una endonucleasa de homing, que se traduce a una proteína endonucleasa que introduce una rotura en el ADN de doble cadena en el exón 1 del locus de la región constante del receptor alfa de células T endógenas (TRAC). Las células son posteriormente transducidas con un vector recombinante, no replicativo, de virus adeno-asociado tipo 6 (rAAV6) que codifica para un transgén de CAR anti-CD19 que consiste en un scFv murino anti-CD19 (clon FMC63), un dominio bisagra/transmembrana CD8, un nuevo dominio de co-estimulación 6 (N6) y el dominio de señalización CD3 zeta, bajo el control del promotor sintético JeT y la señal poly(A) del SV40. La integración del transgén CAR se consigue mediante recombinación homóloga dirigida en el sitio diana de la endonucleasa (exón 1 de TRAC). Se realiza la depleción de células CD3+ en las células transducidas para eliminar las células con un receptor de células T (TCR) endógeno funcional. **La sustancia es una mezcla de linfocitos T no efectores (ingenuos, células troncales memoria, memoria central) (CCR7+) y linfocitos T memoria efectores y efectores (CCR7-) CD4+ y CD8+ con en general ≥99% de receptores de linfocitos T (TCR) knock-out y ≥40% de CAR anti-CD19 knock-in.** La activación de las células está acompañada *in vitro* por la liberación de IFN γ , IL-2, IL-6, y TNF α de una manera antígeno-dependiente.

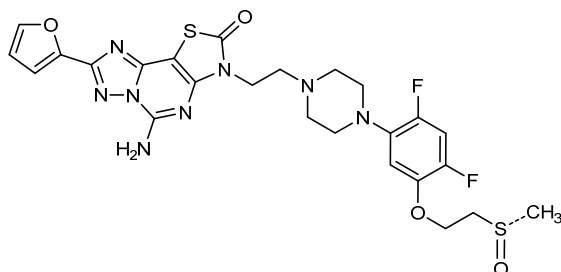
p.285 **bepirovirsenum #**
bepirovirsen
bépirovirsén
bepirovirsén

replace the structure by the following one
remplacer la structure par la suivante
sustitúyase la estructura por la siguiente



p.337 **inupadenantum #**
inupadenant
inupadénant
inupadenant

replace the structure by the following one
remplacer la structure par la suivante
sustitúyase la estructura por la siguiente



p.354 **nedosiranum #**

-356 **nedosiran** *replace the chemical name and structure by the following ones*
nédosiran *remplacer le nom chimique et la structure par les suivants*
nedosirán *sustitúyase el nombre químico y la estructura por los siguientes*

all-P-ambo-2'-O-methyl-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroguanlylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}ethoxy)ethoxy]methyl]guanylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}ethoxy)ethoxy]methyl]adenylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}ethoxy)ethoxy]methyl]adenylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidine
duplex with all-P-ambo-2'-O-methyl-P-thioguanlylyl-(5'→3')-2'-O-methyl-P-thioguanlylyl-(5'→3')-2'-O-methyluridylyl-(5'→3')-2'-O-methyladenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-O-methyladenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-O-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-O-methylguanylyl-(5'→3')-2'-O-methylguanylyl-(5'→3')-2'-O-methyladenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-O-methyladenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-O-methyluridylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoro-P-thioguanlylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoro-P-thiocytidylyl-(5'→3')-methyl hydrogen 2'-O-methyl-5'-oxa-O-5'-carba-α-L-lyxo-5'-uridylate

tout-P-ambo-2'-O-méthyl-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroguanlylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}éthoxy)éthoxy]methyl]guanylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}éthoxy)éthoxy]methyl]adénylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}éthoxy)éthoxy]methyl]adénylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}éthoxy)éthoxy]methyl]adénylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-

p.379 **posoleucelum #**
 -380 posoleucel
 posoleucel
 posoleucel

replace the description by the following one
remplacer la description par la suivante
sustitúyase la descripción por la siguiente

Allogeneic human leukocyte antigen (HLA)-matched virus-specific T cells reactive to cytomegalovirus (CMV), EBV, BK virus, adenovirus and human herpesvirus-6 (HHV-6). The cells are derived from peripheral blood mononuclear cells (PBMCs) from donors seropositive **for all five of these viruses**.

The cells are expanded and co-cultured with 15-mer peptides overlapping by 11 amino acids spanning antigenic proteins from **polyomaviruses** BK and JC (VP1 and large T), from adenovirus (hexon and penton), from cytomegalovirus (IE1 and pp65), from Epstein-Barr virus (LMP2, EBNA1, BZLF1), and from human herpesvirus-6 (U90, U11 and U14). The cells **have specific anti-virus reactivity for each virus above a pre-specified potency threshold**, and predominantly express CD3 (generally >95%) with a mixture of CD4+ (average 60%) and CD8+ (average 34%) subsets, including both central (CD45RA-/62L+/CCR7+) and effector (CD45RA-/62L-/CCR7-) memory markers.

Lymphocytes T allogéniques, compatibles pour les antigènes leucocytaires humains (HLA) et spécifiques pour le cytomégalovirus (CMV), l'EBV, le virus BK, l'adénovirus et le virus herpès humain 6 (HHV-6). Les cellules sont dérivées de cellules mononucléaires du sang périphérique (PBMC) provenant de donneurs séropositifs pour ces **cinq** virus.

Les cellules sont amplifiées et cultivées avec des peptides de 15 résidus se chevauchant par 11 acides aminés couvrant les protéines antigéniques **du polyomavirus BK et JC** (VP1 et grand T), de l'adénovirus (hexon et penton), du cytomégalovirus (IE1 et pp65), du virus d'Epstein-Barr (LMP2, EBNA1, BZLF1), et du virus herpès humain 6 (U90, U11 et U14).

Les cellules **ont une réactivité antiviral spécifique pour chacun des virus au-delà d'un seuil prédéfini**, et expriment principalement CD3 (généralement >95%) avec un mélange de sous-populations de CD4+ (60% en moyenne) et de CD8+ (34% en moyenne), comprenant des marqueurs des mémoires centrale (CD45RA-/62L+/CCR7+) et effectrice (CD45RA-/62L-/CCR7-).

Células T alogénicas específicas de virus con compatibilidad para el antígeno leucocitario humano (HLA) reactivas frente a citomegalovirus (CMV), EBV, virus BK, adenovirus y herpesvirus humano 6 (HHV-6). Las células se obtienen a partir de células mononucleares de sangre periférica (PBMCs) de donantes seropositivos para estos **cinco** virus.

Las células **tienen una reactividad antiviral específica para cada de estos virus por encima de un umbral de potencia preestablecido**, y se expanden y co-cultivan con péptidos de 15 residuos que solapan en 11 amino ácidos cubriendo proteínas antigénicas de **poliomavirus** BK y JC (VP1 y T grande), de adenovirus (hexón y pentón), de citomegalovirus (IE1 y pp65), de virus de Epstein-Barr (LMP2, EBNA1, BZLF1), y de herpesvirus humano 6 (U90, U11 and U14).

