

International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances (INN)

Notice is hereby given that, in accordance with article 3 of the Procedure for the Selection of Recommended International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances, the names given in the list on the following pages are under consideration by the World Health Organization as Proposed International Nonproprietary Names. The inclusion of a name in the lists of Proposed International Nonproprietary Names does not imply any recommendation of the use of the substance in medicine or pharmacy.

Lists of Proposed (1–117) and Recommended (1–78) International Nonproprietary Names can be found in *Cumulative List No. 17, 2017* (available in CD-ROM only). The statements indicating action and use are based largely on information supplied by the manufacturer. **This information is merely meant to provide an indication of the potential use of new substances at the time they are accorded Proposed International Nonproprietary Names.** WHO is not in a position either to uphold these statements or to comment on the efficacy of the action claimed. Because of their provisional nature, these descriptors will neither be revised **nor included in the Cumulative Lists of INNs.**

Dénominations communes internationales des Substances pharmaceutiques (DCI)

Il est notifié que, conformément aux dispositions de l'article 3 de la Procédure à suivre en vue du choix de Dénominations communes internationales recommandées pour les Substances pharmaceutiques les dénominations ci-dessous sont mises à l'étude par l'Organisation mondiale de la Santé en tant que dénominations communes internationales proposées. L'inclusion d'une dénomination dans les listes de DCI proposées n'implique aucune recommandation en vue de l'utilisation de la substance correspondante en médecine ou en pharmacie.

On trouvera d'autres listes de Dénominations communes internationales proposées (1–117) et recommandées (1–78) dans la *Liste récapitulative No. 17, 2017* (disponible sur CD-ROM seulement). Les mentions indiquant les propriétés et les indications des substances sont fondées sur les renseignements communiqués par le fabricant. **Elles ne visent qu'à donner une idée de l'utilisation potentielle des nouvelles substances au moment où elles sont l'objet de propositions de DCI.** L'OMS n'est pas en mesure de confirmer ces déclarations ni de faire de commentaires sur l'efficacité du mode d'action ainsi décrit. En raison de leur caractère provisoire, ces informations **ne figureront pas dans les listes récapitulatives de DCI.**

Denominaciones Comunes Internacionales para las Sustancias Farmacéuticas (DCI)

De conformidad con lo que dispone el párrafo 3 del "Procedimiento de Selección de Denominaciones Comunes Internacionales Recomendadas para las Sustancias Farmacéuticas", se comunica por el presente anuncio que las denominaciones detalladas en las páginas siguientes están sometidas a estudio por la Organización Mundial de La Salud como Denominaciones Comunes Internacionales

Propuestas. La inclusión de una denominación en las listas de las DCI Propuestas no supone recomendación alguna en favor del empleo de la sustancia respectiva en medicina o en farmacia.

Las listas de Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (1–117) y Recomendadas (1–78) se encuentran reunidas en *Cumulative List No. 17, 2017* (disponible sólo en CD-ROM). Las indicaciones sobre acción y uso que aparecen se basan principalmente en la información facilitada por los fabricantes. **Esta información tiene por objeto dar una idea únicamente de las posibilidades de aplicación de las nuevas sustancias a las que se asigna una DCI Propuesta.** La OMS no está facultada para respaldar esas indicaciones ni para formular comentarios sobre la eficacia de la acción que se atribuye al producto. Debido a su carácter provisional, esos datos descriptivos **no deben incluirse en las listas recapitulativas de DCI.**

Proposed International Nonproprietary Names: List 125

Comments on, or formal objections to, the proposed names may be forwarded by any person to the INN Programme of the World Health Organization within four months of the date of their publication in *WHO Drug Information*, i.e., for **List 125 of Proposed INN not later than 29 November 2021.**

Publication date: 30/07/2021

Dénominations communes internationales proposées: Liste 125

Des observations ou des objections formelles à l'égard des dénominations proposées peuvent être adressées par toute personne au Programme des Dénominations communes internationales de l'Organisation mondiale de la Santé dans un délai de quatre mois à compter de la date de leur publication dans *WHO Drug Information*, c'est à dire pour la **Liste 125 de DCI Proposées le 29 novembre 2021 au plus tard. Date de publication : 30/07/2021**

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas: Lista 125

Cualquier persona puede dirigir observaciones u objeciones respecto de las denominaciones propuestas, al Programa de Comunes Internacionales de la Organización Mundial de la Salud, en un plazo de cuatro meses, contados desde la fecha de su publicación en *WHO Drug Information*, es decir, para **la Lista 125 de DCI Propuestas el 29 de noviembre de 2021 a más tardar.**

Fecha de publicación: 30/07/2021

<i>Proposed INN</i> (Latin, English, French, Spanish)	<i>Chemical name or description: Action and use: Molecular formula</i> <i>Chemical Abstracts Service (CAS) registry number:</i> <i>Graphic formula</i>
<i>DCI Proposée</i>	<i>Nom chimique ou description: Propriétés et indications: Formule brute</i> <i>Numéro dans le registre du CAS: Formule développée</i>
<i>DCI Propuesta</i>	<i>Nombre químico o descripción: Acción y uso: Fórmula molecular</i> <i>Número de registro del CAS: Fórmula desarrollada</i>

acmucabtagenum autoleucelum

acmucabtagene autoleucel

autologous T cells obtained from peripheral blood mononuclear cells by leukapheresis, transduced with a self-inactivating, non-replicating lentiviral vector, encoding a chimeric antigen receptor (CAR) targeting B-lymphocyte antigen CD19 (also known as B-Lymphocyte surface antigen B4) under control of the murine stem cell virus promoter. The transgene is a T cell antigen coupler (TAC) which has three components:

(i) an extracellular antigen-binding domain (anti-human CD19; FMC63 single chain variable fragment (scFv)), (ii) an extracellular T cell receptor (TCR) recruitment domain (anti-human CD3 ϵ ; UCHT1 scFv [Y177T]), and (iii) a membrane-anchoring co-receptor domain that consists of the transmembrane and cytoplasmic domains of CD4. The vector genome is flanked by 5' and 3' long terminal repeats (LTRs) and contains also a ψ packaging signal, a Rev response element (RRE), a central polypurine tract (cPPT) sequence and the Woodchuck hepatitis virus post-transcriptional regulatory element (WPRE). The leukapheresis material is enriched for CD4/CD8 T cells by positive immunoselection. T cells are cultured in the presence serum-free medium containing IL-2 and IL-7, and activated using a CD3/CD28/CD2 soluble activator. The T cells (>70%, generally $\geq 99\%$) are predominantly CD4 and CD8 T cells, with >10% viable CD3+TAC+ cells.

cell-based gene therapy (antineoplastic)

acmucabtagène autoleucel

lymphocytes T autologues obtenus à partir de cellules mononucléaires de sang périphérique par leucaphérèse, transduits avec un vecteur lentiviral auto-inactivant, non répliquant, codant un récepteur antigénique chimérique (CAR) ciblant l'antigène des lymphocytes B CD19 (également connu comme antigène de surface des lymphocytes B B4) sous le contrôle du promoteur du virus des cellules souches murines. Le transgène est un coupleur d'antigène de lymphocyte T (TAC) qui a trois composants: (i) un domaine extracellulaire de liaison à l'antigène (anti-CD19 humain; fragment variable à chaîne unique (scFv) FMC63), (ii) un domaine extracellulaire de recrutement du récepteur des lymphocytes T (TCR) (anti-CD3 ϵ humain; UCHT1 scFv [Y177T]), et (iii) un domaine de corécepteur d'ancrage à la membrane, constitué des domaines transmembranaires et cytoplasmiques du CD4. Le génome du vecteur est flanqué de longues répétitions terminales (LTRs) en 5' et 3' et contient également un signal d'encapsulation ψ , un élément de réponse Rev (RRE), une séquence du tractus polypurine central (cPPT) et l'élément régulateur post-transcriptionnel du virus de l'hépatite de Woodchuck (WPRE). Le matériel de leucaphérèse est enrichi en lymphocytes T CD4/CD8 par immunosélection positive. Les lymphocytes T sont cultivés en présence de milieu sans sérum contenant de l'IL-2 et de l'IL-7, et activés à l'aide d'un activateur soluble CD3/CD28/CD2. Les lymphocytes T (>70%, généralement $\geq 99\%$) sont principalement des lymphocytes T CD4 et CD8, avec >10% de cellules CD3+TAC+ viables.

thérapie génique à base de cellules (antineoplasique)

acmucabtagén autoleucel

linfocitos T autólogos obtenidos a partir de células mononucleares de sangre periférica mediante leucaféresis, transducidos con un vector lentiviral auto inactivante, no replicativo, que codifica para un receptor de antígenos quimérico (CAR) dirigido al antígeno de linfocitos CD19 (también conocido como antígeno de superficie de linfocitos B, B4) bajo el control del promotor del virus de células madre murino. El transgen es un acoplador de antígeno de linfocitos T (TAC) que tiene tres componentes: (i) un dominio extracelular de unión a antígeno (anti-CD19 humano; fragmento de cadena variable sencilla (scFV) de FMC63), (ii) un dominio extracelular de reclutamiento del receptor de

linfocitos T (TCR) (anti-CD3ε humano; UCHT1 scFC [Y177T]), y (iii) un dominio correceptor de anclaje a la membrana que consiste en los dominios transmembrana y citoplásmico de CD4. El genoma del vector está flanqueado por repeticiones terminales largas (LTRs) en 5' y 3' y también contiene una señal de empaquetamiento ψ, un elemento de respuesta Rev (RRE), un tracto de poli-purina central (cPPT) y el elemento regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE). El material de leucaféresis se enriquece en linfocitos T CD4/CD8 mediante inmunoselección positiva. Los linfocitos T se cultivan en presencia de medio sin suero que contiene IL-2 y IL-7 y se activan usando el activador soluble CD3/CD28/CD2. Los linfocitos T (>70%, generalmente ≥99%) son predominantemente linfocitos T CD4 y CD8, con >10% de células CD3+TAC+ viables.

terapia génica basada en células (antineoplásico)

adintrevimabum

adintrevimab

immunoglobulin G1-lambda2, anti-[severe acute respiratory syndrome coronavirus 2 (SARS-CoV-2) spike (S) glycoprotein, receptor binding domain (RBD)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;

gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113)) (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1, G1v24 CH3 L107, S114 (CH1 R120 (221) (125-222), hinge 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 E12 (363), M14 (365), M107>L (435), N114>A (441) (348-452), CHS (453-454)) (125-453)], (227-217')-disulfide with lambda2 light chain *Homo sapiens* (1'-218') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-40*01 (95.9%) -IGLJ1*01 (91.7%), CDR-IMGT [9.3.12] (26-34.52-54.91-102)) (1'-112') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (113'-218')]; dimer (233-233":236-236")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa *antiviral*

adintrévimab

immunoglobuline G1-lambda2, anti-[domaine de liaison au récepteur (RBD) de la glycoprotéine spike (S) du coronavirus 2 du syndrome respiratoire aigu sévère (SARS-CoV-2)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;

chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113)) (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1, G1v24 CH3 L107, S114 (CH1 R120 (221) (125-222), charnière 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 E12 (363), M14 (365), M107>L (435), N114>A (441) (348-452), CHS (453-454)) (125-453)], (227-217')-disulfure avec la chaîne légère lambda2 *Homo sapiens* (1'-218') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-40*01 (95.9%) -IGLJ1*01 (91.7%), CDR-IMGT [9.3.12] (26-34.52-54.91-102)) (1'-112') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (113'-218')]; dimère (233-233":236-236")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa *antiviral*

adintrevimab

immunoglobulina G1-lambda2, anti-[dominio de unión al receptor (RBD) de la glicoproteína spike (S) del coronavirus 2 del síndrome respiratorio agudo severo (SARS-CoV-2)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-454) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-21*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113)) (1-124) -*Homo sapiens*IGHG1*03, G1m3, nG1m1, G1v24 CH3 L107, S114 (CH1 R120 (221) (125-222), bisagra 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 E12 (363), M14 (365), M107>L (435), N114>A (441) (348-452), CHS (453-454)) (125-453)], (227-217')-disulfuro con la cadena ligera lambda2 *Homo sapiens* (1'-218') [V-LAMBDA (*Homo sapiens*IGLV1-40*01 (95.9%) -IGLJ1*01 (91.7%), CDR-IMGT [9.3.12] (26-34.52-54.91-102)) (1'-112') -*Homo sapiens*IGLC2*01 (100%) (113'-218')]; dímero (233-233":236-236")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa *antiviral*

2516243-54-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS SYMNMWVRQA PGKGLEWVSS 50
ISEDGYSTYY PDSLKGRTI SRDSAKNSLY LQMNSLRADD TAVYYCARD 100
SGHTAWAGTG FEYWGQGLTV TVSSASTKGP SVFPLAPSSK STSGGTAALG 150
CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSLS SVTVPSSSL 200
GTQTYICNVN HKPSNTKVDK RVEPKSCDKT HTCPPCPAPE LLGGPSVFLF 250
PPKPKDTLMI SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV KFNWYVDGVE VHNAKTKPRE 300
EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV SNKALPAPIE KTISKAKGP 350
REFQVYTLFP SREEMTKNQV SLTCLVKGFI PSDIWVES NGQPENNYKT 400
TPFVLDSGDS FFLYSKLTVD KSRWQGNVF SCSVLHEALH AHYTKSLSL 450
SPGK 454

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
QSVLTQPPSV SGAPGQRITI SCTGSSSNIG AGYDVHWYQQ LPGTAPKLLI 50
YGSSSRNSGV PDRFSGSKSG TSASLAITGL QAEDEADYYQ QSYDSSLSVL 100
YTFGTGKTV VLGGPKAAPS VTLFPPSSEE LQANKATLVC LISDFYPGAV 150
TVAMKADSSP VKAGVETTP SKQSNKYAA SSYLSLTPEQ WKSHRSYSCQ 200
VTHEGSTVEK TVAPTECS 218

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 151-207 268-328 374-432
22"-96" 151"-207" 268"-328" 374"-432"
Intra-L (C23-C104) 22-90" 140"-199"
22"-90" 140"-199"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 227-217" 227"-217"
Inter-H-H (h 11, h 14) 233-233" 236-236"

N-terminal glutaminy cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutamilo N-terminal
L VL Q1 > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl): 1', 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 304, 304"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 454, 454"

adrulipasum alfa #
adrulipase alfa

Yarrowia lipolytica triacylglycerol lipase 2 (acid-resistant glycosylated lipase, lipase 2), produced in *Yarrowia lipolytica* yeast cells, glycoform alfa;
triacylglycerol lipase 2 of the yeast *Yarrowia lipolytica* (acid-resistant glycosylated lipase, lipase 2, Lip2, PDB 3O0D, EC 3.1.1.3), produced in recombinant *Yarrowia lipolytica* yeast cells, glycoform alfa
enzyme replacement therapy

adrulipase alfa

Yarrowia lipolytica triacylglycéról lipase 2 (lipase glycosylée résistante aux acides, lipase 2), produite dans les cellules de levure de *Yarrowia lipolytica*, glycoforme alfa;
triacylglycéról lipase 2 de la levure *Yarrowia lipolytica* (lipase glycosylée résistante aux acides, lipase 2, Lip2, PDB 3O0D, EC 3.1.1.3), produite dans des cellules de levure recombinante *Yarrowia lipolytica*, glycoforme alfa
traitement enzymatique substitutif

adrulipasa alfa

Yarrowia lipolytica triacilglicerol lipasa 2 (lipasa glicosilada resistente a los ácidos, lipasa 2), producida en células de levadura de *Yarrowia lipolytica*, glicoforma alfa;
triacilglicerol lipasa 2 de la levadura *Yarrowia lipolytica* (lipasa glicosilada resistente a los ácidos, lipasa 2, Lip2, PDB 3O0D, EC 3.1.1.3), producida en células de levadura recombinante *Yarrowia lipolytica*, glicoforma alfa
tratamiento enzimático de sustitución

2488626-93-1

Sequence / Séquence / Secuencia

VYTSTETSHI DQESYNFFEK YARLANIGYC VPGTKIFKP FNCGLQCAHF	50
PNVELIEEFH DPLRIFDVSG YLAVDHASKQ IYLVIRGTHS LEDVITDIRI	100
MQAPLTNFDL AANISSTATC DDCLVHNGFI QSYNNTYNQI GPKLDSVIEQ	150
YPDYQIAVTG HSLGGAAALL FGINKLVNGH DPLVVTLGQP IVGNAGFANW	200
VDKLFFGQEN PDVSKVSKDR KLYRITHRGD IVPQVPFWDG YQHCSEGEVFI	250
DWPLIHPPLS NVVMCQGQSN KQCSAGNTLL QQVNVIGNHL QYFVTEGVCG	300
I	301

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posición del puentes disulfuro
30-299, 43-47, 120-123, 265-273

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación

N113, N134 -(GlcNAc)₂-Man_x (x = 8-12)**alogabatum**

alogabat

6-[[5-methyl-3-(6-methylpyridin-3-yl)-1,2-oxazol-4-yl]methoxy]-*N*-(oxan-4-yl)pyridazine-3-carboxamide
GABA_A receptor positive allosteric modulator

alogabat

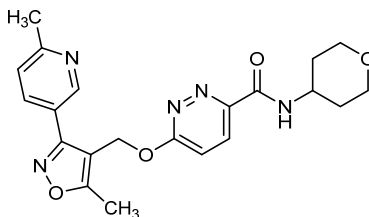
6-[[5-méthyl-3-(6-méthylpyridin-3-yl)-1,2-oxazol-4-yl]méthoxy]-*N*-(oxan-4-yl)pyridazine-3-carboxamide
modulateur allostérique positif du récepteur GABA_A

alogabat

6-[[5-metil-3-(6-metilpiridin-3-il)-1,2-oxazol-4-il]metoxi]-*N*-(oxan-4-il)piridazina-3-carboxamida
modulador alostérico positivo del receptor GABA_A

C₂₁H₂₃N₅O₄

2230009-48-8



alrefimotidum

alrefimotide

telomerase reverse transcriptase (human TERT, hTERT, EC:2.7.7.49) (660-689)-peptide:
 L-alanyl-L-leucyl-L-phenylalanyl-L-seryl-L-valyl-L-leucyl-L-asparaginy-L-tyrosyl-L- α -glutamyl-L-arginyl-L-alanyl-L-arginyl-L-arginyl-L-prolylglycyl-L-leucyl-L-leucylglycyl-L-alanyl-L-seryl-L-valyl-L-leucylglycyl-L-leucyl-L- α -aspartyl-L- α -aspartyl-L-isoleucyl-L-histidyl-L-arginyl-L-alanine
immunological agent for active immunization

alréfimotide

(660-689)-peptide de la transcriptase inverse de la télomérase (TERT humaine, hTERT, EC:2.7.7.49):
 L-alanyl-L-leucyl-L-phénylalanyl-L-séryl-L-valyl-L-leucyl-L-asparaginy-L-tyrosyl-L- α -glutamyl-L-arginyl-L-alanyl-L-arginyl-L-arginyl-L-prolylglycyl-L-leucyl-L-leucylglycyl-L-alanyl-L-séryl-L-valyl-L-leucylglycyl-L-leucyl-L- α -aspartyl-L- α -aspartyl-L-isoleucyl-L-histidyl-L-arginyl-L-alanine
agent immunologique d'immunisation active

alrefimotida

(660-689)-péptido de la telomerasa transcriptasa inversa (TERT humana, hTERT, EC:2.7.7.49):
 L-alanil-L-leucil-L-fenilalanil-L-seril-L-valil-L-leucil-L-asparaginil-L-tirosil-L- α -glutamil-L-arginil-L-alanil-L-arginil-L-arginil-L-proliilglicil-L-leucil-L-leucilglicil-L-alanil-L-seril-L-valil-L-leucilglicil-L-leucil-L- α -aspartil-L- α -aspartil-L-isoleucil-L-histidil-L-arginil-L-alanina
agente inmunológico para inmunización activa

C₁₄₆H₂₃₉N₄₅O₄₁

1331848-79-3

ALFSVLNYER ARRPGLLGAS VLGLDDIHRA 30

alrizomadlinum

alrizomadlin

4-[(3'*R*,4'*S*,5'*R*)-6"-chloro-4'-(3-chloro-2-fluorophenyl)-1'-ethyl-2"-oxo-1",2"-dihydrodispiro[cyclohexane-1,2'-pyrrolidine-3',3"-indole]-5'-carboxamido]bicyclo[2.2.2]octane-1-carboxylic acid
E3 ubiquitin-protein ligase Mdm2 (Hdm2) inhibitor

alrizomadline

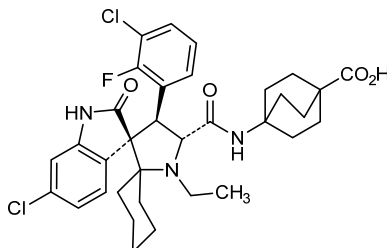
acide 4-[(3'*R*,4'*S*,5'*R*)-6"-chloro-4'-(3-chloro-2-fluorophényl)-1'-éthyl-2"-oxo-1",2"-dihydrodispiro[cyclohexane-1,2'-pyrrolidine-3',3"-indole]-5'-carboxamido]bicyclo[2.2.2]octane-1-carboxylique
inhibiteur de l'ubiquitine-protéine ligase E3 Mdm2 (Hdm2)

alrizomadlina

ácido 4-[(3'*R*,4'*S*,5'*R*)-6"-cloro-4'-(3-cloro-2-fluorofenil)-1'-etil-2"-oxo-1",2"-dihidrodispiro[ciclohexano-1,2'-pirrolidina-3',3"-indol]-5'-carboxamido]biciclo[2.2.2]octano-1-carboxílico
inhibidor de ubiquitina-proteína ligasa E3 Mdm2 (Hdm2)

C₃₄H₃₈Cl₂FN₃O₄

1818393-16-6

**amdzalisibum**

amdzalisib

4-amino-6-[[[(1S)-1-(3-chloro-6-phenylimidazo[1,2-b]pyridazin-7-yl)ethyl]amino]pyrimidine-5-carbonitrile
phosphatidylinositol 3-kinase (PI3K) inhibitor,
immunomodulator, antineoplastic

amdzalisib

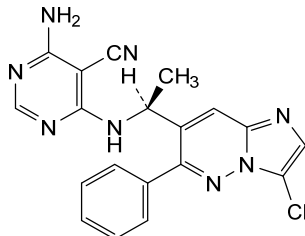
4-amino-6-[[[(1S)-1-(3-chloro-6-phénylimidazo[1,2-b]pyridazin-7-yl)éthyl]amino]pyrimidine-5-carbonitrile
inhibiteur de phosphatidylinositol 3-kinase (PI3K),
immunomodulateur, antinéoplasique

amdzalisib

4-amino-6-[[[(1S)-1-(3-cloro-6-fenilimidazo[1,2-b]piridazin-7-il)etil]amino]pirimidina-5-carbonitrilo
inhibidor del fosfatidilinositol 3-kinasa (PI3K),
inmunomodulador, antineoplásico

C₁₉H₁₅ClN₈

1894229-05-0

**amubarvimabum #**

amubarvimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[severe acute respiratory syndrome coronavirus 2 (SARS-CoV-2) spike (S) glycoprotein, receptor binding domain (RBD)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;

gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (95.9%) -IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.11] (26-33.51-57.96-106)] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1, G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (214) (118-215), hinge 1-15 (216-230), CH2 M15.1>Y (252), S16>T (254), T18>E (256) (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (100%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.8] (27-33.51-53.90-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (226-226''-229-229'')-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1 cell line, glycoform alfa
antiviral

amubarvimab immunoglobuline G1-kappa, anti-[domaine de liaison au récepteur (RBD) de la glycoprotéine spike (S) du coronavirus 2 du syndrome respiratoire aigu sévère (SARS-CoV-2)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.11] (26-33.51-57.96-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1, G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (214) (118-215), charnière 1-15 (216-230), CH2 M15.1>Y (252), S16>T (254), T18>E (256) (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (100%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.8] (27-33.51-53.90-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (226-226'':229-229'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa *antiviral*

amubarvimab inmunoglobulina G1-kappa, anti-[dominio de unión al receptor (RBD) de la glicoproteína spike (S) del coronavirus 2 del síndrome respiratorio agudo severo (SARS-CoV-2)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.11] (26-33.51-57.96-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1, G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (214) (118-215), bisagra 1-15 (216-230), CH2 M15.1>Y (252), S16>T (254), T18>E (256) (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (100%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.8] (27-33.51-53.90-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (226-226'':229-229'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa *antiviral*

2509447-07-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGITVS SNYMNWVRQA PGKGLEWVSL 50
IYSGGSTYYA DSVKGRFTIS RDNSKNTLYL QMNSLRAEDT AVYHCARDLV 100
VYGMVDWVGQ TTVTVSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
PEPTVTSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVTPS SSLGTQYIC 200
NVNHKPSWTK VDKKVEPKSC DKTHTCPCPC APELLGGPSV FLFPPKPKDT 250
LYITREPEVT CVVVDVSHED PEVKENWYVD GVEVHNARTK FREEQYNSTY 300
RVVSVLTVLIH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT 350
LPFSRDELTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTPPVLDL 400
DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVME ALHNHYTQKS LSLSPGK 447

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SSYLAWYQQK PGQAPRLLIY 50
GASSRATGIP DRFSGSGSGT DFTLTISRLE PEDFAVYYCQ QYGSSTPFGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNEY PREAKVQWQV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYERKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-95 144-200 261-321 367-425
22"-95" 144"-200" 261"-321" 367"-425"
Intra-L (C23-C104) 23'-89' 134'-194'
23'''-89''' 134'''-194'''
Inter-H-L (h5-CL 126) 220-214' 220"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 226-226" 229-229"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 297, 297"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 447, 447"

anselamimabum #

anselamimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* immunoglobulin light chain amyloid (AL) fibrils], chimeric monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain chimeric (1-441) [*Mus musculus* VH (IGHV2-3*01 (92.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.7.5] (26-33.51-57.96-100)) (1-111) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (208) (112-209), hinge 1-15 (210-224), CH2 (225-334), CH3 E12 (350), M14 (352) (335-439), CHS (440-441)) (112-441)], (214-219')-disulfide with kappa light chain chimeric (1'-219') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV1-110*01 (95.0%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102)) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (220-220":223-223")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-DG44 cell line, glycoform alfa
elimination of immunoglobulin light chain amyloid deposits

ansélamimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* fibrilles amyloïdes de chaînes légères d'immunoglobulines (AL)], anticorps monoclonal chimérique;
chaîne lourde gamma1 chimérique (1-441) [*Mus musculus* VH (IGHV2-3*01 (92.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.7.5] (26-33.51-57.96-100)) (1-111) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (208) (112-209), charnière 1-15 (210-224), CH2 (225-334), CH3 E12 (350), M14 (352) (335-439), CHS (440-441)) (112-441)], (214-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa chimérique (1'-219') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV1-110*01 (95.0%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102)) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (220-220":223-223")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa
élimination des fibrilles amyloïdes de chaînes légères d'immunoglobulines

anselamimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* fibrillas amiloides de cadenas ligeras de inmunoglobulinas (AL)], anticuerpo monoclonal quimérico;
cadena pesada gamma1 quimérica (1-441) [*Mus musculus* VH (IGHV2-3*01 (92.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.7.5] (26-33.51-57.96-100)) (1-111) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (208) (112-209), bisagra 1-15 (210-224), CH2 (225-334), CH3 E12 (350), M14 (352) (335-439), CHS (440-441)) (112-441)], (214-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa quimérica (1'-219') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV1-110*01 (95.0%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102)) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (220-220":223-223")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa
eliminación de depósitos de amiloides de la cadena ligera de inmunoglobulina

2414866-63-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGITVS SNYMNWVRQA PGKGLEWVSL 50
IYSGGSTYYA DSVKGRFTIS RDNSKNTLYL QMNSLR AEDT AVYHCARDLV 100
VYGM DVWGQG TTVTVSSAST KGPSVFP LAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVS WNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVFVS SSLGTQTYIC 200
NVNHKFSNTK VDKKVEPKSC DKHTCP PCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT 250
LYITREPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNARTK PREEQYNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT 350
LPFSDDELTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPVLDL 400
DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVME ALHNHYTQKS LSLSPGK 447

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SSYLAWYQQK PGQAPRLLIY 50
GASSRATGIP DRFSGSGSGT DFTLTISRLE PEDFAVYYCQ QYGSSTFGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNFEY PREAKVQWVK 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-95 144-200 261-321 367-425
22"-95" 144"-200" 261"-321" 367"-425"
Intra-L (C23-C104) 23-89" 134"-194"
23"-89" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 220-214" 220"-214"
Inter-H-H (h 1 l, h 14) 226-226" 229-229"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 297, 297"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.
C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 447, 447"

anumigilimabum #
anumigilimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CSF3R (colony stimulating factor 3 receptor, CD114, colony stimulating factor 3 receptor (granulocyte, GCSFR)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ5*02 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (119-216), hinge 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (95.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (224-224":227-227")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO) cell line derived from CHO-K1SV, glycoform alfa *immunomodulator*

anumigilimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CSF3R (récepteur du facteur 3 stimulant les colonies, CD114, récepteur du facteur 3 stimulant les colonies (granulocyte), GCSFR)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde gamma4 *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ5*02 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (119-216), charnière 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-214')-disulfure avec la chaîne

anumigilimab

légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (95.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214''); dimère (224-224"-227-227")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1SV, glycoforme alfa *immunomodulateur*

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CSF3R (receptor del factor 3 estimulante de las colonias, CD114, receptor del factor 3 estimulante de las colonias (granulocito), GCSFR)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma4 *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ5*02 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (119-216), bisagra 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (95.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214''); dímero (224-224"-227-227")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular derivada de CHO-K1SV, forma glicosilada alfa *immunomodulador*

2416593-08-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada			
EVQLLES	GGG	LVQPGGSLRL	SCAASGFTFS
LYWMGW	RQA	PGKLEWVSS	50
ISSSGGV	TPY	ADSVKGRFTI	SRDNSKNTLY
LQMSNLR	AEED	TAVYYCAKLG	100
ELGWFD	PWGQ	GLTLVTSAS	TKGPSVFPLA
PCSRST	SEST	AALGCLVKDY	150
FPEFPT	VSWN	SGALTSGVHT	FPAVLQSSGL
YSLSSV	VTVP	SSSLGTKTYT	200
CNVDHK	PSNT	KVDKRVSQY	GPFCPCPCAP
EFLGGP	SVFL	FPPKPKDTLM	250
ISRTPE	VTVC	VVDVSQEDPE	VQFNWYVDGV
EVHNAK	TKPR	EEQFNSTYRV	300
VSVLT	TVLHQD	WLNKEYKCK	VSNKGLPSSI
EKTISK	AKGQ	PREPQVYTL	350
PSQEEM	TKNQ	VSLTCLVKG	F
YPSDIA	VEWE	SNQGFENNYK	TTFPVLDSG
400			
SFFLYS	RLTV	DKSRWQEGNV	FSCSVMEAL
HNHYT	QKSLS	LSLGK	445
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera			
DIQMTQ	SPSS	LSASVGDRVT	ITCRASQGIS
SYLNWY	QOKP	GKAPKLLIYY	50
ASNLQNG	VPS	RFSGSGSGTD	FTLTISLQP
EDFATY	YCQ	SYSTPLTFGG	100
GTKVET	KRTV	AAPSVFIFPP	SDEQLKSGTA
SVVCLL	NNFY	PREAKVQWKV	150
DNALQSG	NSQ	ESVTEQDSKD	STYLSSTLT
LSKADY	EKKK	VYACEVTHQG	200
LSSPVT	KSFN	RGEC	214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 259-319 365-423
22"-96" 145"-201" 259"-319" 365"-423"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 132-214' 132"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 224-224" 227-227"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 295, 295"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 445, 445"

atuliflaponum

atuliflapon

(1*R*,2*R*)-2-[4-(5-methyl-1*H*-pyrazol-3-yl)benzoyl]-*N*-(4-oxo-4,5,6,7-tetrahydropyrazolo[1,5-*a*]pyrazin-3-yl)cyclohexane-1-carboxamide
5-lipoxygenase activating protein (FLAP) inhibitor

atuliflapon

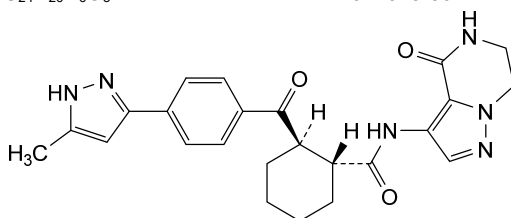
(1*R*,2*R*)-2-[4-(5-méthyl-1*H*-pyrazol-3-yl)benzoyl]-*N*-(4-oxo-4,5,6,7-tétrahydropyrazolo[1,5-*a*]pyrazin-3-yl)cyclohexane-1-carboxamide
inhibiteur de la protéine activant la 5-lipoxygénase (FLAP)

atuliflapon

(1*R*,2*R*)-2-[4-(5-metil-1*H*-pirazol-3-il)benzoil]-*N*-(4-oxo-4,5,6,7-tetrahidropirazolo[1,5-*a*]pirazin-3-il)ciclohexano-1-carboxamida
inhibidor de la proteína activadora de la 5-lipoxigenasa (FLAP)

C₂₄H₂₆N₆O₃

2041075-86-7

**atuzabrutinibum**

atuzabrutinib

(2*E*)-2-[(3*R*)-3-[4-amino-3-(2-fluoro-4-phenoxyphenyl)-1*H*-pyrazolo[3,4-*d*]pyrimidin-1-yl]piperidine-1-carbonyl]-4,4-dimethylpent-2-enenitrile
Bruton's tyrosine kinase inhibitor

atuzabrutinib

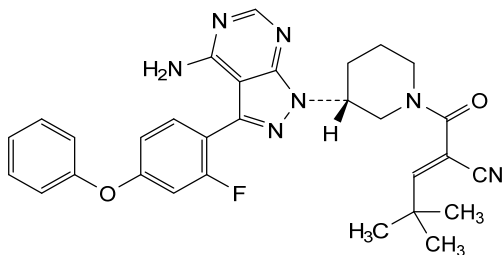
(2*E*)-2-[(3*R*)-3-[4-amino-3-(2-fluoro-4-phénoxyphényl)-1*H*-pyrazolo[3,4-*d*]pyrimidin-1-yl]pipéridine-1-carbonyl]-4,4-diméthylpent-2-ènenitrile
inhibiteur de la tyrosine kinase de Bruton

atuzabrutinib

(2*E*)-2-[(3*R*)-3-[4-amino-3-(4-fenoxi-2-fluorofenil)-1*H*-pirazolo[3,4-*d*]pirimidin-1-il]piperidina-1-carbonil]-4,4-dimetilpent-2-enonitrilo
inhibidor de la tirosina kinasa de Bruton

C₃₀H₃₀FN₇O₂

1581714-49-9



azamidugenum autotemcelum #

azamidugene autotemcel

autologous CD34+ cells obtained from mobilised peripheral blood, transduced with a self-inactivating lentiviral vector expressing human alpha-L-iduronidase (IDUA) under the control of a human phosphoglycerate kinase (PGK) promoter; the construct is flanked by 5' and 3' long terminal repeats (LTRs) and also contains a HIV-1 ψ packaging signal, a Rev response element (RRE), a central polypurine tract (cPPT) sequence and the Woodchuck hepatitis virus post-transcriptional regulatory element (WPRE). The vector is pseudotyped with the envelope glycoprotein (G) of the vesicular stomatitis virus (VSV). The CD34+ cell population was enriched using immunomagnetic microbeads, and the cells cultured in the presence of media containing FMS-related tyrosine kinase 3 ligand (Flt-3L), interleukin 3 (IL-3), thrombopoietin (TPO) and stem cell factor (SCF). The final substance contains $\geq 70\%$ CD34+ cells.

cell-based gene therapy (mucopolysaccharidosis)

azamidugène autotemcel

cellules CD34+ autologues obtenues à partir de sang périphérique mobilisé, transduites avec un vecteur lentiviral auto-inactivant exprimant l'alpha-L-iduronidase humaine (IDUA) sous le contrôle du promoteur de la phosphoglycérate kinase humaine (PGK); la construction est flanquée de longues répétitions terminales (LTRs) en 5' et 3' et contient également un signal d'encapsulation du VIH-1 ψ , un élément de réponse Rev (RRE), une séquence du tractus polypurine central (cPPT) et l'élément régulateur post-transcriptionnel du virus de l'hépatite de Woodchuck (WPRE). Le vecteur est pseudotypé avec la glycoprotéine de l'enveloppe (G) du virus de la stomatite vésiculaire (VSV). La population de cellules CD34+ a été enrichie à l'aide de microbilles immunomagnétiques, et les cellules ont été cultivées en présence de milieu contenant du ligand de la tyrosine kinase 3 liée au FMS (Flt-3L), de l'interleukine 3 (IL-3), de la thrombopoïétine (TPO) et du facteur des cellules souches (SCF). La substance finale contient $\geq 70\%$ de cellules CD34+.