Las células expresan predominantemente CD3 (generalmente >95%) con una mezcla de subtipos CD4+ (60% como media) y CD8+ (34% como media), incluyendo marcadores de memoria central (CD45RA-/62L+/CCR7+) y efectora (CD45RA-/62L-/CCR7-).

p.300	daplusiranum # daplusiran daplusiran daplusirán	<i>replace the CAS registry number by the following one remplacer le numéro de registre du CAS par le suivant sustitúyase el número del registro del CAS por el siguiente</i> 2202783-35-3
-------	---	---

p.267	<i>delete/supprimer/suprimáse</i> acidum valiloxibicum valiloxibic acid acide valiloxibique ácido valiloxíbico	<i>insert/insérer/insertese</i> valiloxybatum valiloxybate valiloxybate valiloxibato
-------	---	---

Names for chemical modifications of INN (substituent groups, counterions, adduct partners, etc.):

Many pharmaceutical substances for which an International Nonproprietary Name (INN) has been established are used as modified derivatives (salts, esters, protein-drug conjugates, solvates, etc.). The chemical modification (including counterions) involved may be of complex nature and it is then inconvenient to use its systematic chemical name. Consequently, shorter nonproprietary names for such modifications have been devised, and these are recommended for creating modified International Nonproprietary Names (INN).

Dénominations applicables aux modifications chimiques des DCI (groupes substituants, contre-ions, adduits, etc.) :

Certaines substances pour lesquelles une dénomination commune internationale proposée a été établie sont parfois utilisées comme dérivés modifiés (sels, esters, médicaments conjugués à des protéines, produits de solvation, etc.). Les modifications chimiques (incluant les contre-ions) sont alors quelques fois si complexes qu'il est malcommode de les désigner conformément à la nomenclature chimique systématique. Des dénominations communes abrégées ont donc été formées ou choisies pour certaines d'entre elles et il est suggéré de les employer pour créer les dénominations communes internationales modifiées (DCIM).

Denominaciones aplicables a modificaciones químicas de las DCI (grupos sustituyentes, contraiones, aductos, etc.):

Muchas sustancias farmacéuticas para las cuales hay establecidas una denominación común internacional (DCI) pueden usarse como derivados modificados (sales, ésteres, medicamentos conjugados con proteínas, solvatos, etc.). Las modificaciones químicas (incluidos los contraiones) implicadas pueden ser de naturaleza compleja y por tanto es inapropiado utilizar su nombre químico sistemático. Como consecuencia, se han diseñado denominaciones abreviadas para estas modificaciones y se recomiendan para la creación de Denominaciones Comunes Internacionales modificadas (DCIM).

ugodotinum

ugodotin

(3*S*,6*R*,7*R*,8²*S*,11*R*,12*S*,15*S*,18*S*,30³*RS*)-12-[(2*S*)-butan-2-yl]-3-carboxy-7,11-dimethoxy-6,13,19,23-tetramethyl-5,9,14,17,24,30²,30⁵-heptaooxo-15,18-di(propan-2-yl)-4,13,16,19,23-pentaaza-8(2,1),30(1)-dipyrrolidina-1(1),22(1,4)-dibenzenatriacontaphan-30³-yl

ugodotine

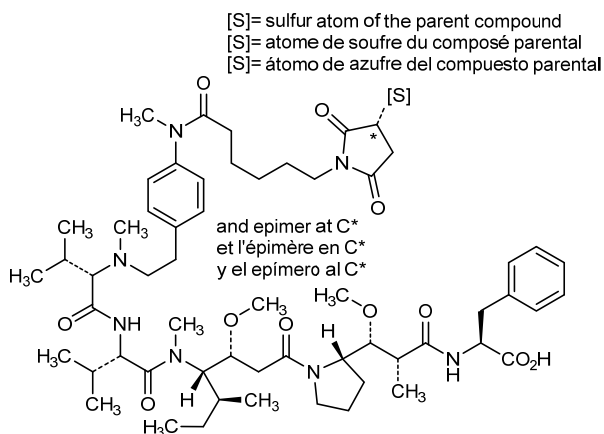
(3*S*,6*R*,7*R*,8²*S*,11*R*,12*S*,15*S*,18*S*,30³*RS*)-12-[(2*S*)-butan-2-yl]-3-carboxy-7,11-diméthoxy-6,13,19,23-tétraméthyl-5,9,14,17,24,30²,30⁵-heptaooxo-15,18-di(propan-2-yl)-4,13,16,19,23-pentaaza-8(2,1),30(1)-dipyrrolidina-1(1),22(1,4)-dibenzénatriacontaphan-30³-yle

ugodotina

(3*S*,6*R*,7*R*,8²*S*,11*R*,12*S*,15*S*,18*S*,30³*RS*)-12-[(2*S*)-butan-2-yl]-3-carboxi-6,13,19,23-tetrametil-7,11-dimetoxi-5,9,14,17,24,30²,30⁵-heptaooxo-15,18-di(propan-2-il)-4,13,16,19,23-pentaaza-8(2,1),30(1)-dipirrolidina-1(1),22(1,4)-dibencenatriacontafan-30³-il

C₅₈H₈₈N₇O₁₁

1820882-94-7 (maleimide reagent)

**uzatansinum**

uzatansine

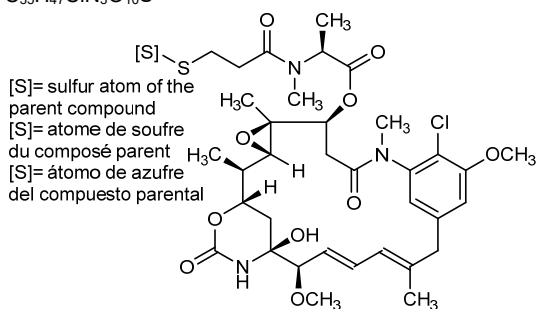
(3-[[[(2S)-1-[[[(1⁴S,1⁶S,2R,3²S,3³S,4S,10E,12E,14R)-8⁶-chloro-1⁴-hydroxy-8⁵,14-dimethoxy-2,3³,7,10-tetramethyl-1²,6-dioxo-7-aza-1(6,4)-[1,3]oxazinana-3(2,3)-oxirana-8(1,3)-benzenacyclotetradecaphane-10,12-dien-4-yl]oxy}-1-oxopropan-2-yl](methyl)amino]-3-oxopropyl)sulfanyl

uzatansine

(3-[[[(2S)-1-[[[(1⁴S,1⁶S,2R,3²S,3³S,4S,10E,12E,14R)-8⁶-chloro-1⁴-hydroxy-8⁵,14-diméthoxy-2,3³,7,10-tétraméthyl-1²,6-dioxo-7-aza-1(6,4)-[1,3]oxazinana-3(2,3)-oxirana-8(1,3)-benzénacyclotétradecaphane-10,12-dién-4-yl]oxy}-1-oxopropan-2-yl](méthyl)amino)-3-oxopropyl)sulfanyle

uzatansina

(3-[[[(2S)-1-[[[(1⁴S,1⁶S,2R,3²S,3³S,4S,10E,12E,14R)-8⁶-cloro-1⁴-hidroxi-2,3³,7,10-tetrametil-8⁵,14-dimetoxi-1²,6-dioxo-7-aza-1(6,4)-[1,3]oxazinana-3(2,3)-oxirana-8(1,3)-bencenacicotetradecafano-10,12-dien-4-il]oxi}-1-oxopropan-2-il](metil)amino)-3-oxopropil)sulfanilo

C₃₅H₄₇ClN₃O₁₀S

ANNEX 1

PROCEDURE FOR THE SELECTION OF RECOMMENDED INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES¹

The following procedure shall be followed by the World Health Organization (hereinafter also referred to as "WHO") in the selection of recommended international nonproprietary names for pharmaceutical substances, in accordance with resolution WHA3.11 of the World Health Assembly, and in the substitution of such names.

Article 1 - Proposals for recommended international nonproprietary names and proposals for substitution of such names shall be submitted to WHO on the form provided therefore. The consideration of such proposals shall be subject to the payment of an administrative fee designed only to cover the corresponding costs of the Secretariat of WHO ("the Secretariat"). The amount of this fee shall be determined by the Secretariat and may, from time to time, be adjusted.

Article 2 - Such proposals shall be submitted by the Secretariat to the members of the Expert Advisory Panel on the International Pharmacopoeia and Pharmaceutical Preparations designated for this purpose, such designated members hereinafter referred to as "the INN Expert Group", for consideration in accordance with the "General principles for guidance in devising International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances", annexed to this procedure². The name used by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical substance shall be accepted, unless there are compelling reasons to the contrary.

Article 3 - Subsequent to the examination provided for in article 2, the Secretariat shall give notice that a proposed international nonproprietary name is being considered.

a) Such notice shall be given by publication in *WHO Drug Information*³ and by letter to Member States and to national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States.

i) Notice shall also be sent to the person who submitted the proposal ("the original applicant") and other persons known to be concerned with a name under consideration.

b) Such notice shall:

i) set forth the name under consideration;

ii) identify the person who submitted the proposal for naming the substance, if so requested by such person;

iii) identify the substance for which a name is being considered;

iv) set forth the time within which comments and objections will be received and the person and place to whom they should be directed;

v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

c) In forwarding the notice, the Secretariat shall request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the proposed name during the period it is under consideration by WHO.

Article 4 - Comments on the proposed name may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

¹ See Annex 1 in WHO Technical Report Series, No. 581, 1975. The original text was adopted by the Executive Board in resolution EB15.R7 and amended in resolutions EB43.R9 and EB115.R4.

² See Annex 2.

³ Before 1987, lists of international nonproprietary names were published in the *Chronicle of the World Health Organization*.

Article 5 - A formal objection to a proposed name may be filed by any interested person within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

Such objection shall:

- i) identify the person objecting;
- ii) state his or her interest in the name;
- iii) set forth the reasons for his or her objection to the name proposed.

Article 6 - Where there is a formal objection under article 5, WHO may either reconsider the proposed name or use its good offices to attempt to obtain withdrawal of the objection. Without prejudice to the consideration by WHO of a substitute name or names, a name shall not be selected by WHO as a recommended international nonproprietary name while there exists a formal objection thereto filed under article 5 which has not been withdrawn.

Article 7 - Where no objection has been filed under article 5, or all objections previously filed have been withdrawn, the Secretariat shall give notice in accordance with subsection (a) of article 3 that the name has been selected by WHO as a recommended international nonproprietary name.

Article 8 - In forwarding a recommended international nonproprietary name to Member States under article 7, the Secretariat shall:

- a) request that it be recognized as the nonproprietary name for the substance; and
- b) request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the name and to prohibit registration of the name as a trademark or trade name.

Article 9

a) In the extraordinary circumstance that a previously recommended international nonproprietary name gives rise to errors in medication, prescription or distribution, or a demonstrable risk thereof, because of similarity with another name in pharmaceutical and/or prescription practices, and it appears that such errors or potential errors cannot readily be resolved through other interventions than a possible substitution of a previously recommended international nonproprietary name, or in the event that a previously recommended international nonproprietary name differs substantially from the nonproprietary name approved in a significant number of Member States, or in other such extraordinary circumstances that justify a substitution of a recommended international nonproprietary name, proposals to that effect may be filed by any interested person. Such proposals shall be submitted on the form provided therefore and shall:

- i) identify the person making the proposal;
- ii) state his or her interest in the proposed substitution; and
- iii) set forth the reasons for the proposal; and
- iv) describe, and provide documentary evidence regarding the other interventions undertaken in an effort to resolve the situation, and the reasons why these other interventions were inadequate.

Such proposals may include a proposal for a new substitute international nonproprietary name, devised in accordance with the General principles, which takes into account the pharmaceutical substance for which the new substitute international nonproprietary name is being proposed.

The Secretariat shall forward a copy of the proposal, for consideration in accordance with the procedure described in subsection (b) below, to the INN Expert Group and the original applicant or its successor (if different from the person bringing the proposal for substitution and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations).

In addition, the Secretariat shall request comments on the proposal from:

i) Member States and national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States (by including a notice to that effect in the letter referred to in article 3(a), and

ii) any other persons known to be concerned by the proposed substitution.

The request for comments shall:

i) state the recommended international nonproprietary name that is being proposed for substitution (and the proposed substitute name, if provided);

ii) identify the person who submitted the proposal for substitution (if so requested by such person);

iii) identify the substance to which the proposed substitution relates and reasons put forward for substitution;

iv) set forth the time within which comments will be received and the person and place to whom they should be directed; and

v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

Comments on the proposed substitution may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of the request for comments.

b) After the time period for comments referred to above has elapsed, the Secretariat shall forward any comments received to the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution. If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received, the INN Expert Group, the person bringing the proposal for substitution and the original applicant or its successor all agree that there is a need to substitute the previously recommended international nonproprietary name, the Secretariat shall submit the proposal for substitution to the INN Expert Group for further processing. Notwithstanding the foregoing, the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed for substitution.

In the event that a proposal for substitution shall be submitted to the INN Expert Group for further processing, the INN Expert Group will select a new international nonproprietary name in accordance with the General principles referred to in article 2 and the procedure set forth in articles 3 to 8 inclusive. The notices to be given by the Secretariat under article 3 and article 7, respectively, including to the original applicant or its successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), shall in such event indicate that the new name is a substitute for a previously recommended international nonproprietary name and that Member States may wish to make transitional arrangements in order to accommodate existing products that use the previously recommended international nonproprietary name on their label in accordance with national legislation.

If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received in accordance with the procedure described above, the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution do not agree that there are compelling reasons for substitution of a previously recommended international nonproprietary name, this name shall be retained (provided always that the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event that the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed to be substituted). In such an event, the Secretariat shall advise the person having proposed the substitution, as well as the original applicant or its

successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), Member States, national and regional pharmacopoeia commissions, other bodies designated by Member States, and any other persons known to be concerned by the proposed substitution that, despite a proposal for substitution, it has been decided to retain the previously recommended international nonproprietary name (with a description of the reason(s) why the proposal for substitution was not considered sufficiently compelling).

ANNEX 2

GENERAL PRINCIPLES FOR GUIDANCE IN DEVISING INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES¹

1. International Nonproprietary Names (INN) should be distinctive in sound and spelling. They should not be inconveniently long and should not be liable to confusion with names in common use.