*thérapie génique à base de cellules
(mucopolysaccharidose)*

azamidugén autotemcel

células CD34+ autólogas obtenidas a partir de células movilizadas de sangre periférica, transducidas con un vector lentiviral auto-inactivante, que expresa la alfa-L-iduronidasa (IDUA) humana bajo el control de un promotor de la fosfoglicerato quinasa humana (PGK); el constructo está flanqueado por repeticiones terminales largas (LTRs) en 5' y 3' y también contiene una señal de empaquetamiento ψ de VIH-1, un elemento de respuesta Rev (RRE), un tracto de poli-purina central (cPPT) y el elemento regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE). El vector está seudotipado con la glicoproteína (G) de la envuelta del virus de la estomatitis vesicular (VSV). La población de células CD34+ se enriqueció usando microbolas inmunomagnéticas, y las células se cultivaron en presencia de medio que contiene ligando de tirosina quinasa 3 tipo FMS (Flt-3L), interleukina 3 (IL-3), trombopoyetina (TPO) y factor de células madre (SCF). La substancia final contiene $\geq 70\%$ de células CD34+.

terapia génica basada en células (mucopolisacaridosis)

bafisontamabum #

bafisontamab

immunoglobulin G1-kappa-Fab, anti-[*Homo sapiens* MET (MET proto-oncogene receptor tyrosine kinase, HGFR, RCCP2, DFNb97)] and anti-[*Homo sapiens* EGFR (epidermal growth factor receptor, receptor tyrosine-protein kinase erbB-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)], *Homo sapiens* and humanized monoclonal antibody, bispecific; kappa light chain and gamma1 heavy chain *Homo sapiens* and humanized anti-MET and anti-EGFR (V-KAPPA-C-KAPPA-VH-CH1-h-CH2-CH3) (1-663) [V-KAPPA *Homo sapiens* anti-MET (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1-107) -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108-214) -VH humanized anti-EGFR (*Homo sapiens*IGHV4-61*01 (89.9%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%), CDR-IMGT [10.7.11] (240-249.267-273.312-322)) (215-333) -*Homo sapiens* IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (430) (334-431), hinge 1-15 (432-446), CH2 (447-556), CH3 E12 (572), M14 (574) (557-661), CHS (662-663)) (334-663)], (436-214''')-disulfide with Fab G1-kappa anti-MET and anti-EGFR *Homo sapiens* [VH (CH1-hinge) gamma1 heavy chain (1''-220'') anti-MET (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1''-117'') -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17 (CH1 K120 (214) (118''-215''), hinge 1-5 (216''-220'') (118''-220'')], (214''-220''')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* anti-EGFR (1'''-214''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (95.8%) -IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'''-107''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'''-214''')]; dimer (442-442'':445-445'')-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1 cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

bafisontamab

immunoglobuline G1-kappa-Fab, anti-[*Homo sapiens* MET (MET proto-oncogène, récepteur tyrosine kinase, HGFR, RCCP2, DFNb97)] et anti-[*Homo sapiens* EGFR (récepteur du facteur de croissance épidermique, récepteur tyrosine-protéine kinase erb-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)], anticorps monoclonal *Homo sapiens* et humanisé, bispécifique; chaîne légère kappa et chaîne lourde gamma1 anti-MET et anti-EGFR *Homo sapiens* et humanisée (V-KAPPA-C-KAPPA-VH-CH1-h-CH2-CH3) (1-663) [V-KAPPA *Homo sapiens* anti-MET (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1-107) -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108-214) -VH humanisée anti-EGFR (*Homo sapiens*IGHV4-61*01 (89.9%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%), CDR-IMGT [10.7.11] (240-249.267-273.312-322)) (215-333) -*Homo sapiens* IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (430) (334-431), 1-15 (432-446), CH2 (447-556), CH3 E12 (572), M14 (574) (557-661), CHS (662-663)) (334-663)], (436-214''')-disulfure avec la chaîne lourde Fab G1-kappa anti-MET et anti-EGFR *Homo sapiens* [VH (CH1-charnière) chaîne lourde gamma1 (1''-220'') anti-MET (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1''-117'') -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17 (CH1 K120 (214) (118''-215''), charnière 1-5 (216''-220'') (118''-220'')], (214''-220''')- disulfure avec la chaîne légère kappa anti-EGFR *Homo sapiens* (1'''-214''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (95.8%) -IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'''-107''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'''-214''')]; dimère (442-442'':445-445'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

bafisontamab

inmunoglobulina G1-kappa-Fab, anti-[*Homo sapiens* MET (MET proto-oncogén, receptor tirosina kinasa, HGFR, RCCP2, DFNB97)] y anti-[*Homo sapiens* EGFR (receptor del factor de crecimiento epidérmico, receptor tirosina-proteína kinasa erb-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens* y humanizado, biespecífico; cadena ligera kappa y cadena pesada gamma1 anti-MET y anti-EGFR *Homo sapiens* y humanizada (V-KAPPA-C-KAPPA-VH-CH1-h-CH2-CH3) (1-663) [V-KAPPA *Homo sapiens* anti-MET (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (96.8%) - IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1-107) -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108-214) -VH humanizada anti-EGFR (*Homo sapiens* IGHV4-61*01 (89.9%) -(IGHD) - IGHJ3*02 (100%), CDR-IMGT [10.7.11] (240-249.267-273.312-322)) (215-333) -*Homo sapiens* IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (430) (334-431), 1-15 (432-446), CH2 (447-556), CH3 E12 (572), M14 (574) (557-661), CHS (662-663)) (334-663)], (436-214'')-disulfuro con la cadena pesada Fab G1-kappa anti-MET y anti-EGFR *Homo sapiens* [VH (CH1-bisagra) cadena pesada gamma1 (1'-220'') anti-MET (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1'-117') -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17 (CH1 K120 (214) (118"-215"), bisagra 1-5 (216"-220') (118"-220''), (214"-220'')]- disulfuro con la cadena ligera kappa anti-EGFR *Homo sapiens* (1'''-214''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (95.8%) - IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'''-107''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'''-214''')]; dímero (442-442'':445-445'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa *immunomodulador, antineoplásico*

2437210-79-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-EGFR, anti-MET)	
DIQMTQSPSS VSASVGRVT ITCRASQGIN TFLAWYQQKP GKAPKLLIYA	50
ASSLKGSPVS RFGSGSGSDT FTLTISLQPF EDFATYYCQQ ANSFPLTFGG	100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV	150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYKHKH VYACEVTHQG	200
LSSPVTKSFN RGECCQVQLQE SGPLVKPSE TSLTCTVSG GSVSSGDYYW	250
TWIRQSPGKG LEWIGHIYYS GNTNYPNLSL SRLTISIDTS KTQFSLKLS	300
VTAADTAIYY CVRDRTVGF AFDIWQGTMT VSSASTKGPS VFPLAPSSKS	350
TSGGTAALGC LVKDYFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYSLSS	400
VVTVPSSSLG TQTYICNVNH KPSNTKVDKK VEPKSCDKTH TCPPCPAPEL	450
LGGPSVFLFP PKPKDTLMIS RTPVETCVVV DVSHEDPEVK FNNYVDGVEV	500
HNAAKTPREE QYNSTYRVVS VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKALPAPIEK	550
TISKAKGQPR EPQVYTLPPS REEMTKNQVS LTCLVKGFYFP SDIAVEWESN	600
GQPENNYKTT PPVLDSDGSF FLYSKLTVDK SRWQQGNVPS CSMVHEALHN	650
HYTQKSLSLP PGK	663

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-MET)	
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT SYGFSWVRQA PGQGLEWMGW	50
ISASNGNTYY AQLKQGRVMT TTDSTSTAY MELRSLRSDD TAVYYCARVY	100
ADYADYWGQG TLVTSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF	150
PEPVTVSWSN GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVTPS SSLGTQTYIC	200
NVNHKPSNTK VDKKVEPKSC	220

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-EGFR)	
DIQMTQSPSS LSASVGRVT ITCASQDIS NYLNWYQQKP GKAPKLLIYD	50
ASNLETGVPS RFGSGSGSDT FTFTISLQPF EDIATYFCQH FDHLPLAFGG	100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV	150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYKHKH VYACEVTHQG	200
LSSPVTKSFN RGECC	214

Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H (C23-C104)	23-88 134-194 236-311 360-416 477-537 583-641
23"-88" 134"-194", 236"-311" 360"-416" 477"-537" 583"-641"	
Intra-L (C23-C104)	22'-96' 144"-200"
23'''-88''' 134'''-194'''	
Inter-H-L (h 5-CL 126)	214-220" 214"-220"
436-214" 436"-214"	
Inter-H-H (h 11, h 14)	442-442" 445-445"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutamínilo N-terminal
L VL Q1> pyroglutamy (pE, 5-oxoprolyl): 1'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 513, 513"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupe de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 663, 663"

barzolvolimabum #

barzolvolimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* KIT (KIT proto-oncogene receptor tyrosine kinase, c-kit, c-Kit, SCFR, CD117) extracellular domain], monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain (1-445) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus*IGHV1-76*01 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (93.3%) L124>V (112)/*Homo sapiens* IGHV1-2*06 (76.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%) L123>T (111), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens*IGHG1*01, G1m17.1, G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18, G1v20 CH2 A105 (CH1 K120 (213) (117-214), hinge 1-15 (215-229), CH2 L1.3>A (233), L1.2>Q (234), M15.1>Y (251), S16>T (253), T18>E (255), K105>Q (321) (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS K>del (445)) (117-445)], (219-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus*IGKV6-15*01 (84.2%) -IGKJ1*01 (90.9%) L124>V (104)/*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (81.1%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator

barzolvolimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[domaine extracellulaire de *Homo sapiens* KIT (KIT proto-oncogène récepteur tyrosine kinase, c-kit, c-Kit, SCFR, CD117)], anticorps monoclonal chimérique;
 chaîne lourde gamma1 (1-445) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus*IGHV1-76*01 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (93.3%) L124>V (112)/*Homo sapiens* IGHV1-2*06 (76.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%) L123>T (111), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens*IGHG1*01, G1m17.1, G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18, G1v20 CH2 A105 (CH1 K120 (213) (117-214), charnière 1-15 (215-229), CH2 L1.3>A (233), L1.2>Q (234), M15.1>Y (251), S16>T (253), T18>E (255), K105>Q (321) (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS K>del (445)) (117-445)], (219-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus*IGKV6-15*01 (84.2%) -IGKJ1*01 (90.9%) L124>V (104)/*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (81.1%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur

barzolvolimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[dominio extracelular de *Homo sapiens* KIT (KIT proto-oncogén receptor tirosina kinasa, c-kit, c-Kit, SCFR, CD117)], anticuerpo monoclonal quimérico;
 cadena pesada gamma1 (1-445) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus*IGHV1-76*01 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (93.3%) L124>V (112)/*Homo sapiens* IGHV1-2*06 (76.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%) L123>T (111), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens*IGHG1*01, G1m17.1, G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18, G1v20 CH2 A105 (CH1 K120 (213) (117-214), bisagra 1-15 (215-229), CH2 L1.3>A (233), L1.2>Q (234), M15.1>Y (251), S16>T (253), T18>E (255), K105>Q (321) (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS K>del (445)) (117-445)], (219-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus*IGKV6-15*01 (84.2%) -IGKJ1*01 (90.9%) L124>V (104)/*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (81.1%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
inmunomodulador

2438203-51-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGASVKL SCKASGYTFT DYYINWVRQA PGKGLEWIR 50
 IYPGSGNTYY NEKFKGRATL TADKSTSTAY MQISLRSLED TAVYFCARGV 100
 YYFDYWGGGT TVTVSSASTK GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCLVKDYFP 150
 EFVTVSNMSG ALTSGVHTFP AVLSQSSGLYS LSSVTVTPSS SLGTQTYICN 200
 VNHKPSNTKV DKKVEPKSCD KTHTCPCCPA PEAGQGSPVF LFPPKPKDTL 250
 YITREPEVTC VVVDVSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR 300
 VVSVLTIVLHQ DWLNGKEYKC QVSNKALPAP IEKTISKARG QPREPQVYTL 350
 PPSRDELTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGFENNY KTFPPVLDS 400
 GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFCSVMHEA LNHHTYQKSL SLSPG 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIVMTQSPFS LSASVGDRTV ITCKASQNVN TNVAVYQQKP GKAPKALIYS 50
 ASYRYSQVDP RFTGSGSGTD FTLTISSLQP EDFADYFCQQ YNSYPRTEGG 100
 GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYERKH VYACEVTHQG 200
 LSSPFTKSFN RGEC 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 143-199 260-320 366-424
 22"-96" 143"-199" 260"-320" 366"-424"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
 23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 219-214" 219"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 225-225" 228-228"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del

glutaminilo N-terminal

H VH Q1 > pyroglutamy! (pE, 5-oxoprolyl): 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2N84.4: 296, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

bavdegalutamidum

bavdegalutamide

rac-N-[trans-4-(3-chloro-4-cyanophenoxy)cyclohexyl]-6-{4-[(4-{2-[(3R)-2,6-dioxopiperidin-3-yl]-6-fluoro-1,3-dioxo-2,3-dihydro-1H-isindol-5-yl}piperazin-1-yl)methyl]piperidin-1-yl}pyridazine-3-carboxamide antiandrogen, antineoplastic

bavdégalutamide

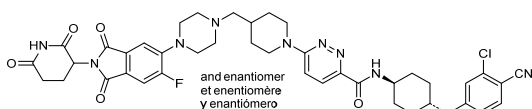
rac-N-[trans-4-(3-chloro-4-cyanophénoxy)cyclohexyl]-6-{4-[(4-{2-[(3R)-2,6-dioxopipéridin-3-yl]-6-fluoro-1,3-dioxo-2,3-dihydro-1H-isindol-5-yl}pipérazin-1-yl)méthyl]pipéridin-1-yl}pyridazine-3-carboxamide antiandrogène, antinéoplasique

bavdegalutamida

rac-N-[trans-4-(4-ciano-3-clorofenoxy)ciclohexil]-6-{4-[(4-{2-[(3R)-2,6-dioxopiperidin-3-il]-6-fluoro-1,3-dioxo-2,3-dihidro-1H-isindol-5-il}piperazin-1-il)metil]piperidin-1-il}piridazina-3-carboxamida antiandrógeno, antineoplásico

C₄₁H₄₃ClFN₉O₆

2222112-77-6

**baxdrostatum**

baxdrostat

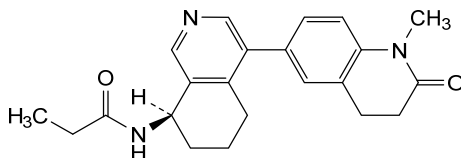
N-[(8R)-4-(1-methyl-2-oxo-1,2,3,4-tetrahydroquinolin-6-yl)-5,6,7,8-tetrahydroisoquinolin-8-yl]propanamide aldosterone synthase inhibitor

baxdrostat *N*-[(8*R*)-4-(1-méthyl-2-oxo-1,2,3,4-tétrahydroquinoléin-6-yl)-5,6,7,8-tétrahydroisoquinoléin-8-yl]propanamide
inhibiteur de l'aldostérone synthase

baxdrostat *N*-[(8*R*)-4-(1-metil-2-oxo-1,2,3,4-tetrahydroquinolein-6-il)-5,6,7,8-tetrahydroisoquinolein-8-il]propanamida
inhibidor de la aldosterona sintasa

C₂₂H₂₅N₃O₂

1428652-17-8



belcesiranum
belcesiran

all-P-ambo-2'-O-methyl-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroguanynylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentan-amido}ethoxy)ethoxy]methyl]guanylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}ethoxy)ethoxy]methyl]adenylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentan-amido}ethoxy)ethoxy]methyl]adenylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}ethoxy)ethoxy]methyl]adenylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidine
duplex with *all-P-ambo-2'-O-methyl-P-thioguanynylyl-(5'→3')-2'-O-methyl-P-thioguanynylyl-(5'→3')-2'-O-methyluridylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-O-methyluridylyl-(5'→3')-2'-O-methylguanylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroguanynylyl-(5'→3')-2'-O-methylguanylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-O-methyladenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-O-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-O-methyladenylyl-(5'→3')-2'-O-methylguanylyl-(5'→3')-2'-O-methyladenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-O-methylguanylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-O-methyl-P-thioadenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoro-P-thiouridylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoro-P-thiouridylyl-(5'→3')-methyl hydrogen 2'-O-methyl-5'-oxa-O-5'-carba-5'-uridylate*
alpha-1-antitrypsin synthesis reducer

belcésiran

*tout-P-ambo-2'-O-méthyl-P-thioadénylil-(3'→5')-2'-O-méthyladénylil-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylil-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylil-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylil-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylil-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylil-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladénylil-(3'→5')-2'-O-méthylguanylil-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylil-(3'→5')-2'-O-méthyladénylil-(3'→5')-2'-O-méthylguanylil-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylil-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylil-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}éthoxy)éthoxy]méthyl}guanylil-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}éthoxy)éthoxy]méthyl}adénylil-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}éthoxy)éthoxy]méthyl}adénylil-(3'→5')-2'-O-méthylguanylil-(3'→5')-2'-O-méthylguanylil-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylil-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylil-(3'→5')-2'-O-méthylcytidine duplex avec *tout-P-ambo-2'-O-méthyl-P-thioguanylil-(5'→3')-2'-O-méthyl-P-thioguanylil-(5'→3')-2'-O-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-O-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-O-méthylguanylil-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroguanylil-(5'→3')-2'-O-méthylguanylil-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylil-(5'→3')-2'-O-méthyladénylil-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylil-(5'→3')-2'-O-méthylcytidylil-(5'→3')-2'-O-méthyladénylil-(5'→3')-2'-O-méthylguanylil-(5'→3')-2'-O-méthyladénylil-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylil-(5'→3')-2'-O-méthyl-P-thioadénylil-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoro-P-thiouridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoro-P-thiouridylyl-(5'→3')-hydrogène-2'-O-méthyl-5'-oxa-O-5'-carba-5'-uridylylate de méthyle*
*réducteur de la synthèse de l'alpha 1-antitrypsine**

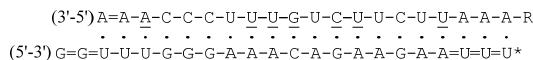
belcesirán

*todo-P-ambo-2'-O-metil-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroguanilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]pentanamido}etoxi)etoxi]metil}guanilil-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]pentanamido}etoxi)etoxi]metil}adenilil-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]pentanamido}etoxi)etoxi]metil}adenilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidina duplex con *todo-P-ambo-2'-O-metil-P-tioguanilil-(5'→3')-2'-O-metil-P-tioguanilil-(5'→3')-2'-O-metiluridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(5'→3')-2'-O-metiluridilil-(5'→3')-2'-O-metilguanilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroguanilil-(5'→3')-2'-O-metilguanilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-**

fluoroadenilil-(5'→3')-2'-O-metiladenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-
fluoroadenilil-(5'→3')-2'-O-metilcitidilil-(5'→3')-2'-O-metiladenilil-(5'→3')-
2'-O-metilguanilil-(5'→3')-2'-O-metiladenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-
fluoroadenilil-(5'→3')-2'-O-metilguanilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-
fluoroadenilil-(5'→3')-2'-O-metil-*P*-tioadenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoro-
P-tiouridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tiouridilil-(5'→3')-hidrógeno-2'-
O-metil-5'-oxa-O-5'-carba-5'-uridilato de metilo
reductor de la síntesis de la alfa-1-antitripsina

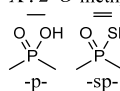
C₆₆₆H₈₇₇F₁₅N₂₃₁O₄₁₇P₅₇S₆

2375562-54-0

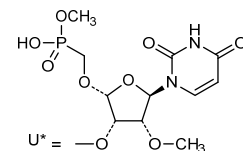
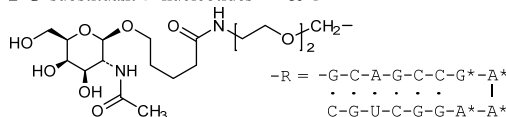
Legend

X : 2'-deoxy-2'-fluoronucleotide

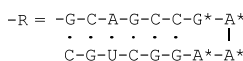
X : 2'-O-methylnucleotide



2'-O-substituent of nucleotides A* & G*



U* =



beludavimabum

beludavimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[severe acute respiratory syndrome coronavirus 2 (SARS-CoV-2) spike (S) glycoprotein, receptor binding domain (RBD)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-457) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.20] (26-33.51-58.97-116)) (1-127) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1, G1v12 CH2 A1.1, L115, E117, G1v24 CH3 L107, S114 (CH1 K120 (224) (128-225), hinge 1-15 (226-240), CH2 G1.1>A (246), A115>L (340), I117>E (342) (241-350), CH3 D12 (366), L14 (368), M107>L (438), N114>S (444) (351-455), CHS (456-457)) (128-457)], (230-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (93.7%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.8] (27-33.51-53.90-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (236-236'':239-239'')-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1 cell line, glycoform alfa
antiviral

béludavimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[domaine de liaison au récepteur (RBD) de la glycoprotéine spike (S) du coronavirus 2 du syndrome respiratoire aigu sévère (SARS-CoV-2)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-457) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.20] (26-33.51-58.97-116)) (1-127) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1, G1v12 CH2 A1.1, L115, E117, G1v24 CH3 L107, S114 (CH1 K120 (224) (128-225), charnière 1-15 (226-240), CH2 G1.1>A (246), A115>L (340), I117>E (342) (241-350), CH3 D12 (366), L14 (368), M107>L (438), N114>S (444) (351-455), CHS (456-457)) (128-457)], (230-214')-disulfure avec la chaîne

légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (93.7%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.8] (27-33.51-53.90-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (236-236'':239-239')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa *antiviral*

beludavimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[dominio de unión al receptor (RBD) de la glicoproteína spike (S) del coronavirus 2 del síndrome respiratorio agudo severo (SARS-CoV-2)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-457) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (92.9%) -IGHD) -IGHJ5*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.20] (26-33.51-58.97-116)) (1-127) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1, G1v12 CH2 A1.1, L115, E117, G1v24 CH3 L107, S114 (CH1 K120 (224) (128-225), bisagra 1-15 (226-240), CH2 G1.1>A (246), A115>L (340), I117>E (342) (241-350), CH3 D12 (366), L14 (368), M107>L (438), N114>S (444) (351-455), CHS (456-457)) (128-457)], (230-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (93.7%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.8] (27-33.51-53.90-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (236-236'':239-239')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa *antiviral*

2423016-74-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VRKPGASVKV SKASGYPT SYGISWVRQA PGQGLEWMGW 50
ISTYQNGNTY AQKFQGRVTM TTDSTTTGY MELRRLRSD TAVYVCARDY 100
TRGAWFGESL IGGFDNMGQ TLTVSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA 150
ALGCLVKDYF PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVTPS 200
SSLGTQTYIC NVNHKPSNTK VDKKVEPKSC DKHTCPCPC APELLAGPSV 250
FLFPPKPKDT LMISRTPEVT CVVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNATK 300
PREEQYNSTY RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALEL PEEKTISKAK 350
GQPREPQVYT LPFSRDELTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN 400
YKTTFPVLDS DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVLHE ALHSHYTKQS 450
LSLSPGK 457

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASQTVS STSLAWYQQK PGQAPRLLIY 50
GASSRATGIP DRFSGSGSGT DFTLTISRLE PEDFAVYQCQ QHDTSLTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNFEY PREAKVQMKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLTIT LSKADYEHKK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSEF RGECC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 154-210 271-331 377-435
22"-96" 154"-210" 271"-331" 377"-435"
Intra-L (C23-C104) 23'-89' 134'-194'
23'''-89''' 134'''-194'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 230-214' 230"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 236-236" 239-239"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
H VH Q1 > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl): 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2N84.4:307.307"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenariros complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 457, 457"

bemnifosbuvirum

bemnifosbuvir

propan-2-yl *N*-[(*P*⁵*S*,2'*R*)-2-amino-2'-deoxy-2'-fluoro-*N*⁶,2'-dimethyl-*O*^{*P*}-phenyl-5'-adenylyl]-L-alaninate
antiviral

bemnifosbuvir

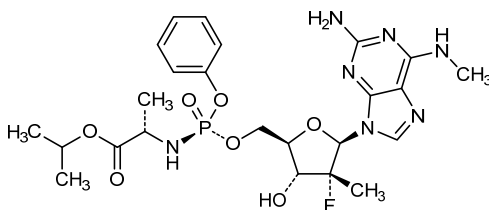
N-[(*P*⁵*S*,2'*R*)-2-amino-2'-désoxy-2'-fluoro-*N*⁶,2'-diméthyl-*O*^{*P*}-phényl-5'-adénylyl]-L-alaninate de propan-2-yle
antiviral

bemnifosbuvir

N-[(*P*⁵*S*,2'*R*)-2-amino-2'-desoxi-*O*^{*P*}-fenil-2'-fluoro-*N*⁶,2'-dimetil-5'-adenilil]-L-alaninato de propan-2-ilo
antiviral

C₂₄H₃₃FN₇O₇P

1998705-64-8

**bevurogantum**

bevurogant

8-[(1*S*)-1-cyclopropylethyl]-2-(4-cyclopropyl-6-methylpyrimidin-5-yl)-6-([5-(methanesulfonyl)pyridin-2-yl]methyl)amino)pteridin-7(8*H*)-one
retinoid-related orphan receptor-gamma t (RORγt) antagonist

bévurogant

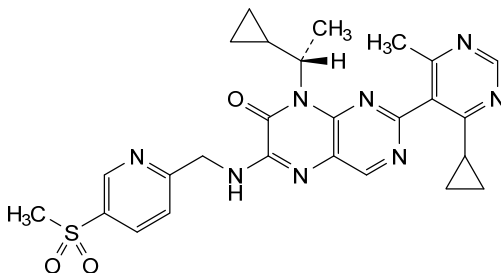
8-[(1*S*)-1-cyclopropyléthyl]-2-(4-cyclopropyl-6-méthylpyrimidin-5-yl)-6-([5-(méthanesulfonyl)pyridin-2-yl]méthyl)amino)ptéridin-7(8*H*)-one
antagoniste des récepteurs gamma t orphelins liés aux rétinoïdes (RORγt)

bevurogant

8-[(1*S*)-1-ciclopropiletil]-2-(4-ciclopropil-6-metilpirimidin-5-il)-6-([5-(metanosulfonil)piridin-2-il]metil)amino)pteridin-7(8*H*)-ona
antagonista de los receptores gamma t huérfanos relacionados con los retinoides (RORγt)

C₂₆H₂₈N₈O₃S

1817773-66-2



bidridistrogenum xeboparvovecum #

bidridistrogene xeboparvovec

recombinant self-complementary (dimeric) non-replicating adeno-associated virus (AAV) serotype rh.74 vector encoding codon-optimized human beta-sarcoglycan (hSGCB) under control of a hybrid promoter (MHCK7) consisting of enhancer/promoter regions of murine muscle creatine kinase (CK) and alpha-myosin heavy-chain genes, followed by a chimeric intron, composed of the 5' donor site from the human beta-globin gene and the branchpoint and 3' splice acceptor site from IgG heavy chain variable region, and terminated by a small synthetic polyadenylation (polyA) signal sequence, flanked by adeno-associated virus 2 (AAV2) inverted terminal repeats (ITRs).

gene therapy (muscular dystrophy)

bidridistrogène xéboparvovec

vecteur recombinant auto-complémentaire (dimère) non répliquant du virus adéno-associé (AAV) de sérotype rh.74 vecteur codant la bêta-sarcoglycane humaine aux codons optimisés (hSGCB) sous le contrôle du promoteur hybride (MHCK7) composé de régions amplificatrices/promotrices des gènes de la créatine kinase (CK) et de l'alpha-myosine murine à chaîne lourde de muscle, suivi d'un intron chimérique, composé du site donneur en 5' du gène de la bêta-globine humaine et du site accepteur d'épissage en 3' et du point de branchement de la région variable de la chaîne lourde de l'IgG, et terminé par une petite séquence signal synthétique de polyadénylation (polyA), flanquée de répétitions terminales inversées (ITRs) du virus adéno-associé 2 (AAV2).

thérapie génique (dystrophie musculaire)

bidridistrogén xeboparvovec

vector de virus adenoasociado (AAV) recombinante del serotipo rh.74 autocomplementario (dimérico), no replicativo, que codifica para el sarcoglicano beta humano (hSGCB) con codones optimizados, bajo el control de un promotor híbrido que consiste en regiones promotoras/potenciadoras del gen de la creatina quinasa (CK) de músculo murina y del gen de la cadena pesada de la miosina alfa, seguido de un intron quimérico, compuesto por el sitio donante 5' del gen de la beta-globina humana y la bifurcación y el sitio aceptor 3' de la región variable de la cadena pesada de la IgG, y terminado por una pequeña secuencia señal de poliadenilación (polyA) sintética, flanqueado por las repeticiones terminales invertidas (ITRs) del virus adenoasociado 2 (AAV2).

terapia génica (distrofia muscular)

2365142-14-7

bofelisimerum

bofelisimer

N^{α} -[[(2-*ambo*-2,3-dihydroxypropyl)sulfanyl]acetyl]- N^{α} -(2,5,8,11-tetraoxatridecan-13-yl)poly[N^{β} -[[(2-*ambo*-2,3-dihydroxypropyl)sulfanyl]acetyl]-L-lysine-*co*- N^{β} -[[(4-oxo-4-[[2-(4-[[3-O-(3-O-sulfo- β -D-glucopyranuronosyl)- β -D-galactopyranosyl]oxy]phenyl]ethyl]amino]butyl)sulfanyl]acetyl]-L-lysine (~0.65:0.35)]- ω -amide
immunomodulator

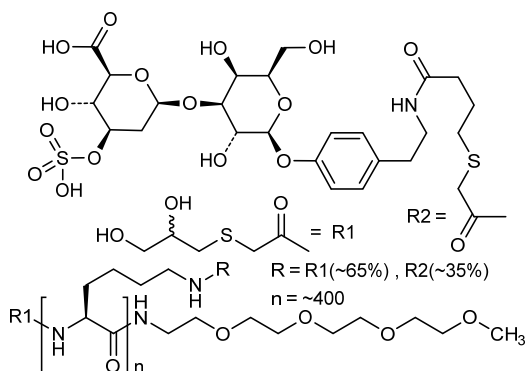
bofélisimère

N^6 -{[(2-*ambo*-2,3-dihydroxypropyl)sulfanyl]acétyle}- N^6 -(2,5,8,11-tétraoxatridecan-13-yl)poly[N^6 -{[(2-*ambo*-2,3-dihydroxypropyl)sulfanyl]acétyle}-L-lysine-co- N^6 -{[(4-oxo-4-{[2-(4-{[3-O-(3-O-sulfo- β -D-glucopyranuronosyl)- β -D-galactopyranosyl]oxy}phényl)éthyl]amino}butyl)sulfanyl]acétyle}-L-lysine (~0,65:0,35)]- ω -amide immunomodulateur

bofelisímero

N^6 -{[(2-*ambo*-2,3-dihydroxypropil)sulfanil]acetil]- N^6 -(2,5,8,11-tetraoxatridecan-13-il)poli[N^6 -{[(2-*ambo*-2,3-dihydroxypropil)sulfanil]acetil]-L-lisina-co- N^6 -{[(4-oxo-4-{[2-(4-{[3-O-(3-O-sulfo- β -D-glucopirauronosil)- β -D-galactopiranosil]oxi}fenil)etil]amino}butil)sulfanil]acetil]-L-lisina (~0,65:0,35)]- ω -amida immunomodulador

$[(C_{11}H_{20}N_2O_4S)_x(C_{32}H_{47}N_3O_{18}S_2)_y]_n$ 2485035-32-1
 $(C_{14}H_{29}NO_7S)$

**bomtabegagenum bavoparvovecum #**

bomtabegagène bavoparvovec

recombinant, non-replicating adeno-associated virus serotype 9 (AAV9) vector encoding human lysosomal acid beta-galactosidase (GLB1), under control of a cytomegalovirus immediate early enhancer fused to a chicken beta-actin promoter, a chimeric intron containing splice donor site of the chicken beta-actin intron and splice acceptor site of the rabbit beta-globin gene, and terminated with the simian virus 40 (SV40) polyadenylation sequence, flanked by AAV2 inverted terminal repeats (ITRs).
gene therapy (beta-galactosidase deficiency)

bomtabégagène bavoparvovec

vecteur recombinant, non répliquant, du virus adéno-associé de sérotype 9 (AAV9) codant la bêta-galactosidase acide lysosomale humaine (GLB1), sous le contrôle d'un activateur précoce immédiat du cytomégalo virus fusionné à un promoteur de la bêta-actine de poulet, un intron chimérique contenant le site donneur d'épissage de l'intron de la bêta-actine de poulet et le site accepteur d'épissage du gène de la bêta-globine de lapin, et terminé par la séquence de polyadénylation du virus simien 40 (SV40), flanqué de répétitions terminales inversées (ITRs) d'AAV2.
thérapie génique (déficit en bêta-galactosidase)

bomtabegagén bavoparvec

vector de virus adenoasociado de serotipo 9 (AAV9) recombinante, no replicativo, que codifica para la beta-galactosidasa ácida lisosomal bajo el control de un potenciador inmediato temprano del citomegalovirus fusionado a un promotor de la beta-actina de pollo, un intrón quimérico que contiene el sitio donante del procesamiento del intrón de la beta-actina de pollo y el sitio aceptor del procesamiento del gen de la beta-globina de conejo, y terminado con la secuencia poliadenilación del virus simio 40 (SV40), flanqueado por repeticiones terminales invertidas (ITRs) de AAV2.
terapia génica (deficiencia de beta-galactosidasa)

2364477-20-1

brexucabtagenium autoleucelum #

brexucabtagene autoleucel

autologous T cells obtained from the peripheral blood of patients with relapsed/refractory mantle cell lymphoma, collected by leukapheresis, transduced with a murine stem cell virus-based retroviral vector encoding a chimeric antigen receptor (CAR) under the control of the 5' long terminal repeat (LTR) murine stem cell virus promoter, comprising a single-chain variable fragment derived from the murine antibody FMC63 targeting CD19 (B-lymphocyte antigen CD19), a CD28 spacer, a CD28 transmembrane and intracellular costimulatory domains, and a CD3ζ intracellular activation domain. The T cells are selected with anti-CD4 and anti-CD8 coated particles, activated with anti-CD3, and anti-CD28 antibodies and cultured in media containing IL-2. The CD4/CD8 enriched T cells are predominantly CD3+ (≥98%), anti-CD19.CAR (≥24%), and contain on average 0.1% natural killer (NK) cells and 0.5% other cellular impurities. The T cells also release interferon gamma (IFN-γ) by co-culture *in vitro*.
cell-based gene therapy (antineoplastic)

bréxucabtagène autoleucel

lymphocytes T autologues obtenus à partir du sang périphérique de patients atteints d'un lymphome à cellules du manteau récidivant/réfractaire, recueillis par leucaphérèse, transduits avec un vecteur rétroviral à base de virus de cellules souches murines codant un récepteur antigénique chimérique (CAR) sous le contrôle du promoteur du virus de cellules souches murines à répétition terminale longue (LTR) en 5', comprenant un fragment variable à chaîne unique dérivé de l'anticorps murin FMC63 ciblant CD19 (antigène des lymphocytes B CD19), un espaceur CD28, un CD28 transmembranaire et des domaines co-stimulateurs intracellulaires, et un domaine d'activation intracellulaire CD3ζ. Les lymphocytes T sont sélectionnés avec des particules recouvertes d'anti-CD4 et d'anti-CD8, activés avec des anticorps anti-CD3 et anti-CD28, et cultivés dans un milieu contenant de l'IL-2. Les lymphocytes T enrichis en CD4/CD8 sont principalement CD3+ (≥98%), anti-CD19.CAR (≥24%), et contiennent en moyenne 0,1% de cellules tueuses naturelles (NK) et 0,5% d'autres impuretés cellulaires. Les lymphocytes T libèrent également de l'interféron gamma (IFN-γ) par co-culture *in vitro*.
thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)

brexucabtagén autoleucel

linfocitos T autólogos obtenidos a partir de la sangre periférica de pacientes con linfoma de células del manto mediante leucaféresis, transducidos con un vector retroviral basado en el virus de células madre murino que codifica para un receptor de antígenos quimérico (CAR) bajo el control del promotor de la repetición terminal larga (LTR) en 5' del virus de células madre murino. El CAR consta de un fragmento de cadena variable sencilla derivado del anticuerpo murino FMC63 dirigido a CD19 (antígeno de linfocitos B CD19), un espaciador CD28, un dominio transmembrana y un dominio coestimulador intracelular, ambos de CD28, y un dominio de activación intracelular de CD3ζ. Los linfocitos T se seleccionan con partículas forradas de anticuerpos anti-CD4 y anti-CD8, se activan con anticuerpos anti-CD3 y anti-CD28, y se cultivan en medio que contiene IL-2. Los linfocitos T enriquecidos en CD4/CD8 son predominantemente CD3+ (≥98%), anti-CD19.CAR (≥24%) y contienen de media 0,1% de células natural killer (NK) y 0,5% de otras impurezas celulares. Los linfocitos T liberan también interferón gamma (IFN-γ) mediante co-cultivo *in vitro*.

terapia génica basada en células (antineoplásico)

camizestrantum

camizestrant

N-[1-(3-fluoropropyl)azetidín-3-yl]-6-[(6*S*,8*R*)-8-methyl-7-(2,2,2-trifluoroethyl)-6,7,8,9-tetrahydro-3*H*-pyrazolo[4,3-*f*]isoquinolin-6-yl]pyridín-3-amina
antiestrogen, antineoplastic

camizestrant

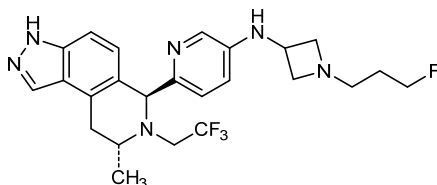
N-[1-(3-fluoropropyl)azétidín-3-yl]-6-[(6*S*,8*R*)-8-méthyl-7-(2,2,2-trifluoroéthyl)-6,7,8,9-tétrahydro-3*H*-pyrazolo[4,3-*f*]isoquinoléin-6-yl]pyridín-3-amina
anti-œstrogène, antinéoplasique

camizestrant

N-[1-(3-fluoropropil)azetidín-3-il]-6-[(6*S*,8*R*)-8-metil-7-(2,2,2-trifluoroetil)-6,7,8,9-tetrahidro-3*H*-pirazolo[4,3-*f*]isoquinolein-6-il]piridín-3-amina
antiestrógeno, antineoplásico

C₂₄H₂₈F₄N₆

2222844-89-3



cimdelirsenum

cimdelirsén

all-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis[3-({[3-({[2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]hex-yl)amino]-3-oxopropoxy]methyl)-1-hydroxy-1,10,14,21-tetraoxo-

2,18-dioxa-9,15,22-triaza-1 λ^5 -phosphaoctacosan-1-yl)-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)adenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)adenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)adenosine growth hormone receptor expression reducer

cimdelirsén

tout-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)-oxy]-16,16-bis[3-({6-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)-oxy]hexyl}amino)-3-oxopropoxy]méthyl)-1-hydroxy-1,10,14,21-tétraoxo-2,18-dioxa-9,15,22-triaza-1 λ^5 -phosphaoctacosan-1-yl)-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)adénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)adénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)adénosine réducteur de l'expression du récepteur d'hormone de croissance

cimdelirsén

todo-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]-16,16-bis[3-({6-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]hexil}-amino)-3-oxopropoxi]metil)-1-hidroxi-1,10,14,21-tetraoxo-2,18-dioxa-9,15,22-triaza-1 λ^5 -fosfaoctacosan-1-il)-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)adenilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)citidilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)uridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)adenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-*P*-tioguanilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)adenosina reductor de la expresión del receptor de la hormona de crecimiento

C₂₉₆H₄₃₅N₈₃O₁₅₂P₂₀S₁₅

2131025-82-4

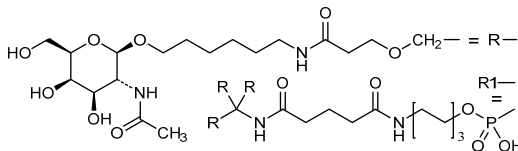
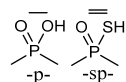
(3'-5') R1-C=C=A-C-C=d(T=T=T=G=G=T=G=A=A)U-A-G=C=A

Legend:

A, G & T: 2'-deoxynucleotide

A & G: 2'-O-(methoxyethyl)nucleotide

C & U: 2'-O-(methoxyethyl)-5-methylnucleotide

**cinaxadamtasum alfa #**

cinaxadamtase alfa

human ADAMTS13 endopeptidase (a disintegrin and metalloproteinase with thrombospondin motifs 13, von Willebrand factor-cleaving protease) variant (Q²³>R), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa;

human ADAMTS13 endopeptidase (a disintegrin and metalloproteinase with thrombospondin motifs 13, von Willebrand factor-cleaving protease, vWF-CP, EC:3.4.24.87), Gln²³>Arg variant, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
enzyme replacement therapy

cinaxadamtase alfa

variant (Q²³>R) de l'endopeptidase humaine ADAMTS13 (une désintégrine et métalloprotéinase avec des motifs de thrombospondine, membre 13, protéase clivant le facteur de von Willebrand), produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa;
endopeptidase ADAMTS13 humaine (une désintégrine et métallo-protéinase avec motifs de thrombospondine, membre 13, protéase clivant le facteur de von Willebrand, vWF-CP, EC:3.4.24.87), variant Gln²³>Arg, produite par des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
traitement enzymatique substitutif

cinaxadamtasa alfa

endopeptidasa humana ADAMTS13 (miembro 13 de la familia de desintegrinas y metaloproteinasas con motivos de tipo 1 de trombospondinas, proteasa de escisión del factor von Willebrand) variante (Q²³>R), producida en células ováricas de hamster chino (CHO), glicoforma alfa;
endopeptidasa ADAMTS13 humana (miembro 13 de la familia de metaloproteinasas y desintegrinas con motivos de tipo 1 de trombospondinas, proteasa de escisión del factor de von Willebrand, vWF-CP, EC:3.4.24.87), variante Gln²³>Arg, producida en las células ováricas de hámster chino (CHO), glicoforma alfa
tratamiento enzimático de sustitución

2406308-29-8

Sequence / Séquence / Secuencia		
AAGGILHLEL LVAVGPDVFQ A	REDETERYV LTNLNIGAE	LRDPSLGAQF 50
RVHLVKMVL TEPEGANIT ANLTSSLLSV	CGWSQTINPE DTDTPGHADL	100
VLYITRFDELPDGNRQVRG VTQLGGACSP	TWCLITEDT GFDLGVITIAH	150
EIGHSFGLH DGAPGSGGPG SGHVMSDGA	APRAGLAWSP CSRRQLLSLL	200
SAGRARCVD PPRFPQGSAG HPPDAQPLY	YSANEQCRVA FGPKAVACTF	250
AREHLMCQA LSCHTDPLDQ SSCSRLLVPL	LDGTECGVEK WCKGRCRSL	300
VELTPIAAVH GRWSSWGPRS PCSRS CGGGV	VTRRRQCNPN RPAFGGRACV	350
GADLQAEMCN TQACEKTLE FMSQQCARTD	GQPLRSSPGG ASFYHWGA	400
PHSQGDALCR HMCRAIGESF IMKRGDSFLD	GTRCMPSGPR EDGTLSLCVS	450
GSCRTFGCDG RMDSQQVWDR CQVCGDNST	CSPRKGSFTA GRAREYVTF	500
TVTENLTSVY IANHRPLFTH LAVRIGGRYV	VAGKMSISP	550
RVEYRVALTE DRLPRLEEIR IWGPLQEDAD	IQVYRRYGE	600
FTYFQKPRQ AWWVAARVP CSVSCGAGLR	WVNYSLCDA	650
QGSQQFPAPW EACVLEPCFP YWAVGDFGFC	SASCGGGLRE	700
SLKTLFPAR CRAGAQPAV ALETGNFQPC	PARVEVSEPS	750
ALNETCVPG ADGLEAPVTE GPGSVDEKLP	APEPCVGMSC	800
SAGEKAPSPW GSIRTTGAQA HVMTPAAGSC	SVSCGRGIME	850
RVVQEELCG LASKPGSRRE VCQAVPCPAR	WQYKLAACSV	900
LYCARAHGED DGEIILLDTQ CQGLRPRPEQ	EACSLPECP	950
SASCGLTGAR RSVACVQLDQ GQDVEVDEAA	CAALVRPEAS	1000
RWHVGTWMEC SVSCGDGIQR RRDTCLGQA	QAPVPADFCQ	1050
CWAGPCVCGQ TFSLPVHEEA AAPGRTTATP	AGASLEWSQA	1100
PRRLPGPQE NSVQSSACGR QHLEPTGTID	MRGPGQADCA	1150
VTLRVLESSL NCSAGDMLL WGRLTWRKMC	RKLLDMTFSS	1200
CGRPGGGVLL RYGSQ LAPET FYREC DMQLF	GFWEIVSPS	1250
CRLFINVAPH ARIAHALAT NMGAGTEGAN	ASYILIRDT	1300
QVLYWESESS QAEMEFSEGF LKAQASLRGQ	YWTLQSWVPE	1350
EGT		