2. The INN for a substance belonging to a group of pharmacologically related substances should, where appropriate, show this relationship. Names that are likely to convey to a patient an anatomical, physiological, pathological or therapeutic suggestion should be avoided.

These primary principles are to be implemented by using the following secondary principles:

3. In devising the INN of the first substance in a new pharmacological group, consideration should be given to the possibility of devising suitable INN for related substances, belonging to the new group.

4. In devising INN for acids, one-word names are preferred; their salts should be named without modifying the acid name, e.g. "oxacillin" and "oxacillin sodium", "ibufenac" and "ibufenac sodium".

5. INN for substances which are used as salts should in general apply to the active base or the active acid. Names for different salts or esters of the same active substance should differ only in respect of the name of the inactive acid or the inactive base.

For quaternary ammonium substances, the cation and anion should be named appropriately as separate components of a quaternary substance and not in the amine-salt style.

6. The use of an isolated letter or number should be avoided; hyphenated construction is also undesirable.

7. To facilitate the translation and pronunciation of INN, "f" should be used instead of "ph", "t" instead of "th", "e" instead of "ae" or "oe", and "i" instead of "y"; the use of the letters "h" and "k" should be avoided.

8. Provided that the names suggested are in accordance with these principles, names proposed by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical preparation, or names already officially in use in any country, should receive preferential consideration.

9. Group relationship in INN (see General principle 2) should if possible be shown by using a common stem. The following list contains examples of stems for groups of substances, particularly for new groups. There are many other stems in active use.² Where a stem is shown without any hyphens it may be used anywhere in the name.

¹ In its Twentieth report (WHO Technical Report Series, No. 581, 1975), the WHO Expert committee on Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances reviewed the general principles for devising, and the procedures for selecting, INN in the light of developments in pharmaceutical compounds in recent years. The most significant change has been the extension to the naming of synthetic chemical substances of the practice previously used for substances originating in or derived from natural products. This practice involves the use of a characteristic "stem" indicative of a common property of the members of a group. The reason for, and the implications of, the change are fully discussed. The guiding principles were updated during the 13th consultation on nonproprietary names for pharmaceutical substances (Geneva, 27-29 April 1983) (PHARM S/NOM 928 13 May 1983, revised 18 August 1983).

² A more extensive listing of stems is contained in the working document WHO/EMP/RHT/TSN/2018.1 which is regularly updated and can be requested from the INN Programme, WHO, Geneva.

Latin	English	
-acum	-ac	anti-inflammatory agents, ibufenac derivatives
-adolum	-adol }	analgesics
-adol-	-adol-}	
-astum	-ast	antiasthmatic, antiallergic substances not acting primarily as antihistaminics
-astinum	-astine	antihistaminics
-azepamum	-azepam	diazepam derivatives
bol	bol	steroids, anabolic
-cain-	-cain-	class I antiarrhythmics, procainamide and lidocaine derivatives
-cainum	-caine	local anaesthetics
cef-	cef-	antibiotics, cephalosporanic acid derivatives
-cillinum	-cillin	antibiotics, 6-aminopenicillanic acid derivatives
-conazolom	-conazole	systemic antifungal agents, miconazole derivatives
cort	cort	corticosteroids, except prednisolone derivatives
-coxibum	-coxib	selective cyclo-oxygenase inhibitors
-entanum	-entan	endothelin receptor antagonists
gab	gab	gabamimetic agents
gado-	gado-	diagnostic agents, gadolinium derivatives
-gatr anum	-gatr an	thrombin inhibitors, antithrombotic agents
gest	gest	steroids, progestogens
gli	gli	antihyperglycaemics
io-	io-	iodine-containing contrast media
-metacinum	-metacin	anti-inflammatory, indometacin derivatives
-mycinum	-mycin	antibiotics, produced by <i>Streptomyces</i> strains
-nidazolom	-nidazole	antiprotozoal substances, metronidazole derivatives
-ololum	-olol	β-adrenoreceptor antagonists
-oxacinum	-oxacin	antibacterial agents, nalidixic acid derivatives
-platinum	-platin	antineoplastic agents, platinum derivatives
-poetinum	-poetin	erythropoietin type blood factors
-pril(at)um	-pril(at)	angiotensin-converting enzyme inhibitors
-profenum	-profen	anti-inflammatory substances, ibuprofen derivatives
prost	prost	prostaglandins
-relinum	-relin	pituitary hormone release-stimulating peptides
-sartanum	-sartan	angiotensin II receptor antagonists, antihypertensive (non-peptidic)
-vaptanum	-vaptan	vasopressin receptor antagonists
vin-	vin- }	vinca-type alkaloids
-vin-	-vin-}	

ANNEXE 1

PROCEDURE A SUIVRE EN VUE DU CHOIX DE DENOMINATIONS COMMUNES INTERNATIONALES RECOMMANDEES POUR LES SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES¹

L'Organisation mondiale de la Santé (également désignée ci-après sous l'appellation « OMS ») observe la procédure exposée ci-dessous pour l'attribution de dénominations communes internationales recommandées pour les substances pharmaceutiques, conformément à la résolution WHA3.11 de l'Assemblée mondiale de la Santé, et pour le remplacement de telles dénominations.

Article 1 - Les propositions de dénominations communes internationales recommandées et les propositions de remplacement de telles dénominations sont soumises à l'OMS sur la formule prévue à cet effet. L'examen de telles propositions est soumis au paiement d'une taxe administrative destinée uniquement à couvrir les coûts correspondants assumés par le Secrétariat de l'OMS (« le Secrétariat »). Le montant de cette taxe est déterminé par le Secrétariat et peut être modifié de temps à autre.

¹ Voir annexe 1 dans OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975. Le texte original a été adopté par le Conseil exécutif dans sa résolution EB15.R7 et amendé dans ses résolutions EB43.R9 et EB115.R4.

Article 2 - Ces propositions sont soumises par le Secrétariat aux experts désignés à cette fin parmi les personnalités inscrites au Tableau d'experts de la Pharmacopée internationale et des Préparations pharmaceutiques, ci-après désignés sous l'appellation « le Groupe d'experts des DCI » ; elles sont examinées par les experts conformément aux « Directives générales pour la formation de dénominations communes internationales pour les substances pharmaceutiques » reproduites ci-après¹. La dénomination acceptée est la dénomination employée par la personne qui découvre ou qui, la première, fabrique et lance sur le marché une substance pharmaceutique, à moins que des raisons majeures n'obligent à s'écarter de cette règle.

Article 3 - Après l'examen prévu à l'article 2, le Secrétariat notifie qu'un projet de dénomination commune internationale est à l'étude.

a) Cette notification est faite par une insertion dans *WHO Drug Information*² et par l'envoi d'une lettre aux Etats Membres et aux commissions nationales et régionales de pharmacopée ou autres organismes désignés par les Etats Membres.

i) Notification est également faite à la personne qui a soumis la proposition (« le demandeur initial ») et à d'autres personnes portant à la dénomination mise à l'étude un intérêt notoire.

b) Cette notification contient les indications suivantes :

i) dénomination mise à l'étude;

ii) nom de l'auteur de la proposition tendant à attribuer une dénomination à la substance, si cette personne le demande ;

iii) définition de la substance dont la dénomination est mise à l'étude ;

iv) délai pendant lequel seront reçues les observations et les objections à l'égard de cette dénomination ; nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces observations et objections ;

v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

c) En envoyant cette notification, le Secrétariat demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur la dénomination proposée pendant la période au cours de laquelle cette dénomination est mise à l'étude par l'OMS.

Article 4 - Des observations sur la dénomination proposée peuvent être adressées à l'OMS par toute personne, dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

Article 5 - Toute personne intéressée peut formuler une objection formelle contre la dénomination proposée dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

Cette objection doit s'accompagner des indications suivantes :

i) nom de l'auteur de l'objection ;

ii) intérêt qu'il ou elle porte à la dénomination en cause ;

iii) raisons motivant l'objection contre la dénomination proposée.

Article 6 - Lorsqu'une objection formelle est formulée en vertu de l'article 5, l'OMS peut soit soumettre la dénomination proposée à un nouvel examen, soit intervenir pour tenter d'obtenir le retrait de l'objection. Sans préjudice de l'examen par l'OMS d'une ou de plusieurs appellations de

¹ Voir annexe 2.

² Avant 1987, les listes de dénominations communes internationales étaient publiées dans la *Chronique de l'Organisation mondiale de la Santé*.

remplacement, l'OMS n'adopte pas d'appellation comme dénomination commune internationale recommandée tant qu'une objection formelle présentée conformément à l'article 5 n'est pas levée.

Article 7 - Lorsqu'il n'est formulé aucune objection en vertu de l'article 5, ou que toutes les objections présentées ont été levées, le Secrétariat fait une notification conformément aux dispositions du paragraphe a) de l'article 3, en indiquant que la dénomination a été choisie par l'OMS en tant que dénomination commune internationale recommandée.

Article 8 - En communiquant aux Etats Membres, conformément à l'article 7, une dénomination commune internationale recommandée, le Secrétariat :

- a) demande que cette dénomination soit reconnue comme dénomination commune de la substance considérée ; et
- b) demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur cette dénomination et interdire le dépôt de cette dénomination comme marque ou appellation commerciale.

Article 9 -

a) Dans le cas exceptionnel où une dénomination commune internationale déjà recommandée donne lieu à des erreurs de médication, de prescription ou de distribution ou en comporte un risque démontrable, en raison d'une similitude avec une autre appellation dans la pratique pharmaceutique et/ou de prescription, et où il apparaît que ces erreurs ou ces risques d'erreur ne peuvent être facilement évités par d'autres interventions que le remplacement éventuel d'une dénomination commune internationale déjà recommandée, ou dans le cas où une dénomination commune internationale déjà recommandée diffère sensiblement de la dénomination commune approuvée dans un nombre important d'Etats Membres, ou dans d'autres circonstances exceptionnelles qui justifient le remplacement d'une dénomination commune internationale recommandée, toute personne intéressée peut formuler une proposition dans ce sens. Cette proposition est présentée sur la formule prévue à cet effet et doit s'accompagner des indications suivantes :

- i) nom de l'auteur de la proposition ;
- ii) intérêt qu'il ou elle porte au remplacement proposé ;
- iii) raisons motivant la proposition ; et
- iv) description, faits à l'appui, des autres interventions entreprises pour tenter de régler le problème et exposé des raisons pour lesquelles ces interventions ont échoué.

Les propositions peuvent comprendre une proposition de nouvelle dénomination commune internationale de remplacement, établie conformément aux Directives générales, compte tenu de la substance pharmaceutique pour laquelle la nouvelle dénomination commune internationale de remplacement est proposée.

Le Secrétariat transmet une copie de la proposition pour examen, conformément à la procédure exposée plus loin au paragraphe b), au Groupe d'experts des DCI et au demandeur initial ou à son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles).

De plus, le Secrétariat demande aux entités et personnes ci-après de formuler des observations sur la proposition :

- i) les Etats Membres et les commissions nationales et régionales de pharmacopée ou d'autres organismes désignés par les Etats Membres (en insérant une note à cet effet dans la lettre mentionnée à l'article 3.a), et
- ii) toutes autres personnes portant au remplacement proposé un intérêt notoire.

La demande d'observations contient les indications suivantes :

- i) dénomination commune internationale recommandée pour laquelle un remplacement est proposé (et la dénomination de remplacement proposée, si elle est fournie) ;
- ii) nom de l'auteur de la proposition de remplacement (si cette personne le demande) ;
- iii) définition de la substance faisant l'objet du remplacement proposé et raisons avancées pour le remplacement ;
- iv) délai pendant lequel seront reçus les commentaires et nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces commentaires ; et
- v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

Des observations sur la proposition de remplacement peuvent être communiquées par toute personne à l'OMS dans les quatre mois qui suivent la date de la demande d'observations.

b) Une fois échu le délai prévu ci-dessus pour la communication d'observations, le Secrétariat transmet les observations reçues au Groupe d'experts des DCI, au demandeur initial ou à son successeur et à l'auteur de la proposition de remplacement. Si, après avoir examiné la proposition de remplacement et les observations reçues, le Groupe d'experts des DCI, l'auteur de la proposition de remplacement et le demandeur initial ou son successeur reconnaissent tous qu'il est nécessaire de remplacer la dénomination commune internationale déjà recommandée, le Secrétariat soumet la proposition de remplacement au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite.

Nonobstant ce qui précède, le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer.

Dans le cas où une proposition de remplacement est soumise au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite, le Groupe choisit une nouvelle dénomination commune internationale conformément aux Directives générales mentionnées à l'article 2 et selon la procédure décrite dans les articles 3 à 8 inclus. La notification faite par le Secrétariat en vertu de l'article 3 et de l'article 7, respectivement, y compris au demandeur initial ou à son successeur (si ce n'est pas la même personne que celle qui a proposé le remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), doit dans un tel cas indiquer que la nouvelle dénomination remplace une dénomination commune internationale déjà recommandée et que les Etats Membres peuvent souhaiter prendre des mesures transitoires pour les produits existants qui utilisent la dénomination commune internationale déjà recommandée sur leur étiquette conformément à la législation nationale.

Si, après examen de la proposition de remplacement et des observations communiquées conformément à la procédure exposée plus haut, le Groupe d'experts des DCI, le demandeur initial ou son successeur et l'auteur de la proposition de remplacement ne s'accordent pas sur le fait qu'il y a des raisons impératives de remplacer une dénomination commune internationale déjà recommandée, cette dernière est conservée (étant entendu toujours que le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer). Dans un tel cas, le Secrétariat informe l'auteur de la proposition de remplacement, ainsi que le demandeur initial ou son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), les Etats Membres, les commissions nationales et régionales de pharmacopée, les autres organismes désignés par les Etats Membres et toutes autres personnes portant un intérêt notoire au remplacement proposé que, malgré une proposition de remplacement, il a été décidé de conserver la dénomination commune internationale déjà recommandée (avec une brève description de la ou des raisons pour lesquelles la proposition de remplacement n'a pas été jugée suffisamment impérative).

ANNEXE 2

**DIRECTIVES GENERALES POUR LA FORMATION DE
DENOMINATIONS COMMUNES INTERNATIONALES APPLICABLES
AUX SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES¹**

1. Les dénominations communes internationales (DCI) devront se distinguer les unes des autres par leur consonance et leur orthographe. Elles ne devront pas être d'une longueur excessive, ni prêter à confusion avec des appellations déjà couramment employées.