Mutation / Mutation / Mutación
Q23>**R**

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
81-134, 128-207, 168-191, 237-263, 248-273, 258-292, 286-297, 322-359, 326-364, 337-349, 376-413, 409-448, 434-453, 458-474, 471-481

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
N68, N72, N478, N505, N540, N593, N633, N754, N1161, N1280
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexed fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

O-fucosylation sites / Sites de O-fucosylation / Posiciones de O-fucosilación
S325, S624, S683, S833, S891, S953, S1013

C-mannosylation site / Site de C-mannosylation / Posición de C-manosilación
W313 = 2-(α-D-Mannp)-L-Trp

dabocemagenum autoficelum #
dabocemagene autoficel

autologous human dermal fibroblast cells derived from skin biopsies, and transduced with a non-replicating, self-inactivating lentivirus vector that encodes human collagen type VII alpha 1 (COL7A1) under the control of a human cytomegalovirus (CMV) promoter / 5' UTR region with Kozak sequence; the construct is flanked by 5' and 3' long terminal repeats (LTR) and also contains a human immunodeficiency virus (HIV) Rev response element (RRE) and HIV central polypurine tract (cPPT) sequences. The vector is pseudotyped with the envelope glycoprotein (G) of vesicular stomatitis virus (VSV). Cells isolated from the skin biopsies are expanded in standard growth medium containing serum. The cells are predominately fibroblasts (identified by CD90; ≥98%), with keratinocytes (identified by CD104) being the main residual cell type (≤2%).
cell-based gene therapy (dystrophic epidermolysis bullosa)

dabocémagène autoficel

cellules fibroblastes dermiques humaines autologues dérivées de biopsies de peau, et transduites avec un vecteur lentiviral auto-inactivant non répliquant qui code le collagène humain de type VII alpha 1 (COL7A1) sous le contrôle du promoteur du cytomégalo virus humain (CMV) / région 5' UTR avec séquence de Kozak; la construction est flanquée de longues répétitions terminales (LTR) en 5' et 3' et contient également un élément de réponse Rev (RRE) du virus de l'immunodéficience humaine (VIH) et des séquences du tractus de polypurine central (cPPT) du VIH. Le vecteur est pseudotypé avec la glycoprotéine de l'enveloppe (G) du virus de la stomatite vésiculaire (VSV). Les cellules isolées à partir des biopsies de peau sont amplifiées dans un milieu de croissance standard contenant du sérum. Les cellules sont principalement des fibroblastes (identifiés par CD90; ≥98%), les kératinocytes (identifiés par CD104) étant le principal type cellulaire résiduel (≤2%).
thérapie génique à base de cellules (épidermolyse bulleuse dystrophique)

dabocemagén autoficel

fibroblastos dérmicos humanos autólogos, derivados de biopsias de piel, y transducidos con un vector lentiviral autoinactivante, no replicativo, que codifica para el colágeno humano tipo VII alfa 1 (COL7A1) bajo el control de un promotor de citomegalovirus (CMV) humano / región 5' UTR con secuencia Kozak; el constructo está flanqueado por repeticiones terminales largas (LTR) en 5' y 3' y también contiene las secuencias de un elemento de respuesta Rev (RRE) del virus de inmunodeficiencia humana (VIH) y del tracto de poli-purina central (cPPT) del VIH. El vector está seudotipado con la glicoproteína (G) de la envuelta del virus de la estomatitis vesicular (VSV). Las células aisladas de biopsias de la piel se expanden en medio de crecimiento estándar que contiene suero. Las células son predominantemente fibroblastos (identificadas por CD90; ≥98%), con queratinocitos (identificados por CD104) como principal tipo celular residual (≤2%).
terapia génica basada en células (epidermólisis ampollosa distrófica bullosa)

2365353-63-3

dalutrafuspum alfa #
dalutrafusp alfa

humanized immunoglobulin G1-kappa anti-(human 5'-nucleotidase, ecto-5'-nucleotidase, CD73) variant (N²⁹⁷>A in the heavy chain) fused at the C-terminus of heavy chain (1-446), via peptidyl linker
⁴⁴⁷GGGGSGGGSGGGSGGGSG⁴⁶⁷, to human transforming growth factor beta receptor type II (TGF-beta receptor type II, TGFβR2) extracellular domain (1-136, 468-603 in the current sequence), dimer, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa; humanized immunoglobulin G1-kappa, anti-[human 5'-nucleotidase (ecto-5'-nucleotidase, NT5E, EC:3.1.3.5, CD73)], fused at the C-terminus of both heavy chains via a peptide linker to the (1-136)-fragment of the extracellular domain of mature human TGF-beta receptor type 2 (TGFβR2, TGFBR2, transforming growth factor beta receptor type II, TGFβ type II receptor); gamma1 heavy

dalutrafusp alfa

chain (1-446) [*Homo sapiens* IGHV5-51*01; *Homo sapiens* IGHJ4*01; *Homo sapiens* IGHG1*03; VH: 1-117; CH1: 118-215; hinge: 216-230; CH2: 231-340 (N²⁹⁷>A); CH3: 341-445; CHS: 446-446 (K447del); CDR Kabat H1: SSWIN (31-35); CDR Kabat H2: RIYPRAGDTNYAGKFKD (50-66); CDR Kabat H3: LLDYSMDY (99-106)] fused via a (G₄S)₄G linker (447-467) to the TGFβR2 (1-136)-peptide (468-603), (220-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [*Homo sapiens* IGKV1-33*01; *Homo sapiens* IGKJ1*01; *Homo sapiens* IGKC*01; VL: 1-117; CL: 118-215; CDR Kabat L1: RASQDISNYLN (24-34); CDR Kabat L2: YTSRLHS (50-56); CDR Kabat L3: QQGNTLPLT (89-97)]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

variant (N²⁹⁷>A dans la chaîne lourde) de l'immunoglobuline G1-kappa humanisée anti-(5'-nucleotidase humaine, ecto-5'-nucleotidase, CD73) fusionné à l'extrémité C-terminale de la chaîne lourde (1-446), via la liaison peptidique ⁴⁴⁷GGGGSGGGSGGGSGGGSG⁴⁶⁷, au récepteur bêta du facteur de croissance transformant humain de type II (récepteur TGF-β de type II, TGFβR2) domaine extracellulaire (1-136, 468-603 dans la séquence actuelle), dimère, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa; immunoglobuline G1-kappa humanisée, anti-[5'-nucleotidase humaine (ecto-5'-nucleotidase, NT5E, EC:3.1.3.5, CD73)], fusionnée à l'extrémité C-terminale des deux chaînes lourdes via une liaison peptidique au fragment (1-136) du domaine extracellulaire du récepteur humain mature de type 2 du TGF-β (TGFβR2, TGFBR2, récepteur de type 2 du facteur bêta de croissance transformant, récepteur de type II du TGFβ); chaîne lourde gamma1 (1-446) [*Homo sapiens* IGHV5-51*01; *Homo sapiens* IGHJ4*01; *Homo sapiens* IGHG1*03; VH: 1-117; CH1: 118-215; charnière: 216-230; CH2: 231-340 (N²⁹⁷>A); CH3: 341-445; CHS: 446-446 (K447del); CDR Kabat H1: SSWIN (31-35); CDR Kabat H2: RIYPRAGDTNYAGKFKD (50-66); CDR Kabat H3: LLDYSMDY (99-106)] fusionnée via une liaison (G₄S)₄G (447-467) au peptide 1-136 du TGFβR2 (468-603), (220-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [*Homo sapiens* IGKV1-33*01; *Homo sapiens* IGKJ1*01; *Homo sapiens* IGKC*01; VL: 1-117; CL: 118-215; CDR Kabat L1: RASQDISNYLN (24-34); CDR Kabat L2: YTSRLHS (50-56); CDR Kabat L3: QQGNTLPLT (89-97)]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

dalutrafusp alfa

immunoglobulina G1-kappa humanizada anti-(5'-nucleotidasa humana, ecto-5'-nucleotidasa, CD73) variante (N²⁹⁷>A en la cadena pesada) fusionada en el extremo C-terminal de cada una de las cadenas pesadas (1-446), a través de un enlace peptídico ⁴⁴⁷GGGGSGGGSGGGSGGGSG⁴⁶⁷, al receptor humano de tipo 2 del factor beta de crecimiento transformante, (TGF-receptor beta tipo II, TGFβR2) dominio extracelular (1-136, 468-603 en la secuencia actual), dímero, producido en células ováricas de hámster chino (CHO), glicofoma alfa;

inmunoglobulina G1-kappa humanizada, anti-[5'-nucleotidasa humana (ecto-5'-nucleotidasa, NT5E, EC:3.1.3.5, CD73)], fusionada en el extremo C-terminal de las dos cadenas pesadas mediante un conector peptídico al fragmento (1-136) del dominio extracelular del receptor humano maduro de tipo 2 del TGF-beta (TGFβR2, TGFBR2, receptor de tipo 2 del factor beta de crecimiento transformante, receptor de tipo II del TGFβ); cadena pesada gamma1 (1-446) [*Homo sapiens* IGHV5-51*01; *Homo sapiens* IGHJ4*01; *Homo sapiens* IGHG1*03; VH: 1-117; CH1: 118-215; bisagra: 216-230; CH2: 231-340 (N²⁹⁷>A); CH3: 341-445; CHS: 446-446 (K447del); CDR Kabat H1: SSWIN (31-35); CDR Kabat H2: RIYPRAGDTNYAGKFKD (50-66); CDR Kabat H3: LLDYSMDY (99-106)], fusionada mediante un conector peptídico (G₄S)₄G (447-467) al (1-136)- péptido del TGFβR2 (468-603), (220-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [*Homo sapiens* IGKV1-33*01; *Homo sapiens* IGKJ1*01; *Homo sapiens* IGKC*01; VL: 1-117; CL: 118-215; CDR Kabat L1: RASQDISNYLN (24-34); CDR Kabat L2: YTSRLHS (50-56); CDR Kabat L3: QQGNTLPLT (89-97)]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), glicoforma alfa
inmunomodulador, antineoplásico

2419918-89-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
EVQLVQSGAE VKKPGESLKI SCKASGYAFS SSWINWVRQM PGKGLEWMGR	50
IYPRAGDTNY AGKFKDQVTI SADKSISTAY LQWSSLKASD TAMYYCASLL	100
DYSMDYWGQG TLVTVSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF	150
PEPVTVSWSN GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPS SSLGTQTYIC	200
NVNHKPSNTK VDKRVEPKSC DKHTCPCPP APELLGGPSV FLFPPKPKDT	250
LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYASTY	300
RVVSLTFLVH QDWLNGKEYK CKVSNKALEA PIEKTIKAK GOPREPOVYT	350
LPFSREEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPVLDS	400
DGSFFLYSKL TVDKSRWQGG NVFSCSVNME ALHNHYTQKS LSLSPG	450
GGGGSGGGG SGGGSGG PP HVQKSCVNMND IVDNNGAVK FPOLCKFCDV	500
RFSTCDNQKS CMSNCSITSI CEKPOEVCA VWRKNDENIT LETVCHDKPL	550
PYHDFILED A ASPKICMKKK KKPGETTFMC SCSSDENCN IIFSEEYNTS	600
NPD	603
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCRASODIS NYLNWYQKPK GKAPKLLIYY	50
TSRLHSGVPS RFGSGSGTD FTFTISSLQP EDIATYYCQ GNTLPLTFGQ	100
GTKVEIKRTV AAPSVEIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQMKV	150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYKEIKH VYACEVTHQG	200
LSSPVTKSFN RGE	214
Mutation / Mutation / Mutación	
N297>A, N297>A	
Peptide linker / Peptide liant / Péptido de unión	
447 GGGGGGGGGGGGGGGGGGG 467 (1-21)	
Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H 22°-96 144°-200 261°-321 367°-425	
22°-96° 144°-200° 261°-321° 367°-425°	
TGFβR2 495°-528 498°-515 505°-511 521°-545 565°-580 582°-587	
495°-528° 498°-515° 505°-511° 521°-545° 565°-580° 582°-587°	
Intra-L 23°-88° 134°-194°	
23°-88° 134°-194°	
Inter-H-L 220°-214° 220°-214°	
Inter-H-H 226°-226° 229°-229°	
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación	
TGFβR2 N514, N538, N514°, N538°	
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires	
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados	

davoceticeptum #

davoceticept

fragment (1-107) of human T-lymphocyte activation antigen CD80 (CTLA-4 (cytotoxic T-lymphocyte antigen 4) counter-receptor B7.1) variant (H¹⁸>Y, A²⁶>E, E³⁵>D, M⁴⁷>L, V⁶⁸>M, A⁷¹>G, D⁹⁰>G) fused, via peptidyl linker ¹⁰⁸GSGGGGS¹¹⁴ to human immunoglobulin G1 Fc fragment (115-345) variant (C¹¹⁹>S, L¹³³>A, L¹³⁴>E, G¹³⁶>A, C-terminal K³⁴⁶ deleted), dimer, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa; *Homo sapiens* T-lymphocyte activation antigen CD80 [CD80, activation B7-1 antigen, CTLA-4 (cytotoxic T-lymphocyte antigen 4) counter-receptor B7.1, B7, BB1] (1-107)-fragment [H¹⁸>Y, A²⁶>E, E³⁵>D, M⁴⁷>L, V⁶⁸>M, A⁷¹>G, D⁹⁰>G]-variant, fused via a GSG₄S peptide linker (108-114) to a human immunoglobulin G1 heavy chain constant fragment (Fc) (115-345) [*Homo sapiens*IGHG1*01; hinge: 115-129 (C¹¹⁹>S); CH2: 130-239 (L¹³³>A, L¹³⁴>E, G¹³⁶>A); CH3: 240-344; CHS: 345-345 (K346del)]; dimer (125-125':128-128')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunostimulant, antineoplastic

davocéticept

fragment (1-107) de l'antigène CD80 d'activation des lymphocytes T humains (contre-récepteur B7.1 du CTLA-4 (antigène 4 des lymphocytes T cytotoxiques) variant (H¹⁸>Y, A²⁶>E, E³⁵>D, M⁴⁷>L, V⁶⁸>M, A⁷¹>G, D⁹⁰>G) fusionné, via une liaison peptidique ¹⁰⁸GSGGGGS¹¹⁴ au variant (115-345) du fragment Fc de l'immunoglobuline G1 (C¹¹⁹>S, L¹³³>A, L¹³⁴>E, G¹³⁶>A, C-terminal K³⁴⁶ déléte), dimère, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa; antigène CD80 d'activation des lymphocytes T d'*Homo sapiens* [CD80, antigène B7-1 d'activation, contre-récepteur B7.1, du CTLA-4 (antigène 4 des lymphocytes T cytotoxiques), B7, BB1], variant [H¹⁸>Y, A²⁶>E, E³⁵>D, M⁴⁷>L, V⁶⁸>M, A⁷¹>G, D⁹⁰>G] du fragment (1-107), fusionnée via une liaison peptidique GSG₄S (108-114) au fragment constant (Fc) (115-345) de la chaîne lourde d'une immunoglobuline G1 humaine [*Homo sapiens*IGHG1*01; charnière: 115-129 (C¹¹⁹>S); CH2: 130-239 (L¹³³>A, L¹³⁴>E, G¹³⁶>A); CH3: 240-344; CHS: 345-345 (K346del)]; dimère (125-125':128-128')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
immunostimulant, antinéoplasique

davoceticept

fragmento (1-107) del antígeno CD80 de activación de linfocitos T humano (contrarreceptor B7.1 de CTLA-4 (antígeno 4 de linfocitos T citotóxicos), variante (H¹⁸>Y, A²⁶>E, E³⁵>D, M⁴⁷>L, V⁶⁸>M, A⁷¹>G, D⁹⁰>G) fusionado, a través de enlace peptidil ¹⁰⁸GSGGGGS¹¹⁴ al fragmento Fc de la inmunoglobulina G1 humana (115-345) variante (C¹¹⁹>S, L¹³³>A, L¹³⁴>E, G¹³⁶>A, C-terminal K³⁴⁶ eliminada), dímero, producido en células ováricas de hámster chino (CHO), glicoforma alfa; antígeno CD80 de activación de linfocitos T de *Homo sapiens* [CD80, antígeno activador B7-1, contrarreceptor B7.1 de CTLA-4 (antígeno 4 de linfocitos T citotóxicos), B7, BB1], fragmento (1-107), mutante [H¹⁸>Y, A²⁶>E, E³⁵>D, M⁴⁷>L, V⁶⁸>M, A⁷¹>G, D⁹⁰>G], fusionado a través de un péptido GSG₄S (108-114) al fragmento constante (Fc) de la cadena pesada de una inmunoglobulina G1 humana (115-345), [*Homo sapiens*IGHG1*01; bisagra: 115-129 (C¹¹⁹>S); CH2: 130-239 (L¹³³>A, L¹³⁴>E, G¹³⁶>A); CH3: 240-344; CHS: 345-345 (K346del)]; dímero (125-125':128-128')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), glicoforma alfa
inmunostimulante, antineoplásico

2307144-64-3

Sequence / Séquence / Secuencia
VIHVTKEVKE VATLSCGYNV SVEEIEQTRI YWQDQKQMLV TMSGDLNIW 50
PEYKNRTIFD ITNNLSMIL GLRPSDEGTY ECVVLKYKEG AFKREHLAEV 100
TSLVKADGSG GGGSEPKSSD KTHTCPPCPA PFAEAPSVF LFPPPKPDTL 150
MISRTPEVTC VVVDVSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR 200
VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNKALPAP IEKTISKAKG QPREPQVYTL 250
PPSRDELTKN QVSLTCLVRG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTFPVLDSD 300
GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMEHA LHHYTTQKSL SLSPG 345

Mutation / Mutation / Mutación
CD80: H18>Y, A26>E, E35>D, M47>L, V68>M, A71>G, D90>G
H18'>Y, A26'>E, E35'>D, M47'>L, V68'>M, A71'>G, D90'>G
Fc: C119>S, L133>A, L134>E, G136>A, K346>del
C119>S, L133>A, L134>E, G136>A, K346>del

Peptide linker / Peptide liant / Péptido de unión
108 GSGGGGS 114 (1-7)

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-chain 16-82 160-220 266-324 Inter-chain 125-125' 128-128'
16-82' 160'-220' 266'-324'

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación
N19, N55, N64, N196
N19', N55', N64', N196'
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados

dazucorilantum
dazucorilant

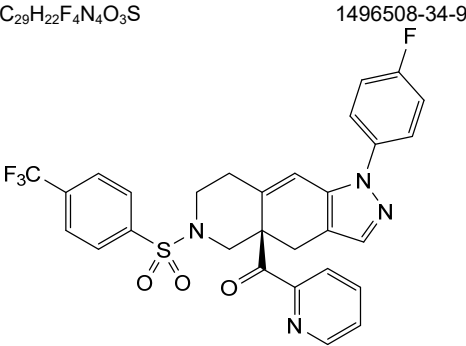
{{(4aR)-1-(4-fluorophenyl)-6-[4-(trifluoromethyl)benzene-1-sulfonyl]-1,4,5,6,7,8-hexahydro-4aH-pyrazolo[3,4-g]isoquinolin-4a-yl}(pyridin-2-yl)methanone
glucocorticoid receptor antagonist

dazucorilant

{{(4aR)-1-(4-fluorophényl)-6-[4-(trifluorométhyl)benzène-1-sulfonyl]-1,4,5,6,7,8-hexahydro-4aH-pyrazolo[3,4-g]isoquinoléin-4a-yl}(pyridin-2-yl)méthanone
antagoniste des récepteurs glucocorticoïdes

dazucorilant

{{(4aR)-1-(4-fluorofenil)-6-[4-(trifluorometil)benceno-1-sulfonyl]-1,4,5,6,7,8-hexahidro-4aH-pirazolo[3,4-g]isoquinolein-4a-il}(piridin-2-il)metanona
antagonista de los receptores glucocorticoides



denifanstatum
denifanstat

4-{1-[4-cyclobutyl-2-methyl-5-(5-methyl-1H-1,2,4-triazol-3-yl)benzoyl]piperidin-4-yl}benzonitrile
fatty acid synthase inhibitor

dénifanstat

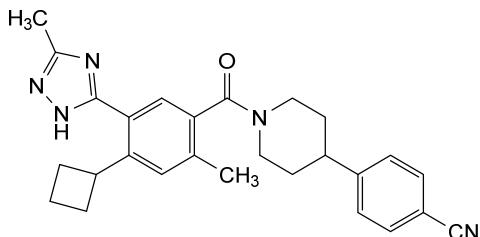
4-{1-[4-cyclobutyl-2-méthyl-5-(5-méthyl-1*H*-1,2,4-triazol-3-yl)benzoyl]pipéridin-4-yl}benzonitrile
inhibiteur de la synthèse des acides gras

denifanstat

4-{1-[4-ciclobutil-2-metil-5-(5-metil-1*H*-1,2,4-triazol-3-il)benzoil]piperidin-4-il}benzonitrilo
inhibidor de la ácido graso sintasa

C₂₇H₂₉N₅O

1399177-37-7

**dexepicatechinum**

dexepicatechin

(2*S*,3*S*)-2-(3,4-dihydroxyphenyl)-3,4-dihydro-2*H*-1-benzopyran-3,5,7-triol
antioxydant

dexépicatechine

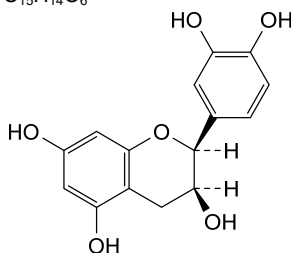
(2*S*,3*S*)-2-(3,4-dihydroxyphényl)-3,4-dihydro-2*H*-1-benzopyran-3,5,7-triol
antioxydant

dexepicatechina

(2*S*,3*S*)-2-(3,4-dihidroxiifenil)-3,4-dihidro-2*H*-1-benzopirano-3,5,7-triol
antioxidante

C₁₅H₁₄O₆

35323-91-2

**domofenogenum zalfaparvecum #**

domofenogene zalfaparvec

recombinant, replication-incompetent adeno-associated virus serotype 5 (AAV5) vector encoding codon-optimized human phenylalanine hydroxylase (hPAH) under control of a liver-selective transcription regulatory element (TRE), consisting of the apolipoprotein E enhancer and the human alpha-1 anti-trypsin promoter, a human alpha-1 anti-trypsin/human beta-globin hybrid intron and terminated by the bovine growth hormone polyadenylation sequence, flanked by AAV2 inverted terminal repeats (ITRs).

gene therapy (phenylalanine hydroxylase deficiency)

domofénogène zalfaparvovec	vecteur recombinant, incompetent à la réplication, du virus adéno-associé de sérotype 5 (AAV5), codant la phénylalanine hydroxylase humaine (hPAH) aux codons optimisés, sous le contrôle d'un élément régulateur de transcription (TRE) sélectif du foie, constitué de l'amplificateur de l'apolipoprotéine E et du promoteur de l'antitrypsine alpha-1 humaine, d'un intron hybride antitrypsine alpha-1 humaine/bêta-globine humaine, terminé par la séquence de polyadénylation de l'hormone de croissance bovine, flanqué de répétitions terminales inversées (ITRs) de l'AAV2. <i>thérapie génique (déficit en phénylalanine hydroxylase)</i>
domofenogén zalfaparvovec	vector de virus adenoasociado de serotipo 5 (AAV5) recombinante, incompetente para la replicación, que codifica para la fenilalanina hidroxilasa humana, con codones optimizados, bajo el control de un elemento regulador de la transcripción (TRE) selectivo de hígado consistente en un potenciador de la apolipoproteína E y el promotor de la alfa-1 antitripsina humana, un intron híbrido de la alfa-1 antitripsina humana/beta-globina humana y terminado por la secuencia de poliadenilación de la hormona de crecimiento bovina, flanqueado por las repeticiones terminales invertidas (ITRs) del AAV2. <i>terapia génica (deficiencia de fenilalanina hidroxilasa)</i>
	2382896-04-8
doruxapapogenum ralaplasmidum # doruxapapogene ralaplasmid	DNA plasmid encoding a fusion protein consisting of E6 and E7 proteins from human papilloma virus (HPV) types 11 and 6, with each protein coding sequence separated by a furin P2A cleavage site in the order HPV11 E6/furin peptide/HPV11 E7/furin peptide/HPV6 E6/furin peptide/HPV6 E7, having an N-terminal immunoglobulin E (IgE) leader sequence, driven by a human cytomegalovirus (CMV) immediate-early promoter and terminated by the bovine growth hormone polyadenylation signal (bGH polyA). The plasmid also contains a pUC origin of replication and a <i>kanamycin</i> resistance gene. <i>gene therapy (antiviral)</i>
doruxapapogène ralaplasמידe	plasmide d'ADN codant une protéine de fusion constituée des protéines E6 et E7 des types 11 et 6 du virus du papillome humain (HPV), chaque séquence codant une protéine étant séparée par un site de clivage de la furine P2A dans l'ordre suivant: HPV11 E6/peptide de la furine/HPV11 E7/peptide de la furine/HPV6 E6/peptide de la furine/HPV6 E7, ayant une séquence de tête de l'immunoglobuline E (IgE) en N-terminal, induite par un promoteur immédiat précoce du cytomégalovirus humain (CMV) et terminée par le signal de polyadénylation de l'hormone de croissance bovine (bGH polyA). Le plasmide contient également une origine de réplication pUC et un gène de résistance à la <i>kanamycine</i> . <i>thérapie génique (antiviral)</i>

doruxapapogén ralaplásmido

plásmido de ADN que codifica para una proteína de fusión que consta de las proteínas E6 y E7 del virus del papiloma humano (VPH) tipos 11 y 6, con la secuencia que codifica para cada proteína separada por un sitio de escisión de furina P2A en el orden VPH11 E6/péptido de furina/VPH11 E7/ péptido de furina/VPH6 E6/péptido de furina/VPH6 E7, teniendo una secuencia líder N-terminal de inmunoglobulina E (IgE), dirigido por un promotor inmediato-temprano del citomegalovirus (CMV) humano y terminado por una señal de poliadenilación de la hormona de crecimiento bovina. El plásmido también contiene un origen de replicación pUC y un gen de resistencia a *kanamicina*.
terapia génica (antiviral)

2416305-95-6

doxecitinum

doxectine

2'-deoxycytidine;
4-amino-1-(2-deoxy-β-D-*erythro*-
pentofuranosyl)pyrimidin-2(1*H*)-one
nucleotide precursor

doxécitine

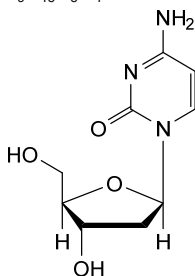
2'-désoxycytidine;
4-amino-1-(2-désoxy-β-D-*érythro*-
pentofuranosyl)pyrimidin-2(1*H*)-one
précurseur nucléotidique

doxecitina

2'-desoxicitidina;
4-amino-1-(2-desoxi-β-D-*eritro*-
pentofuranosil)pirimidin-2(1*H*)-ona
precursor de nucleótidos

C₉H₁₃N₃O₄

951-77-9

**doxribtimum**

doxribtine

thymidine;
1-(2-deoxy-β-D-*erythro*-pentofuranosyl)-5-
methylpyrimidine-2,4(1*H*,3*H*)-dione
nucleotide precursor

doxribtine

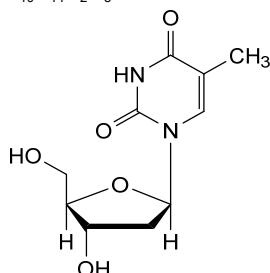
thymidine;
1-(2-désoxy-β-D-*érythro*-pentofuranosyl)-5-
méthylpyrimidine-2,4(1*H*,3*H*)-dione
précurseur nucléotidique

doxribtimina

timidina;
1-(2-desoxi-β-D-*eritro*-pentofuranosil)-5-metilpirimidina-
2,4(1*H*,3*H*)-diona
precursor de nucleótidos

C₁₀H₁₄N₂O₅

50-89-5



dresbuxelimabum #
dresbuxelimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* NT5E (5'-nucleotidase ecto, 5' nucleotidase, 5'-NT, NT5, CD73)], humanized monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain humanized (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%) L123>T (116), V124>L (117), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 L1.3>A (238), L1.2>A (239) (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-220')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (89.1%) -IGKJ2*01 (91.7%) Q120>G (106), CDR-IMGT [12.3.9] (27-38.56-58.95-103)) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dimer (230-230'':233-233'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator

dresbuxélimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* NT5E (5' ecto nucléotidase, 5' nucléotidase, 5'-NT, NT5, CD73)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma1 humanisée (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%) L123>T (116), V124>L (117), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 L1.3>A (238), L1.2>A (239) (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-220')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (89.1%) -IGKJ2*01 (91.7%) Q120>G (106), CDR-IMGT [12.3.9] (27-38.56-58.95-103)) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dimère (230-230'':233-233'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur

dresbuxelimab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* NT5E (5' ecto nucleotidasa, 5' nucleotidasa, 5'-NT, NT5, CD73)], anticuerpo monoclonal humanizado;

cadena pesada gamma1 humanizada (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%) L123>T (116), V124>L (117), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) - *Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17.1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 L1.3>A (238), L1.2>A (239) (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-220')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (89.1%) - IGKJ2*01 (91.7%) Q120>G (106), CDR-IMGT [12.3.9] (27-38.56-58.95-103)) (1'-113') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador

2550560-20-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VVKPGASVKV SCKASGYSFT GYTMNWVRQA PGQNLIEWIGL 50
INFPYAGTSY NQKFGQKVTIL TVDKSTSTAY MELSSLRSED TAVVYCARSE 100
YRYGGDYFDY WGQGTTLTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAAALGCLV 150
KDYFFPEPTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVDKKVE PKSCDKTHTC PCFPAPEAAG GPSVFLFPFK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSRD ELTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTTP 400
VLDSGGSFEL YSKLTVDKSR WQQGNVFSCS VMHEALHNNHY TQKSLSLSPG 450
K 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIVMTQSPSS LAVSVGERVT ISCKSSQSLN NSSNQKNYLA WYQQKPGQAP 50
KLLIYFASTR ESGVPDRFSG SGSGTDFTLT ISSLQAEDVA VYYCQHYDT 100
PYTFGGGKTL EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDSSTYS LSSTLTLSKA DYEEKHKVYAG 200
EVTHQGLSSP VSKSFNRGEC 220

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 265-325 371-429

22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"

Intra-L (C23-C104) 23'-94' 140'-200'

23'''-94''' 140'''-200'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 224-220' 224"-220"

Inter-H-H (h 11, h 14) 230-230" 233-233"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del

glutaminilo N-terminal

H VH Q1 > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl): 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:301, 301"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupe de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 451, 451"

eblasakimabum #**eblasakimab**

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL13RA1 (interleukin 13 receptor subunit alpha 1, CD213a1)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;

gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (85.7%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (119-216), hinge 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-211')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-211') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (97.9%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.5] (27-33.51-53.90-94)) (1'-104') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (150), V101 (188) (105'-211')]; dimer (224-224":227-227")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO) cell line derived from CHO-K1, glycoform alfa
immunomodulador

éblasakimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL13RA1 (sous-unité alpha 1 du récepteur de l'interleukine 13, CD213a1)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde gamma4 *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (85.7%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (119-216), charnière 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-211')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-211') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (97.9%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.5] (27-33.51-53.90-94)) (1'-104') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (150), V101 (188) (105'-211')]; dimère (224-224":227-227")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa *immunomodulateur*

eblasakimab

immunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL13RA1 (subunidad alfa 1 del receptor de la interleukina 13, CD213a1)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma4 *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (85.7%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (119-216), bisagra 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-211')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-211') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (97.9%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.5] (27-33.51-53.90-94)) (1'-104') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (150), V101 (188) (105'-211')]; dímero (224-224":227-227")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa *immunomodulador*

2445460-16-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
EVQLVQSGAE VKKPGESLKI	50
SPSFQGVVIT SADKSISTAY	100
LGWSLLKASD TAMYICARP	150
NGWGLDHWGQ GTLVTVSSAS	200
TKGPSVFELA FCSRSTSEST	250
AALGCLVKDY	300
FFEPVTVSWN SGALTSGVHT	350
FFAVLQSSGL YSLSSVVTVP	400
SSSLGTKTYT	450
CNVDHKESNT KVDKRVESKY	500
GPPCPPCFAP EFLGGSPVFL	550
FPFKPKDTLM	600
ISRTPEVTCV VVDVQSEDFE	650
VQFNWYVDGV EVHNATKPR	700
EEQFNSTYRV	750
VSVLTIVLHQD WLNKEYKCK	800
VSNKGLPSSI EKTISKARGQ	850
PREPQVYTLF	900
SQSEEMTKNQ VSLTCLVRGF	950
YPSDIAVEWE SNGQPENNYK	1000
TPPVLVDSGD	1050
SFFLYSLRTV DKSRWQEGNV	1100
FSCVMHEAL HNHYTKQSL	1150
LSLGLK	1200
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
EIVLTQSPGT LSLSPGERAT	50
LSCRASQSI SSYLAWYQQK	100
PGQAPRLLIY	150
GASSRATGIP DRFSGSGSGT	200
DFTLTISRLE PEDFAVYYCQ	250
QYASFGQGTK	300
VEIKRTVAAP SVFIFFPSDE	350
QLKSGTASV CLLNFFYPRE	400
AKVQWKVDNA	450
LQSGNSQESV TEQDSKDSY	500
SLSSLTITLSK ADYEHKHYVA	550
CEVTHQGLSS	600
PVTKSFRNGE C	650

Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H (C23-C104)	22-96 145-201 259-319 365-423
	22"-96" 145"-201" 259"-319" 365"-423"
Intra-L (C23-C104)	23'-89' 131'-191'
	23"'-89"" 131""-191""
Inter-H-L (h 10-CL 126)	132-211' 132"-211"
Inter-H-H (h 8, h 11)	224-224" 227-227"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:295,295"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaries
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CH2 K2:445,445"

ecleralimabum #
ecleralimab

immunoglobulin Fab G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* TSLP (thymic stromal lymphopoietin)], monoclonal antibody; VH-(CH1-hinge) gamma1 heavy chain (1-223) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-15*07 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%), CDR-IMGT [8.10.11] (26-33.51-60.99-109)) (1-120) -CH1-hinge (*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3 (CH1 R120 (217) (121-218), hinge 1-5 (219-223)) (121-223)], (223-212')-disulfide with lambda2 light chain (1'-213') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-9*01 (91.2%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (26-31.49-51.88-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGLC2*01(100%) (108'-213')], produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, non-glycosylated
immunomodulator

écléralimab

immunoglobuline Fab G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* TSLP (lymphopoïétine stromale thymique)], anticorps monoclonal; VH-(CH1-charnière) chaîne lourde gamma1 (1-223) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-15*07 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%), CDR-IMGT [8.10.11] (26-33.51-60.99-109)) (1-120) -CH1-charnière (*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3 (CH1 R120 (217) (121-218), charnière 1-5 (219-223)) (121-223)], (223-212')-disulfure avec la chaîne légère lambda2(1'-213') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-9*01 (91.2%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (26-31.49-51.88-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGLC2*01(100%) (108'-213')], produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), non-glycosylé
immunomodulateur

ecleralimab

immunoglobulina Fab G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* TSLP (linfopoyetina estromal tímica)], anticuerpo monoclonal; VH-(CH1-bisagra) cadena pesada gamma1 (1-223) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-15*07 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%), CDR-IMGT [8.10.11] (26-33.51-60.99-109)) (1-120) -CH1-bisagra (*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3 (CH1 R120 (217) (121-218), bisagra 1-5 (219-223)) (121-223)], (223-212')-disulfuro con la cadena ligera lambda2(1'-213') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-9*01 (91.2%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (26-31.49-51.88-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGLC2*01(100%) (108'-213')], producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), no glicosilado
inmunomodulador

2415207-91-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS DYNMHWVRQA PGKLEWVGH 50
IKSKTDAGTT DYAAPVKGRF TISRDDSKNT LYLQMNLSKT EDTAVYYCAR 100
EIYYVAFDSW GQGTLLTVSS ASTKGFVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSKV HTFPAVLQSS GLYSLSSVWT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDRKVEP KSC 223
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
SYELTQPLSV SVALGGTARI TCSGDMIGSK YVHWYQKPGF QAPVLIYIGD 50
NERPSGIFER FSGSNSGNTA TLTIIRAQAG DEADYYCQAA DWVDYFVFGG 100
GTKLTVLGQP KAAPSVTLFP PSSEELQANK ATLVCILISDF YFGAVTVAWK 150
ADSSPVKAGV ETTTPSKQSN NKYAASSYLS LTPEQWKSRR SYSCQVTHEG 200
STVEKTVAFT ECS 213
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-98 147-203
Intra-L (C23-C104) 22-87' 135'-194'
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-212'

No N-glycosylation sites / pas de site de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación

efdamrofuspum alfa #

efdamrofusp alfa human vascular endothelial growth factor receptor 1 (VEGFR-1) immunoglobulin-like domain 2 containing fragment (104-204, 1-101 in the current sequence), fused via human vascular endothelial growth factor receptor 2 (VEGFR-2) immunoglobulin-like domain 3 containing fragment (206-308, 102-204 in the current sequence) to human immunoglobulin G1 Fc fragment (205-431), fused via peptidyl linker ⁴³²GGGGGG⁴³⁷ to human complement receptor type 1 (CR1) fragment (1-192, 438-629 in the current sequence) variant (N²⁹>K⁴⁶⁶, S³⁷>Y⁴⁷⁴, G⁷⁹>D⁵¹⁶, D¹⁰⁹>N⁵⁴⁶), dimer, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa;
 VEGFR1/VEGFR2 fragments-IgG1 Fc-CR1 fusion protein: human vascular endothelial growth factor receptor 1 (VEGFR1) (104-204)-peptide (containing the Ig-like C2-type domain 2) (1-101) / human vascular endothelial growth factor receptor 2 (VEGFR2) (206-308)-peptide (containing the Ig-like C2-type domain 3) (102-204) / human immunoglobulin G1 heavy chain constant region C-terminal 227-peptide fragment (IgG1 Fc) (205-431) [*Homo sapiens*IGHG1*01; hinge: 205-214; CH2: 215-324; CH3: 325-429; CHS: 430-431] / G₆ peptide linker (432-437) / human complement receptor type 1 (CR1) [N²⁹>K⁴⁶⁶, S³⁷>Y⁴⁷⁴, G⁷⁹>D⁵¹⁶, D¹⁰⁹>N⁵⁴⁶] (1-192)-peptide (438-629) fusion protein, dimer (210-210':213-213')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
angiogenesis inhibitor

efdamrofusp alfa fragment contenant le domaine 2 de type immunoglobuline du récepteur 1 du facteur de croissance endothélial vasculaire humain (VEGFR-1) (104-204, 1-101 dans la séquence actuelle), fusionné via un fragment contenant le domaine 3 de type immunoglobuline du récepteur 2 du facteur de croissance endothélial vasculaire humain (VEGFR-2) (206-308, 102-204 dans la séquence actuelle) au fragment Fc de l'immunoglobuline G1 humaine (205-431), fusionné via une liaison peptidique ⁴³²GGGGGG⁴³⁷ au fragment du récepteur du complément humain de type 1 (CR1) (1-192, 438-629 dans la séquence actuelle), variant (N²⁹>K⁴⁶⁶, S³⁷>Y⁴⁷⁴, G⁷⁹>D⁵¹⁶, D¹⁰⁹>N⁵⁴⁶), dimère, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa;
 protéine de fusion des fragments VEGFR1 et VEGFR2, de l'IgG1 Fc et de CR1: protéine de fusion du récepteur 1 du facteur de croissance de l'endothélium vasculaire humain (VEGFR1), peptide 104-204 (contenant le domaine 2 de type C2 de type Ig) (1-101) / récepteur 2 du facteur de croissance de l'endothélium vasculaire humain (VEGFR2), peptide 206-308 (contenant le domaine 3 de type C2 de type Ig) (102-204) / région constante à chaîne lourde de l'immunoglobuline humaine G1 (fragment de 227-peptidique en C-terminal, IgG1 Fc) (205-431) [*Homo sapiens*IGHG1*01; charnière: 205-214; CH2: 215-324; CH3: 325-429; CHS: 430-431] / liaison peptidique G₆ (432-437) / récepteur du complément humain de type 1 (CR1) [N²⁹>K⁴⁶⁶, S³⁷>Y⁴⁷⁴, G⁷⁹>D⁵¹⁶, D¹⁰⁹>N⁵⁴⁶] peptide 1-192 (438-629), dimère (210-210':213-213')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
inhibiteur de l'angiogénèse

efdamrofusp alfa el receptor 1 del factor de crecimiento endotelial vascular humano (VEGFR-1) dominio 2 de tipo de inmunoglobulina conteniendo fragmento (104-204, 1-101 en la secuencia actual), fusionado a través del receptor del factor 2 de crecimiento endotelial vascular humano (VEGFR-2) dominio 3 de tipo de inmunoglobulina conteniendo fragmento (206-308, 102-204 en la secuencia actual) al fragmento de la inmunoglobulina humana G1 Fc (205-431), fusionado a través de un enlace peptidil ⁴³²GGGGGG⁴³⁷ al receptor humano complementario 1 (CR1) fragmento (1-192, 438-629 en la secuencia actual) variante

(N²⁹>K⁴⁶⁶, S³⁷>Y⁴⁷⁴, G⁷⁹>D⁵¹⁶, D¹⁰⁹>N⁵⁴⁶), dímero, producido en células ováricas de hámster chino (CHO), glicoforma alfa; proteína de fusión de fragmentos de VEGFR1 y VEGFR2, IgG1 Fc y CR1: proteína de fusión del receptor 1 humano del factor de crecimiento endotelial vascular (VEGFR1), péptido 104-204 (que contiene el dominio 2 de tipo C2 tipo Ig) (1-101) / receptor 2 humano del factor de crecimiento humano endotelio vascular (VEGFR2), péptido 206-308 (que contiene el dominio 3 de tipo C2 tipo Ig) (102-204) / inmunoglobulina G1 humana, región constante de la cadena pesada (fragmento de 227-péptido C-terminal, IgG1 Fc) (205-431) [*Homo sapiens*IGHG1*01; bisagra: 205-214; CH2: 215-324; CH3: 325-429; CHS: 430-431] / péptido G₆ de unión (432-437) / receptor de tipo 1 del complemento humano (CR1) [N²⁹>K⁴⁶⁶, S³⁷>Y⁴⁷⁴, G⁷⁹>D⁵¹⁶, D¹⁰⁹>N⁵⁴⁶] péptido 1-192 (438-629), dímero (210-210':213-213')-bisdisulfuro, producido en células ováricas de hámster chino (CHO), glicoforma alfa *inhibidor de la angiogénesis*

C₆₂₄₀H₉₇₀₈N₁₇₀₀O₁₈₇₄S₅₈

2375661-82-6

Sequence / Séquence / Secuencia

```

DTGRPFVEMY SEIPEIIHMT EGRELVIPCR VTSFNITVTL KKFPLDTLIP      50
DGKRIIWDSR KGIISNATY KEIGLLTCEA TVNGHLYKTN YLTHRQTNTI      100
IDVVLSPSHG IELSVGEKLV LNCTARTELN VGIDFNWEYP SSKHQHKKLV      150
NRDLKTQSGS EMKKFLSTLT IDGVTRSDQG LYTCAASSGL MTKKNSTFVR      200
VHEKDKTHTC PPCPAPELLG GPSVLEFPFK PKDTLMSIRT PEVTCVVVDV      250
SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG      300
KEYKCKVSNK ALPAPIEKT I SKARKQPREP QVYTLPPSRD ELTHNQVSLT      350
CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTPFP VLDSGDSFFL YSKLTVDKSR      400
WQQGNVFCSS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG KGGGGGQCN APEWLPFAP      450
TNLTDEFEPF IGTYLKEVECR PGYTCRFESI ICLKNSVWTG AKDRCRKSC      500
RNPDPFVNGM VHVINDIQFG SQIKYSCTKG YRLIGSSSAT CIISGNTVIW      550
DNETPICDRI FCGLPPTITN GDFISTNREN FHYGSVVTYR CNPSSGGRKV      600
FELVGEPSIY CTSNDDQVGI WSGPAFQCI                               629

```

Mutation sites / Sites de mutation / Posiciones de mutación

N466>K, S474>Y, G516>D, D546>N
 N466>K, S474>Y, G516>D, D546>N

Peptide linker / Peptide liant / Péptido de unión

432 GGGGGG 437 (1-6)

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posición de los puentes disulfuro

Intra-chain VEGFR1: 29-78; VEGFR2: 123-184; Fc: 245-305, 351-409
 VEGFR1: 29-78; VEGFR2: 123-184; Fc: 245-305, 351-409
 CR1: 439-482, 469-495, 500-541, 527-557, 562-611, 591-628
 CR1: 439-482, 469-495, 500-541, 527-557, 562-611, 591-628
 Inter-chain Fc-Fc': 210-210', 213-213'

N-Glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

VEGFR1: N35, N67; VEGFR2: N122, N195; Fc: N281; CR1: N452, N552

VEGFR1: N35, N67; VEGFR2: N122, N195; Fc: N281; CR1: N452, N552

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
 complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

efprezimumodum alfa #
 efprezimumod alfa

human signal transducer CD24 (CD24, small cell lung carcinoma cluster 4 antigen) fragment (1-30), fused to a human immunoglobulin Fc fragment (31-261), dimer, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa;
 human signal transducer CD24 (CD24, CD24A, heat stable antigen CD24, small cell lung carcinoma cluster 4 antigen) (1-30)-peptide fused with a human immunoglobulin G1 C-terminal Fc (heavy chain constant fragment) (31-261) [*Homo sapiens*IGHG1*01; hinge: 31-44 (E30del); CH2: 45-154; CH3: 155-259; CHS: 260-261]; dimer (40-40':43-43')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator

efprézimod alfa	fragment (1-30) du transducteur de signal humain CD24 (CD24, antigène 4 d'amas de carcinome pulmonaire à petites cellules), fusionné à un fragment Fc d'immunoglobuline humaine (31-261), dimère, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa; peptide 1-30 du transducteur de signal CD24 humain (CD24, CD24A, antigène thermostable CD24, antigène 4 d'amas de carcinome pulmonaire à petites cellules), fusionné à un Fc de l'extrémité C-terminale de l'immunoglobuline G1 humaine (31-261) [<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01; charnière: 31-44 (E30del); CH2: 45-154; CH3: 155-259; CHS: 260-261]; dimère (40-40':43-43')-bisdisulfure, produit par des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa <i>immunomodulateur</i>
efprezimod alfa	fragment humano del transductor de señal CD24 (CD24, antígeno 4 del grupo de carcinoma de pulmón de células pequeñas) (1-30), fusionado a un fragment Fc de la inmunoglobulina humana (31-261), dímero, producido en células ováricas de hamster chino (CHO), glicofoma alfa; péptido 1-30 del transductor de señal CD24 humano (CD24, CD24A, antígeno estable al calor CD24, antígeno 4 del grupo de carcinoma de pulmón de células pequeñas), fusionado a un fragmento Fc C-terminal de la inmunoglobulina G1 humana (31-261) [<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01; bisagra: 31-44 (E30del); CH2: 45-154; CH3: 155-259; CHS: 260-261]; dímero (40-40':43-43')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), glicofoma alfa <i>immunomodulador</i>

2574508-57-7

Sequence / Séquence / Secuencia	
SETTTGTSSN SSQSTSNLGL APNPTNATK PKSCDKTHTC PPCPAPELLG	50
GPSVFLFPFK PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKEN WYVDGVEVHN	100
AKTKPREEQY NSTYRVVSVL TVLHQDNLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI	150
SKAKGQPREP QVYTLPPSRD ELTKNQVSLT CLVKGFFPSD IAVEWESNGQ	200
FENNYKTTTP VLDSDGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFPSC VMHEALHNHY	250
TQKSLSLSPG K	261
Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-chain	75-125 181-239
	75'-125' 181'-239'
Inter-chain	40-40' 43-43'
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación	
N10, N26, N111,	
N10', N26', N111'	
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal	
H CHS K2: K261, K261'	

efzofitimidum # efzofitimod	human L-methionyl immunoglobulin G1 Fc fragment (1-228) fused to human histidine tRNA synthetase fragment (2-60, 229-287 in the current sequence), dimer, non-glycosylated, produced in <i>Escherichia coli</i> ; L-methionyl human immunoglobulin G1 Fc (1-228) fused to the (2-60)-peptide of human histidine-tRNA ligase, dimer: L-methionyl-immunoglobulin G1 (<i>Homo sapiens</i>) γ1-chain C-terminal 227-peptide Fc fragment
--------------------------------	---

efzofitimod

(1-228) [*Homo sapiens* IGHG1*01; hinge: 1-11; CH2: 12-121; CH3: 122-226; CHS: 227-228] fused with the (2-60)-peptide (neuropilin-2-binding domain, HARS iMod domain, WHEP-TRS domain) (229-287) of human cytoplasmic histidine-tRNA ligase (histidyl-tRNA synthetase, HisRS, HRS, HARS1, HARS, EC:6.1.1.21), dimer (7-7':10-10')-bisdisulfide, non-glycosylated, produced in *Escherichia coli*
immunomodulator

fragment Fc de l'immunoglobuline G1 humaine L-méthionyl (1-228) fusionné au fragment de l'histidine ARNt synthétase humaine (2-60, 229-287 dans la séquence actuelle), dimère, non glycosylé, produit par *Escherichia coli*;
L-méthionyl Fc (1-228) de la immunoglobuline G1 humain fusionné au peptide 2-60 de la histidine-ARNt ligase, dimère : L-méthionyl-fragment Fc (227-peptide C-terminal) de la chaîne γ 1 de la immunoglobuline G1 (*Homo sapiens*) (1-228) [*Homo sapiens* IGHG1*01; charnière: 1-11; CH2: 12-121; CH3: 122-226; CHS: 227-228] fusionné au peptide 2-60 (domaine de liaison à la neuropiline-2, domaine HARS iMod, domaine WHEP-TRS) (229-287) de la histidine-ARNt ligase cytoplasmique humaine (histidyl-ARNt synthétase, HisRS, HRS, HARS1, HARS, EC:6.1.1.21), dimère (7-7':10-10')-bisdisulfure, non glycosylé, produit par *Escherichia coli*
immunomodulateur

efzofitimod

fragmento Fc de la inmunoglobulina G1 humana L-metionil (1-228) fusionado al fragmento de la histidina ARNt sintetasa humana (2-60, 229-287 en la secuencia actual), dímero, no glicosilado, producido por *Escherichia coli*;
L-metionil Fc (1-228) de inmunoglobulina G1 humana fusionado al péptido 2-60 de la histidina-ARNt ligasa, dímero: L-metionil-fragmento Fc (227-péptido C-terminal) de la cadena γ 1 de inmunoglobulina G1 (*Homo sapiens*) (1-228) [*Homo sapiens* IGHG1*01; bisagra: 1-11; CH2: 12-121; CH3: 122-226; CHS: 227-228] fusionado al péptido 2-60 (dominio de unión a neuropilina-2, dominio HARS iMod, dominio WHEP-TRS) (229-287) de la histidina-ARNt ligasa citoplasmática humana (histidil-ARNt sintetasa, HisRS, HRS, HARS1, HARS, EC:6.1.1.21), dímero (7-7':10-10')-bisdisulfuro, no glicosilado, producido por *Escherichia coli*
inmunomodulador

2566615-11-8

Sequence / Séquence / Secuencia	
MDKTHTCPPC PAPELLGGPS VFLFPKPKD TLMISRTPEV TCVVVDVSHE	50
DPEVKFNWYV DGEVHNART KPREEQYNST YRVSVLTVL HQDWLNGKEY	100
KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY TLPPSRDEL TKNQVSLTCLV	150
KGFYPSDIIV EWESNGQFEN NYKTTPEVLD SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ	200
GNVFSCVMH EALHNHYTQK SLSLSPGKAE RAALBELVKL QGERVRGLKQ	250
QKASAELEE EVAKLLKKA QLGPDSEKQK FVLKTPK	287
Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-chain 42-102 148-206	
42'-102' 148'-206'	
Inter-chain 7-7' 10-10'	
Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación	
none / aucune / ninguna	
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal	
H CHS K2: K287, K287' (<0.1%)	

elranatamabum #

elranatamab

immunoglobulin G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (TNF receptor superfamily member 17, tumor necrosis factor receptor superfamily, member 17, B cell maturation antigen, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3e molecule, Leu-4)], *Homo sapiens* and humanized monoclonal antibody, bispecific; gamma2 heavy chain *Homo sapiens* anti-TNFRSF17 (1-441) [VH anti-TNFRSF17 (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01(100%), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG2*01, G2m.. CH2 V45.1 (CH1 (116-213), hinge 1-12 C5>E (218), P10>E (223) (214-225), CH2 D27>A (259), V45.1 (276), A115>S (324), P116>S (325) (226-334), CH3 L24>E (362), (335-439), CHS (440-441)) (116-441)], (129-215')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* anti-TNFRSF17 (1'-215') [V-KAPPA anti-TNFRSF17 (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (94.8%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27-33.51-53.90-98)) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; gamma2 heavy chain humanized anti-CD3E (1"-447") [VH anti-CD3E (*Homo sapiens* IGHV3-48*03 (84.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01(85.7%) L123>T (116"), CDR-IMGT [8.10.12] (26-33.51-60.99-110)) (1"-121") -*Homo sapiens* IGHG2*01, G2m.. CH2 V45.1 (CH1 (122"-219"), hinge 1-12 C5>R (224"), E7>R (226"), P10>R (229") (220"-231"), CH2 D27>A (265"), V45.1 (282"), A115>S (330"), P116>S (331") (232"-340"), CH3K88>R (409") (341"-445"), CHS (446"-447")) (122"-447"), (135"-219")]-disulfide with kappa light chain humanized anti-CD3E (1'''-219''') [V-KAPPA anti-CD3E (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (89.8%) -IGKJ2*02 (90.9%) Q120>S (105), CDR-IMGT [12.3.8] (27-38.56-58.95-102)) (1'''-112''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'''-219''')]; dimer (217-223":221-227":224-230")-trisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1SV cell line, glycoform alfa

immunomodulator, antineoplastic

elranatamab

immunoglobuline G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (membre 17 de la superfamille des récepteurs du TNF, membre 17 de la superfamille des récepteur du facteur de nécrose tumorale, antigène de maturation de cellule B, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)] et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3e molécule, Leu-4)], anticorps monoclonal *Homo sapiens* et humanisé, bispécifique; chaîne lourde gamma2 *Homo sapiens* anti-TNFRSF17 (1-441) [VH anti-TNFRSF17 (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01(100%), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG2*01, G2m.. CH2 V45.1 (CH1 (116-213), charnière 1-12 C5>E (218), P10>E (223) (214-225), CH2 D27>A (259), V45.1 (276), A115>S (324), P116>S (325) (226-334), CH3 L24>E (362), (335-439), CHS (440-441)) (116-441)], (129-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* anti-TNFRSF17 (1'-215') [V-KAPPA anti-TNFRSF17 (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (94.8%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27-33.51-53.90-98)) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')];

chaîne lourde gamma2 humanisée anti-CD3E (1"-447") [VH anti-CD3E (*Homo sapiens*IGHV3-48*03 (84.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01(85.7%) L123>T (116"), CDR-IMGT [8.10.12] (26-33.51-60.99-110)) (1"-121") -*Homo sapiens*IGHG2*01, G2m.. CH2 V45.1 (CH1 (122"-219"), charnière 1-12 C5>R (224"), E7>R (226"), P10>R (229") (220"-231"), CH2 D27>A (265"), V45.1 (282"), A115>S (330"), P116>S (331") (232"-340"), CH3 K88>R (409") (341"-445"), CHS (446"-447")) (122"-447")], (135"-219")-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée anti-CD3E (1"-219") [V-KAPPA anti-CD3E (*Homo sapiens*IGKV4-1*01 (89.8%) -IGKJ2*02 (90.9%) Q120>S (105), CDR-IMGT [12.3.8] (27-38.56-58.95-102)) (1"-112") -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113"-219")]; dimère (217-223":221-227":224-230")-trisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1SV, glycoforme alfa immunomodulateur, antinéoplasique

elranatamab

inmunoglobulina G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (miembro 17 de la superfamilia de los receptores del TNF, miembro 17 de la superfamilia de los receptores del factor de necrosis tumoral, antígeno de maduración de célula B, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)] y anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3e molécula, Leu-4)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens* y humanizado biespecífico; cadena pesada gamma2 *Homo sapiens* anti-TNFRSF17 (1-441) [VH anti-TNFRSF17 (*Homo sapiens*IGHV3-23*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01(100%), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115) -*Homo sapiens*IGHG2*01, G2m.. CH2 V45.1 (CH1 (116-213), bisagra 1-12 C5>E (218), P10>E (223) (214-225), CH2 D27>A (259), V45.1 (276), A115>S (324), P116>S (325) (226-334), CH3 L24>E (362), (335-439), CHS (440-441)) (116-441)], (129-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* anti-TNFRSF17 (1'-215') [V-KAPPA anti-TNFRSF17 (*Homo sapiens*IGKV3-20*01 (94.8%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27-33.51-53.90-98)) (1'-108') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; cadena pesada gamma2 humanizada anti-CD3E (1"-447") [VH anti-CD3E (*Homo sapiens*IGHV3-48*03 (84.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01(85.7%) L123>T (116"), CDR-IMGT [8.10.12] (26-33.51-60.99-110)) (1"-121") -*Homo sapiens*IGHG2*01, G2m.. CH2 V45.1 (CH1 (122"-219"), bisagra 1-12 C5>R (224"), E7>R (226"), P10>R (229") (220"-231"), CH2 D27>A (265"), V45.1 (282"), A115>S (330"), P116>S (331") (232"-340"), CH3 K88>R (409") (341"-445"), CHS (446"-447")) (122"-447")], (135"-219")-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada anti-CD3E (1"-219") [V-KAPPA anti-CD3E (*Homo sapiens*IGKV4-1*01 (89.8%) -IGKJ2*02 (90.9%) Q120>S (105), CDR-IMGT [12.3.8] (27-38.56-58.95-102)) (1"-112") -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113"-219")]; dímero (217-223":221-227":224-230")-trisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1SV, forma glicosilada alfa inmunomodulador, antineoplásico

2408850-14-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-TNFRSF17)
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYPMWVRQA PGKGLEWVSA 50
IGSGGSLPY ADIVKGRTTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARYW 100
PMDIWGGQTL VTVSSASTKG PSVFPLAPCS RSTSESTAAL GCLVKDYFPE 150
PVTYSNMSGAL LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVPPSN FGTQTYTCNV 200
DHKPSNTKVD KTVRKCEVE CPECPAPPA GPSVFLFPPK PKDTLMISRT 250
PEVTCVVAVV SHEDPEVQFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQF NSTFRVSVL 300
TVVHQDWLNG KEYKCKVSNK GLPSSIEKTI SKTKGQPREP QVYTLPPSRE 350
EMTKNQVSLT CEVKGFFPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTFP MLDSGDSFFL 400
YSKLTVDKSR WQQGNVFSCS VMHEALHNNH TQKSLSLSPG K 441

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-CD3E)
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS DYYMTWVRQA PGKGLEWVAF 50
IRNRARGYTS DHNPSVGRF TISRDNAKNS LYLQMNSLRA EDTAVYYCAR 100
DRPSYYVLDY WQGGTTVTVS SASTKGPSVF PLAPCSRSTS ESTAALGCLV 150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSNFGTQ 200
TYTCNVDPKPK SNTKVDKIVE RKCRVRCPRC PAPPVAGPSV FLFPPKPKDT 250
LMISRTPEVT CVVAVVSHED PEVQFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQFNSTF 300
RVVSVLTVVH QDWLNGKEYK CKVSNKGLPS SIEKTIKTK GPQPREPVYT 350
LPPSREEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPPEN YKTTTPMLDS 400
DGSFFLYSRL TVDKSRWQQG NVFSCSVME ALHNNHYTQKS LSLSPGK 447

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-TNFRSF17)
EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SSVLAWYQQK PGQAPRLMY 50
DASIRATGIP DRFGSGSGST DFTLTISRLE PEDFAVYYCQ QYQSWPLTFG 100
QGTKVEIKRT VAAPSVFI FP PSDEQLKSGT ASVCLLNPF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYLSSTL TSKADYEKH KVVACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGECC 215

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-CD3E)
DIVMTQSPDS LAVSLGERAT INCKSSQSLE NVRSRKNLYA WYQKPGQPP 50
KLLISWASTR ESGVPDRFSG SSGSTDFTLT ISSLQAEDVA VYCKQSYDL 100
FTFGSGTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVCL LNPFYPREAK 150
VQWVKDNLALQ SGNSQESVTE QDSKDSYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGECC 219

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 142-198 255-315 361-419
22"-98" 148"-204" 261"-321" 367"-425"
Intra-L (C23-C104) 22"-89" 135"-195"
23"-94" 139"-199"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 129-215' 135"-219"
Inter-H-H (h 4, h 8, h11) 217-223" 221-227" 224-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84: 291, 297"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 441, 447"

elunonavirum
elunonavir

dimethyl (3S,8S,9S,12S)-6-({4-[1-(difluoromethyl)-1H-pyrazol-3-yl]-2,6-difluorophenyl)methyl}-8-hydroxy-9-{{4-({2-[8-(oxetan-3-yl)-3,8-diazabicyclo[3.2.1]octan-3-yl]pyrimidin-5-yl)ethynyl}phenyl)methyl}-4,11-dioxo-3,12-bis(1,1,1-trifluoro-2-methylpropan-2-yl)-2,5,6,10,13-pentaazatetradecane-1,14-dioate
antiviral

éluonavir

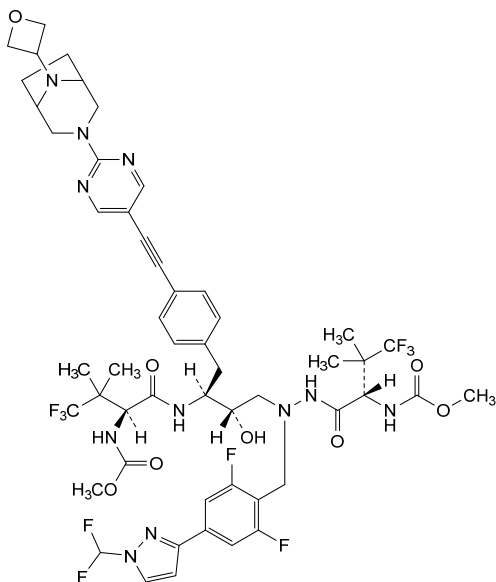
(3S,8S,9S,12S)-6-({4-[1-(difluorométhyl)-1H-pyrazol-3-yl]-2,6-difluorophényl)méthyl}-8-hydroxy-9-{{4-({2-[8-(oxétan-3-yl)-3,8-diazabicyclo[3.2.1]octan-3-yl]pyrimidin-5-yl)éthynyl}phényl)méthyl}-4,11-dioxo-3,12-bis(1,1,1-trifluoro-2-méthylpropan-2-yl)-2,5,6,10,13-pentaazatétradécane-1,14-dioate de diméthyle
antiviral

elunonavir

(3S,8S,9S,12S)-6-({4-[1-(difluorometil)-1H-pirazol-3-il]-2,6-difluorofenil}metil)-8-hidroxi-9-{{4-({2-[8-(oxetan-3-il)-3,8-diazabicyclo[3.2.1]octan-3-il]pirimidin-5-il)etinil}fenil}metil}-4,11-dioxo-3,12-bis(1,1,1-trifluoro-2-metilpropan-2-il)-2,5,6,10,13-pentaazatetradecano-1,14-dioato de dimetilo
antiviral

C₅₂H₅₉F₁₀N₁₁O₈

2242428-57-3

**emlenoflastum**

emlenoflast

N-[(1,2,3,5,6,7-hexahydro-*s*-indacen-4-yl)carbamoyl]-
1-(propan-2-yl)-1*H*-pyrazole-3-sulfonamide
non-steroidal anti-inflammatory

emlénoflast

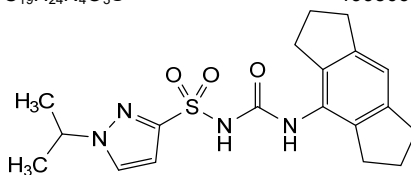
N-[(1,2,3,5,6,7-hexahydro-*s*-indacén-4-yl)carbamoyl]-
1-(propan-2-yl)-1*H*-pyrazole-3-sulfonamide
anti-inflammatoire non-stéroïdien

emlenoflast

N-[(1,2,3,5,6,7-hexahidro-*s*-indacen-4-il)carbamoi]-1-
(propan-2-il)-1*H*-pirazol-3-sulfonamida
antiinflamatorio no esteroide

C₁₉H₂₄N₄O₃S

1995067-59-8

**emraclidinum**

emraclidine

1-(2,4-dimethyl-5,7-dihydro-6*H*-pyrrolo[3,4-*b*]pyridin-6-
yl)-2-{1-[2-(trifluoromethyl)pyridin-4-yl]azetid-3-
yl}ethan-1-one
muscarinic M4 receptor positive allosteric modulator

emraclidine

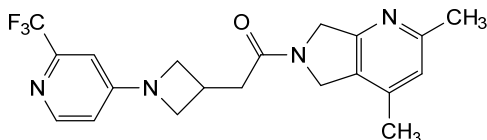
1-(2,4-diméthyl-5,7-dihydro-6*H*-pyrrolo[3,4-*b*]pyridin-6-
yl)-2-{1-[2-(trifluorométhyl)pyridin-4-yl]azétidin-3-
yl}éthan-1-one
*modulateur allostérique positif des récepteurs
muscariniques M4*

emraclidina

1-(2,4-dimetil-5,7-dihidro-6*H*-pirrolo[3,4-*b*]piridin-6-il)-2-{1-[2-(trifluorometil)piridin-4-il]azetidín-3-il}etan-1-ona
modulador alostérico positivo de los receptores muscarínicos M4

C₂₀H₂₁F₃N₄O

2170722-84-4

**ensomafuspum alfa #**

ensomafusp alfa

humanized immunoglobulin G1-kappa anti-(human B-lymphocyte antigen CD19) modified heterodimer where the heavy and light chain variable regions of one arm have been substituted by three subunits of human 4-1BB ligand (tumor necrosis factor ligand superfamily member 9, TNFSF9) with the following structural arrangement: human 4-1BB ligand fragment (71-248, 1-178 in the current sequence) fused via peptidyl linker ¹⁷⁹GGGGSGGGGS¹⁸⁸ to human 4-1BB ligand fragment (71-248, 189-366 in the current sequence), fused via peptidyl linker ³⁶⁷GGGGSGGGGS³⁷⁶ to immunoglobulin G1 kappa light chain constant region (377-483) variant (E³⁹²>R, Q³⁹³>K), which is linked to immunoglobulin G1 heavy chain constant region (484-710) variant (L⁴⁹⁷>A, L⁴⁹⁸>A, P⁵⁹²>G, S⁶¹⁷>C T⁶²⁹>W) and 483-291'-disulfide with human 4-1BB ligand fragment (71-248, 1'-178' in the current sequence) fused via peptidyl linker ¹⁷⁹GGGGSGGGGS¹⁸⁸ to the immunoglobulin G1 heavy chain constant region (189'-291') variant (K²¹⁸>E K²⁸⁴>E), heterodimer with humanized immunoglobulin G1 anti-(human CD19) heavy chain (1''-452'') variant (L²³⁸>A, L²³⁹>A, P³³³>G, Y³⁵³>C, T³⁷⁰>S, L³⁷²>A, Y⁴¹¹>V), (224''-219''')-disulfide with immunoglobulin G1 anti-(human CD19) kappa light chain (1'''-219'''), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa; fusion protein with three copies of an extracellular domain fragment of the human 4-1BB ligand (tumor necrosis factor ligand superfamily member 9, TNFSF9), replacing the heavy chain and light chain variable regions of one arm of a modified humanized anti-[CD19 (B-lymphocyte antigen CD19, B-lymphocyte surface antigen B4, T-cell surface antigen Leu-12)] immunoglobulin G1 (IgG1) kappa: 4-1BB ligand (71-248)-peptide (1-178) / (G₄S)₂ linker (179-188) / 4-1BB ligand (71-248)-peptide (189-366) / (G₄S)₂ linker (367-376) / IgG1 kappa light chain constant region (377-483) [*Homo sapiens* IGKC*01 (E³⁹²>R, Q³⁹³>K)] / IgG1 heavy chain constant region (484-710) [*Homo sapiens*IGHG1*01; hinge: 484-493; CH2: 494-603 (L⁴⁹⁷>A, L⁴⁹⁸>A, P⁵⁹²>G), CH3: 604-708 (S⁶¹⁷>C, T⁶²⁹>W); CHS: 709-710] fusion protein, (483-291')-disulfide with 4-1BB ligand (71-248)-peptide (1'-178') / (G₄S)₂ linker (179'-188') / IgG1 gamma-1 heavy chain constant region (189'-291') [*Homo sapiens*IGHG1*01; CH1: 189-286 (K²¹⁸>E, K²⁸⁴>E)] fusion protein; heterodimer (489-230'':492-233'':617-353''')-trisdissulfide with humanized anti-CD19 IgG1 heavy chain (1''-452'') [*Homo sapiens*IGHV1-2*02; *Homo sapiens*IGHJ4*01; *Homo sapiens*IGHG1*01; VH: 1-121; CH1: 122-219; hinge: 220-234; CH2: 235-344 (L²³⁸>A, L²³⁹>A, P³³³>G); CH3: 345-449 (Y³⁵³>C, T³⁷⁰>S, L³⁷²>A, Y⁴¹¹>V); CHS: 450-451; CDR Kabat H1: DYIMH (31-35); CDR Kabat H2: YINPYNDGSKYTEKFQG (50-66); CDR Kabat H3: GTYYYGPQLFDY (99-110)], (224''-219''')-disulfide with humanized anti-CD19 IgG1 kappa light chain (1'''-219''') [*Homo sapiens*IGKV2-29*02; *Homo sapiens*IGKJ2*01; *Homo sapiens*IGKC*01; VL: 1-112; CL: 113-219; CDR Kabat L1:

KSSQSLETSTGTTYLN (24-39); CDR Kabat L2: RVSKRFS (55-61); CDR Kabat L3: LQLEDPTY (94-102)], produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

ensomafusp alfa

hétérodimère modifié de l'immunoglobuline G1-kappa anti-(antigène de lymphocyte B humain CD19) humanisée dont les régions variables des chaînes lourdes et légères d'un bras ont été substituées par trois sous-unités du ligand 4-1BB humain (membre de la superfamille des ligands du facteur de nécrose tumorale 9, TNFSF9) avec l'arrangement structurel suivant: fragment du ligand 4-1BB humain (71-248, 1-178 dans la séquence actuelle) fusionné par l'intermédiaire de la liaison peptidique ¹⁷⁹GGGGSGGGGS¹⁸⁸ au fragment du ligand 4-1BB humain (71-248, 189-366 dans la séquence actuelle), fusionné par l'intermédiaire de la liaison peptidique ³⁶⁷GGGGSGGGGS³⁷⁶ au variant (377-483) de la région constante de la chaîne légère kappa de l'immunoglobuline G1 (E³⁹²>R, Q³⁹³>K), qui est lié au variant (484-710) de la région constante de la chaîne lourde de l'immunoglobuline G1 (L⁴⁹⁷>A, L⁴⁹⁸>A, P⁵⁹²>G, S⁶¹⁷>C T⁶²⁹>W) et 483-291'-disulfure avec le fragment du ligand 4-1BB humain (71-248, 1'-178' dans la séquence actuelle) fusionné par l'intermédiaire d'une liaison peptidique ¹⁷⁹GGGGSGGGGS¹⁸⁸ au variant (189'-291') de la région constante de la chaîne lourde de l'immunoglobuline G1 (K²¹⁸>E K²⁸⁴>E), hétérodimère avec le variant (1"-452") de l'immunoglobuline G1 humanisée anti-(CD19 humain) de la chaîne lourde (L²³⁸>A, L²³⁹>A, P³³³>G, Y³⁵³>C, T³⁷⁰>S, ³⁷²>A, Y⁴¹¹>V), disulfure (224"-219") avec la chaîne légère kappa de l'immunoglobuline G1 anti-(CD19 humain) (1""-219""), glycoforme alfa, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO); protéine de fusion avec trois copies d'un fragment du domaine extracellulaire du ligand 4-1BB humain (membre 9 de la superfamille des ligands du facteur de nécrose tumorale, TNFSF9) remplaçant les régions variables des chaînes lourdes et légères d'un bras de l'immunoglobuline G1 (IgG1) kappa humanisée modifiée anti-[CD19 (antigène CD19 des lymphocytes B, antigène B4 de surface des lymphocytes B, antigène Leu-12 de surface des lymphocytes T)]: protéine de fusion de peptide 71-248 du ligand 4-1BB (1-178) / peptide (G₄S)₂ de liaison (179-188) / peptide 71-248 du ligand 4-1BB (189-366) / peptide (G₄S)₂ de liaison (367-376) / région constante de la chaîne légère kappa de l'IgG1 (377-483) [*Homo sapiens* IGKC*01 (E³⁹²>R, Q³⁹³>K)] / région constante de la chaîne lourde de l'IgG1 [L⁴⁹⁷>A, L⁴⁹⁸>A, P⁵⁹²>G] (484-710), [*Homo sapiens* IGHG1*01; charnière: 484-493; CH2: 494-603 (L⁴⁹⁷>A, L⁴⁹⁸>A, P⁵⁹²>G), CH3: 604-708 (S⁶¹⁷>C, T⁶²⁹>W); CHS: 709-710] (483-291')-disulfure avec le peptide 71-248 du ligand 4-1BB (1'-178') / peptide (G₄S)₂ de liaison (179'-188') / région constante CH1 de la chaîne lourde gamma-1 de l'IgG1 (189'-291') [*Homo sapiens* IGHG1*01; CH1: 189-286 (K²¹⁸>E, K²⁸⁴>E)]; hétérodimère (489-230":492-233":617-353")-trisdysulfure avec la chaîne lourde de l'IgG1 anti-CD19 humanisée [L²³⁸>A, L²³⁹>A, P³³³>G] (1"-452") [*Homo sapiens* IGHV1-2*02; *Homo sapiens* IGHJ4*01; *Homo sapiens* IGHG1*01; VH: 1-121; CH1: 122-219; charnière: 220-234; CH2: 235-344 (L²³⁸>A, L²³⁹>A, P³³³>G); CH3: 345-449 (Y³⁵³>C, T³⁷⁰>S, L³⁷²>A, Y⁴¹¹>V); CHS: 450-451; CDR Kabat H1: DYIMH (31-35); CDR Kabat H2: YINPYNDGSKYTEKFQG (50-66); CDR Kabat H3: GTYYYPQLFDY (99-110)], (224"-219"")-disulfure avec la chaîne légère kappa de l'IgG1 anti-CD19 humanisée (1""-219"" [*Homo sapiens* IGKV2-29*02; *Homo sapiens* IGKJ2*01; *Homo sapiens* IGKC*01; VL: 1-112; CL: 113-219; CDR Kabat L1: KSSQSLETSTGTTYLN (24-39); CDR Kabat L2: RVSKRFS (55-61); CDR Kabat L3: LQLEDPTY (94-102)], produite dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

ensomafusp alfa

inmunoglobulina humana G1-kappa anti-(antígeno CD19 humano de linfocito B) heterodímero modificado donde las regiones variables de un brazo de la cadena pesada y ligera se sustituyen por 3 subunidades del ligando humano 4-1BB (miembro 9 de la superfamilia del ligando del factor de necrosis tumoral, TNFSF9) con la siguiente conformación estructural: fragmento del ligando humano 4-1BB (71-248, 1-178 en la secuencia actual) fusionado a través del enlace peptídico ¹⁷⁹GGGSGGGGS¹⁸⁸ al fragmento del ligando humano 4-1BB (71-248, 189-366 en la secuencia actual), fusionado a través de un enlace peptídico ³⁶⁷GGGSGGGGS³⁷⁶ a la región constante de la cadena ligera de la inmunoglobulina G1 kappa (377-483) variante (E³⁹²>R, Q³⁹³>K), que está unida a la región constante de la cadena pesada de la inmunoglobulina G1 (484-710) variante (L⁴⁹⁷>A, L⁴⁹⁸>A, P⁵⁹²>G, S⁶¹⁷>C T⁶²⁹>W) and 483-291'-disulfuro con fragmento del ligando humano 4-1BB (71-248, 1'-178' en la secuencia actual) fusionado a través del enlace peptídico ¹⁷⁹GGGSGGGGS¹⁸⁸ a la región constante de la cadena pesada de la inmunoglobulina G1 (189'-291') variante (K²¹⁸>E, K²⁸⁴>E), heterodímero con inmunoglobulina humanizada G1 anti-(CD19 humana) cadena pesada (1"-452") variante (L²³⁸>A, L²³⁹>A, P³³³>G, Y³⁵³>C, T³⁷⁰>S, L³⁷²>A, Y⁴¹¹>V), (224"-219'")-disulfuro con inmunoglobulina G1 anti-(CD19 humana) cadena ligera kappa (1'""-219'"), producida en células ováricas de hámster chino (CHO), glicoforma alfa; proteína de fusión con tres copias de un fragmento de dominio extracelular del ligando 4-1BB humano (miembro 9 de la superfamilia del ligando del factor de necrosis tumoral, TNFSF9) que reemplaza las regiones variables de cadenas pesadas y ligeras de un brazo de una inmunoglobulina G1 (IgG1) kappa anti-[CD19 (antígeno CD19 de linfocitos B, antígeno B4 de superficie de linfocitos B, antígeno Leu-12 de superficie de linfocitos T)] humana modificada: proteína de fusión de péptido 71-248 de ligando 4-1BB (1-178) / conector peptídico (G₄S)₂ (179-188) / péptido 71-248 de ligando 4-1BB (189-366) / conector peptídico (G₄S)₂ (367-376) / región constante de cadena ligera kappa de IgG1 (377-483) [*Homo sapiens* IGKC*01 (E³⁹²>R, Q³⁹³>K)] / región constante de cadena pesada de IgG1 [L⁴⁹⁷>A, L⁴⁹⁸>A, P⁵⁹²>G] (484-710), [*Homo sapiens* IGHG1*01; bisagra: 484-493; CH2: 494-603 (L⁴⁹⁷>A, L⁴⁹⁸>A, P⁵⁹²>G), CH3: 604-708 (S⁶¹⁷>C, T⁶²⁹>W); CHS: 709-710] (483-291')-disulfuro con la proteína de fusión de péptido 71-248 de ligando 4-1BB (1'-178') / conector peptídico (G₄S)₂ (179'-188') / región constante CH1 de cadena pesada de IgG1 (189'-291') [*Homo sapiens* IGHG1*01; CH1: 189-286 (K²¹⁸>E, K²⁸⁴>E)]; heterodímero (489-230'":492-233'":617-353'")-trisdifuro con la cadena pesada [L²³⁸>A, L²³⁹>A, P³³³>G] de IgG1 anti-CD19 humana (1"-452") [*Homo sapiens* IGHV1*02; *Homo sapiens* IGHJ4*01; *Homo sapiens* IGHG1*01; VH: 1-121; CH1: 122-219; bisagra: 220-234; CH2: 235-344 (L²³⁸>A, L²³⁹>A, P³³³>G); CH3: 345-449 (Y³⁵³>C, T³⁷⁰>S, L³⁷²>A, Y⁴¹¹>V); CHS: 450-451; CDR Kabat H1: DYIMH (31-35); CDR Kabat H2: YINPYNDGSKYTEKFQG (50-66); CDR Kabat H3: GTYYYGPQLFDY (99-110)], (224"-219'")-disulfuro con la cadena ligera kappa de IgG1 anti-CD19 humana (1'""-219'") [*Homo sapiens* IGKV2-29*02; *Homo sapiens* IGKJ2*01; *Homo sapiens* IGKC*01; VL: 1-112; CL: 113-219; CDR Kabat L1: KSSQSLETSTGTTYLN (24-39); CDR Kabat L2: RVSKRFS (55-61); CDR Kabat L3: LQLEDPYT (94-102)], producida en las células ováricas de hámster chino (CHO), glicoforma alfa *inmunomodulador, antineoplásico*

2417199-08-5

Heavy chains / Chaînes lourdes / Cadenas pesadas	
H: 4-1BBL / (G ₄ S) ₂ / 4-1BBL / (G ₄ S) ₂ / IgG1 κ-Fc / IgG1 γ-Fc	
REGPELSFDD PAGLLDLRQG MFAQLVAQNV LLIDGPLSWY SDPGLAGVSL	50
TGGLSYKEDT KELVVAKAGV YYVFFQLELR RVVAGEGSGS VSLALHLQPL	100
RSAGAAALA LTVDLFPASS EARNSAFGQ GRLLHLSAGQ RLGVHLHTEA	150
RARHAWQLTQ GATVVLGLFRV TPEIPAGLGG GSGSGSGSRE GPELSPDDPA	200
GLLDLRQGMF AQLVAQNVLG IDGFLSWYS D PGLAGVSLTG GLSYKEDTKE	250
LVVAKAGVYY VFFQLELRRV VAGEGSGSVS LALHLQPLRS AAGAAALALT	300
VDLPPASSEA RNSAFGQGR LLHLSAGQRL GVHLHTEARA RHAWQLTQGA	350
TVLGLFRVTP EIPAGLGGGG SGGGGSRTVA APSVFIFPPS DRKLKSGTAS	400
VVCLLNNFYP REAKVQMKVD NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSSTLT	450
SKADYEKHKV YACEVTHQGL SSPVTKSFNR GECDKTHCTP PCPAPFAAGG	500
PSVFLFPFPK KDTLMISRTPT EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA	550
KTQPREEQYN STYRVVSVLT VHLQDNLNGK EYKCKVSNKA LGAPIEKTI	600
KAKGQPREPQ VYTLPPCRDE LTKNQVSLTLC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP	650
ENNYKTTFPV LQSDGSGFFL SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT	700
QKSLSLSPGK	710