2. La DCI de chaque substance devra, si possible, indiquer sa parenté pharmacologique. Les dénominations susceptibles d'évoquer pour les malades des considérations anatomiques, physiologiques, pathologiques ou thérapeutiques devront être évitées dans la mesure du possible.

Outre ces deux principes fondamentaux, on respectera les principes secondaires suivants :

3. Lorsqu'on formera la DCI de la première substance d'un nouveau groupe pharmacologique, on tiendra compte de la possibilité de former ultérieurement d'autres DCI appropriées pour les substances apparentées du même groupe.

4. Pour former des DCI des acides, on utilisera de préférence un seul mot. Leurs sels devront être désignés par un terme qui ne modifie pas le nom de l'acide d'origine : par exemple « oxacilline » et « oxacilline sodique », « ibufénac » et « ibufénac sodique ».

5. Les DCI pour les substances utilisées sous forme de sels devront en général s'appliquer à la base active (ou à l'acide actif). Les dénominations pour différents sels ou esters d'une même substance active ne différeront que par le nom de l'acide inactif (ou de la base inactive). En ce qui concerne les substances à base d'ammonium quaternaire, la dénomination s'appliquera de façon appropriée au cation et à l'anion en tant qu'éléments distincts d'une substance quaternaire. On évitera de choisir une désignation évoquant un sel aminé.

6. On évitera d'ajouter une lettre ou un chiffre isolé ; en outre, on renoncera de préférence au trait d'union.

7. Pour simplifier la traduction et la prononciation des DCI, la lettre « f » sera utilisée à la place de « ph », « t » à la place de « th », « e » à la place de « ae » ou « oe », et « i » à la place de « y » ; l'usage des lettres « h » et « k » sera aussi évité.

8. On retiendra de préférence, pour autant qu'elles respectent les principes énoncés ici, les dénominations proposées par les personnes qui ont découvert ou qui, les premières, ont fabriqué et lancé sur le marché les préparations pharmaceutiques considérées, ou les dénominations déjà officiellement adoptées par un pays.

9. La parenté entre substances d'un même groupe (voir Directive générale 2) sera si possible indiquée dans les DCI par l'emploi de segments-clés communs. La liste ci-après contient des exemples de segments-clés pour des groupes de substances, surtout pour des groupes récents. Il y a beaucoup d'autres segments-clés en utilisation active.² Les segments-clés indiqués sans trait d'union pourront être insérés n'importe où dans une dénomination.

¹ Dans son vingtième rapport (OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975), le Comité OMS d'experts des Dénominations communes pour les Substances pharmaceutiques a examiné les directives générales pour la formation des dénominations communes internationales et la procédure à suivre en vue de leur choix, compte tenu de l'évolution du secteur pharmaceutique au cours des dernières années. La modification la plus importante a été l'extension aux substances de synthèse de la pratique normalement suivie pour désigner les substances tirées ou dérivées de produits naturels. Cette pratique consiste à employer des syllabes communes ou groupes de syllabes communes (segments-clés) qui sont caractéristiques et indiquent une propriété commune aux membres du groupe des substances pour lequel ces segments-clés ont été retenus. Les raisons et les conséquences de cette modification ont fait l'objet de discussions approfondies.

Les directives ont été mises à jour lors de la treizième consultation sur les dénominations communes pour les substances pharmaceutiques (Genève, 27-29 avril 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 mai 1983, révision en date du 18 août 1983).

² Une liste plus complète de segments-clés est contenue dans le document de travail WHO/EMP/RHT/TSN/2018.1 qui est régulièrement mis à jour et qui peut être demandé auprès du programme des DCI, OMS, Genève

Latin	Français	
-acum	-ac	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibufénac analgésiques
-adolum	-adol	
-adol-	-adol-	
-astum	-ast	antiasthmatiques, antiallergiques n'agissant pas principalement en tant qu'antihistaminiques
-astinum	-astine	
-azepamum	-azépam	antihistaminiques
bol	bol	substances du groupe du diazépam
-cain-	-caïn-	stéroïdes anabolisants
-cainum	-caïne	antiarythmiques de classe I, dérivés du procaïnamide et de la lidocaïne
cef-	céf-	anesthésiques locaux
-cillinum	-cilline	antibiotiques, dérivés de l'acide céphalosporanique
-conazolum	-conazole	antibiotiques, dérivés de l'acide 6-aminopénicillanique
		agents antifongiques systémiques du groupe du miconazole
cort	cort	corticostéroïdes, autres que les dérivés de la prednisolone
-coxibum	-coxib	inhibiteurs sélectifs de la cyclo-oxygénase
-entanum	-entan	antagonistes du récepteur de l'endothéline
gab	gab	gabamimétiques
-gado-	-gado-	agents diagnostiques, dérivés du gadolinium
-gatrnum	-gatrnan	antithrombines, antithrombotiques
gest	gest	stéroïdes progestogènes
gli	gli	antihyperglycémiant
io-	io-	produits de contraste iodés
-metacinum	-métacine	substances anti-inflammatoires du groupe de l'indométacine
-mycinum	-mycine	antibiotiques produits par des souches de <i>Streptomyces</i>
-nidazolum	-nidazole	substances antiprotozoaires du groupe du métronidazole
-ololum	-olol	antagonistes des récepteurs β -adrénergiques
-oxacinum	-oxacine	substances antibactériennes du groupe de l'acide nalidixique
-platinum	-platine	antinéoplasiques, dérivés du platine
-poetinum	-poétine	facteurs sanguins de type érythropoïétine
-pril(at)um	-pril(ate)	inhibiteurs de l'enzyme de conversion de l'angiotensine
-profenum	-profène	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibuprofène
prost	prost	prostaglandines
-relinum	-réline	peptides stimulant la libération d'hormones hypophysaires
-sartanum	-sartan	antagonistes d'un récepteur de l'angiotensine II, antihypertenseurs (non peptidiques)
-vaptanum	-vaptan	antagonistes du récepteur de la vasopressine
vin-	vin-	alcaloïdes du type vinca
-vin-	-vin-	

ANEXO 1

**PROCEDIMIENTO DE SELECCIÓN DE DENOMINACIONES
COMUNES INTERNACIONALES RECOMENDADAS PARA
SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS¹**

La Organización Mundial de la Salud (OMS) seguirá el procedimiento que se expone a continuación tanto para seleccionar denominaciones comunes internacionales recomendadas para las sustancias farmacéuticas, de conformidad con lo dispuesto en la resolución WHA3.11, como para sustituir esas denominaciones.

Artículo 1 - Las propuestas de denominaciones comunes internacionales recomendadas y las propuestas de sustitución de esas denominaciones se presentarán a la OMS en los formularios que se proporcionen a estos efectos. El estudio de estas propuestas estará sujeto al pago de una tasa destinada a sufragar los costos de administración que ello suponga para la Secretaría de la OMS («la Secretaría»). La Secretaría establecerá la cuantía de esa tasa y podrá ajustarla periódicamente.