H ^u : anti-CD19	
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT DYIMHWVRQA PGQGLEWMGY	50
INPYNDGSKY TEKFQGRVTM TSDTSISTAY MELSLRLSDD TAVVYCARGT	100
YYYGPQLFDY WQGGTTVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTALGCLV	150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ	200
TYICNVNHKP SNTKVDKKEV PKSCDKTHCT PPCPAPFAAG GFSVFLFPFK	250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY	300
NSTYRVVSVL TVLHQDNLNG KEYKCKVSNK ALGAPIEKTI SKAKGQPREP	350
QVCTLPFSPRD ELTKNQVSLT CAVKGFYPSDI IAVEWESNGQ PENNYKTTFP	400
VLDSDGSGFFL VSKLTVDKSR WQQGNVFSCSV VMHEALHNHY TQKSLSLSPG	450
K	451

Light chains / Chaînes légères / Cadenas ligeras	
L: 4-1BBL / (G ₄ S) ₂ / IgG1 CH1	
REGPELSFDD PAGLLDLRQG MFAQLVAQNV LLIDGPLSWY SDPGLAGVSL	50
TGGLSYKEDT KELVVAKAGV YYVFFQLELR RVVAGEGSGS VSLALHLQPL	100
RSAGAAALA LTVDLFPASS EARNSAFGQ GRLLHLSAGQ RLGVHLHTEA	150
RARHAWQLTQ GATVVLGLFRV TPEIPAGLGG GSGSGSGSRS TKGPSVFPLA	200
PSSKSTSGGT AALGCLVEDY FPEPVTYSWN SGALTSGVHT FFAVLQSSGL	250
YLSLSSVTVTP SSSLGTQTYI CNVNHKPSNT KVDKVEPKS C	291

L ^u : anti-CD19	
DIVMTQTPLS LSVTPGQPAS ISCKSSQSLE TSTGTYYLNW YLQKPGQSPQ	50
LLIYRVSKRF SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YYCLQLLEDP	100
YTFGQQTGLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVCL LNNFYPREAK	150
VQMKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDYSTSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE	200
VTHQGLSSPV TKSFNREGC	219

Mutation sites / Sites de mutation / Posiciones de mutación	
H:	E392>R, Q393>K, L497>A, L498>A, P592>G, S617>C, T629>W
H ^u anti-CD19: L238">A, L239">A, P333">G, Y353">C, T370">S, L372">A, Y411">Y	
L:	K218>E, K284>E

Peptide linkers / Péptides liants / Péptidos de unión	
179	GGGSGGGGS 188 (1-10) 367 GGGSGGGGS 376 (1-10)
179'	GGGSGGGGS 188' (1-10)

Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H	403-463 524-584 630-688
Intra-H ^u	22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"
Intra-L'	215'-271'; Intra-L ^u 23"-93" 139"-199"
Inter-H-L'	483-291'; Inter-H ^u -L ^u 224"-219"; Inter-H-H ^u 489-230" 492-233" 617-353"

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación	
H CH2N84.4; N560, N301"	
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans	

enuzovimabum #
enuzovimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[severe acute
respiratory syndrome coronavirus 2 (SARS-CoV-2)
spike (S) glycoprotein, receptor binding domain
(RBD)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;

	gamma4 heavy chain <i>Homo sapiens</i> (1-445) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-53*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107)) (1-118)-<i>Homo sapiens</i> IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 (119-216), hinge 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 M15.1>Y (250), S16>T (252), T18>E (254) (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-214')-disulfide with kappa light chain <i>Homo sapiens</i> (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-12*01 (98.9%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (224-224'':227-227'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa <i>antiviral</i>
énuzovimab	immunoglobuline G4-kappa, anti-[domaine de liaison au récepteur (RBD) de la glycoprotéine spike (S) du coronavirus 2 du syndrome respiratoire aigu sévère (SARS-CoV-2)], anticorps monoclonal <i>Homo sapiens</i>; chaîne lourde gamma4 <i>Homo sapiens</i> (1-445) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-53*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107)) (1-118)-<i>Homo sapiens</i> IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 (119-216), charnière 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 M15.1>Y (250), S16>T (252), T18>E (254) (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa <i>Homo sapiens</i> (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-12*01 (98.9%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (224-224'':227-227'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa <i>antiviral</i>
enuzovimab	immunoglobulina G4-kappa, anti-[dominio de unión al receptor (RBD) de la glicoproteína spike (S) del coronavirus 2 del síndrome respiratorio agudo severo (SARS-CoV-2)], anticuerpo monoclonal <i>Homo sapiens</i>; cadena pesada gamma4 <i>Homo sapiens</i> (1-445) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-53*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107)) (1-118)-<i>Homo sapiens</i> IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 (119-216), bisagra 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 M15.1>Y (250), S16>T (252), T18>E (254) (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa <i>Homo sapiens</i> (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-12*01 (98.9%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (224-224'':227-227'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa <i>antiviral</i>

2531098-91-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LIQPGGSLRL SCAASGFTIV SNYMSWVRQA PGKGLEWVSI 50
IYSGGSTFYA DSVKGRFTIS RDNSKNTLYL QMNSLRVEDT AVYYCARDLQ 100
ELGSLDYWGQ GTLVTVSSAS TKGESVFPLA PCSRSSTEST AALGCLVKDY 150
FPEPTVTSWN SGALTSVGHV FFAVLQSSGL YSLSSVTVFP SSSLTGKTYT 200
CNVDHKPSNT KVDKRVESKY GPPCPFCFAP EFLGGPSVFL FPPKPKDTLY 250
ITREPEVTCV VVDVQSEDPE VQFNWYVDGV EVHNAKTKPR EQFNSTYRV 300
VSVLTVLHQD WLNQKEYKCK VSNKGLPSSI EKTISKAKGQ PREPQVTLFP 350
PSQEQEMTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPFVLDSDG 400
SFFLYSRLTV DKSRWQEGNV FSCSVMEAL HNHYTQKSL SLSLGR 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS VSASVGRDVT ITCRASQGIS SWLAWYQQKPK GKAPKLLIYA 50
ASSLQSGVPS RFGSGSGSTD FTLTISSLQP EDFATYYCQE ANSFYTFGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQMKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGECE 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-95 145-201 259-319 365-423
22"-95" 145"-201" 259"-319" 365"-423"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 132-214" 132"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 224-224" 227-227"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2N84.4; 295, 295"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 445, 445"

eragidomidum
eragidomide

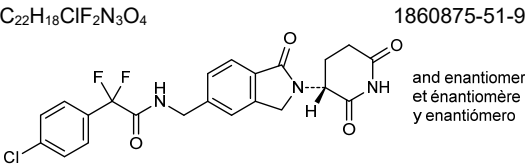
rac-2-(4-chlorophenyl)-*N*-({2-[(3*R*)-2,6-dioxopiperidin-3-yl]-1-oxo-2,3-dihydro-1*H*-isoindol-5-yl}methyl)-2,2-difluoroacetamide
antineoplastic

éragidomide

rac-2-(4-chlorophényl)-*N*-({2-[(3*R*)-2,6-dioxopipéridin-3-yl]-1-oxo-2,3-dihydro-1*H*-isoindol-5-yl}méthyl)-2,2-difluoroacétamide
antineoplasique

eragidomida

rac-2-(4-clorofenil)-*N*-({2-[(3*R*)-2,6-dioxopiperidin-3-il]-1-oxo-2,3-dihidro-1*H*-isoindol-5-il}metil)-2,2-difluoroacetamida
antineoplásico



ersemadromcelum
ersemadromcel

autologous mesenchymal progenitor cells prepared from subcutaneous adipose tissue of patients with osteoarthritis (40-75 years old), collected by liposuction. The adipose tissue is digested and the released cells placed in culture medium containing insulin-transferrin-selenium, recombinant human basic fibroblast growth factor (bFGF), and recombinant human epidermal growth factor (EGF). The cells are frozen, resuscitated and culture expanded to around passage 4-5. The cells express mesenchymal progenitor cell marker CD73, CD90, and CD105 (>95%) and

do not express human leukocyte antigen (HLA) DR, CD14, and CD45 (<2%). The cells are capable to differentiate into chondroblasts under standard *in vitro* tissue culture-differentiating conditions and demonstrate the inhibitory effect of mesenchymal progenitor cells on the proliferation of T lymphocytes.
cell therapy (tissue regeneration)

ersémadromcel

cellules progénitrices mésenchymateuses autologues préparées à partir du tissu adipeux sous-cutané de patients atteints d'arthrose (40-75 ans), prélevé par liposuccion. Le tissu adipeux est digéré et les cellules libérées sont placées dans un milieu de culture contenant de l'insuline-transferrine-sélénium, du facteur de croissance basique des fibroblastes (bFGF) humain recombinant et du facteur de croissance épidermique (EGF) humain recombinant. Les cellules sont congelées, réanimées et mises en culture d'amplification jusqu'au passage 4-5 environ. Les cellules expriment les marqueurs de cellules progénitrices mésenchymateuses CD73, CD90 et CD105 (>95%) et n'expriment pas l'antigène leucocytaire humain (HLA) DR, CD14 et CD45 (<2%). Les cellules sont capables de se différencier en chondroblastes dans des conditions standard de différenciation de culture tissulaire *in vitro* et démontrent l'effet inhibiteur des progéniteurs mésenchymateux sur la prolifération des lymphocytes T.
thérapie cellulaire (régénération tissulaire)

ersemadromcel

células progenitoras mesenquimales autólogas preparadas a partir de tejido adiposo subcutáneo de pacientes con osteoartritis (entre 40-75 años de edad), recogido mediante liposuccion. El tejido adiposo se digiere, y las células liberadas se ponen en medio de cultivo que contiene insulina-transferrina-selenio, factor básico de crecimiento de fibroblastos (bFGF) humano recombinante, y factor de crecimiento epidérmico (EGF) humano recombinante. Las células se congelan, se resucitan y se expanden en cultivo hasta aproximadamente 4-5 pases. Las células expresan los marcadores de células progenitoras mesenquimales CD73, CD90 y CD105 (> 95%) y no expresan el antígeno leucocitario humano (HLA) DR, CD14 y CD45 (< 2%). Las células son capaces de diferenciarse en condroblastos bajo condiciones de cultivo estándar para diferenciación *in vitro* y demuestran el efecto inhibitor de las células progenitoras mesenquimales en la proliferación de linfocitos T.
terapia celular (regeneración tisular)

escibenzolinum

escibenzoline

(-)-2-[(1*S*)-2,2-diphenylcyclopropyl]-4,5-dihydro-1*H*-imidazole
antiarrhythmic

escibenzoline

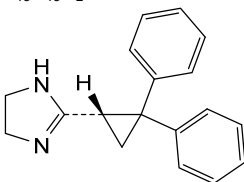
(-)-2-[(1*S*)-2,2-diphénylcyclopropyl]-4,5-dihydro-1*H*-imidazole
antiarythmique

escibenzolina

(-)-2-[(1*S*)-2,2-difenilciclopropil]-4,5-dihidro-1*H*-imidazol
antiarrítmico

C₁₈H₁₈N₂

103419-18-7



etuvetidigenum autotemcelum #

etuvetidigene autotemcel

autologous CD34+ hematopoietic stem and progenitor cells (HSPC), obtained from bone marrow or mobilised peripheral blood. The cells are transduced *ex vivo* with a self-inactivating (SIN), replication-incompetent human immunodeficiency virus 1 (HIV-1) based lentiviral vector encoding the Wiskott-Aldrich syndrome (WAS) protein under the control of the human WAS gene 1.6 kb promoter. The vector is pseudotyped with the vesicular stomatitis virus (VSV) envelope glycoprotein. The vector genome also contains a mutated Woodchuck hepatitis virus post-transcriptional regulatory element (WPRE), a fragment of the HIV-1 *gag*, the HIV-1 Rev response element (RRE), the HIV-1 central polypurine tract (cPPT) and a fragment of *nef*. The CD34+ cell population corresponds to an heterogeneous population of stem and progenitor cells, some expressing the CD90 and/or CD133 markers.
cell-based gene therapy (Wiskott Aldrich syndrome)

étuvétidigène autotemcel

cellules souches et progénitrices hématopoïétiques CD34+ autologues (HSPC), obtenues à partir de moelle osseuse ou de sang périphérique mobilisé. Les cellules sont transduites *ex vivo* avec un vecteur lentiviral auto-inactif (SIN), basé sur le virus de l'immunodéficience humaine de type 1 (VIH-1), incompetent à la réplication, codant la protéine du syndrome de Wiskott-Aldrich (WAS) sous le contrôle d'un promoteur de 1,6 kb du gène WAS. Le vecteur est pseudotypé avec la glycoprotéine d'enveloppe du virus de la stomatite vésiculeuse (VSV). Le génome du vecteur contient également un élément régulateur post-transcriptionnel Woodchuck (WPRE) du virus de l'hépatite muté, un fragment du *gag* du VIH-1, l'élément de réponse post-transcriptionnel (RRE) du VIH-1 et le tractus de polypurine central (cPPT) du VIH-1, ainsi qu'un fragment de *nef*. La population de cellules CD34+ correspond à une population hétérogène de cellules souches et progénitrices, certaines exprimant les marqueurs CD90 et/ou CD133.
thérapie génique à base de cellules (syndrome de Wiskott-Aldrich)

etuvetidigén autotemcel

células madre y progenitoras hematopoyéticas (HSPC) CD34+, autólogas, obtenidas de médula ósea o movilizadas de sangre periférica. Las células se transducen *ex vivo* con un vector lentiviral basado en virus de inmunodeficiencia humana del tipo 1 (VIH-1), auto inactivante (SIN) y incompetente en replicación, que codifica para la proteína del síndrome de Wiskott-Aldrich (WAS) bajo el control de un promotor de 1,6 kb del gene WAS humano. El vector está seudotipado con la glicoproteína de la envuelta del virus de la estomatitis vesicular (VSV). El genoma del vector también contiene un elemento regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE) mutado, un fragmento de *gag* del VIH-1, un elemento de respuesta post-transcripcional (RRE) del VIH-1 y un tramo central de poli-purina (cPPT) de VIH-1, así como un fragmento de *nef*. La población de células CD34+ corresponde en una población de células madre y progenitoras, algunas expressando los marcadores CD90 y/o CD133.
terapia génica basada en células (síndrome de Wiskott-Aldrich)

evexomostat

evexomostat

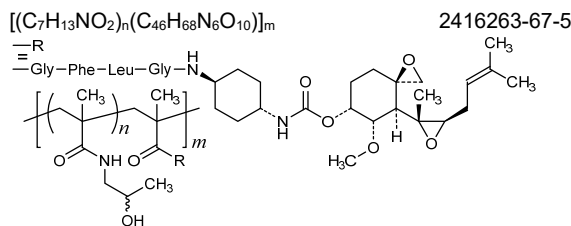
poly([N-[(2*RS*)-2-hydroxypropyl]methacrylamide]-co-[N-methacryloylglycyl-L-phenylalanyl-L-leucyl-N¹-(*trans*-4-[[[(3*R*,4*S*,5*S*,6*R*)-5-methoxy-4-[(2*R*,3*R*)-2-methyl-3-(3-methylbut-2-en-1-yl)oxiran-2-yl]-1-oxaspiro[2.5]octan-6-yl]oxy)carbonyl]amino)cyclohexyl]glycinamide (~0.91:0.09 x)); poly([N-(2-hydroxypropyl)methacrylamide]-co-{methacryloyl-Gly-Phe-Leu-Gly amide with O-[(*trans*-4-aminocyclohexyl)carbamoyl]fumagillol})
methionine aminopeptidase 2 (MetAP2) inhibitor

évexomostat

poly([N-[(2*RS*)-2-hydroxypropyl]méthacrylamide]-co-[N-méthacryloylglycyl-L-phénylalanyl-L-leucyl-N¹-(*trans*-4-[[[(3*R*,4*S*,5*S*,6*R*)-5-méthoxy-4-[(2*R*,3*R*)-2-méthyl-3-(3-méthylbut-2-én-1-yl)oxiran-2-yl]-1-oxaspiro[2.5]octan-6-yl]oxy)carbonyl]amino)cyclohexyl]glycinamide (~0,91:0,09 x)); poly([N-(2-hydroxypropyl)méthacrylamide]-co-{méthacryloyl-Gly-Phé-Leu-Gly amide avec O-[(*trans*-4-aminocyclohexyl)carbamoyl]fumagillol})
inhibiteur de la méthionine aminopeptidase 2 (MetAP2)

evexomostat

poli([N-[(2*RS*)-2-hidroxiopropil]metacrilamida]-co-[N-metacriloilglicil-L-fenilalanil-L-leucil-N¹-(*trans*-4-[[[(3*R*,4*S*,5*S*,6*R*)-4-[(2*R*,3*R*)-2-metil-3-(3-metilbut-2-en-1-il)oxiran-2-il]-5-metoxi-1-oxaspiro[2.5]octan-6-il]oxi)carbonil]amino)ciclohexil]glicinamida (~0,91:0,09 x)); poli([N-(2-hidroxiopropil)metacrilamida]-co-{metacriloil-Gli-Fen-Leu-Gli amida con O-[(*trans*-4-aminociclohexil)carbamoil]fumagillol})
inhibidor de la metionina aminopeptidasa 2 (MetAP2)

**evifacotrepum**

evifacotrep

4-chloro-5-{4-[4-fluoro-2-(trifluoromethyl)phenoxy]-5,8-dihydropyrido[3,4-d]pyrimidin-7(6*H*)-yl}pyridazin-3(2*H*)-one
short transient receptor potential channel 5 (TRPC5) antagonist

évifacotrep

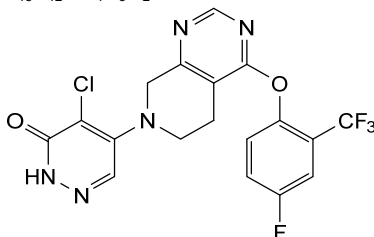
4-chloro-5-{4-[4-fluoro-2-(trifluorométhyl)phénoxy]-5,8-dihydropyrido[3,4-d]pyrimidin-7(6*H*)-yl}pyridazin-3(2*H*)-one
agent bloquant les canaux perméables aux cations de type 5 (TRPC5)

evifacotrep

4-cloro-5-{4-[4-fluoro-2-(trifluorometil)fenoxi]-5,8-dihidropirido[3,4-d]pirimidin-7(6*H*)-il}piridazin-3(2*H*)-ona
antagonista de los canales permeables de los cationes de tipo 5 de potencial de receptor transitorio corto (TRPC5)

C₁₈H₁₂ClF₄N₅O₂

2413739-88-3

**evixapodlinum**

evixapodlin

(1²S,12²S)-6²,7²-dichloro-5³,8⁶-dimethoxy-3,10-diaza-5,8(2,5)-dipyrazina-1,12(2)-dipyrrolidina-6,7(1,3)-dibenzénadodécaphane-1⁵,12⁵-dione
programmed cell death ligand 1 (PD-L1) inhibitor

évixapodline

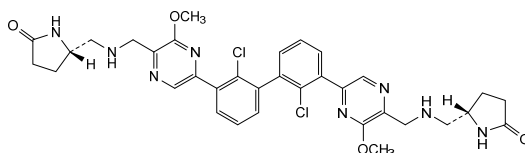
(1²S,12²S)-6²,7²-dichloro-5³,8⁶-diméthoxy-3,10-diaza-5,8(2,5)-dipirazina-1,12(2)-dipyrrolidina-6,7(1,3)-dibenzénadodécaphane-1⁵,12⁵-dione
inhibiteur du ligand 1 de mort cellulaire programmée (PD-L1)

evixapodlina

(1²S,12²S)-6²,7²-dicloro-5³,8⁶-dimetoxi-3,10-diaza-5,8(2,5)-dipirazina-1,12(2)-dipirrolidina-6,7(1,3)-dibencenadodecafanano-1⁵,12⁵-diona
inhibidor del ligando 1 de la muerte programada (PD-L1)

C₃₄H₃₆Cl₂N₈O₄

2374856-75-2

**evoncabtagenumpazurgedleucelum #**

evoncabtagenumpazurgedleucelum

allogeneic T cells obtained from peripheral blood by leukapheresis, genetically modified by CRISPR/Cas9 (clustered regularly interspaced short palindromic repeats/CRISPR-associated protein 9) mediated gene editing consisting of two guide RNAs (gRNAs) introduced transiently as CAS9-gRNA ribonucleoprotein (RNP) complex for the targeted disruption of the T cell receptor alpha chain constant (TRAC) and β2 microglobulin (B2M) loci and insertion of an anti-CD19 chimeric antigen receptor (CAR) transgene into the TRAC locus via an adeno-associated virus serotype 6 (AAV6) vector. The CAR is composed of a humanized single-chain variable fragment (scFv) derived from the murine antibody FMC63 targeting CD19, followed by a CD8 hinge and transmembrane region, a CD28 co-stimulatory domain and a CD3ζ signalling domain. Expression of the CAR is driven by the elongation factor 1 alpha (EF-1α) promoter and is terminated by a synthetic polyadenylation sequence. The CD19 expression cassette is flanked by two TRAC homology arms guiding the expression cassette to the TRAC locus. The T cells are cultured in the presence of growth medium containing

interleukin 2 (IL-2) and 7 (IL-7) and are $\geq 30\%$ CAR+ T cells, $\leq 0.5\%$ TCR+ and $\leq 30\%$ B2M+.
cell-based gene therapy (antineoplastic)

évoncabtagène pazurgedleucel

lymphocytes T allogéniques obtenus à partir de sang périphérique par leucaphérèse, génétiquement modifiés par édition génique médiée par CRISPR/Cas9 (courtes répétitions palindromiques groupées et régulièrement espacées / protéine 9 associée à CRISPR), consistant de deux guides ARN (ARNg) introduits transitoirement sous forme de complexe ribonucléoprotéique CAS9-ARNg pour la rupture ciblée des loci de la partie constante de la chaîne alpha du récepteur des lymphocytes T (TRAC) et de la $\beta 2$ microglobuline (B2M), et l'insertion d'un transgène du récepteur antigénique chimérique (CAR) anti-CD19 dans le locus TRAC via un vecteur du virus adéno-associé de sérotype 6 (AAV6). Le CAR est composé d'un fragment variable à chaîne unique humanisé (scFv) dérivé de l'anticorps murin FMC63 ciblant CD19, suivi d'une charnière CD8 et d'une région transmembranaire, d'un domaine costimulateur CD28 et d'un domaine de signalisation CD3 ζ . L'expression du CAR est dirigée par le promoteur du facteur d'elongation 1 alpha (EF-1 α) et terminée par une séquence de polyadénylation synthétique. La cassette d'expression CD19 est flanquée de deux bras d'homologie TRAC guidant la cassette d'expression vers le locus TRAC. Les lymphocytes T sont cultivés en présence de milieu de croissance contenant de l'interleukine 2 (IL-2) et 7 (IL-7) et sont $\geq 30\%$ des lymphocytes CAR+ T, $\leq 0,5\%$ de TCR+ et $\leq 30\%$ de B2M+.
thérapie génique à base de cellules (antineoplasique)

evoncabtagén pazurgedleucel

linfocitos T alogénicos obtenidos de sangre periférica mediante leucaféresis, modificados genéticamente por edición génica mediada por CRISPR/Cas9 (repeticiones palindrómicas cortas agrupadas y espaciadas regularmente / proteína asociada a CRISPR 9) que consta de dos ARNs guía (ARNg) introducidos de forma transitoria como un complejo de ribonucleoproteína (RNP) de Cas9-ARNg para la ruptura dirigida de los loci de la cadena constante alfa del receptor del linfocito T (TRAC) y de la $\beta 2$ microglobulina (B2M) y la inserción del transgen para un receptor de antígeno quimérico (CAR) anti-CD19 en el locus TRAC por medio de un vector de virus adenoasociado de serotipo 6 (AAV6). El CAR está compuesto por un fragmento de cadena variable sencilla (scFV) humanizado, derivado del anticuerpo murino FMC63 dirigido frente a CD19, seguido de una región bisagra y transmembrana de CD8, un dominio coestimulador de CD28 y un dominio de señalización de CD3 ζ . La expresión del CAR está dirigida por el promotor del factor de elongación 1 alfa (EF-1 α) y terminada por una secuencia de poliadenilación sintética. El casete de expresión de CD19 está flanqueado por dos brazos homólogos de TRAC que guían el casete de expresión al locus TRAC. Los linfocitos T se cultivan en presencia de medio de crecimiento que contiene interleukina 2 (IL-2) y 7 (IL-7) y son $\geq 30\%$ linfocitos T CAR+, $\leq 0,5\%$ TCR+ y $\leq 30\%$ B2M+.
terapia génica basada en células (antineoplásico)

exidavnemabum #

exidavnemab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* SNCA (synuclein alpha, PARK1, PARK4, Parkinson disease (autosomal dominant, Lewy body) 4, synuclein alpha (non A4 component of amyloid precursor))], monoclonal antibody;
 gamma4 heavy chain (1-444) [VH (*Homo sapiens*IGHV4-4*08 (79.4%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (85.7%), CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107)) (1-118)-*Homo sapiens*IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (119-216), hinge 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS K2>del (444)) (119-444)], (132-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus*IGKV1-117*01 (89.0%) -IGKJ4*01 (91.7%) S120>Q (105)/*Homo sapiens*IGKV2-28*01 (85.0%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102)) (1'-112') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (224-224":227-227")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-K1SV cell line lacking the glutamine synthetase gene (GS-KO), glycoform alfa
antiparkinsonian

exidavnémab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* SNCA (synucléine alpha, alpha-synucléine, PARK1, PARK4, maladie de Parkinson (autosomique dominante, corps de Lewy) 4, synucléine alpha (composant non A4 du précurseur amyloïde))], anticorps monoclonal;
 chaîne lourde gamma4 (1-444) [VH (*Homo sapiens*IGHV4-4*08 (79.4%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (85.7%), CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107)) (1-118)-*Homo sapiens*IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (119-216), charnière 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS K2>del (444)) (119-444)], (132-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus*IGKV1-117*01 (89.0%) -IGKJ4*01 (91.7%) S120>Q (105)/*Homo sapiens*IGKV2-28*01 (85.0%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102)) (1'-112') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (224-224":227-227")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1SV ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa
antiparkinson

exidavnemab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* SNCA (sinucleína alfa, alfa-sinucleína, PARK1, PARK4, enfermedad de Parkinson (autosómico dominante, cuerpo de Lewy) 4, sinucleína alfa (componente no A4 del precursor amieloide))], anticuerpo monoclonal;
 cadena pesada gamma4 (1-444) [VH (*Homo sapiens*IGHV4-4*08 (79.4%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (85.7%), CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107)) (1-118)-*Homo sapiens*IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (119-216), bisagra 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS K2>del (444)) (119-444)], (132-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus*IGKV1-117*01 (89.0%) -IGKJ4*01 (91.7%) S120>Q (105)/*Homo sapiens*IGKV2-28*01 (85.0%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102)) (1'-112') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (224-224":227-227")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1SV en ausencia del gen glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa
antiparkinsoniano

2438229-02-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLQESGPG LVKPSSETLSL TCTVSGFSLT SYGVHWIRQP PGKGLEWIGV 50
IWRGGSTDYS AAFMSRLTIS KDTSKNQVSL KLSSTVAADT AVYYCAKLLR 100
SVGGFADWGQ GTMTVTSSAS TKGPSVFPLA PCSRSTSEST AALGCLVKDY 150
FPPEPTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTKTYT 200
CNVDHKPSNT KVDKRVESKY GPCCPPCPAP EFLGGPSVFL FFPKPKDTLM 250
ISRTPEVTCV VVDVSQEDPE VQFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQFNSTYRV 300
VSVLTVLHQD WLNGKEYKCK VSNKGLPSSI EKTISKAKGQ PREPQVYTLF 350
PSQEEMTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
SFFLYSRLTV DKSRWQEGNV FSCSVMEAL HHNYTQKSL SLSLG 444

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVMTQSPLS LPVTPGEPAS ISCRSSQTIV HNNGNTYLEW YLQKPGQSPQ 50
LLIYKVSNNR SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEADVG VYCFQGSHPV 100
FTFGQGTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVEL LNNFYPREAK 150
VQMKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDYSTSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC 219

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22°-95' 145°-201' 259°-319' 365°-423'
22°-95" 145°-201" 259°-319" 365°-423"
Intra-L (C23-C104) 23°-93' 139°-199'
23°-93" 139°-199"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 132°-219' 132°-219"
Inter-H-H (h 8, h 11) 224°-224" 227°-227"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
H V H Q 1 > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl): 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 295, 295"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados.

ezurpimtrostatum
ezurpimtrostat

4-[4-(*tert*-butylamino)piperidin-1-yl]-N-[(4-chlorophenyl)methyl]quinolin-2-amine
palmitoyl protein thioesterase 1 (PPT-1) inhibitor

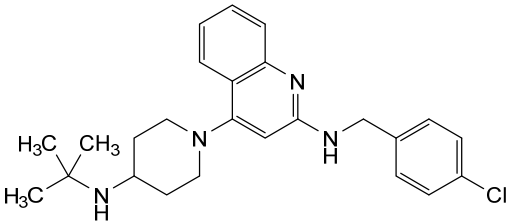
ézurpimtrostat

4-[4-(*tert*-butylamino)pipéridin-1-yl]-N-[(4-chlorophényl)méthyl]quinoléin-2-amine
inhibiteur de la palmitoyle protéine thioestérase 1 (PPT-1)

ezurpimtrostat

4-[4-(*tert*-butilamino)piperidin-1-il]-N-[(4-clorofenil)metil]quinolein-2-amina
inhibidor de la palmitoil proteina tioesterasa 1 (PPT-1)

C₂₅H₃₁ClN₄ 1914148-72-3



famitinibum
famitinib

5-[2-(diethylamino)ethyl]-2-[(Z)-(5-fluoro-2-oxo-1,2-dihydro-3H-indol-3-ylidene)methyl]-3-methyl-1,5,6,7-tetrahydro-4H-pyrrolo[3,2-c]pyridin-4-one
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

famitinib

5-[2-(diéthylamino)éthyl]-2-[(Z)-(5-fluoro-2-oxo-1,2-dihydro-3H-indol-3-ylidène)méthyl]-3-méthyl-1,5,6,7-tétrahydro-4H-pyrrolo[3,2-c]pyridin-4-one
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

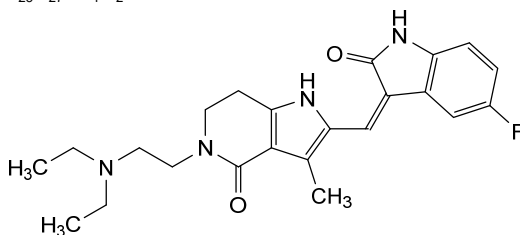
famitinib

5-[2-(diethylamino)etil]-2-[(Z)-(5-fluoro-2-oxo-1,2-dihydro-3H-indol-3-ylideno)metil]-3-metil-1,5,6,7-tetrahydro-4H-pirrol[3,2-c]piridin-4-ona

inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

$C_{23}H_{27}FN_4O_2$

1044040-56-3



farletuzumabum ecteribulinum

farletuzumab ecteribulin

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLR1 (folate receptor 1, folate receptor alpha, FR-alpha, adult folate-binding protein, FBP, ovarian tumor-associated antigen MOv18)], humanized monoclonal antibody, conjugated to *eribulin* via a cleavable linker;

gamma1 heavy chain humanized (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*03 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>P (114), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-217')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-217') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-13*02 (81.2%) -IGKJ2*01 (91.7%) L124>V (107), CDR-IMGT [7.3.11] (27-33.51-53.90-100)) (1'-110') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (156), V101 (194) (111'-217')]; dimer (228-228'':231-231'')-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1SV cell line, glycoform alfa; substituted at an average of four S atoms of cysteine residues (reduced inter-chain disulfide bonds) with (3RS)-1-[(6S,9S)-1-amino-6-[(4-[[[(2S)-2-hydroxy-3-[(1²S,1³S,1⁴R,1⁵R,3²R,3⁴R,-3⁶S,6²S,6⁵S,9²S,9^{3a}R,9^{4a}R,9⁵S,9^{5a}S,9⁷R,9^{9a}S,9^{10a}R,9^{10b}S)-1⁴-methoxy-3⁴-methyl-3³,6³-bis(methylidene)-11-oxo-9-decahydro-9³H-9(2,7)-(2,5-epoxyfuro[2',3':4,5]furo[3,2-b]pyrano[2,3-e]pyrana)-3(2,6)-oxana-1(2,3),6(2,5)-bis(oxolana)cyclododecaphan-1⁵-yl]propyl]carbamoyl]oxy)methyl]phenyl]carbamoyl]-1,8,11-trioxo-9-(propan-2-yl)-14,17-dioxa-2,7,10-triazanonadecan-19-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl (*ecteribulin*) groups

tubulin binder, antineoplastic

farlétuzumab ectéribuline

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLR1 (récepteur 1 du folate, récepteur alpha du folate, FR-alpha, protéine de l'adulte liant le folate, FBP, antigène MOv18 associé à des tumeurs ovariennes)], anticorps monoclonal humanisé, conjugué à l'*eribuline* via un linker clivable;

chaîne lourde gamma1 humanisée (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*03 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>P (114), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-217')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-217')

farletuzumab ecteribulina

[V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-13*02 (81.2%) - IGKJ2*01 (91.7%) L124>V (107), CDR-IMGT [7.3.11] (27-33.51-53.90-100)) (1'-110') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (156), V101 (194) (111'-217'))]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1SV, glycoforme alfa; substitué à une moyenne de quatre atomes S de résidus cystéine (liaisons disulfure inter-chaînes réduites) par des groupes (3RS)-1-[(6S,9S)-1-amino-6-[(4-[[[(2S)-2-hydroxy-3-[(1²S,1³S,1⁴R,1⁵R,-3²R,3⁴R,3⁶S,6⁵S,6⁵S,9²S,9^{3a}R,9^{4a}R,9⁵S,9^{5a}S,9⁷R,9^{9a}S,9^{10a}R,9^{10b}S)-1⁴-méthoxy-3⁴-méthyl-3³,6³-bis(méthylidène)-11-oxo-9-décahydro-9³H-9(2,7)-(2,5-époxyfuro[2',3':4,5]furo[3,2-b]pyrano[2,3-e]pyrana)-3(2,6)-oxana-1(2,3),6(2,5)-bis(oxolana)cyclododécaphan-1⁵-yl]propyl}carbamoil)oxy]méthyl]phényl)carbamoil]-1,8,11-trioxo-9-(propan-2-yl)-14,17-dioxa-2,7,10-triazanonadécan-19-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle (*ectéribuline*)
ligand de la tubuline, antinéoplasique

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLR1 (receptor 1 de folato, receptor alfa de folato, FR-alfa, proteína de adulto de unión al folato, FBP, antígeno MOv18 asociado a los tumores ováricos)], anticuerpo monoclonal humanizado, conjugado con la *eribulina*, mediante un conector escindible; cadena pesada gamma1 humanizada (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-30*03 (83.5%) -(IGHD)-IGHJ6*01 (90.9%) T123>P (114), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-217')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-217') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-13*02 (81.2%) -IGKJ2*01 (91.7%) L124>V (107), CDR-IMGT [7.3.11] (27-33.51-53.90-100)) (1'-110') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (156), V101 (194) (111'-217'))]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1SV, forma glicosilada alfa; sustituido en un promedio de cuatro átomos de S de residuos de cisteína (enlaces disulfuro intercatenarios reducidos) con grupos (3RS)-1-[(6S,9S)-1-amino-6-[(4-[[[(2S)-2-hidroxi-3-[(1²S,1³S,1⁴R,1⁵R,-3²R,3⁴R,3⁶S,6⁵S,6⁵S,9²S,9^{3a}R,9^{4a}R,9⁵S,9^{5a}S,9⁷R,9^{9a}S,9^{10a}R,9^{10b}S)-3⁴-metil-3³,6³-bis(metilideno)-1⁴-metoxi-11-oxo-9-decahidro-9³H-9(2,7)-(2,5-epoxifuro[2',3':4,5]furo[3,2-b]pirano[2,3-e]pirana)-3(2,6)-oxana-1(2,3),6(2,5)-bis(oxolana)ciclododecafan-1⁵-il]propil}carbamoil)oxi]metil]fenil)carbamoil]-1,8,11-trioxo-9-(propan-2-il)-14,17-dioxa-2,7,10-triazanonadecan-19-il]-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo (*ectéribulina*)
ligando de tubulina, antineoplásico

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG VVQPGKSLRL SCSASGFTFS GYGLSWVRQA PGKGLEWVAM 50
ISSGGSTYY ADSVKGRFAI SRDNAKNTLF LQMDSLRPED TGVYFCARHG 100
DDPAWFAYWG QGTPVTYSSA STKGPSVFLP AFSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTYVW NSGALTSGVH TFPVILQSSG LYSLSSTVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDKKEVEK SCDKTHCTCP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTPF VTCVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVSVLTV LHQDNLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLFPSRDEL TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSQVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449

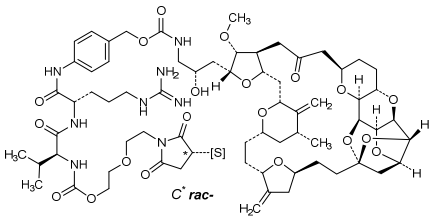
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQLTQSPSS LSASVGRDVT ITCVSSSSIS SNNLHWYQQK PGKAPKFWIY 50
GTSNLASGVP SRFSGSGSGT DYTFTISSLQ PEDIATYYCQ QWSSYPYMYT 100
FGQGTKVEIK RTVAAPSVEI FPPSDEQLKS GTASVVCLLN NFYPREAKVQ 150
WKVDNALQSG NSQESVTEQD SKDSTYSLSS TLTLKADYE HKKVYACEVT 200
HQGLSSPYTK SFNRGEC 217

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427
22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427"
Intra-L (C23-C104) 23-89" 137-197"
23"-89" 137"-197"
Inter-H-L (h 5-CL 126)* 222-217" 222"-217"
Inter-H-H (h 11, h 14)* 228-228" 231-231"
*At least two of the four inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 4 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker. *Au moins deux des quatre ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 4 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif. *Al menos dos de los cuatro puentes disulfuro inter-catenarios no estan presentes, una media de 4 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:299,299"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:449,449"

Conjugation sites / Sites de conjugaison / Posiciones de conjugación
~4.0 esteribulin groups/mAb at the S atoms of Cys of reduced intermolecular S-S bonds /
~4.0 esteribulin groups/mAb at the S atoms of Cys of reduced intermolecular S-S bonds /
~4.0 grupos esteribulina/mAb en los átomos S de Cys de puentes reducidos intermoleculares S-S:



farudodstatum
farudodstat

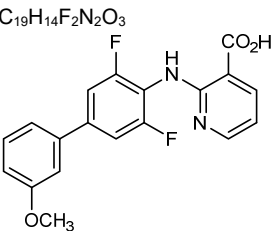
2-[(3,5-difluoro-3'-methoxy[1,1'-biphenyl]-4-yl)amino]pyridine-3-carboxylic acid
dihydroorotate dehydrogenase (DHODH) inhibitor

farudodstat

acide 2-[(3,5-difluoro-3'-méthoxy[1,1'-biphényl]-4-yl)amino]pyridine-3-carboxylique
inhibiteur de la dihydroorotate déshydrogénase (DHODH)

farudodstat

ácido 2-[(3,5-difluoro-3'-metoxi[1,1'-bifenil]-4-il)amino]piridina-3-carboxílico
inhibidor de la dihidroorotato deshidrogenasa (DHODH)



1035688-66-4

fazolemeranum #

fazolemeran

messenger RNA (mRNA), 5' capped, encoding human vascular endothelial growth factor A (vascular permeability factor (VPF)), isoform 165 (VEGF165, VEGF-A₁₆₅), further optimized by two additional stop codons, flanked by an artificial 5' untranslated region (UTR) and a 3' UTR derived from the human alpha globin gene (HBA1) and a 3' poly(A) tail; contains *N*¹-methylpseudouridine instead of uridine (*all-U>m¹ψ*).
messenger RNA encoding vascular endothelial growth factor

fazuléméran

ARN messenger (ARNm), protégé d'une coiffe en 5', codant le facteur de croissance endothélial vasculaire A humain (facteur de perméabilité vasculaire (VPF)), isoforme 165 (VEGF165, VEGF- A₁₆₅), optimisé davantage par l'ajout de deux codons stop, flanqué d'une région non traduite (UTR) en 5' artificielle et d'une UTR en 3' dérivée du gène de l'alpha-globine humaine (HBA1) et d'une queue poly(A) en 3'; contient de la *N*¹-méthylpseudouridine au lieu de l'uridine (*all-U>m¹ψ*).
ARN messenger codant pour le facteur de croissance de l'endothélium vasculaire

fazolemerán

ARN mensajero (ARNm), protegido en 5', que codifica para el factor de crecimiento del endotelio vascular A humano (factor de permeabilidad vascular (VPF)), isoforma 165 (VEGF165, VEGF-A₁₆₅), optimizado mediante dos codones de terminación adicionales, flanqueado por un región 5' no traducida (UTR) artificial y una UTR en 3' derivada del gen de la globina alfa humana (HBA1) y una cola poly(A) en 3'; contiene *N*¹-methylpseudouridina en lugar de uridina (*all-U>m¹ψ*).
ARN mensajero que codifica par el factor de crecimiento endotelial vascular