Artículo 2 - Estas propuestas serán sometidas por la Secretaría a los miembros del Cuadro de Expertos en Farmacopea Internacional y Preparaciones Farmacéuticas encargados de su estudio, en adelante designados como «el Grupo de Expertos en DCI», para que las examinen de conformidad con los «Principios generales de orientación para formar denominaciones comunes internacionales para sustancias farmacéuticas», anexos a este procedimiento.² A menos que haya poderosas razones en contra, la denominación aceptada será la empleada por la persona que haya descubierto o fabricado y comercializado por primera vez esa sustancia farmacéutica.

Artículo 3 - Tras el examen al que se refiere el artículo 2, la Secretaría notificará que está en estudio un proyecto de denominación internacional.

a) Esa notificación se hará mediante una publicación en *Información Farmacéutica OMS*³ y el envío de una carta a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros.

i) La notificación será enviada también a la persona que haya presentado la propuesta («el solicitante inicial») y a otras personas que tengan un interés especial en una denominación objeto de estudio.

b) En esa notificación se incluirán los siguientes datos:

i) la denominación sometida a estudio;

ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de denominación de la sustancia, si lo pide esa persona;

iii) la identidad de la sustancia cuya denominación está en estudio;

iv) el plazo fijado para recibir observaciones y objeciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y

v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

¹ Véase el anexo 1 en OMS, Serie de Informes Técnicos, N° 581, 1975. El texto vigente fue adoptado por el Consejo Ejecutivo en su resolución EB15.R7 y modificado en las resoluciones EB43.R9 y EB115.R4..

² Véase el anexo 2.

³ Hasta 1987 las listas de DCI se publicaban en la *Crónica de la Organización Mundial de la Salud*.

c) Al enviar esa notificación, la Secretaría solicitará de los Estados Miembros la adopción de todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación propuesta, durante el periodo en que la OMS la tenga en estudio.

Artículo 4 - Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.

Artículo 5 - Toda persona interesada puede presentar una objeción formal a una denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.

Esa objeción deberá acompañarse de los siguientes datos:

- i) la identidad de la persona que formula la objeción;
- ii) las causas que motivan su interés por la denominación; y
- iii) las causas que motivan su objeción a la denominación propuesta.

Artículo 6 - Cuando se haya presentado una objeción formal en la forma prevista en el artículo 5, la OMS podrá reconsiderar el nombre propuesto o utilizar sus buenos oficios para intentar lograr que se retire la objeción. La OMS no seleccionará como denominación común internacional una denominación a la que se haya hecho una objeción formal, presentada según lo previsto en el artículo 5, que no haya sido retirada, todo ello sin perjuicio de que la Organización examine otra denominación o denominaciones sustitutivas.

Artículo 7 - Cuando no se haya formulado ninguna objeción en la forma prevista en el artículo 5, o cuando todas las objeciones presentadas hayan sido retiradas, la Secretaría notificará, conforme a lo dispuesto en el párrafo a) del artículo 3, que la denominación ha sido seleccionada por la OMS como denominación común internacional recomendada.

Artículo 8 - Al comunicar a los Estados Miembros una denominación común internacional, conforme a lo previsto en el artículo 7, la Secretaría:

a) solicitará que esta denominación sea reconocida como denominación común para la sustancia de que se trate; y

b) solicitará a los Estados Miembros que adopten todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación, y prohíban que sea registrada como marca de fábrica o como nombre comercial.

Artículo 9

a) En el caso excepcional de que, debido a su semejanza con otra denominación utilizada en las prácticas farmacéuticas y/o de prescripción, una denominación común internacional recomendada anteriormente ocasione errores de medicación, prescripción o distribución, o suponga un riesgo manifiesto de que esto ocurra, y parezca que tales errores o potenciales errores no sean fácilmente subsanables con otras medidas que no sean la posible sustitución de esa denominación común internacional recomendada anteriormente; en el caso de que una denominación común internacional recomendada anteriormente difiera considerablemente de la denominación común aprobada en un número importante de Estados Miembros, o en otras circunstancias excepcionales que justifiquen el cambio de una denominación común internacional recomendada, cualquier persona interesada puede presentar propuestas en este sentido. Esas propuestas se presentarán en los formularios que se proporcionen a estos efectos e incluirán los siguientes datos:

- i) la identidad de la persona que presenta la propuesta;
- ii) las causas que motivan su interés en la sustitución propuesta;
- iii) las causas que motivan la propuesta; y

iv) una descripción, acompañada de pruebas documentales, de las otras medidas que se hayan adoptado con el fin de resolver la situación y de los motivos por los cuales dichas medidas no han sido suficientes.

Entre esas propuestas podrá figurar una relativa a una nueva denominación común internacional sustitutiva, formulada con arreglo a los Principios generales y que tenga en cuenta la sustancia farmacéutica para la que se proponga la nueva denominación común internacional sustitutiva.

La Secretaría enviará al Grupo de Expertos en DCI y al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que sea una persona diferente de la que ha presentado la propuesta de sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales) una copia de la propuesta, para que sea examinada de conformidad con el procedimiento descrito en el párrafo *b) infra*.

Además, la Secretaría solicitará observaciones sobre la propuesta:

i) a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros (ello se hará incluyendo una notificación a tal efecto en la carta a la que se refiere el párrafo *a)* del artículo 3), y

ii) a cualquier persona que tenga un interés especial en la sustitución propuesta.

Al solicitar que se formulen estas observaciones se facilitarán los siguientes datos:

i) la denominación común internacional recomendada que se propone sustituir (y la denominación sustitutiva propuesta, si se ha facilitado);

ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de sustitución (si lo pide esa persona);

iii) la identidad de la sustancia a la que se refiere la sustitución propuesta y las razones para presentar la propuesta de sustitución;

iv) el plazo fijado para recibir observaciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y

v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la sustitución propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a la fecha en que se realizó la solicitud de observaciones.

b) Una vez agotado el mencionado plazo para la formulación de observaciones, la Secretaría enviará todos los comentarios recibidos al Grupo de Expertos en DCI, al solicitante inicial o a su sucesor, y a la persona que haya presentado la propuesta de sustitución. Si después de examinar la propuesta de sustitución y las observaciones recibidas, el Grupo de Expertos en DCI, la persona que haya presentado la propuesta de sustitución y el solicitante inicial, o su sucesor, están de acuerdo en la necesidad de sustituir la denominación común internacional recomendada anteriormente, la Secretaría remitirá la propuesta de sustitución al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite.

No obstante lo anterior, el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone.

En caso de que la propuesta de sustitución sea presentada al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite, este grupo seleccionará una nueva denominación común internacional de conformidad con los Principios generales a los que se refiere el artículo 2 y al procedimiento establecido en los artículos 3 a 8 inclusive. En ese caso, en las notificaciones que la Secretaría ha de enviar con arreglo a los artículos 3 y 7, respectivamente, incluida la notificación al solicitante

inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), se indicará que la nueva denominación sustituye a una denominación común internacional recomendada anteriormente y que los Estados Miembros podrán, si lo estiman oportuno, adoptar disposiciones transitorias aplicables a los productos existentes en cuya etiqueta se utilice, con arreglo a la legislación nacional, la denominación común internacional recomendada anteriormente que se haya sustituido.