2417174-26-4

fidasimtamabum #

fidasimtamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD1, PD-1, CD279)] and anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (epidermal growth factor receptor 2, receptor tyrosine-protein kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], *Homo sapiens* and humanized monoclonal antibody, bispecific; gamma1 heavy chain *Homo sapiens* anti-PDCD1 (1-450) [VH anti-PDCD1 (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1(CH1 K120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361), T22>L (369), D84.2>R (402) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfide with

- kappa light chain *Homo sapiens* anti-PDCD1 (1'-214') [V-KAPPA anti-PDCD1 (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
- gamma1 heavy chain humanized anti-ERBB2 (1"-450") [VH anti-ERBB2 (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1"-120") -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1(CH1 K120 (217) (121"-218"), hinge 1-15 (219"-233"), CH2 (234"-343"), CH3 L7>E (354), D12 (359), L14 (361), Y86>L (410), K88>V (412) (344"-448"), CHS (449"-450")) (121"-450")], (223"-214'")-disulfide with kappa light chain humanized anti-ERBB2 (1'"-214'") [V-KAPPA anti-ERBB2 (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'"-107'") -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'"-214'")]; dimer (229-229":232-232'")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-K1SV cell line lacking the glutamine synthetase gene (GSKO), glycoform alfa immunomodulator, antineoplastic
- fidasimtamab immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD1, PD-1, CD279)] et anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (récepteur tyrosine-protéine kinase erbB-2, récepteur pour les facteurs de croissance, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticorps monoclonal *Homo sapiens* et humanisé, bispécifique; chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* anti-PDCD1 (1-450) [VH anti-PDCD1 (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1(CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361), T22>L (369), D84.2>R (402) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* anti-PDCD1 (1'-214') [V-KAPPA anti-PDCD1 (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; chaîne lourde gamma1 humanisée anti-ERBB2 (1"-450") [VH anti-ERBB2 (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1"-120") -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1(CH1 K120 (217) (121"-218"), charnière 1-15 (219"-233"), CH2 (234"-343"), CH3 L7>E (354), D12 (359), L14 (361), Y86>L (410), K88>V (412) (344"-448"), CHS (449"-450")) (121"-450")], (223"-214'")-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée anti-ERBB2 (1'"-214'") [V-KAPPA anti-ERBB2 (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'"-107'") -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'"-214'")]; dimère (229-229":232-232'")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1SV ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GSKO), glycoforme alfa immunomodulateur, antinéoplasique
- fidasimtamab inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD1, PD-1, CD279)] y anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (receptor tirosina-proteína kinasa erbB-2, receptor para los factores de crecimiento, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens* y humanizado, biespecífico; cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* anti-PDCD1 (1-450) [VH anti-PDCD1 (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1(CH1 K120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361), T22>L (369), D84.2>R (402) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfuro con la cadena

ligera kappa *Homo sapiens* anti-PDCD1 (1'-214') [V-KAPPA anti-PDCD1 (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 cadena pesada gamma1 humanizada anti-ERBB2 (1"-450") [VH anti-ERBB2 (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1"-120") -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1(CH1 K120 (217) (121"-218"), bisagra 1-15 (219"-233"), CH2 (234"-343"), CH3 L7>E (354), D12 (359), L14 (361), Y86>L (410), K88>V (412) (344"-448"), CHS (449"-450")) (121"-450")], (223"-214'")-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada anti-ERBB2 (1'"-214'") [V-KAPPA anti-ERBB2 (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'"-107'") -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'"-214'")]; dímero (229-229"-232-232'")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1SV en ausencia del gen glutamina sintetasa (GSKO), forma glicosilada alfa *inmunomodulador, antineoplásico*

2377419-89-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-PDCD1)

```

QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGGTFS STAISLVRQA PGQGLEWMGG 50
IWPSFGTASY AQKFGQGRVTI TADESTSTAY MELSSLRSED TAVYCARAE 100
YSSGTGIFDYW QGGTLVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTHCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTPEVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLVHQLWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSRDE LTKNQVSLLC LVKGFYPSDI AVEWESNQGP ENNYKTTTPV 400
LRSDGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450

```

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-ERBB2)

```

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFNIK DTYIHWVRQA PGKGLEWVAR 50
IYPTNGYTRY ADSVKGRFTI SADTSKNTAY LQMNSLRSED TAVYCSRWG 100
GDGFGYAMDYW QGGTLVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTHCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTPEVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLVHQLWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTEPPSRDE LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNQGP ENNYKTTTPV 400
LSDSGSFFEL SVLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-PDCD1)

```

DIQMTQSPSS VSASVGDRTV ITCRASQGIS SWLAWYQQKP GKAPKLLISA 50
ASSLQSGVPS RFGSGRSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ ANHLPTFGG 100
GTRVEIKRTV AAPSVEIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNFEY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-ERBB2)

```

DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCRASQDVN TAVAWYQQKP GKAPKLLIYS 50
ASFLYSGVPS RFGSGRSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ HYTPPTFGG 100
GTRVEIKRTV AAPSVEIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNFEY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147'-203" 264'-324" 370'-428"

22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194"

23"-88'" 134'"-194'"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223'-214" 223"-214'"

Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

H VH Q1> pyroglutamy (pE, 5-oxoprolyl): 1

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2:450, 450"

firolimogenum autotemcelum #
firolimogene autotemcel

autologous CD34+ cells isolated from bone marrow of newly diagnosed X-linked severe combined immunodeficiency (X-SCID) patients, transduced *ex vivo* with a self-inactivating lentiviral vector, encoding codon-optimized human interleukin-2 receptor subunit gamma (IL2RG) also known as common gamma chain (γ_c), driven by a short version of the EF1 α promoter. The vector contains human immunodeficiency virus (HIV) central polypurine tract sequences, the HIV Rev response element (RRE) and is flanked by HIV long terminal repeats. The vector also contains a 400bp insulator fragment from the chicken beta-globin locus inserted into the deleted U3 region of the HIV long terminal repeat followed by a polyadenylation sequence derived from the rabbit beta-globin gene.
cell-based gene therapy (immunodeficiency)

firolimogène autotemcel

cellules CD34+ autologues isolées de la moelle osseuse de patients atteints d'un déficit immunitaire combiné sévère lié à l'X (X-SCID) récemment diagnostiqué, transduites *ex vivo* avec un vecteur lentiviral auto-inactivant, codant la sous-unité gamma du récepteur de l'interleukine 2 humaine aux codons optimisés (IL2RG) aussi connue comme la chaîne gamma commune (γ_c), exprimée par une version courte du promoteur EF1 α . Le vecteur contient des séquences du tractus de polypurine central du virus de l'immunodéficience humaine (VIH), des éléments de réponse Rev (RRE) du VIH et est flanqué par des répétitions terminales longues du VIH. Le vecteur contient aussi un fragment isolant de 400pb provenant du locus de la bêta-globine de poulet inséré dans la région U3 supprimée des répétitions terminales longues du VIH suivi d'une séquence de polyadénylation dérivée du gène de la bêta-globine de lapin.
thérapie génique à base de cellules (carence immunitaire)

firolimogén autotemcel

células autólogas CD34+ aisladas de médula ósea de pacientes diagnosticados recientemente de inmunodeficiencia combinada severa ligada al cromosoma X (X-SCID), transducidas *ex vivo* con un vector lentiviral auto inactivante, que codifica para la subunidad gamma del receptor de la interleukina 2 humana (IL2RG) también conocida como cadena gamma (γ_c), con codones optimizados, dirigido por una versión corta del promotor EF1 α . El vector contiene un segmento central de poli-purina del virus de inmunodeficiencia humana (VIH), el elemento de respuesta Rev (RRE) del VIH y está flanqueado por las repeticiones terminales largas del VIH. El vector también contiene un fragmento aislante de 400 pb del locus de la b-globina de pollo insertado en la región delecionada U3 de la repetición terminal larga del VIH, seguido de una secuencia de poliadenilación derivada del gen de la beta-globina de conejo.
terapia génica basada en células (inmunodeficiencia)

flumbatinib

flumbatinib

4-[(4-methylpiperazin-1-yl)methyl]-N-(6-methyl-5-[[4-(pyridin-3-yl)pyrimidin-2-yl]amino]pyridin-3-yl)-3-(trifluoromethyl)benzamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

flumbatinib

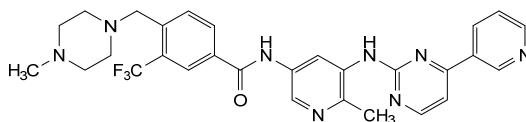
4-[(4-méthylpipérazin-1-yl)méthyl]-N-(6-méthyl-5-[[4-(pyridin-3-yl)pyrimidin-2-yl]amino]pyridin-3-yl)-3-(trifluorométhyl)benzamide
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

flumbatinib

4-[(4-metilpiperazin-1-il)metil]-N-(6-metil-5-[[4-(piridin-3-il)pirimidin-2-il]amino]piridin-3-il)-3-(trifluorometil)benzamida
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₂₉H₂₉F₃N₈O

895519-90-1

**fobrepodacinum**

fobrepodacin

2-(5-{2-[(ethylcarbamoyl)amino]-6-fluoro-7-[(2*R*)-oxolan-2-yl]-1*H*-benzimidazol-5-yl}pyrimidin-2-yl)propan-2-yl dihydrogen phosphate
antibacterial

fobrépodacine

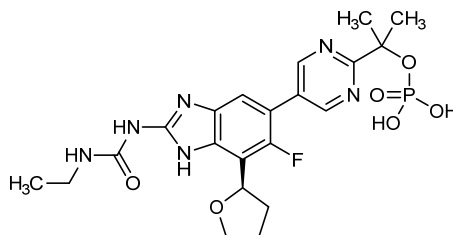
dihydrogénophosphate de 2-(5-{2-[(éthylcarbamoyl)amino]-6-fluoro-7-[(2*R*)-oxolan-2-yl]-1*H*-benzimidazol-5-yl}pyrimidin-2-yl)propan-2-yle
antibactérien

fobrepodacina

dihidrogenofosfato de 2-(5-{2-[(etilcarbamoil)amino]-6-fluoro-7-[(2*R*)-oxolan-2-il]-1*H*-benzimidazol-5-il}pirimidin-2-il)propan-2-ilo
antibacteriano

C₂₁H₂₆FN₆O₆P

1384984-31-9

**fosgonimetonum**

fosgonimeton

N-hexanoyl-O-phosphono-L-tyrosyl-N¹-(6-amino-6-oxohexyl)-L-isoleucinamide
hepatocyte growth factor receptor agonist

fosgoniméton

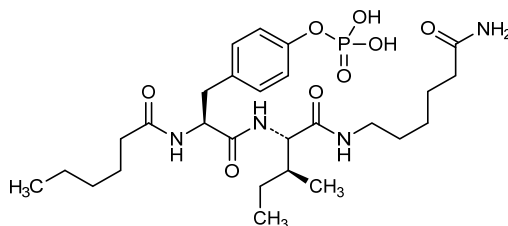
N-hexanoyl-O-phosphono-L-tyrosyl-N¹-(6-amino-6-oxohexyl)-L-isoleucinamide
agoniste des récepteurs du facteur de croissance des hépatocytes

fosgonimetón

N-hexanoil-*O*-fosfono-*L*-tirosil-*N*'-(6-amino-6-oxohexil)-*L*-isoleucinamida
agonista del receptor del factor de crecimiento de los hepatocitos

C₂₇H₄₅N₄O₈P

2093305-05-4

**fostroxacitabinum bralpamidum**

fostroxacitabine bralpamide

(2*S*)-pentan-2-yl *N*-[*(S)*-{[(2*S*,4*S*)-4-(4-amino-2-oxopyrimidin-1(2*H*)-yl)-1,3-dioxolan-2-yl]methoxy}(4-bromophenoxy)phosphoryl]-*L*-alaninate
antineoplastic

fostroxacitabine bralpamide

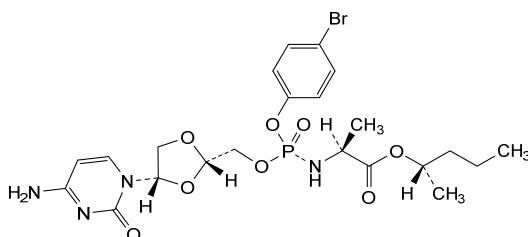
N-[*(S)*-{[(2*S*,4*S*)-4-(4-amino-2-oxopyrimidin-1(2*H*)-yl)-1,3-dioxolan-2-yl]méthoxy}(4-bromophénoxy)phosphoryl]-*L*-alaninate de (2*S*)-pentan-2-yle
antineoplasique

fostroxacitabina bralpamida

N-[*(S)*-{[(2*S*,4*S*)-4-(4-amino-2-oxopirimidin-1(2*H*)-il)-1,3-dioxolan-2-il]metoxi}(4-bromofenoxi)fosforil]-*L*-alaninato de (2*S*)-pentan-2-ilo
antineoplásico

C₂₂H₃₀BrN₄O₈P

2129993-56-0

**frenlosirsenum**

frenlosirsén

all-P-ambo-2'-*O*,4'-*C*-[(1*S*)-ethane-1,1-diyl]-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-[(1*S*)-ethane-1,1-diyl]-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-[(1*S*)-ethane-1,1-diyl]-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-[(1*S*)-ethane-1,1-diyl]guanosine
interferon regulatory factor 4 (IRF4) synthesis reducer,
antineoplastic

frenlosirsén

tout-P-ambo-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-P-thioguanilyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]guanosine

réducteur de la synthèse du facteur 4 de régulation de l'interféron (IRF4), antinéoplasique

frenlosirsén

todo-P-ambo-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-P-tioguanilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioguanilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]guanosine

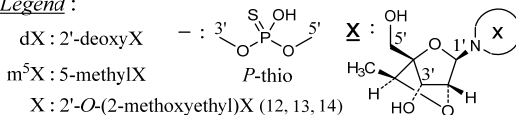
reductor de la síntesis de factor 4 regulador del interferón (IRF4), antineoplásico

C₁₇₇H₂₂₆N₆₃O₈₉P₁₅S₁₅

2304711-81-5

(3'→5')(P-thio)[A-G-d(T-T-G-T-A-A-A-T-G)-A-G-m⁵U-m⁵C-G]
 1 3 12 14 16

Legend :

fuzuloparibum
fuzuloparib

4-({4-fluoro-3-[2-(trifluorométhyl)-5,6-dihydro[1,2,4]triazolo[1,5-a]pyrazine-7(8H)-carbonyl]phényl)méthyl}phthalazin-1(2H)-one
poly (ADP-ribose) polymerase (PARP) inhibitor, antineoplastic

fuzuloparib

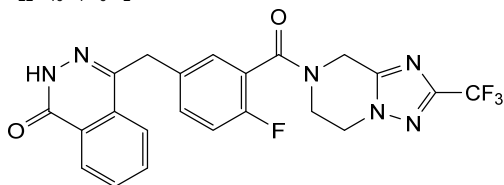
4-({4-fluoro-3-[2-(trifluorométhyl)-5,6-dihydro[1,2,4]triazolo[1,5-a]pyrazine-7(8H)-carbonyl]phényl)méthyl}phthalazin-1(2H)-one
inhibiteur de la PARP (poly-ADP-ribose-polymérase), antinéoplasique

fuzuloparib

4-({4-fluoro-3-[2-(trifluorometil)-5,6-dihidro[1,2,4]triazolo[1,5-a]pirazina-7(8H)-carbonil]fenil}metil}ftalazin-1(2H)-ona
inhibidor de la PARP (poli-ADP-ribosa polimerasa), antineoplásico

C₂₂H₁₆F₄N₆O₂

1358715-18-0



gadoquatranum
gadoquatrane

rac-[({μ₄-2,2',2'',2'''',2''''-[(2*R*,16*E*)-3,6,12,15-tetraoxo-1κO³:2κO¹⁵-9,9-bis[(2-[(2*E*)-2-[4,7,10-tris(carboxy-3κ³O⁴,O⁷,O¹⁰:4κ³O⁴,O⁷,O¹⁰-methyl)-1,4,7,10-tetraazacyclododecan-1-yl-3κ⁴N¹,N⁴,N⁷,N¹⁰:4κ⁴N¹,N⁴,N⁷,N¹⁰]-propanamido-3κO:4κO}acetamido)methyl]-4,7,11,14-tetraazaheptadecane-2,16-diyl}bis(1,4,7,10-tetraazacyclododecane-10,1,4,7-tetrayl-1κ⁴N¹,N⁴,N⁷,N¹⁰:2κ⁴N¹,N⁴,N⁷,N¹⁰)]hexaacetato-1κ³O¹,O⁴,O⁷:2κ³O¹,O⁴,O⁷}(12-)]tetragadolinium *diagnostic imaging agent*

gadoquatrane

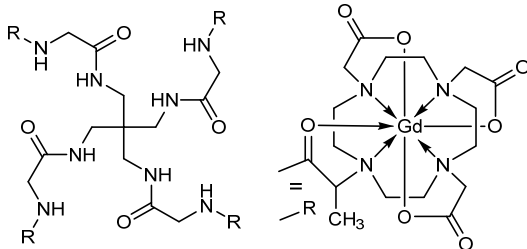
rac-[({μ₄-2,2',2'',2'''',2''''-[(2*R*,16*E*)-3,6,12,15-tetraoxo-1κO³:2κO¹⁵-9,9-bis[(2-[(2*E*)-2-[4,7,10-tris(carboxy-3κ³O⁴,O⁷,O¹⁰:4κ³O⁴,O⁷,O¹⁰-méthyl)-1,4,7,10-tétraazacyclododécane-1-yl-3κ⁴N¹,N⁴,N⁷,N¹⁰:4κ⁴N¹,N⁴,N⁷,N¹⁰]-propanamido-3κO:4κO}acétamido)méthyl]-4,7,11,14-tétraazaheptadécane-2,16-diyl}bis(1,4,7,10-tétraazacyclododécane-10,1,4,7-tétrayl-1κ⁴N¹,N⁴,N⁷,N¹⁰:2κ⁴N¹,N⁴,N⁷,N¹⁰)]hexaacétato-1κ³O¹,O⁴,O⁷:2κ³O¹,O⁴,O⁷}(12-)]tétragadolinium *agent de diagnostic*

gadocuatrano

rac-[({μ₄-2,2',2'',2'''',2''''-[(2*R*,16*E*)-3,6,12,15-tetraoxo-1κO³:2κO¹⁵-9,9-bis[(2-[(2*E*)-2-[4,7,10-tris(carboxy-3κ³O⁴,O⁷,O¹⁰:4κ³O⁴,O⁷,O¹⁰-metil)-1,4,7,10-tetraazacyclododecan-1-il-3κ⁴N¹,N⁴,N⁷,N¹⁰:4κ⁴N¹,N⁴,N⁷,N¹⁰]-propanamido-3κO:4κO}acetamido)metil]-4,7,11,14-tetraazaheptadecano-2,16-diil}bis(1,4,7,10-tetraazacyclododecano-10,1,4,7-tetrayl-1κ⁴N¹,N⁴,N⁷,N¹⁰:2κ⁴N¹,N⁴,N⁷,N¹⁰)]hexaacetato-1κ³O¹,O⁴,O⁷:2κ³O¹,O⁴,O⁷}(12-)]tetragadolínio *agente de diagnóstico*

C₈₁H₁₂₈Gd₄N₂₄O₃₂

2048221-65-2



galegenimabum #
galegenimab

immunoglobulin Fab G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* HTRA1 (HtrA serine peptidase 1, protease serine 11 (IGF binding), PRSS11, IGFBP5-protease, ARMD7)], humanized monoclonal antibody;
VH-(CH1-hinge) gamma1 heavy chain humanized (1-223) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (77.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -CH1-hinge (*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17 (CH1 K120 (216) (120-217), hinge 1-7 (218-223)) (120-223)], (222-213')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (84.2%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [5.3.9] (27-31.49-51.88-96)) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')], produced in the bacteria *Escherichia coli* (*E. coli*), non-glycosylated
human serine protease (HTRA1) inhibitor

galégénimab

immunoglobuline Fab G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* HTRA1 (HtrA sérine peptidase 1, sérine protéase 11 (se liant à l'IGF), PRSS11, protéase IGFBP5, ARMD7)], anticorps monoclonal humanisé;
VH-(CH1-charnière) chaîne lourde gamma1 humanisée (1-223) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (77.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -CH1-charnière (*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17 (CH1 K120 (216) (120-217), charnière 1-7 (218-223)) (120-223)], (222-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (84.2%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [5.3.9] (27-31.49-51.88-96)) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')], produit dans la bactérie *Escherichia coli* (*E. coli*), non-glycosylé
inhibiteur de la sérine-protéase humaine (HTRA1)

galegenimab

immunoglobulina Fab G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* HTRA1 (HtrA serina peptidasa 1, serina proteasa 11 (de unión al IGF), PRSS11, proteasa IGFBP5, ARMD7)], anticuerpo monoclonal humanizado;
VH-(CH1-bisagra) cadena pesada gamma1 humanizada (1-223) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (77.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -CH1-bisagra (*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17 (CH1 K120 (216) (120-217), bisagra 1-7 (218-223)) (120-223)], (222-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (84.2%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [5.3.9] (27-31.49-51.88-96)) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')], producido en la bacteria *Escherichia coli* (*E. coli*), no glicosilado
inhibidor de la serina proteasa humana (HTRA1)

2403683-24-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYKET DSEMHVVRQA PGQGLEWIGG 50
VDPETEGAAY NQKFKGRATI TRDTSTSTAY LELSSLRSED TAVYYCTRGY 100
DYDYALDYWG QCTLVTVSSA STKGFSVFEL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPTVTSW NSGALTSGVH TTPAVLQSSG LYSLSVVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDKKEPK SCD 223

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCRASSSVE FIHWYQQKPG KAPKPLISAT 50
SNLASGVPSR FSGSGSGTDF TLTISLLQFE DFATYYCQQW SSAPWTFGGQ 100
TKVEIKRTVA APSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLLNFPY REAKVQWRVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYLSSTLTLL SKADYEKHKV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFNR GEC 213

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202
Intra-L (C23-C104) 23'-87' 133'-193'
Inter-H-L (h5-CL 126) 222-213'

No N-glycosylation sites / pas de site de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación

gartisertibum

gartisertib

2-amino-6-fluoro-*N*-(5-fluoro-4-{4-[4-(oxetan-3-yl)piperazine-1-carbonyl]piperidin-1-yl}pyridin-3-yl)pyrazolo[1,5-*a*]pyrimidine-3-carboxamide
serine/ threonine kinase inhibitor, antineoplastic

gartisertib

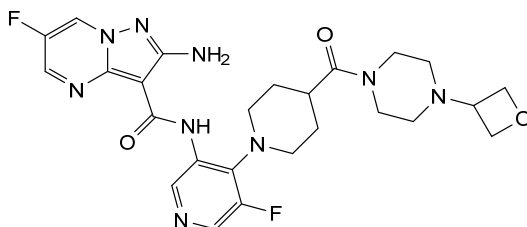
2-amino-6-fluoro-*N*-(5-fluoro-4-{4-[4-(oxétan-3-yl)pipérazine-1-carbonyl]pipéridin-1-yl}pyridin-3-yl)pyrazolo[1,5-*a*]pyrimidine-3-carboxamide
inhibiteur de sérine/ thréonine kinase, antinéoplasique

gartisertib

2-amino-6-fluoro-*N*-(5-fluoro-4-{4-[4-(oxetan-3-il)piperazina-1-carbonil]piperidin-1-il}piridin-3-il)pirazolo[1,5-*a*]pirimidina-3-carboxamida
inhibidor de serina/ treonina kinasa, antineoplásico

C₂₅H₂₉F₂N₉O₃

1613191-99-3

**gemnelatinibum**

gemnelatinib

(3*R*)-2⁵-fluoro-3,8¹-dimethyl-2⁶-oxo-2⁶*H*-6-oxa-5(2,5)-pyrimidina-1(2),2(3,1)-dipyridina-8(4)-piperidina-4(1,3)-benzenaoctaphane-1⁴-carbonitrile
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

gemnélatinib

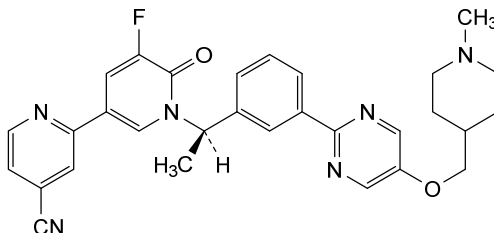
(3*R*)-2⁵-fluoro-3,8¹-diméthyl-2⁶-oxo-2⁶*H*-6-oxa-5(2,5)-pyrimidina-1(2),2(3,1)-dipyridina-8(4)-pipéridina-4(1,3)-benzénaoctaphane-1⁴-carbonitrile
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

gemnelatinib

(3*R*)-2⁵-fluoro-3,8¹-dimetil-2⁶-oxo-2⁶*H*-6-oxa-5(2,5)-pirimidina-1(2),2(3,1)-dipiridina-8(4)-piperidina-4(1,3)-bencenaoctafano-1⁴-carbonitrilo
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₃₀H₂₉FN₆O₂

2225123-30-6



ginisortamabum #

ginisortamab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* GREM1 (gremlin 1 DAN family BMP antagonist, cystine knot protein superfamily 1 BMP antagonist 1, CKTSF1B1, hereditary mixed polyposis syndrome, HMPS)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113))] (1-124)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (125-222), hinge 1-12 S10>P (232) (223-234), CH2 (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (125-451)], (138-219')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (97.0%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [12.3.8] (27-38.56-58.95-102)) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-DG44 cell line, glycoform alfa
antineoplastic

ginisortamab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* GREM1 (gremlina 1 antagoniste BMP de la famille DAN, antagoniste 1 BMP de la superfamille 1 des protéines à nœud cystine, CKTSF1B1, syndrome de polypose mixte héréditaire, HMPS)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde gamma4 *Homo sapiens* (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113))] (1-124)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (125-222), charnière 1-12 S10>P (232) (223-234), CH2 (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (125-451)], (138-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (97.0%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [12.3.8] (27-38.56-58.95-102)) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa
antineoplasique

ginisortamab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* GREM1 (gremlina 1 antagonista BMP de la familia DAN, antagonista 1 BMP de la superfamilia 1 de las proteínas del nodo cistina, CKTSF1B1, síndrome de poliposis mixta hereditaria, HMPS)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma4 *Homo sapiens* (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113))] (1-124)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (125-222), bisagra 1-12 S10>P (232) (223-234), CH2 (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (125-451)], (138-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (97.0%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [12.3.8] (27-38.56-58.95-102)) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa
antineoplásico

2390147-17-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVESGAE VKKPGATVKI SKCVSGYTFI DYYMHWVQQA PGKGLEWMGL 50
VDPEDGETIY AEKFGGRVTI TADTSTDTAY MELSSLRSRD TAVYCATDA 100
RSGSGSYYPNH FDYWGQQLTV TVSSASTKGP SVFPLAPCSR STSESTAALG 150
CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSLS SVVTVPSSSL 200
GTKTYTCNVD HKPSNTKVDK RVESKYGPFC PPCPAPEFLG GPSVFLFPFK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SQEDPEVQFN WYVDGVEVHN AKTKPREQF 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK GLPSSIEKTI SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSQE EMTKNQVSLT CLVKGFPYSD IAVWESENGQ PENNYKTTTP 400
VLDSDGSFFL YSRLTVDKSR WQEGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSLG 450
K 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVMTQSPDS LAVSLGERAT INCKSSQSVL YSSNNKNYLA WYQQKPGQPP 50
KLLIYWASTR ESGVPDRFSG SGGSTDTFTLT INSLQAEQDA VYFCQQYYDT 100
PTFGQGRLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCV LNNFYPREAK 150
VQMKVDNALQ SGNQSQESVTE QDSKSDSTYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 151-207 265-325 371-429
22"-96" 151"-207" 265"-325" 371"-429"
Intra-L (C23-C104) 23"-94" 139"-199"
23"-94" 139"-199"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 138-219 138"-219"
Inter-H-H (h 8, h 11) 230-230" 233-233"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
H VH Q1> pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl); 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2N84.4: 301, 301"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Supresión de la lisina C-terminal:
H CHS K2: 451, 451"

golidocitinibum
golidocitinib

(2*R*)-*N*-(3-{2-[(3-methoxy-1-methyl-1*H*-pyrazol-4-yl)amino]pyrimidin-4-yl}-1*H*-indol-7-yl)-2-(4-methylpiperazin-1-yl)propanamide
Janus kinase inhibitor, antineoplastic

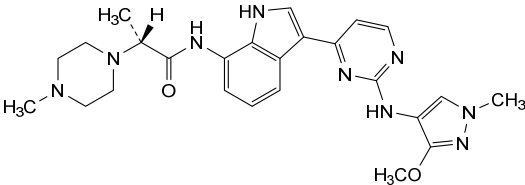
golidocitinib

(2*R*)-*N*-(3-{2-[(3-méthoxy-1-méthyl-1*H*-pyrazol-4-yl)amino]pyrimidin-4-yl}-1*H*-indol-7-yl)-2-(4-méthylpipérazin-1-yl)propanamide
inhibiteur de la kinase de Janus, antinéoplasique

golidocitinib

(2*R*)-*N*-(3-{2-[(1-metil-3-metoxi-1*H*-pirazol-4-il)amino]pirimidin-4-il}-1*H*-indol-7-il)-2-(4-metilpiperazin-1-il)propanamida
inhibidor de la kinasa de Janus, antineoplásico

C₂₅H₃₁N₉O₂ 2091134-68-6



gresonitamabum #
gresonitamab

immunoglobulin scFv-scFv-scFc, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (SFTPJ, surfactant associated protein J) isoform 2, extracellular domain 1 (EC1)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3e, CD3 epsilon)], single chain monoclonal antibody, bispecific;

IG single chain scFv-scFv-scFc, anti-CLDN18 and anti-CD3E (1-990) [scFv-VH-V-KAPPA anti-CLDN18 (1-248) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.18] (25-33.51-58.97-114))] (1-125) -15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (126-140) -V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (94.7%) -IGKJ5*01 (91.7%) Q120>C (240), CDR-IMGT [6.3.9] (167-172.190-192.229-237))] (141-248)] -5-mer tetraglycyl-seryl linker (249-253) -[scFv-VH-V-LAMBDA anti-CD3E (254-502) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%), CDR-IMGT [8.10.16] (279-286.304-313.352-367))] (254-378) -15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (379-393) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (419-427.445-447.484-492))] (394-502)] -4-mer tetraglycyl linker (503-506) -[scFc (h-CH2-CH3)-(h-CH2-CH3) (507-990) [*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1, G1v30 CH2 N84.4>G (hinge 6-15 (507-516), CH2 R83>C (578), N84.4>G (583), V85>C (588) (517-626), CH3 E12 (642), M14 (644) (627-731), CHS (732-733))] (507-733)] -30-mer hexakis(tetraglycyl-seryl) linker (734-763) - [*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1, G1v30 CH2 N84.4>G (hinge 6-15 (764-773), CH2 R83>C (835), N84.4>G (840), V85>C (845) (774-883), CH3 E12 (899), M14 (901) (884-988), CHS (989-990))] (764-990)]], produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, non-glycosylated
immunomodulator, antineoplastic

grésónitamab

immunoglobuline scFv-scFv-scFc, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (SFTPJ, surfactant associé à la protéine J) isoforme 2, domaine extracellulaire 1 (EC1)] et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3e, CD3 epsilon)], anticorps monoclonal à chaîne unique, bispécifique;
IG à chaîne unique scFv-scFv-scFc, anti-CLDN18 et anti-CD3E (1-990) [scFv-VH-V-KAPPA anti-CLDN18 (1-248) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.18] (25-33.51-58.97-114))] (1-125) -15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (126-140) -V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (94.7%) -IGKJ5*01 (91.7%) Q120>C (240), CDR-IMGT [6.3.9] (167-172.190-192.229-237))] (141-248)] -5-mer tétraglycyl-séryl linker (249-253) -[scFv-VH-V-LAMBDA anti-CD3E (254-502) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%), CDR-IMGT [8.10.16] (279-286.304-313.352-367))] (254-378) -15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (379-393) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (419-427.445-447.484-492))] (394-502)] -4-mer tétraglycyl linker (503-506) -[scFc (h-CH2-CH3)-(h-CH2-CH3) (507-990) [*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1, G1v30 CH2 N84.4>G (charnière 6-15 (507-516), CH2 R83>C (578), N84.4>G (583), V85>C (588) (517-626), CH3 E12 (642), M14 (644) (627-731), CHS (732-733))] (507-733)] -30-mer hexakis(tétraglycyl-séryl) linker (734-763) - [*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1, G1v30 CH2 N84.4>G (charnière 6-15 (764-773), CH2 R83>C (835), N84.4>G (840), V85>C (845) (774-883), CH3 E12 (899), M14 (901) (884-988), CHS (989-990))] (764-990)]], produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), non-glycosylé
immunomodulateur, antinéoplasique

gresonitab

inmunoglobulina scFv-scFv-scFc, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (SFTPJ, surfactante asociado a la proteína J) isoforma 2, dominio extracelular 1 (EC1)] y anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3e, CD3 épsilon)], anticuerpo monoclonal con cadena única, biespecífica ;

IG con cadena única scFv-scFv-scFc, anti-CLDN18 y anti-CD3E (1-990) [scFv-VH-V-KAPPA anti-CLDN18 (1-248) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.18] (25-33.51-58.97-114))] (1-125) -15-mer tris(tetraglicil-seril) linker (126-140) -V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (94.7%) -IGKJ5*01 (91.7%) Q120>C (240), CDR-IMGT [6.3.9] (167-172.190-192.229-237)) (141-248)] -5-mer tetraglicil-seril linker (249-253) -[scFv-VH-V-LAMBDA anti-CD3E (254-502) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%), CDR-IMGT [8.10.16] (279-286.304-313.352-367))] (254-378) -15-mer tris(tetraglicil-seril) linker (379-393) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (419-427.445-447.484-492)) (394-502)] -4-mer tetraglicil linker (503-506) -[scFc (h-CH2-CH3)-(h-CH2-CH3) (507-990) [*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1, G1v30 CH2 N84.4>G (bisagra 6-15 (507-516), CH2 R83>C (578), N84.4>G (583), V85>C (588) (517-626), CH3 E12 (642), M14 (644) (627-731), CHS (732-733)) (507-733)] -30-mer hexakis(tetraglicil-seril) linker (734-763) -[*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1, G1v30 CH2 N84.4>G (bisagra 6-15 (764-773), CH2 R83>C (835), N84.4>G (840), V85>C (845) (774-883), CH3 E12 (899), M14 (901) (884-988), CHS (989-990)) (764-990)]], producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), no glicosilado
inmunomodulador, antineoplásico

2413817-97-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYFTT GYMHWVRQA PGQCLEWMGW 50
INPNSSGGTKY AQKFGQGRVTM TRDTSISTAY MELSLRLSDD TAVYYCARDR 100
ITVAGTYYYYY GMDVWGQGT TITVSSGGGGG GGGGGGGGGG DIQMTQSPSS 150
VSASVGDRTV ITCRASQGVN NWLAWYQQKP GKAPKLLIYT ASLQSGVPS 200
RFGSGSGSGTD FTLTIRSLQP EDFATYYCQQ ANSFPIITFGC GTRLEIKSGG 250
GGSEVQLVES GGLVQPGGS LKLSCAASGF FTKNYAMNIV RQAPGKLEW 300
VARIRSKYNN YATYYADSVK DRFTISRDDS KNTAYLQMN LKTEDTAVYV 350
CVRHGNFGNS YISYWAYWGQ GTLVTSSGG GSGGGGGSGG GGSQTVVTOE 400
PSLTVPSPGT VTLTCGSSSTG AVTSGNYPNN VQKPGQAPR GLIGGTFKLA 450
PGTPARFSGS LLGKKAALTL SGVQPEDEAE YYCVLWYSNR WVFGGGKLT 500
VLGGGDKDTH TCPPCPAPEL LGPSVFLFP PKPKDTLMIS RTPEVTCVVV 550
DVSHEDPEVK FNWYVDGVEV HNAKTKPCEE QYGSTYRCVS VLTVLHQDWL 600
NGKEYKCKVS NKALPAPIEK TISKAKGQPR EPQVYTLPPS REEMTKNQVS 650
LTCLVKGFYP SDIAVEWESN QOPENNYKTT PPVLDSGDSF FLYSKLTVDK 700
SRWQQGNVFS CSVMHEALHN HTYQKSLSL SPSVFLFPPK KDTLMISRT 800
EVTCTVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPCEEQYG STYRCVSVLT 850
VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTI S KAKGQPREPQ VYTLFPPSRE 900
MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQ ENNYKTTPEF LDSGGSFFLY 950
SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 990

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-V (C23-C104) 22-96 163-228 275-351 415-483

Intra-C (C23-C104) 547-607 653-711 804-864 910-968

Intra-CH2 (C83-C85) 578-588 835-845

Inter-VH-VL (C49-C120) 44-240

Inter-h11 (h 11 - h 11) 512-769

Inter-h14 (h 14 - h 14) 515-772

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

H VH Q1 > pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl): 1

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación
CH2 N84.4>G: 583, 840

Aglycosylated / aglycosylé / aglycosilado

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 990

gumokimabum #

gumokimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukin 17A, IL-17A)], monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-30-4*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%) L123>S (115), CDR-IMGT [9.7.13] (26-34.52-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-218')-disulfide with kappa light chain (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV1-110*01 (94.9%) -IGKJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (88.0%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (108), CDR-IMGT [11.3.8] (27-37.55-57.94-101)) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa *immunomodulator*

gumokimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukine 17A, IL-17A)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-30-4*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%) L123>S (115), CDR-IMGT [9.7.13] (26-34.52-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV1-110*01 (94.9%) -IGKJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (88.0%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (108), CDR-IMGT [11.3.8] (27-37.55-57.94-101)) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa *immunomodulateur*

gumokimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukina 17A, IL-17A)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-30-4*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%) L123>S (115), CDR-IMGT [9.7.13] (26-34.52-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV1-110*01 (94.9%) -IGKJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (88.0%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (108), CDR-IMGT [11.3.8] (27-37.55-57.94-101)) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa *immunomodulador*

2428381-52-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
DVQLQESGPG LVKPSQTLST TCTVSSYSFT SDYAWSWIRQ PPGKGLEWIG 50
YITYSGVTSY NPSLKSRTI SVDTSKNQFS LKLSVSTAAD TAVVYCARAD 100
YDSYYTMDYW CQCTSVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTPAALGCLVK 150
DYFFEPVTVS WNSGALTQSS HTFPAVLQSS GLYSLSSVWT VFPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTPEVTCVVVDVS HEDPEVKFHW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLFPSSRDE LTKNQVSLT LVKGFPYSDI AVEWESNGQP ENNYKTPPV 400
LDSGGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNYHT QKSLSLSPGK 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DVVMTQTPLS LPVTLGQPAS ISCRSSQSLV HSGNTYTLHW YLQKPGQSPR 50
LLIYKVSNRFGVPRDFSGS GSGTDFTLKI SRVEADLGV YYCSQSTHFV 100
TFGGGTKLEI KRTVAAPSVE IFPPSDEQLK SGTASVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLT STLTLKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSFPVT KSFNRGEC 218

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104) 23'-93' 138"-198"
23"-93" 138"-198"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-218" 223"-218"
Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84, 4: 300, 300"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 450, 450"

gunagratinibum
gunagratinib

3-[(3,5-dimethoxyphenyl)ethynyl]-5-(methylamino)-1-
[(3S)-1-(prop-2-enoyl)pyrrolidin-3-yl]-1H-pyrazole-4-
carboxamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

gunagratinib

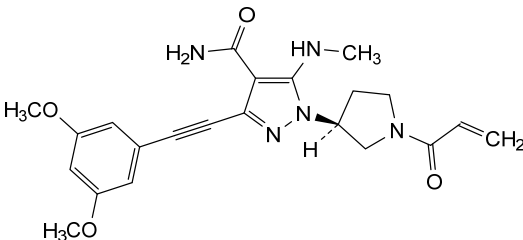
3-[(3,5-diméthoxyphényl)éthynyl]-5-(méthylamino)-1-
[(3S)-1-(prop-2-énoyl)pyrrolidin-3-yl]-1H-pyrazole-4-
carboxamide
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

gunagratinib

3-[(3,5-dimetoxifenil)etinil]-5-(metilamino)-1-[(3S)-1-
(prop-2-enoi)pirrolidin-3-il]-1H-pirazol-4-carboxamida
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₂₂H₂₅N₅O₄

2211082-53-8



hexanatritii fytas
hexasodium fytate

hexasodium *myo*-inositol hexakis(hydrogen
phosphate);
hexasodium (1*R*,2*S*,3*S*,4*R*,5*S*,6*S*)-cyclohexane-
1,2,3,4,5,6-hexayl hexakis(hydrogen phosphate)
hydroxyapatite formation inhibitor

fytate d'hexasodium

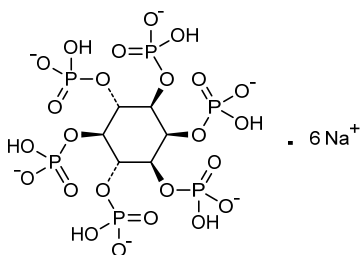
hexakis(hydrogénophosphate) de *myo*-inositol et d'hexasodium;
 hexakis(hydrogénophosphate) de
 (1*R*,2*s*,3*S*,4*R*,5*s*,6*S*)-cyclohexane-1,2,3,4,5,6-hexayle
 et d'hexasodium
inhibiteur de la formation de l'hydroxyapatite

fitato de hexasodio

hexakis(hidrogenofosfato) de *mio*-inositol y de hexasodio;
 hexakis(hidrogenofosfato) de (1*R*,2*s*,3*S*,4*R*,5*s*,6*S*)-ciclohexano-1,2,3,4,5,6-hexailo y de hexasodio
inhibidor de la formación de la hidroxiapatita



34367-89-0



iclepertinum

iclepertin

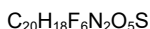
[5-(methanesulfonyl)-2-[[[(2*R*)-1,1,1-trifluoropropan-2-yl]oxy]phenyl]][(1*R*,5*R*)-1-[5-(trifluoromethyl)-1,2-oxazol-3-yl]-3-azabicyclo[3.1.0]hexan-3-yl]methanone
glycine transporter inhibitor, antipsychotic

iclépertine

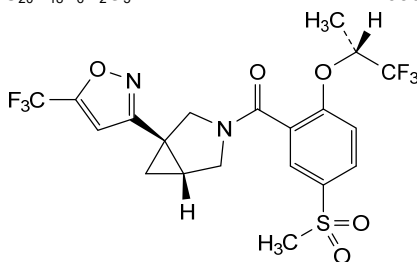
[5-(méthanesulfonyl)-2-[[[(2*R*)-1,1,1-trifluoropropan-2-yl]oxy]phényl]][(1*R*,5*R*)-1-[5-(trifluorométhyl)-1,2-oxazol-3-yl]-3-azabicyclo[3.1.0]hexan-3-yl]méthanone
inhibiteur du transporteur de la glycine, antipsychotique

iclepertina

[5-(metanosulfonil)-2-[[[(2*R*)-1,1,1-trifluoropropan-2-il]oxi]fenil]][(1*R*,5*R*)-1-[5-(trifluorometil)-1,2-oxazol-3-il]-3-azabíciclo[3.1.0]hexan-3-il]metanona
inhibidor del transportador de la glicina, antipsicótico



1421936-85-7



idestopoetinum alfa #

idestopoetin alfa

Felis catus erythropoietin variant (G¹⁸>E, A³⁰>N, G³²>T, P⁸⁷>V, S⁸⁸>N), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa;

	erythropoietin (<i>Felis catus</i>) [G ¹⁸ >E, A ³⁰ >N, G ³² >T, P ⁸⁷ >V, S ⁸⁸ >N], produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa <i>antianaemic (veterinary use)</i>
idestopoétine alfa	variant d'érythropoïétine de <i>Felis catus</i> (G ¹⁸ >E, A ³⁰ >N, G ³² >T, P ⁸⁷ >V, S ⁸⁸ >N), produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa; érythropoïétine (<i>Felis catus</i>) [G ¹⁸ >E, A ³⁰ >N, G ³² >T, P ⁸⁷ >V, S ⁸⁸ >N], produite dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa <i>antianémique (usage vétérinaire)</i>
idestopoetina alfa	variante eritropoyetina <i>Felis catus</i> (G ¹⁸ >E, A ³⁰ >N, G ³² >T, P ⁸⁷ >V, S ⁸⁸ >N), producida en células ováricas de hámster chino (CHO), glicofoma alfa; eritropoyetina (<i>Felis catus</i>) [G ¹⁸ >E, A ³⁰ >N, G ³² >T, P ⁸⁷ >V, S ⁸⁸ >N], producida en células ováricas de hámster chino (CHO), glicofoma alfa <i>antianémico (uso veterinario)</i>

2370888-96-1

Sequence / Séquence / Secuencia

```

APRLICDSR VLERYILEAR EAENVTMGON ETCSFSENIT VPDTKVNFYT 50
WKRMDVGQQA VEVWQGLALL SEAILRGQAL LANSSQVNET LQLHVDKAVS 100
SLRSLTSLLR ALGAQKEATS LPEATSAAPL RTFTVDTLCK LFRIYSNFLR 150
GKLTLYTGEA CRRGDR 166

```

Mutation sites / Sites de mutation / Posiciones de mutación

G18>~~E~~, A30>~~N~~, G32>~~T~~, P87>~~V~~, S88>~~N~~

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posición del puentes disulfuro
7-161, 29-33 (Cys-SH: 139)

N-Glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

N24, N30, N38, N83, N88

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados

idrevloridum
idrevloride

3,5-diamino-6-chloro-*N*-[4-(4-{2-[(1-deoxy-D-glucitol-1-yl)(hexyl)amino]ethoxy}phenyl)butyl]carbamimidoyl}pyrazine-2-carboxamide
epithelial sodium channel (ENaC) inhibitor

idréloride

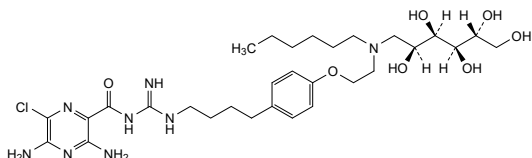
3,5-diamino-6-chloro-*N*-[4-(4-{2-[(1-désoxy-D-glucitol-1-yl)(hexyl)amino]éthoxy}phényl)butyl]carbamimidoyl}pyrazine-2-carboxamide
inhibiteur du canal sodique épithélial (ENaC)

idrevlorida

3,5-diamino-6-cloro-*N*-[4-(4-{2-[(1-desoxi-D-glucitol-1-il)(hexil)amino]etoxi}fenil)butil]carbamimidoiil}pirazina-2-carboxamida
inhibidor del canal de sodio epitelial (ENaC)

C₃₀H₄₉ClN₆O₇

1416973-63-1



ifezuntirgenum inilparvovecum #

ifezuntirgene inilparvovec

a recombinant, replication deficient adeno-associated virus serotype 5 (AAV5) vector encoding a microRNA (miRNA) targeting the exon 1 of human huntingtin protein (HTT) mRNA (miHTT). The expression cassette consists of a chimeric chicken beta-actin promoter, the miHTT sequence engineered in the miR-451 backbone, with the upstream region of miR-451 containing an inactivated miR-144 sequence, and a human growth hormone polyadenylation signal, flanked by AAV2 5' and 3' inverted terminal repeats (ITRs).

gene therapy (Huntington's disease)

ifezuntirgène inilparvovec

vecteur recombinant, à réplication déficiente, du virus adéno-associé de sérotype 5 (AAV5) codant un microARN (miARN) ciblant l'exon 1 de l'ARNm de la protéine huntingtine (HTT) humaine (miHTT). La cassette d'expression consiste en un promoteur chimérique de la bêta-actine de poulet, de la séquence miHTT intégrée au squelette du miR-451, avec la région en amont de miR-451 contenant une séquence miR-144 inactivée, et d'un signal polyadénylation de l'hormone de croissance humaine, flanquée des répétitions terminales inversées (ITRs) en 5' et 3' de l'AAV2.

thérapie génique (chorée de Huntington)

ifezuntirgén inilparvovec

vector de virus adenosociado recombinante de serotipo 5 (AAV5) deficiente de replicación que codifica para un microARN (miARN) dirigido al exón 1 del ARNm de la proteína huntingtina humana (miHTT). El casete de expresión consiste en un promotor quimérico de la beta-actina de pollo, la secuencia miHTT introducida por ingeniería en el esqueleto de miR-451, con la región *upstream* de miR-451 que contiene una secuencia miR-144 inactivada, y la señal poliadenilación de la hormona de crecimiento humana, flanqueado en 5' y 3' por la repeticiones terminales invertidas (ITRs) de AAV2.

terapia génica (enfermedad de Huntington)

2407582-19-6

ilunocitinibum

ilunocitinib

{1-(cyclopropanesulfonyl)-3-[4-(7H-pyrrolo[2,3-d]pyrimidin-4-yl)-1H-pyrazol-1-yl]azetidin-3-yl}acetonitrile

Janus kinase inhibitor (veterinary use)

ilunocitinib

{1-(cyclopropanesulfonyl)-3-[4-(7H-pyrrolo[2,3-d]pyrimidin-4-yl)-1H-pyrazol-1-yl]azétidin-3-yl}acétonitrile

inhibiteur de la kinase de Janus (usage vétérinaire)

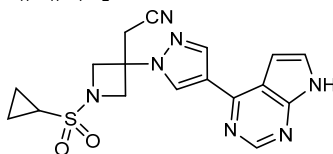
ilunocitinib

{1-(ciclopropanosulfonil)-3-[4-(7H-pirrolo[2,3-d]pirimidin-4-il)-1H-pirazol-1-il]azetidin-3-il}acetonitrilo

inhibidor de la kinasa de Janus (uso veterinario)

C₁₇H₁₇N₇O₂S

1187594-14-4

**inaxaplinum**

inaxaplin

3-[5,7-difluoro-2-(4-fluorophenyl)-1*H*-indol-3-yl]-*N*-[(3*S*,4*R*)-4-hydroxy-2-oxopyrrolidin-3-yl]propanamide
apolipoprotein L1 (APOL1) function inhibitor

inaxapline

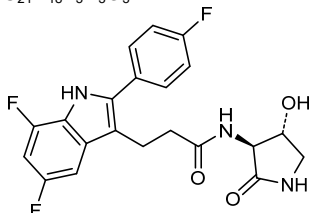
3-[5,7-difluoro-2-(4-fluorophényl)-1*H*-indol-3-yl]-*N*-[(3*S*,4*R*)-4-hydroxy-2-oxopyrrolidin-3-yl]propanamide
inhibiteur fonctionnel de l'apolipoprotéine L1 (APOL1)

inaxaplina

3-[5,7-difluoro-2-(4-fluorofenil)-1*H*-indol-3-il]-*N*-[(3*S*,4*R*)-4-hidroxi-2-oxopirrolidin-3-il]propanamida
inhibidor de la función de la apolipoproteína L1 (APOL1)

C₂₁H₁₈F₃N₃O₃

2446816-88-0

**inobrodibum**

inobrodib

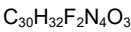
(6*S*)-1-(3,4-difluorophenyl)-6-[5-(3,5-dimethyl-1,2-oxazol-4-yl)-1-(*trans*-4-methoxycyclohexyl)-1*H*-benzimidazol-2-yl]piperidin-2-one
inhibitor of the histone acetyltransferase p300 and CREB-binding protein, antineoplastic

inobrodib

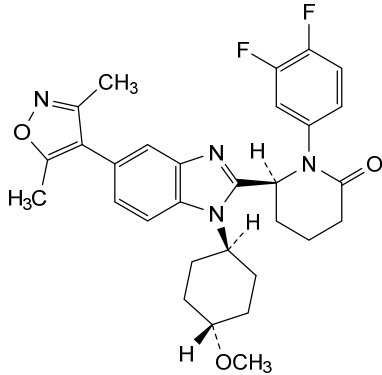
(6*S*)-1-(3,4-difluorophényl)-6-[5-(3,5-diméthyl-1,2-oxazol-4-yl)-1-(*trans*-4-méthoxycyclohexyl)-1*H*-benzimidazol-2-yl]pipéridin-2-one
inhibiteur de l'histone acétyltransférase p300 et de la protéine de liaison à CREB, antinéoplasique

inobrodib

(6*S*)-1-(3,4-difluorofenil)-6-[5-(3,5-dimetil-1,2-oxazol-4-il)-1-(*trans*-4-metoxiciclohexil)-1*H*-benzimidazol-2-il]piperidin-2-ona
inhibidor de la acetiltransferasa de histonas p300 y de la proteína de unión a CREB, antineoplásico



2222941-37-7



insulinum sudelidecum
insulin sudelidec

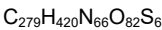
$N^{6.B29}$ -{4-[N^2 -(15-carboxypentadecanoyl)-L-lysine- N^6 -yl]-4-oxobutanoyl}-B30-des-L-threonine-insulin (human)
hypoglycaemic

insuline sudélidéc

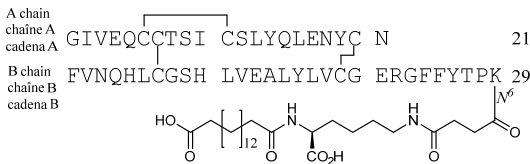
$N^{6.B29}$ -{4-[N^2 -(15-carboxypentadécanoyl)-L-lysine- N^6 -yl]-4-oxobutanoyl}-B30-dés-L-thréonine-insuline (humaine)
hypoglycémiant

insulina sudelidec

$N^{6.B29}$ -{4-[N^2 -(15-carboxipentadecanoil)-L-lisine- N^6 -il]-4-oxobutanoil}-B30-des-L-treonina-insulina (humana)
hipoglucemiante



2415174-82-0



iodinum (^{124}I) evuzamitidum
iodine (^{124}I) evuzamitide

synthetic basic (^{124}I) iodine-labeled polypeptide that binds to amyloid deposits;
glycylglycylglycyl-3-(^{124}I)iodo-L-tyrosyl-L-seryl-L-lysyl-L-alanyl-L-glutaminy-L-lysyl-L-alanyl-L-glutaminy-L-alanyl-L-lysyl-L-glutaminy-L-alanyl-L-lysyl-L-glutaminy-L-alanyl-L-glutaminy-L-lysyl-L-alanyl-L-glutaminy-L-alanyl-L-lysyl-L-glutaminy-L-alanyl-L-lysyl-L-glutaminy-L-alanyl-L-glutaminy-L-lysyl-L-alanyl-L-glutaminy-L-lysyl-L-alanyl-L-glutaminy-L-alanyl-L-lysyl-L-glutaminy-L-lysyl-L-lysyl-L-glutaminy-L-alanyl-L-lysyl-L-glutamine
diagnostic imaging agent

iodine (^{124}I) évuzamitide

polypeptide synthétique basique marqué à l'iode (^{124}I) qui se lie aux dépôts amyloïdes;

chaîne lourde gamma4 humanisé (1-446) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens*IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (120-217), charnière 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-446)], (133-220')-disulfure avec la chaîne légère kappa chimérique (1'-220') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus*IGKV8-28*01 (82.2%) -IGKJ2*01 (91.7%) L124>V (110))/Homo sapiensIGKV1-27*01 (80.2%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [12.3.9] (27-38.56-58.95-103)) (1'-113') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa

immunomodulateur, antinéoplasique

iparomlimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD1, PD-1, CD279)], anticuerpo monoclonal humanizado y quimérico ; cadena pesada gamma4 humanizada (1-446) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens*IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (120-217), bisagra 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-446)], (133-220')-disulfuro con la cadena ligera kappa quimérica (1'-220') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus*IGKV8-28*01 (82.2%) -IGKJ2*01 (91.7%) L124>V (110))/Homo sapiensIGKV1-27*01 (80.2%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [12.3.9] (27-38.56-58.95-103)) (1'-113') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-S, forma glicosilada alfa

immunomodulador, antineoplásico

2417649-33-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE	VKKPGASVKV	SCKASGYTFT	NYWIHWVRQA	PGQGLEWMGE	50
IDPYDSYTN	NQKFKGRVTM	TVDKSTSTVY	MELSSLRSED	TAVYYCARFG	100
FTYGGMDFWG	QGTLLVTVSSA	STKGPSVFP	APCSRSTSES	TAALGCLVKD	150
YFPEPVTVSW	NSGALTSGVH	TTPAVLQSSG	LYSLSSVTV	PSSSLGTRTY	200
TCNVHDKPSN	TKVDKRVEK	YGPCCPPCPA	PEFLGGPSVF	LFPKPKDITL	250
MISRTPEVTC	VVDVDSQEDP	EVQFNWYVDG	VEVHNAKTKP	REEQFNSTYR	300
VVSVLTVLHQ	DWLNGKEYKC	KVSNKGLPSS	IEKTISKAKG	QPREPQVYTL	350
PPSQEEMTKN	QVSLTCLVKG	FYPSDIAVEW	ESNGQPENNY	KTTTPFVLDSD	400
GSFFLYSRLT	VDKSRWQEGN	VFSCSVMEHA	LHNHYTQKSL	SLSLGK	446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCKSSQSLF	NSGNQKNYLA	WYQQKPGKVP	50
KLLIYGASTR	DSGVPYRFSG	SGSGTDFTLT	ISSLPQEDVA	TYCYQNDHY	100
PYTFGGGTVK	EIKRTVAAPS	VFIFFPPSDEQ	LKSGTASVVC	LLNFFYPREA	150
KVQNKVDNAL	QSGNSQESVT	EQDSKDYTS	LSSTLTLSKA	DYEHKHYVAC	200
EVTHQGLSSP	VTKSFNREGC				220

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104)	22-96	146-202	260-320	366-424
	22"-96"	146"-202"	260"-320"	366"-424"
Intra-L (C23-C104)	23'-94'	140'-200'		
	23"-94"	140"-200"		
Inter-H-L (CH1 10-CL 126)	133'-220'	133"-220"		
Inter-H-H (h 8, h 11)	225'-225"	228-228"		

N-terminal glutaminyl cyclization cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal /

Ciclación del glutaminilo N-terminal

H VH Q1 > pyroglutamy (pE, 5-oxoprolyl): 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 296, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 446, 446"

irsenontrinum

irsenontrine

7-(2-methoxy-3,5-dimethylpyridin-4-yl)-1-[(3*S*)-oxolan-3-yl]-1,5-dihydro-4*H*-pyrazolo[4,3-*c*]quinolin-4-one
phosphodiesterase (PDE) 9 inhibitor

irsénontrine

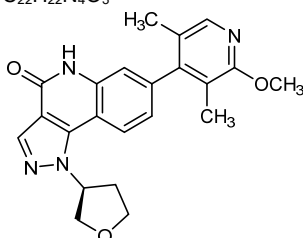
7-(2-méthoxy-3,5-diméthylpyridin-4-yl)-1-[(3*S*)-oxolan-3-yl]-1,5-dihydro-4*H*-pyrazolo[4,3-*c*]quinoléin-4-one
inhibiteur de la phosphodiesterase 9 (PDE9)

irsenontrina

7-(3,5-dimetil-2-metoxipiridin-4-il)-1-[(3*S*)-oxolan-3-il]-1,5-dihidro-4*H*-pirazolo[4,3-*c*]quinolein-4-ona
inhibidor de la fosfodiesterasa 9 (PDE9)

C₂₂H₂₂N₄O₃

1429509-82-9

**itezocabtagenum autoleucelum #**

itezocabtagene autoleucel

autologous T cells obtained from peripheral blood mononuclear cells by leukapheresis, transduced with a non-replicating Moloney murine leukaemia virus (MMLV) vector, encoding a chimeric antigen receptor (CAR) under the control of the 5' long terminal repeat (LTR) MMLV promoter, comprising a single-chain variable fragment derived from the murine antibody HRS3 targeting CD30 (tumour necrosis factor receptor superfamily member 8 [TNFRSF8]), an IgG1 CH2-CH3 spacer, CD28 transmembrane and intracellular costimulatory domains, and a CD3ζ intracellular activation domain. The T cells are activated in the presence of anti-CD3 and anti-CD28 then cultured in the presence of growth medium containing human serum, interleukin 7 (IL-7) and IL-15. The T cells are CD3+ (≥70%; historically 98% +/- 1.7%), anti-CD30-CAR (≥20%), are cytotoxic for CD30-expressing cells and contain <1% of residual B and natural killer (NK) cells.

cell-based gene therapy (antineoplastic)

itezocabtagène autoleucel

lymphocytes T autologues obtenus à partir de cellules mononucléaires du sang périphérique par leucaphérèse, transduits avec un vecteur non répliquant du virus de la leucémie murine de Moloney (MMLV), codant un récepteur antigénique chimérique (CAR) sous le contrôle du promoteur MMLV à répétition terminale longue (LTR) en 5', comprenant un fragment variable à chaîne unique dérivé de l'anticorps murin HRS3 ciblant CD30 (membre 8 de la superfamille des récepteurs du facteur de nécrose tumorale [TNFRSF8]), un espaceur IgG1 CH2-CH3,

un CD28 transmembranaire et des domaines co-stimulateurs intracellulaires, et un domaine d'activation intracellulaire CD3 ζ . Les lymphocytes T sont activés en présence d'anti-CD3 et d'anti-CD28 puis cultivés en présence de milieu de croissance contenant du sérum humain, de l'interleukine 7 (IL-7) et de l'IL-15. Les lymphocytes T sont CD3+ ($\geq 70\%$; historiquement $98\% \pm 1,7\%$), anti-CD30-CAR ($\geq 20\%$), cytotoxiques pour les cellules exprimant CD30 et contiennent $<1\%$ de cellules B et de tueuses naturelles (NK) résiduelles.
thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)

itezocabtagén autoleucel

linfocitos T autólogos obtenidos a partir de células mononucleares de sangre periférica mediante leucaféresis, transducidos con un vector no replicativo del virus de la leucemia de Moloney murino (MMLV), que codifica para un receptor de antígenos quimérico (CAR) bajo el control del promotor de la repetición terminal larga (LTR) en 5' del MMLV. El CAR consta de un fragmento de cadena variable sencilla derivado del anticuerpo murino HRS3 dirigido a CD30 (miembro 8 de la superfamilia del receptor del factor de necrosis tumoral [TNFRSF8]), un espaciador CH2-CH3 de IgG1, un dominio transmembrana y un dominio coestimulador intracelular, ambos de CD28, y un dominio de activación intracelular de CD3 ζ . Los linfocitos T se activan en presencia de anti-CD3 y anti-CD28, y después se cultivan en presencia de medio de crecimiento que contiene suero humano, interleukina 7 (IL-7) e IL-15. Los linfocitos T son CD3+ ($\geq 70\%$; históricamente $98\% \pm 1,7\%$), anti-CD30-CAR ($\geq 20\%$), son citotóxicos para células que expresan CD30 y contienen $<1\%$ de linfocitos B y células natural killer (NK) residuales.
terapia génica basada en células (antineoplásico)

ivicientamabum #

ivicientamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD37 (tetraspanin-26, TSPAN26)], humanized monoclonal antibody, biparatopic;
gamma1 heavy chain humanized (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (86.7%) R120>Q (112), CDR-IMGT [8.7.14] (26-33.51-57.96-109)) (1-120) - *Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361), F85.1>L (408), E109>G (433) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-217')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-217') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (86.5%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.12] (27-32.50-52.89-100)) (1'-110') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (156), V101 (194) (111'-217')];
gamma1 heavy chain humanized (1"-448") [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108)) (1"-119") -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (216) (120"-217"), hinge 1-15 (218"-232"), CH2 (233"-342"), CH3 E12 (358), M14 (360), K88>R (411), E109>G (432) (343"-447"), CHS K2>del (448)) (120"-448")], (222"-217'")-disulfide with

	kappa light chain humanized (1^{'''}-217^{'''}) [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-9*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.12] (27-32.50-52.89-100)) (1^{'''}-110^{'''}) -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (156), V101 (194) (111^{'''}-217^{'''})]; dimer (229-228^{''}:232-231^{''})-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
ivicentamab	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> CD37 (tétraspanine-26, TSPAN26)], anticorps monoclonal humanisé, biparatopique; chaîne lourde gamma1 humanisée (1-449) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-66*01 (85.6%) -IGHD) -IGHJ2*01 (86.7%) R120>Q (112), CDR-IMGT [8.7.14] (26-33.51-57.96-109)) (1-120) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361), F85.1>L (408), E109>G (433) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-217['])-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-217[']) [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-5*03 (86.5%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.12] (27-32.50-52.89-100)) (1'-110[']) -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (156), V101 (194) (111'-217['])]; chaîne lourde gamma1 humanisée (1"-448") [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-66*01 (85.6%) -IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108)) (1"-119") -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (216) (120"-217"), charnière 1-15 (218"-232"), CH2 (233"-342"), CH3 E12 (358), M14 (360), K88>R (411), E109>G (432) (343"-447"), CHS K2>del (448)) (120"-448")], (222"-217^{'''})-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1^{'''}-217^{'''}) [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-9*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.12] (27-32.50-52.89-100)) (1^{'''}-110^{'''}) -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (156), V101 (194) (111^{'''}-217^{'''})]; dimère (229-228^{''}:232-231^{''})-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
ivicentamab	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> CD37 (tetraspanina-26, TSPAN26)], anticuerpo monoclonal humanizado, biparatópico; cadena pesada gamma1 humanizada (1-449) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-66*01 (85.6%) -IGHD) -IGHJ2*01 (86.7%) R120>Q (112), CDR-IMGT [8.7.14] (26-33.51-57.96-109)) (1-120) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361), F85.1>L (408), E109>G (433) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-217['])-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-217[']) [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-5*03 (86.5%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.12] (27-32.50-52.89-100)) (1'-110[']) -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (156), V101 (194) (111'-217['])]; cadena pesada gamma1 humanizada (1"-448") [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-66*01 (85.6%) -IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108)) (1"-119") -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (216) (120"-217"), bisagra 1-15 (218"-232"), CH2 (233"-342"), CH3 E12 (358), M14 (360), K88>R (411), E109>G (432) (343"-447"), CHS K2>del (448)) (120"-448")], (222"-217^{'''})-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1^{'''}-217^{'''}) [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-9*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.12] (27-32.50-52.89-100)) (1^{'''}-110^{'''}) -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (156), V101 (194) (111^{'''}-217^{'''})]; dímero (229-228^{''}:232-231^{''})-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa <i>immunomodulador, antineoplásico</i>

2364496-42-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada H
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFSLS NYNMGWVRQA PGKGLEWVSV 50
IDASGRTYYA TWAKGRFTIS RDNSKNTLYL QMNSLRAEDT ATYYCARELL 100
YFGSSYYDLW QGGLTVTVSS ASTKGPSVFPL LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFFAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKFS NTKVDKRVEP KSCDKHTCTP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTPEVTCVVVDVSH HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTI S KAKGPQREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTCL LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LSDSGSFLLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHGALHNHYT QKSLSLSPG 449

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada H"
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFSLS YNAMNWVRQA PGKGLEWVSI 50
IFASGRDTYA SWAKGRFTIS RDNSKNTLYL QMNSLRAEDT AVYYCAREGS 100
TWGDALDPWG QGLTVTVSSA STRGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFFAVLQSSG LYSLSSVVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKFSN TKVDKRVEPK SCDKHTCTPP CPAPELLGGP SVFLFPPKP 250
DTLMISRTPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNW YVDGVEVHNAK TKPREQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSREEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
DSDGSFELYS RLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HGALHNHYTQ KSLSLSPG 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera L'
DVVMTQSPST LSASVGRDVT ITCQASQNI D SNLAWYQQKPK GKAPKFLIYY 50
ASNLFPFGVPS RFKSGSGSTE FTLTISLQPD DDFATYYCQS ADVGSTYVAA 100
FGGGTKVEIK RTVAAPSVFI FPPSDEQLKS GTASVVCLLN NFYPREAKVQ 150
WKVDNALQSG NSQESVTEQD SKDSTYLSLSS TLTLSKADYE KHKVYACEVT 200
HQGLSSPVTK SPNRGEC 217

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera L"
AYDMTQSPST LSASVGRDVT ITCQASQNI D DYLAWYQQKPK GKAPKLLIHK 50
ASTLASGVPS RFKSGSGSTE FTLTISLQPD DDFATYYCQD GYSNSNI DNT 100
FGGGTKVEIK RTVAAPSVFI FPPSDEQLKS GTASVVCLLN NFYPREAKVQ 150
WKVDNALQSG NSQESVTEQD SKDSTYLSLSS TLTLSKADYE KHKVYACEVT 200
HQGLSSPVTK SPNRGEC 217

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-95 147-203 264-324 370-428
22"-95" 146"-202" 263"-323" 369"-427"
Intra-L (C23-C104) 23-88" 137-197"
23"-88" 137"-197"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-217" 222"-217"
Inter-H-H (h 11, h 14) 229-228" 232-231"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2 N84.4: 300, 299"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

ivonescimabum #
ivonescimab

immunoglobulin G1-kappa_scFv, anti-[*Homo sapiens* VEGFA (vascular endothelial growth factor A, VEGF-A, VEGF)], each heavy chain being fused to a scFv anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD1, PD-1, CD279)], monoclonal antibody, tetravalent, bispecific; gamma1 heavy chain anti-VEGFA fused to scFv anti-PDCD1 (1-719) [gamma1 heavy chain anti-VEGFA (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*02 (76.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112))] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17.1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (220) (124-221), hinge 1-15 (222-236), CH2 L1.3>A (240), L1.2>A (241) (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)] -20-mer tetrakis(tetraglycyl-seryl) linker (454-473) -scFv-VH-V-KAPPA anti-PDCD1 (474-719) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (88.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (586), CDR-IMGT [8.8.11] (499-506.524-531.570-580)) (474-591) -20-mer tetrakis(tetraglycyl-seryl) linker (592-611) -V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV14-111*01 (86.3%) -IGKJ5*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (80.0%) -IGKJ2*01 (87.5%) Q120>A (711), CDR-IMGT [6.3.9] (638-643.661-663.700-708)) (612-719)], (226-214')-disulfide with kappa light chain anti-VEGFA (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (88.4%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (232-232":235-235")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa immunomodulator, antineoplastic

ivonescimab

immunoglobuline G1-kappa_scFv, anti-[*Homo sapiens* VEGFA (facteur de croissance A de l'endothélium vasculaire, VEGF-A, VEGF)], chaque chaîne lourde étant fusionnée à un scFv anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD1, PD-1, CD279)], anticorps monoclonal, tétravalent, bispécifique;

chaîne lourde gamma1 anti-VEGFA fusionnée à un scFv anti-PDCD1 (1-719) [chaîne lourde gamma1 anti-VEGFA (1-453) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-30*02 (76.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112)) (1-123) - *Homo sapiens*IGHG1*01, G1m17,1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (220) (124-221), charnière 1-15 (222-236), CH2 L1.3>A (240), L1.2>A (241) (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)]-20-mer tétrakis(tetraglycyl-seryl) linker (454-473) -scFv-VH-V-KAPPA anti-PDCD1 (474-719) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*04 (88.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (586), CDR-IMGT [8.8.11] (499-506.524-531.570-580)) (474-591) -20-mer tétrakis(tetraglycyl-séryl) linker (592-611) -V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus*IGKV14-111*01 (86.3%) -IGKJ5*01 (100%)/*Homo sapiens*IGKV1-16*01 (80.0%) -IGKJ2*01 (87.5%) Q120>A (711), CDR-IMGT [6.3.9] (638-643.661-663.700-708)) (612-719)], (226-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-VEGFA (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-16*01 (88.4%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (232-232":235-235")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa

immunomodulateur, antinéoplasique

ivonescimab

immunoglobulina G1-kappa_scFv, anti-[*Homo sapiens* VEGFA (factor de crecimiento A del endotelio vascular, VEGF-A, VEGF)], cada cadena pesada estando fusionada a un scFv anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD1, PD-1, CD279)], anticuerpo monoclonal, tetravalente, biespecífico;

cadena pesada gamma1 anti-VEGFA fusionada a un scFv anti-PDCD1 (1-719) [cadena pesada gamma1 anti-VEGFA (1-453) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-30*02 (76.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112)) (1-123) - *Homo sapiens*IGHG1*01, G1m17,1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (220) (124-221), bisagra 1-15 (222-236), CH2 L1.3>A (240), L1.2>A (241) (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)]-20-mer tétrakis(tetraglicil-seril) linker (454-473) -scFv-VH-V-KAPPA anti-PDCD1 (474-719) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*04 (88.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (586), CDR-IMGT [8.8.11] (499-506.524-531.570-580)) (474-591) -20-mer tétrakis(tetraglicil-seril) linker (592-611) -V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus*IGKV14-111*01 (86.3%) -IGKJ5*01 (100%)/*Homo sapiens*IGKV1-16*01 (80.0%) -IGKJ2*01 (87.5%) Q120>A (711), CDR-IMGT [6.3.9] (638-643.661-663.700-708)) (612-719)], (226-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-VEGFA (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-16*01 (88.4%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (232-232":235-235")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa

immunomodulador, antineoplásico

2428381-53-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGYTFT NYGMNWRQA PGKGLEWVGW 50
INTYTGPTY AADFKRRFTF SLDTSKSTAY LQMNSLRAED TAVYYCAKYP 100
HYGGSSHWYF DVWGQQLTVT VSSASTKGPS VFFLAPSSKS TSGGTALGC 150
LVKDYFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFPAPL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG 200
TQTYICNVNH KPSNTKVDKK VEPKSCDKTH TCEPQPAPEA AGGSPVELFP 250
RKPDKTLMIS RTPEVTGVVV DVSHEDEPVK FNWYVDGVEV HNAKTKPREE 300
QYNSTYRVVS VLTIVLHQDWL NGKEYKCKVS NKALPAPIEK TISKAKGQPR 350
EPQVYTLPPS RDELTKNQVS LTCVLKGFYP SDIAVEWESN GQPENNYKTT 400
PPVLDSGGSF FLYSKLTVDK SRWQGNVFS CSVMHEALHN HYTKQSLSL 450
PGKGGGGSGG GSGGGGGSGG GGSEVQLVES GGLVQPGGS LRLSCAASGF 500
AFSSYDMSWV RQAPGKGLDW VATISGGGRY TYPDSVKGR FTISRDN SKN 550
NLYLQMNSLR AEDTALYCA NRYGEAWFAY WGQGLTVTVS SGGGGSGGGG 600
SGGGSGGGG SDIQMTQSPS SMSASVGDRV TFCRASQDI NTYLSWFFQK 650
PGKSPKTLIY RANRLVSGVP SRFSGSGSGQ DYTLTISSLQ PEDMATYYCL 700
QYDEPFLTFG AGTKLELKR 719

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGDRVIT ITCSASQDIS NYLNWYQQK GKAPKVLIIYF 50
TSSLHSGVPS RFGSGSGSTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ YSTVPWTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNEY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 150-206 267-327 373-431 495-569 634-699
22"-96" 150"-206" 267"-327" 373"-431" 495"-569" 634"-699"
Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134"-194"
23'''-88''' 134'''-194'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 226-214' 226"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 232-232" 235-235"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
303, 303"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

ivospeminum
ivospemin

(6S,15S)-3,8,13,18-tetraazaicosane-6,15-diol
spermine analogue, antineoplastic

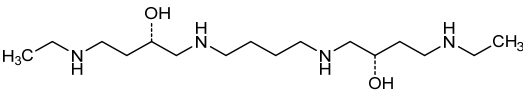
ivospémine

(6S,15S)-3,8,13,18-tétraazaicosane-6,15-diol
analogue de la spermine, antinéoplasique

ivospemina

(6S,15S)-3,8,13,18-tetraazaicosano-6,15-diol
análogo de la espermina, antineoplásico

C₁₆H₃₈N₄O₂ 748119-79-1



lalikinogenum sifuplasmidum #
lalikinogene sifuplasmid

DNA plasmid encoding codon-optimized human interleukin 12 subunit alpha (IL12A, IL-12 subunit p35) and subunit beta (IL12B, IL-12 subunit p40). Expression of the IL-12 subunit p35 is driven by the simian cytomegalovirus (sCMV) promotor and terminated with the bovine growth hormone (bGH) polyadenylation (polyA) signal. Expression of the IL-12 subunit p40 is driven by the human cytomegalovirus (hCMV) promoter and terminated with the simian virus 40 (SV40) polyA signal. The plasmid also contains a pUC origin of replication and a *kanamycin* resistance gene.
gene therapy (antiviral)

lalikinogène sifuplasme

plasmide d'ADN codant la sous-unité alpha (IL12A, sous-unité p35 de l'IL-12) et la sous-unité bêta (IL12B, sous-unité p40 de l'IL-12) de l'interleukine 12 humaine aux codons optimisés. L'expression de la sous-unité p35 de l'IL-12 est induite par le promoteur du cytomégalo virus simien (sCMV) et terminée par le signal de polyadénylation (polyA) de l'hormone de croissance bovine (bGH). L'expression de la sous-unité p40 de l'IL-12 est induite par le promoteur du cytomégalo virus humain (hCMV) et terminée par le signal de polyA du virus simien 40 (SV40). Le plasmide contient également une origine de réplication pUC et un gène de résistance à la *kanamycine*.

thérapie génique (antiviral)

lalikinogén sifuplásmido

plásmido de ADN que codifica para la subunidad alfa (IL12A, IL-12 subunidad p35) y la subunidad beta (IL12B, IL-12 subunidad p40) de la interleukina 12 humana. La expresión de la subunidad p35 de la IL-12 está dirigida por el promotor del citomegalovirus de simio (sCMV) y terminado con la señal de poliadenilación (polyA) de la hormona de crecimiento bovina. La expresión de la subunidad p40 de la IL-12 está dirigida por el promotor del citomegalovirus humano (hCMV) y terminado con la señal de polyA del virus simio 40 (SV40). El plásmido también contiene un origen de replicación pUC y un gen de resistencia a *kanamicina*.

terapia génica (antiviral)

2418030-84-7

ledaborbactamum

ledaborbactam

(3*R*)-2-hydroxy-3-(propanamido)-3,4-dihydro-2*H*-1,2-benzoxaborinine-8-carboxylic acid
beta-lactamase inhibitor

lédaborbactam

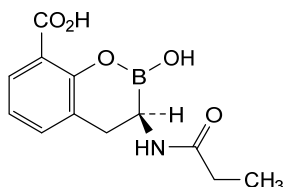
acide(3*R*)-2-hydroxy-3-(propanamido)-3,4-dihydro-2*H*-1,2-benzoxaborinine-8-carboxylique
inhibiteur de bêta-lactamase

ledaborbactam

ácido(3*R*)-2-hidroxi-3-(propanamido)-3,4-dihidro-2*H*-1,2-benzoxaborinina-8-carboxílico
inhibidor de la beta-lactamasa

C₁₂H₁₄BN₂O₅

1842397-36-7

**ledaborbactamum etzadroxilum**

ledaborbactam etzadroxil

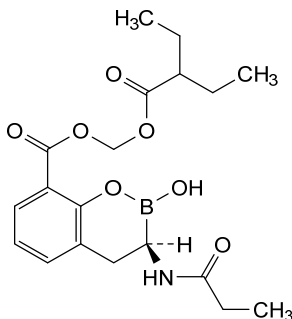
[(2-ethylbutanoyl)oxy]methyl (3*R*)-2-hydroxy-3-(propanamido)-3,4-dihydro-2*H*-1,2-benzoxaborinine-8-carboxylate
beta-lactamase inhibitor

lédaborbactam étzadroxil (3*R*)-2-hydroxy-3-(propanamido)-3,4-dihydro-2*H*-1,2-benzoxaborinine-8-carboxylate de [(2-éthylbutanoyl)oxy]méthyle
inhibiteur de la bêta-lactamase

ledaborbactam etzadroxil (3*R*)-2-hidroxi-3-(propanamido)-3,4-dihidro-2*H*-1,2-benzoxaborinina-8-carboxilato de [(2-étilbutanoil)oxi]metilo
inhibidor de la beta-lactamasa

C₁₉H₂₆BNO₇

1842399-68-1



lepunafuspum alfa #
lepunafusp alfa

humanized immunoglobulin G1-kappa Fab fragment (1-226) anti-(human transferrin receptor 1) fused via peptidyl linker ²²⁷GGGGSGGGSGGGGS²⁴¹ to human α-L-iduronidase isoform 1 (242-869), (221-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219'), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa;
immunoglobulin G1-kappa, humanized Fab fragment targeting the human transferrin receptor 1 (TfR1), fused with human α-L-iduronidase isoform 1, glycoform alfa: gamma1 heavy chain [*Homo sapiens* IGHV5-51*01; *Homo sapiens* IGHJ4*01; *Homo sapiens* IGHG1*01; VH: 1-118; CH1: 119-216; hinge: 217-226; CDR Kabat H1: NYWLG (31-35); CDR Kabat H2: DIYPGGDYPTYSEKFKV (50-66); CDR Kabat H3: SGNYDEVAY (99-107)] (1-226) fused via a (G₄S)₃ peptide linker (227-241) with human α-L-iduronidase (IDUA) isoform 1 (242-869), (221-219')-disulfide with kappa light chain [*Homo sapiens* IGKV2D-29*02; *Homo sapiens* IGKJ1*01; *Homo sapiens* IGKC*01; VL: 1-112; CL: 113-219; CDR Kabat L1: RSSQSLVHSNGNTYLH (24-39); CDR Kabat L2: KVSNRFS (55-61); CDR Kabat L3: SQSTHVPWT (94-102)] (1'-219'), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
enzyme replacement therapy

lépunafusp alfa

fragment Fab (1-226) humanisé de l'immunoglobuline G1-kappa anti-(récepteur 1 de la transferrine humaine) fusionné via une liaison peptique ²²⁷GGGGSGGGSGGGGS²⁴¹ à l'isoforme 1 de l'α-L-iduronidase humaine (242-869), (221-219')-disulfure avec une chaîne légère kappa (1'-219'), produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa;
immunoglobuline G1-kappa, fragment Fab humanisé ciblant le récepteur 1 de la transferrine humaine (TfR1), fusionné avec l'isoforme 1 de l'α-L-iduronidase humaine, glycoforme alfa: chaîne lourde gamma1 [*Homo sapiens* IGHV5-51*01; *Homo*

sapiens IGHJ4*01; *Homo sapiens* IGHG1*01; VH: 1-118; CH1: 119-216; charnière: 217-226; CDR Kabat H1: NYWLG (31-35); CDR Kabat H2: DIYPGGDYPTYSEKFKV (50-66); CDR Kabat H3: SGNYDEVAY (99-107)] (1-226), fusionnée via une liaison peptidique (G₄S)₃ (227-241) avec l'isoforme 1 de l'α-L-iduronidase (IDUA) humaine (242-869), (221-219')-disulfure avec la chaîne kappa légère [*Homo sapiens* IGKV2D-29*02; *Homo sapiens* IGKJ1*01; *Homo sapiens* IGKC*01; VL: 1-112; CL: 113-219; CDR Kabat L1: RSSQSLVHSNGNTYLH (24-39); CDR Kabat L2: KVSNRFS (55-61); CDR Kabat L3: SQSTHVPWT (94-102)] (1'-219'), produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
traitement enzymatique substitutif

lepunafusp alfa

fragmento Fab de inmunoglobulina G1-kappa humanizada (1-226) anti-(receptor 1 humano de la transferrina) fusionado mediante un conector peptidil ²²⁷GGGGSGGGSGGGGS²⁴¹ a la isoforma α-L-iduronidasa humana (242-869), (221-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219'), producido en células ováricas de hámster chino (CHO), glicoforma alfa;
inmunoglobulina G1-kappa, fragmento Fab humanizado cuya diana es el receptor 1 de la transferrina (TfR1), fusionado con la isoforma 1 de la α-L-iduronidasa humana, glicoforma alfa: cadena pesada gamma1 [*Homo sapiens* IGHV5-51*01; *Homo sapiens* IGHJ4*01; *Homo sapiens* IGHG1*01; VH: 1-118; CH1: 119-216; bisagra: 217-226; CDR Kabat H1: NYWLG (31-35); CDR Kabat H2: DIYPGGDYPTYSEKFKV (50-66); CDR Kabat H3: SGNYDEVAY (99-107)] (1-226), fusionada mediante un conector peptídico (G₄S)₃ (227-241) con la isoforma 1 de la α-L-iduronidasa (IDUA) humana (242-869), (221-219')-disulfuro con la cadena kappa ligera [*Homo sapiens* IGKV2D-29*02; *Homo sapiens* IGKJ1*01; *Homo sapiens* IGKC*01; VL: 1-112; CL: 113-219; CDR Kabat L1: RSSQSLVHSNGNTYLH (24-39); CDR Kabat L2: KVSNRFS (55-61); CDR Kabat L3: SQSTHVPWT (94-102)] (1'-219'), producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), glicoforma alfa
tratamiento enzimático de sustitución

2396411-71-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
EVQLVQSGAE VKKPGESLKI	50
YIPGGDYPTY SEKFKVQVTI	100
NYDEVAYWGQ GTLVTVSSAS	150
FPEPVTVSWN SGALTSGVHT	200
CNVNKHPSNT KVDKKVEPKS	250
DAARALWPLR RFWRSTGFCP	300
IKQVTRHWLL ELVTTTRGSTG	350
SASGHFTDFE DKQQVFWEKD	400
HHDFDNVMSM MQGFLNYDDA	450
WGLLRHCHDG TNFTTGEAGV	500
QLPFKFAFDP IYNDEADPLV	550
ANTTSAFFYA LLSNDNAFLS	600