En caso de que, después de haber estudiado la propuesta de sustitución y los comentarios recibidos de conformidad con el procedimiento descrito anteriormente, el Grupo de Expertos en DCI, el solicitante inicial o su sucesor y la persona que haya presentado la propuesta de sustitución no lleguen a un acuerdo sobre la existencia de razones poderosas para sustituir una denominación común internacional recomendada anteriormente, esta denominación se mantendrá (siempre en el entendimiento de que el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone). En ese caso, la Secretaría comunicará a la persona que haya propuesto la sustitución, así como al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), a los Estados Miembros, a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas o a otros organismos designados por los Estados Miembros y a cualquier otra persona que tenga interés en la sustitución propuesta, que, pese a la presentación de una propuesta de sustitución, se ha decidido mantener la denominación común internacional recomendada anteriormente (con una descripción de la o las razones por las que se ha considerado que la propuesta de sustitución no estaba respaldada por razones suficientemente poderosas).

ANEXO 2

PRINCIPIOS GENERALES DE ORIENTACIÓN PARA FORMAR DENOMINACIONES COMUNES INTERNACIONALES PARA SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS¹

1. Las denominaciones comunes internacionales (DCI) deberán diferenciarse tanto fonética como ortográficamente. No deberán ser incómodamente largas, ni dar lugar a confusión con denominaciones de uso común.

2. La DCI de una sustancia que pertenezca a un grupo de sustancias farmacológicamente emparentadas deberá mostrar apropiadamente este parentesco. Deberán evitarse las denominaciones que puedan tener connotaciones anatómicas, fisiológicas, patológicas o terapéuticas para el paciente.

Estos principios primarios se pondrán en práctica utilizando los siguientes principios secundarios:

3. Al idear la DCI de la primera sustancia de un nuevo grupo farmacológico, deberá tenerse en cuenta la posibilidad de poder formar DCI convenientes para las sustancias emparentadas que se agreguen al nuevo grupo.

4. Al idear DCI para ácidos, se preferirán las de una sola palabra; sus sales deberán denominarse sin modificar el nombre del ácido: p. ej. «oxacilina» y «oxacilina sódica», «ibufenaco» y «ibufenaco sódico».

¹ En su 20º informe (OMS, Serie de Informes Técnicos, N° 581, 1975), el Comité de Expertos de la OMS en Denominaciones Comunes para las Sustancias Farmacéuticas revisó los Principios generales para formar denominaciones comunes internacionales (DCI), y su procedimiento de selección, a la luz de las novedades registradas en los últimos años en materia de compuestos farmacéuticos. El cambio más importante había consistido en hacer extensivo a la denominación de sustancias químicas sintéticas el método utilizado hasta entonces para las sustancias originadas en productos naturales o derivadas de éstos. Dicho método conlleva la utilización de una «partícula» característica que indica una propiedad común a los miembros de un grupo. En el citado informe se examinan en detalle las razones y consecuencias de este cambio.

Los Principios generales de orientación se actualizaron durante la 13ª consulta sobre denominaciones comunes para sustancias farmacéuticas (Ginebra, 27 a 29 de abril de 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 de mayo de 1983, revisado el 18 de agosto de 1983).

5. Las DCI para las sustancias que se usan en forma de sal deberán en general aplicarse a la base activa o al ácido activo. Las denominaciones para diferentes sales o ésteres de la misma sustancia activa solamente deberán diferir en el nombre del ácido o de la base inactivos. En los compuestos de amonio cuaternario, el catión y el anión deberán denominarse adecuadamente por separado, como componentes independientes de una sustancia cuaternaria y no como sales de una amina.

6. Deberá evitarse el empleo de letras o números aislados; también es indeseable el empleo de guiones.

7. Para facilitar la traducción y la pronunciación, se emplearán de preferencia las letras «f» en lugar de «ph», «t» en lugar de «th», «e» en lugar de «ae» u «oe», e «i» en lugar de «y»; se deberá evitar el empleo de las letras «h» y «k».

8. Siempre que las denominaciones propuestas estén de acuerdo con estos principios, recibirán una consideración preferente las denominaciones propuestas por la persona que haya descubierto las sustancias, o que fabrique y comercialice por primera vez una sustancia farmacéutica, así como las denominaciones ya adoptadas oficialmente en cualquier país.

9. El parentesco entre sustancias del mismo grupo se pondrá de manifiesto en las DCI (véase el Principio 2) utilizando una partícula común. En la lista que figura a continuación se indican ejemplos de partículas para grupos de sustancias, en particular para grupos nuevos. Existen muchas otras partículas que se usan habitualmente.¹ Cuando una partícula aparece sin guión alguno, puede utilizarse en cualquier lugar de la palabra.

Latin	Español	
-acum	-aco	antiinflamatorios derivados del ibufenaco
-adolum	-adol)	analgésicos
-adol-	-adol-)	
-astum	-ast	antiasmáticos, sustancias antialérgicas cuya acción principal no es la antihistamínica
-astinum	-astina	antihistamínicos
-azepamum	-azepam	derivados del diazepam
bol	bol	esteroides anabolizantes
-cain-	-caína-	antiarrítmicos de clase I, derivados de procainamida y lidocaína
-cainum	-caína-	anestésicos locales
cef-	cef-	antibióticos, derivados del ácido cefalosporánico
-cillinum	-cilina	antibióticos derivados del ácido 6-aminopenicilánico
-conazolum	-conazol	antifúngicos sistémicos derivados del miconazol
cort	cort	corticosteroides, excepto derivados de prednisolona
-coxibum	-coxib	inhibidores selectivos de ciclooxigenasa
-entanum	-entán	antagonistas del receptor de endotelina
gab	gab	gabamiméticos
gado-	gado-	agentes para diagnóstico derivados de gadolinio
-gartranum	-gatrán	inhibidores de la trombina antitrombóticos
gest	gest	esteroides progestágenos
gli	gli	hipoglucemiantes, antihiper glucémicos
io-	io-	medios de contraste iodados
-metacinum	-metacina	antiinflamatorios derivados de indometacina
-mycinum	-micina	antibióticos producidos por cepas de <i>Streptomyces</i>
-nidazolum	-nidazol	antiprotozoarios derivados de metronidazol
-ololum	-olol	antagonistas de receptores β -adrenérgicos

¹ En el documento de trabajo WHO/EMP/RHT/TSN/2018.1, que se actualiza periódicamente y puede solicitarse al Programa sobre Denominaciones Comunes Internacionales, OMS, Ginebra, figura una lista más amplia de partículas.

-oxacinum	-oxacino	antibacterianos derivados del ácido nalidíxico
-platinum	-platino	antineoplásicos derivados del platino
-poetinum	-poetina	factores sanguíneos similares a la eritropoyetina
-pril(at)um	-pril(at)	inhibidores de la enzima convertidora de la angiotensina
-profenum	-profeno	antiinflamatorios derivados del ibuprofeno
prost	prost	prostaglandinas
-relinum	-relina	péptidos estimulantes de la liberación de hormonas hipofisarias
-sartanum	-sartán	antihipertensivos (no peptídicos) antagonistas del receptor de angiotensina II
-vaptanum	-vaptán	antagonistas del receptor de vasopresina
vin-	vin-)	alcaloides de la vinca
-vin-	-vin-)	