PVLMTAGLLA LLDEEQWAE	650
RAAVLIYASD DTRAHPNRSV	700
GEWRRLGRPV FPTAEQFRMR	750
LLLVHVCARP EKPPGQVTRL	800
FSQDGKAYTP VSRKPSTFNL	850
PVPYLEVFPV RGPSPSGNP	869

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
DIVMTQTPLS LSVTPGQPAS	50
LLIYKVSNRF SGVPDRFSGS	100
WTFGQGKTVE IKRTVAAPSV	150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE	200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC	220

Peptide linker / Peptide liant / Péptido de unión
227 GGGGSGGGSGGGGS 241 (1-15)

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H 22-96, 145-201, 757-793
Intra-L 23'-93', 139'-199'
Inter-H-L 221-219'

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación
N326, N406, N552, N588, N631, N667
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

Ierapolturevum #

Ierapolturev

recombinant, oncolytic live attenuated poliovirus Sabin serotype 1 (PV1S) containing a heterologous internal ribosomal entry site (IRES) from human rhinovirus type 2 (HRV2)
virus-based therapy (antineoplastic)

Iérapolturev

poliovirus recombinant oncolytique vivant atténué de sérotype Sabin 1 (PV1S) contenant un site d'entrée ribosomique interne (IRES) hétérologue provenant du rhinovirus humain de type 2 (HRV2)
thérapie à base de virus (antinéoplasique)

Ierapolturev

poliovirus atenuado Sabin de serotipo 1 (PV1S) recombinante, oncolítico que contiene un sitio interno de entrada al ribosoma (IRES) heterólogo del rinovirus tipo 2 humano (HRV2)
terapia basada en virus (antineoplásico)

2430048-02-3

Iexanersenum

Iexanersen

(P^3S)-2'-O-methyl-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-O-methyl-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-deoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-deoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-deoxy-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-(P^3S)-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-(P^3R)-2'-deoxy-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-(P^3S)-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-O-methyl-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-methylguanosine
abnormal huntingtin synthesis reducer

Iexanersen

(P^3S)-2'-O-méthyl-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-O-méthyl-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-désoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-désoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-désoxy-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-(P^3S)-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-(P^3R)-2'-désoxy-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-(P^3S)-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-O-méthyl-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanosine
réducteur de la synthèse de huntingtine anormale

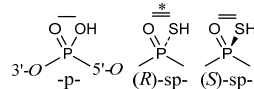
Iexanersén

(P^3S)-2'-O-metil-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metilciditidilil-(3'→5')-(P^3S)-2'-O-metil-*P*-tioadenilil-(3'→5')-(P^3S)-2'-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-(P^3S)-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-(P^3S)-2'-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-(P^3S)-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-(P^3S)-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-(P^3S)-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-(P^3S)-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-(P^3R)-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-(P^3S)-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-(P^3S)-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-(P^3S)-2'-O-metil-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-metilguanosina
reductor de la síntesis de huntingtina anormal

C₂₀₆H₂₆₂N₈₅O₁₁₂P₁₉S₁₃

2073015-40-2

(3'-5') G=U-G-C-A=d(C=A=C=A=G=T=A=G*=A=T=)G-A-G-G=

Legend:X : 2'-O-methylnucleotide
2'-O-méthylnucléotide
2'-O-metilnucléotidoX : 2'-deoxynucleotide
2'-désoxynucléotide
2'-desoxinucléotido**ligufalimabum #**
ligufalimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD47 (integrin associated protein, IAP, MER6, OA3)], monoclonal antibody;
gamma4 heavy chain (1-444) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1S126*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (79.6%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (85.7%) Q120>A (109), M123>T (112), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (118-215), hinge 1-12 S10>P (225) (216-227), CH2 (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV6-20*01 (84.2%) -IGKJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV3D-7*01 (78.9%) -IGKJ2*01 (91.7%) Q120>G (100), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (223-223":226-226")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

ligufalimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD47 (protéine associée à l'intégrine, IAP, MER6, OA3)], anticorps monoclonal;
chaîne lourde gamma4 (1-444) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1S126*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (79.6%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (85.7%) Q120>A (109), M123>T (112), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (118-215), charnière 1-12 S10>P (225) (216-227), CH2 (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV6-20*01 (84.2%) -IGKJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV3D-7*01 (78.9%) -IGKJ2*01 (91.7%) Q120>G (100), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

ligufalimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD47 (proteína asociada a la integrina, IAP, MER6, OA3)], anticuerpo monoclonal;

cadena pesada gamma4 (1-444) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1S126*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (79.6%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (85.7%) Q120>A (109), M123>T (112), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106))] (1-117)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (118-215), bisagra 1-12 S10>P (225) (216-227), CH2 (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV6-20*01 (84.2%) -IGKJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV3D-7*01 (78.9%) -IGKJ2*01 (91.7%) Q120>G (100), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (226-226'':229-229'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2428381-55-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
VQQLVQSGAE VVKPGASVKL SCKASGYTFT SYWMNVWRQR PGQGLEWIGM 50
IDPSDSETHN AQKFGKATL TVDKSTSTAY MHLSSLRSED TAVYYCARLY 100
RWYFDVWGAG TTVTVSSAST KGPSVFPLAP CSRSTSESTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVTPS SSLGKTITYC 200
NVDHKPSNTK VDKRVESEKYG PCPPPCPAPE FLGGPSVFLF PPKPKDTLMI 250
SRTPEVTCVV VDVSEQEDPEV QFNWYVDGVE VHNAKTKPRE EQFNSTYTRVV 300
SVLTVLHQDW LNGKEYCKEV SNKGLPSSIE KTISKAKGQP REPQVYTLFP 350
SQEEMTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEVES NGQPENNYKT TPPVLDSDGS 400
FFLYSRLTVD KSRWQEGNVF SCSVMHEALH NHYTKQSLSL SLGK 444

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
NIVMTQSPAT MSMSFGERVT LSCRASEIVG TYVSWFQKQP GQAPRLLIYG 50
ASNRYTGSPA RFSGSGSGTD FTLTISSVQP EDLADYHCGQ SYNFPYTFGG 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNEY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 144-200 258-318 364-422
22"-96" 144"-200" 258"-318" 364"-422"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23'''-88''' 134'''-194'''
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 131-214" 131"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 223-223" 226-226"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
H VH Q1 > pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl); 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 294, 294"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 444, 444"

lisaftoclaxum

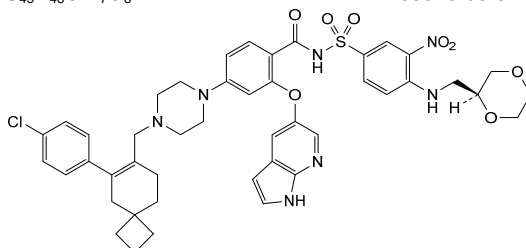
lisaftoclax 1⁴-chloro-*N*-[4-(((2*S*)-1,4-dioxan-2-yl)methyl)amino]-3-nitrobenzene-1-sulfonyl]-7¹*H*-6-oxa-7(5)-pyrrolo[2,3-*b*]pyridina-4(1,4)-piperazina-2(6,7)-spiro[3.5]nonana-1(1),5(1,3)-dibenzenaheptaphan-2⁶-ene-5⁴-carboxamide
antineoplastic

lisaftoclax 1⁴-chloro-*N*-[4-(((2*S*)-1,4-dioxan-2-yl)méthyl)amino]-3-nitrobenzène-1-sulfonyl]-7¹*H*-6-oxa-7(5)-pyrrolo[2,3-*b*]pyridina-4(1,4)-pipérazina-2(6,7)-spiro[3.5]nonana-1(1),5(1,3)-dibenzénaheptaphan-2⁶-ène-5⁴-carboxamide
antinéoplasique

lisaftoclax 1⁴-cloro-*N*-[4-(((2*S*)-1,4-dioxan-2-il)metil)amino]-3-nitrobenzeno-1-sulfonyl]-7¹*H*-6-oxa-7(5)-pirrolo[2,3-*b*]piridina-4(1,4)-piperazina-2(6,7)-espiro[3.5]nonana-1(1),5(1,3)-dibencenaheptafan-2⁶-eno-5⁴-carboxamida
antineoplásico

C₄₅H₄₈ClN₇O₈S

2180923-05-9

**livmoniplimabum #**

livmoniplimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* LRRC32 (leucine rich repeat containing 32, transforming growth factor beta activator LRRC32, glycoprotein A repetitions predominant, GARP) / *Homo sapiens* TGFB1 (transforming growth factor beta1, TGF beta) complex], chimeric and humanized monoclonal antibody; gamma4 heavy chain chimeric (1-452) [VH Vicpac/Homsap (*Vicugna pacos*IGHV1-1*01 (87.8%) - (IGHD) -IGHJ3*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (85.7%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%), CDR-IMGT [8.8.19] (26-33.51-58.97-115)) (1-126)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (127-224), hinge 1-12 S10>P (234) (225-236), CH2 (237-346), CH3 (347-451), CHS K2>del (452)) (127-452)], (140-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (85.3%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (232-232":235-235")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa

immunomodulator, antineoplastic

livmoniplimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[complexe *Homo sapiens* LRRC32 (membre 32 contenant des répétitions riches en leucine, activateur LRRC32 du facteur de croissance transformant bêta, glycoprotéine A répétitions prédominantes, GARP) / *Homo sapiens* TGFB1 (facteur de croissance transformant bêta1, TGF bêta)], anticorps monoclonal chimérique et humanisé; chaîne lourde gamma4 chimérique (1-452) [VH Vicpac/Homsap (*Vicugna pacos*IGHV1-1*01 (87.8%) - (IGHD) -IGHJ3*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (85.7%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%), CDR-IMGT [8.8.19] (26-33.51-58.97-115)) (1-126)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (127-224), charnière 1-12 S10>P (234) (225-236), CH2 (237-346), CH3 (347-451), CHS K2>del (452)) (127-452)], (140-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (85.3%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (232-232":235-235")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa

immunomodulateur, antinéoplasique

livmoniplimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[complejo *Homo sapiens* LRRC32 (miembro 32 conteniendo repeticiones ricas en leucina, activador LRRC32 del factor de crecimiento transformante beta, glicoproteína A repeticiones predominantes, GARP)] / *Homo sapiens* TGFB1 (factor de crecimiento transformante beta1, TGF beta)], anticuerpo monoclonal quimérico y humanizado; cadena pesada gamma4 quimérica (1-452) [VH Vicpac/Homsap (*Vicugna pacos* IGHV1-1*01 (87.8%) - (IGHD) -IGHJ3*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (85.7%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%), CDR-IMGT [8.8.19] (26-33.51-58.97-115)) (1-126)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (127-224), bisagra 1-12 S10>P (234) (225-236), CH2 (237-346), CH3 (347-451), CHS K2>del (452)) (127-452)], (140-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (85.3%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (232-232":235-235")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa *immunomodulador, antineoplásico*

2412004-88-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQPGAE VRKPGASVKV SCKASGYRFT SYIIDWVRQA PGQGLEWMGR 50
IDPEDAGTKY AQKFGGRVTM TADTSTSTVY VELSSLRSED TAVYYCARYE 100
WETVVVGDLM YEYFYWGQGT LVTVSSASTK GPSVFFLAPC SRSTSESTAA 150
LGCLVKDYFP EPVTVSWNSG ALTSQVHTFP AVLQSSGLYS LSSVTVTPSS 200
SLGKTYTCN VDHKPSNTKV DKRVESKYGP PCPPCPAPEF LGGPSVFLFP 250
PKPKDTLMIS RTPEVTCVVV DVSQEDPEVQ FNWYVDGVEV HNAKTKPREE 300
QFNSTYRVVS VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKGLPSSIEK TISKAKGQPR 350
EPQVYTLPPS QEEMTKQVVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN GQPENNYKTT 400
FPVLDSGGSF FLYSRLTVDK SRWQEGNVFS CSVMHEALHN HYTKSLSLS 450
LG 452

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCASQGIS SYLAWYQQKFP GPAPKILIYG 50
ASRLKTVGPS RFGSGSGSTS FTLTISLLEP EDAATYYCQQ YASVPVTFQG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWQV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYERKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 153-209 267-327 373-431
22"-96" 153"-209" 267"-327" 373"-431"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23""-88"" 134""-194""
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 140-214' 140"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 232-232" 235-235"

N-terminal glutaminyI cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
H VH Q1>pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl); 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:303,303"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados.

lixadesiranum
lixadesiran

guanylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-cytidylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-cytidylyl-(3'→5')-cytidylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-cytidylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-adenylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-adenylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-uridine,

lomtégovimab immunoglobuline G1-kappa, anti-[domaine de liaison au récepteur (RBD) de la glycoprotéine spike (S) du coronavirus 2 du syndrome respiratoire aigu sévère (SARS-CoV-2)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-33*03 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (90.9%) M123>L (115), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens*IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-5*03 (89.4%) -IGKJ4*01 (91.7%) E125>D (105), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
antiviral

lomtegovimab inmuno globulina G1-kappa, anti-[dominio de unión al receptor (RBD) de la glicoproteína spike (S) del coronavirus 2 del síndrome respiratorio agudo severo (SARS-CoV-2)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-33*03 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (90.9%) M123>L (115), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens*IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-5*03 (89.4%) -IGKJ4*01 (91.7%) E125>D (105), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
antiviral

2550869-33-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVESGGG VQPGKSLRL SCAATGFTFR RYGMHWVRQA PGKGLEWVAG 50
ILFDGSKNYK VDSVKGRETI SRDSSRNTLY LQLNSLRRED TAVYYCAKGG 100
DYEWELLESW GQGLTLVTSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPPTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKRVPE KSCDKTHTCP PCPAPPELLGG PSVFLFPPPK 250
KDTLMISRTPEVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA RTKPFREEQYN 300
STYRVVSVLT VLNQDNLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLT LKVGFPYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LSDSGSFELY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNYHT QKSLSLSPG 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPST VSASVGDRTV ITCRASQSID NWLAWYQKPK GKAPKVLIIK 50
ASSLESGVPS RFSRGSGSTE FTLTISSLQP GDFATYYCQH YHSFPLTFGG 100
GTKVDIKRTV AAPSVPFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYERKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'''-88''' 134'''-194'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214' 223"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
H VH QI > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl): 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 300, 300"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

lorigerlimabum #

lorigerlimab

immunoglobulin G4 scFv-h-CH2-CH3_scFv, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD1, PD-1, CD279)] and anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (cytotoxic T-lymphocyte-associated protein 4, CD152)], chimeric, *Homo sapiens* and humanized monoclonal antibody, tetravalent, bispecific;

scFv-h-CH2-CH3, chimeric and *Homo sapiens*, anti-PDCD1 and anti-CTLA4 (1-499) [scFv-V-KAPPA-VH (1-237) [V-KAPPA anti-PDCD1 Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-2*01 (80.8%) -(IGHD) -IGKJ2*01 (91.7%) L124>V (108)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (77.7%) -(IGHD) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101)) (1-111) -8 mer triglycyl-seryl-tetraglycyl linker (112-119) -VH anti-CTLA4 (*Homo sapiens* IGHV3-30*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (145-152.170-177.216-226)) (120-237)] -E-coil linker (238-271) [6-mer diglycyl-cysteiny-triglycyl linker (238-243) -28-mer (glutamyl-valyl-dialanyl-cysteinyl-glutamyl-lysyl)-tris(glutamyl-valyl-dialanyl-leucyl-glutamyl-lysyl) E-coil motif (244-271)] -[scFc *Homo sapiens* IGHG4*01 h-CH2-CH3, G4v5 h P10, G4v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (hinge 1-12 S10>P (281) (272-283), CH2 M15.1>Y (305), S16>T (307), T18>E (309) (284-393), CH3 (394-498), CHS K2>del (499)) (272-499)] (248"-246')-disulfide with scFv-V-KAPPA-VH, *Homo sapiens* and humanized, anti-CTLA4 and anti-PDCD1(1'-269') [V-KAPPA anti-CTLA4 (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (99.0%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27-33.51-53.90-98)) (1'-108') -8 mer triglycyl-seryl-tetraglycyl linker (109'-116') -VH anti-PDCD1 (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.12] (142-149.167-174.213-224)) (117'-235')] -K-coil linker (236'-269') [6-mer diglycyl-cysteinyl-triglycyl linker (236'-241') -28-mer (lysyl-valyl-dialanyl-cysteinyl-lysyl-glutamyl)-tris(lysyl-valyl-dialanyl-leucyl-lysyl-glutamyl) K-coil motif (242'-269')]; dimer (279-279":282-282")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-S cell line, glycoform alfa

immunomodulator, antineoplastic

lorigerlimab

immunoglobuline G4-kappa scFv-h-CH2-CH3_scFv, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD1, PD-1, CD279)] et anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (protéine 4 associée aux lymphocytes T cytotoxiques, CD152)], anticorps monoclonal chimérique, *Homo sapiens* et humanisé, tétravalent, bispécifique;

scFv-h-CH2-CH3, chimérique et *Homo sapiens*, anti-PDCD1 et anti-CTLA4 (1-499) [scFv-V-KAPPA-VH (1-237) [V-KAPPA anti-PDCD1 Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-2*01 (80.8%) -(IGHD) -IGKJ2*01 (91.7%) L124>V (108)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (77.7%) -(IGHD) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101)) (1-111) -8-mer triglycyl-séryl-tétraglycyl linker (112-119) -VH anti-CTLA4 (*Homo sapiens* IGHV3-30*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (145-152.170-177.216-226)) (120-237)] -linker-E-coil (238-271) [6-mer diglycyl-cystéinyl-triglycyl linker (238-243) -28-mer (glutamyl-valyl-dialanyl-cystéinyl-glutamyl-lysyl)-tris(glutamyl-valyl-dialanyl-leucyl-glutamyl-lysyl) motif E-coil (244-271)] -[scFc *Homo sapiens* IGHG4*01

h-CH2-CH3, G4v5 h P10, G4v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (charnière1-12 S10>P (281) (272-283), CH2 M15.1>Y (305), S16>T (307), T18>E (309) (284-393), CH3 (394-498), CHS K>del (499)) (272-499)], (248"-246')-disulfure avec scFv-V-KAPPA-VH, *Homo sapiens* et humanisée, anti-CTLA4 et anti-PDCD1(1'-269') [V-KAPPA anti-CTLA4 (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (99.0%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27-33.51-53.90-98)) (1'-108') -8-mer triglycyl-séryl-tétraglycyl linker (109'-116') -VH anti-PDCD1 (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.12] (142-149.167-174.213-224)) (117'-235')] -linker K-coil (236'-269') [6-mer diglycyl-cystéinyl-triglycyl linker (236'-241') -28-mer (lysyl-valyl-dialanyl-cystéinyl-lysyl-glutamyl)-tris(lysyl-valyl-dialanyl-leucyl-lysyl-glutamyl) motif K-coil (242'-269')]; dimère (279-279":282-282")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

lorigerlimab

inmunoglobulina G4-kappa scFv-h-CH2-CH3_scFv, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD1, PD-1, CD279)] y anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (proteína 4 asociada a los linfocitos T citotóxicos, CD152)], anticuerpo monoclonal quimérico, *Homo sapiens* y humanizado, tetravalente, biespecífico; scFv-h-CH2-CH3, quimérico y *Homo sapiens*, anti-PDCD1 y anti-CTLA4 (1-499) [scFv-V-KAPPA-VH (1-237) [V-KAPPA anti-PDCD1 Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-2*01 (80.8%) -(IGHD) -IGKJ2*01 (91.7%) L124>V (108)]/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (77.7%) -(IGHD) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101)) (1-111) -8-mer triglicil-seril-tetraglicil linker (112-119) -VH anti-CTLA4 (*Homo sapiens* IGHV3-30*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (145-152.170-177.216-226)) (120-237)] -linker-E-coil (238-271) [6-mer diglicil-cisteinil-triglicil linker (238-243) -28-mer (glutamyl-valil-dialanil-cisteinil-glutamyl-lisil)-tris(glutamyl-valil-dialanil-leucil-glutamyl-lisil) motif E-coil (244-271)] -[scFc *Homo sapiens* IGHG4*01 h-CH2-CH3, G4v5 h P10, G4v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (bisagra1-12 S10>P (281) (272-283), CH2 M15.1>Y (305), S16>T (307), T18>E (309) (284-393), CH3 (394-498), CHS K>del (499)) (272-499)], (248"-246')-disulfuro con scFv-V-KAPPA-VH, *Homo sapiens* y humanizada, anti-CTLA4 et anti-PDCD1(1'-269') [V-KAPPA anti-CTLA4 (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (99.0%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27-33.51-53.90-98)) (1'-108') -8-mer triglicil-seril-tetraglicil linker (109'-116') -VH anti-PDCD1 (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.12] (142-149.167-174.213-224)) (117'-235')] -linker K-coil (236'-269') [6-mer diglicil-cisteinil-triglicil linker (236'-241') -28-mer (lisil-valil-dialanil-cisteinil-lisil-glutamyl)-tris(lisil-valil-dialanil-leucil-lisil-glutamyl) motif K-coil (242'-269')]; dímero (279-279":282-282")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-S, forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2416595-46-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASESVD NYGMSFMNWF QQKPGQPPKL 50
LIHAASNQGS GVFSRFSGSG SGTDFLTIS SLEPEDFAVY FCQGSKEVPY 100
TFGGGTKEVI KGGSGGGGGQ VQLVESGGGV VQPGSRSLRS CAASGFTFSS 150
YTHHWVQAP KGLEWVTFI SYDSGNKHYA DSVKGRFTVS RDNSKNTLYL 200
QMNSLRAEDT AIYYCARTGW LGPFYDWGG TLVTVSSGGC GGGEVAACEK 250
EVAALKEVA ALEKEVALE KESKYGPFCP PCPAEFLGG PSVFLFPKP 300
KDTLYITREP EVTCVVVDVS QEDPEVQFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQFN 350
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKG LPSSIEKTS KAKGQPREPQ 400
VYTLPPSQEE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTPPV 450
LDSGSGFFLY SRLTVDKSRW QEGNVFSCSV MHEALNNHYT QKSLSLSLG 499

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRAQSQSV SSFLAWYQQK PGQAPRLIIY 50
GASSRATGIP DRFGSGSGST DFTLTISRL PEDFAVYYCQ QYGSPPWTFG 100
QGTKEVIKGG GSGGGGGVQL VQSGAEVKKP GASVKVSCKA SGYSFTSYMM 150
NWVWQAPQGG LEWIGVIHPS DSETWLDQKF KDRVITITVDK STSTAYMELS 200
SLRSEDVAVY YCAREHYGTS PFAYWGQGTI VTVSSGGCGK GGVAACEKV 250
AALKEKVAAL KEKVAALKE 269

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) anti-PD1 VL: 23'-92" anti-CTLA4 VH: 141'-215' Fc: 314'-374', 420'-478'
anti-PD1 VL: 23"-92" anti-CTLA4 VH: 141"-215' Fc: 314"-374", 420"-478"
Intra-L (C23-C104) anti-CTLA4 VL: 23'-89" anti-PD1 VH: 138'-212'
anti-CTLA4 VL: 23"-89" anti-PD1 VH: 138"-212"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) G6 linkers: 240-238', 240-238"
E- and K-coil peptides: 248-246', 248"-246"
Inter-H-H (h 8, h 11) 279-279", 282-282"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 350, 350"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

lotazadromcelum
lotazadromcel

allogeneic mesenchymal progenitor cells prepared from subcutaneous adipose tissue of healthy donors (18-40 years old), collected by liposuction. The adipose tissue is digested and the released cells placed in culture medium containing insulin-transferrin-selenium, recombinant human basic fibroblast growth factor (bFGF), and recombinant human epidermal growth factor (EGF). The cells are frozen at an early passage (Master Cell Bank / Working Cell Bank), and then resuscitated and culture expanded to around passage 7. The cells express mesenchymal progenitor cell marker CD73, CD90, and CD105 (>95%) and do not express human leukocyte antigen (HLA) DR, CD14, and CD45 (<2%). The cells are capable to differentiate into chondroblasts under standard *in vitro* tissue culture-differentiating conditions and demonstrate the inhibitory effect of mesenchymal progenitor cells on the proliferation of T lymphocytes.
cell therapy (tissue regeneration)

lotazadromcel

cellules progénitrices mésenchymateuses allogéniques préparées à partir du tissu adipeux sous-cutané de donneurs sains (18-40 ans), prélevé par liposuccion. Le tissu adipeux est digéré, et les cellules libérées sont placées dans un milieu de culture contenant de l'insuline-transferrine-sélénium, du facteur de croissance basique des fibroblastes (bFGF) humain recombinant, et du facteur de croissance épidermique (EGF) humain recombinant. Les cellules sont congelées à un stade précoce (Master Cell Bank / Working Cell Bank), puis ressuscitées et mises en culture d'amplification jusqu'au passage 7 environ. Les cellules expriment les marqueurs de cellules progénitrices mésenchymateuses CD73, CD90 et CD105 (>95%) et n'expriment pas l'antigène leucocytaire humain (HLA) DR, CD14 et CD45 (<2%). Les cellules sont capables de se différencier en chondroblastes dans des conditions standard de différenciation de culture tissulaire *in vitro* et démontrent l'effet inhibiteur des progéniteurs mésenchymateux sur la prolifération des lymphocytes T.
thérapie cellulaire (régénération tissulaire)

lotazadromcel

células progenitoras mesenquimales autólogas preparadas a partir de tejido adiposo subcutáneo de donantes sanos (entre 18-40 años de edad), recogido mediante liposucción. El tejido adiposo se digiere, y las células liberadas se ponen en medio de cultivo que contiene insulina-transferrina-selenio, factor básico de crecimiento de fibroblastos (bFGF) humano recombinante, y factor de crecimiento epidérmico (EGF) humano recombinante. Las células se congelan en un pase temprano (Banco de Células Maestro/Banco de Células de Trabajo), y después se resucitan y expanden en cultivo hasta aproximadamente 7 pases. Las células expresan los marcadores de células progenitoras mesenquimales CD73, CD90 y CD105 (>95%) y no expresan el antígeno leucocitario humano (HLA) DR, CD14 y CD45 (<2%). Las células son capaces de diferenciarse en condroblastos bajo condiciones de cultivo estándar para diferenciación *in vitro* y demuestran el efecto inhibidor de las células progenitoras mesenquimales en la proliferación de linfocitos T.

terapia celular (regeneración tisular)

lovotibeglogenum autotemcelum

lovotibeglogene autotemcel

autologous CD34+ hematopoietic stem cells (HSCs) obtained from mobilised peripheral blood, from patients with sickle cell disease. The cells are transduced with *betibeglogene darolentivec*, a self-inactivating human immunodeficiency virus (HIV-1)-derived lentiviral vector encoding a T87Q-mutated form of the human hemoglobin subunit beta (HBB, beta-globin) gene under the control of a human beta-globin promoter and a 3' beta-globin enhancer; the vector genome is flanked by 5' and 3' long terminal repeats (LTRs) and contains a ψ packaging signal, a Rev response element (RRE), and two polypurine tract (PPT) sequences. The CD34+ cell population was enriched using immunomagnetic microbeads, and then cultured in a stem cell growth medium, supplemented with recombinant human cytokines such as stem cell factor (SCF), FMS-related tyrosine kinase 3 ligand (Flt-3L) and thrombopoietin (TPO). The cells consist of CD34+ cells ($\geq 70\%$), of which $\geq 56\%$ express the transgene.

cell-based gene therapy (sickle cell disease)

lovotibéglogène autotemcel

cellules souches hématopoïétiques (HSCs) CD34+ autologues obtenues à partir de sang périphérique mobilisé, provenant de patients atteints de drépanocytose. Les cellules sont transduites avec *bétibéglogène darolentivec*, un vecteur lentiviral auto-inactivant dérivé du virus de l'immunodéficience humaine (HIV-1) codant pour une forme mutée T87Q du gène de la sous-unité bêta de l'hémoglobine humaine (HBB, bêta-globine) sous le contrôle du promoteur de la bêta-globine humaine et d'un amplificateur de la bêta-globine en 3'; le génome du vecteur est flanqué de longues répétitions terminales (LTRs) en 5' et 3' et contient un signal d'encapsidation ψ , un élément de réponse Rev (RRE) et deux séquences du tractus de polypurine central (cPPT). La population de cellules CD34+ a été enrichie à l'aide de microbilles immunomagnétiques, puis cultivée dans un milieu de croissance de cellules

	souches, complété par des cytokines humaines recombinantes telles que le facteur de cellules souches (SCF), le ligand de la tyrosine kinase 3 lié au FMS (Flt-3L) et la thrombopoïétine (TPO). Les cellules sont constituées de cellules CD34+ (≥70%), dont ≥56% expriment le transgène. <i>thérapie génique à base de cellules (anémie falciforme)</i>
lovotibeglogén autotemcel	células madre hematopoyéticas CD34+ autólogas obtenidas a partir de células movilizadas de sangre periférica de pacientes con enfermedad de células falciformes. Las células se transducen con <i>betibeglogene darolentivec</i>, un vector lentiviral derivado del virus de la inmunodeficiencia humana (VH-1), auto inactivante, que codifica un gen de una forma mutada T87Q de la subunidad beta de la hemoglobina humana (HBB, beta-globina) bajo el control de un promotor de la beta-globina humana y un potenciador de la beta-globina en 3'; el genoma del vector está flanqueado por repeticiones terminales largas (LTRs) en 5' y 3' y contiene una señal de empaquetamiento ψ, un elemento de respuesta Rev (RRE), y dos trectos de poli-purina central (cPPT). La población de células CD34+ se enriqueció usando microbolas inmunomagnéticas, y después las células se cultivaron en un medio de cultivo de células madre, suplementado con citoquinas humanas recombinantes tales como el factor de células madre (SCF), el ligando de tirosina quinasa 3 tipo FMS (Flt-3L) y trombopoyetina (TPO). Las células constan de células CD34+ (≥70%), de las cuales ≥56% expresan el transgen. <i>terapia génica basada en células (anemia drepanocítica)</i>
lufepirsenum lufepirsen	2'-deoxyguanylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-2'-deoxyadenylyl-(3'→5')-2'-deoxyadenylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-2'-deoxyguanylyl-(3'→5')-2'-deoxycytidylyl-(3'→5')-2'-deoxyguanylyl-(3'→5')-2'-deoxycytidylyl-(3'→5')-2'-deoxyadenylyl-(3'→5')-2'-deoxyadenylyl-(3'→5')-2'-deoxyguanylyl-(3'→5')-2'-deoxyadenylyl-(3'→5')-2'-deoxyguanylyl-(3'→5')-2'-deoxyadenylyl-(3'→5')-2'-deoxyguanylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-2'-deoxyguanylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-2'-deoxycytidylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-2'-deoxyguanylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-2'-deoxycytidine <i>gap junction alpha-1 protein synthesis reducer</i>
lufépirsen	2'-désoxyguanylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-2'-désoxyadénylyl-(3'→5')-2'-désoxyadénylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-2'-désoxyguanylyl-(3'→5')-2'-désoxycytidylyl-(3'→5')-2'-désoxyguanylyl-(3'→5')-2'-désoxyguanylyl-(3'→5')-2'-désoxycytidylyl-(3'→5')-2'-désoxyadénylyl-(3'→5')-2'-désoxyadénylyl-(3'→5')-2'-désoxyadénylyl-

(3'→5')-2'-désoxyguanylyl-(3'→5')-2'-désoxyadénylyl-(3'→5')-2'-désoxyadénylyl-(3'→5')-2'-désoxyguanylyl-(3'→5')-2'-désoxyadénylyl-(3'→5')-2'-désoxyadénylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-2'-désoxyguanylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-2'-désoxycytidylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-2'-désoxyguanylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-2'-désoxycytidine
réducteur de la synthèse de la protéine alpha-1 de la jonction communicante

lufepirsén

2'-desoxiguanilil-(3'→5')-timidilil-(3'→5')-2'-desoxiadenilil-(3'→5')-2'-desoxiadenilil-(3'→5')-timidilil-(3'→5')-timidilil-(3'→5')-2'-desoxiguanilil-(3'→5')-2'-desoxicitidilil-(3'→5')-2'-desoxiguanilil-(3'→5')-2'-desoxiguanilil-(3'→5')-2'-desoxicitidilil-(3'→5')-2'-desoxiadenilil-(3'→5')-2'-desoxiadenilil-(3'→5')-2'-desoxiguanilil-(3'→5')-2'-desoxiadenilil-(3'→5')-2'-desoxiguanilil-(3'→5')-2'-desoxiadenilil-(3'→5')-2'-desoxiguanilil-(3'→5')-timidilil-(3'→5')-timidilil-(3'→5')-2'-desoxiguanilil-(3'→5')-timidilil-(3'→5')-timidilil-(3'→5')-timidilil-(3'→5')-2'-desoxicitidilil-(3'→5')-timidilil-(3'→5')-2'-desoxiguanilil-(3'→5')-timidilil-(3'→5')-2'-desoxicitidina
reductor de la síntesis de la proteína alfa-1 de unión gap

C₂₉₆H₃₇₁N₁₁₂O₁₈₀P₂₉

287122-58-1

(3'-5') d(G-T-A-A-T-T-G-C-G-G-C-A-A-G-A-A-G-A-A-T-T-G-T-T-C-T-G-T-C)

lufotrelvirum

lufotrelvir

(3S)-3-[(2S)-2-(4-methoxy-1H-indole-2-carboxamido)-4-methylpentanamido]-2-oxo-4-[(3S)-2-oxopyrrolidin-3-yl]butyl dihydrogen phosphate
antiviral

lufotrelvir

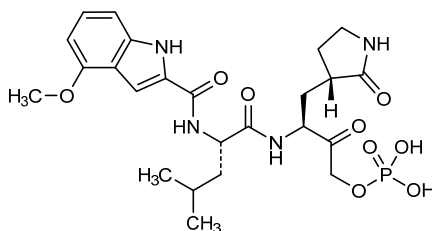
dihydrogénophosphate de (3S)-3-[(2S)-2-(4-méthoxy-1H-indole-2-carboxamido)-4-méthylpentanamido]-2-oxo-4-[(3S)-2-oxopyrrolidin-3-yl]butyle
antiviral

lufotrelvir

dihidrogenofosfato de (3S)-3-[(2S)-4-metil-2-(4-metoxi-1H-indol-2-carboxamido)pentanamido]-2-oxo-4-[(3S)-2-oxopirrolidin-3-il]butilo
antiviral

C₂₄H₃₃N₄O₉P

2468015-78-1



lutetium (¹⁷⁷Lu) zadavotidum guraxetanumlutetium (¹⁷⁷Lu) zadavotide guraxetan

[N-{(4S)-4-carboxy-κO-4-[4,7,10-tris(carboxy-κ³O⁴,O⁷,O¹⁰-methyl)-1,4,7,10-tetraazacyclododecan-1-yl-κ⁴N¹,N⁴,N⁷,N¹⁰]butanoyl}-3-iodo-D-tyrosyl-D-phenylalanyl-N⁶-(8-{N²-[(L-glutamic acid-N-yl)carbonyl]-L-lysyl-N⁶-yl}-8-oxooctanoyl)-D-lysylato(3-))](¹⁷⁷Lu)lutetium
antineoplastic

lutécium (¹⁷⁷Lu) zadavotide guraxétan

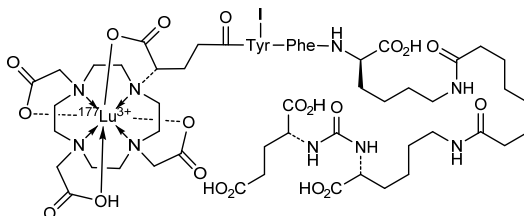
[N-{(4S)-4-carboxy-κO-4-[4,7,10-tris(carboxy-κ³O⁴,O⁷,O¹⁰-méthyl)-1,4,7,10-tétraazacyclododécane-1-yl-κ⁴N¹,N⁴,N⁷,N¹⁰]butanoïl}-3-iodo-D-tyrosyl-D-phénylalanyl-N⁶-(8-{N²-[(acide L-glutamique-N-yl)carbonyl]-L-lysyl-N⁶-yl}-8-oxooctanoïl)-D-lysylato(3-))](¹⁷⁷Lu)lutécium
antinéoplasique

lutecio (¹⁷⁷Lu) zadavotida guraxetán

[N-{(4S)-4-carboxi-κO-4-[4,7,10-tris(carboxi-κ³O⁴,O⁷,O¹⁰-metil)-1,4,7,10-tetraazaciclododecan-1-il-κ⁴N¹,N⁴,N⁷,N¹⁰]butanoil}-3-iodo-D-tirosil-D-fenilalanil-N⁶-(8-{N²-[(ácido L-glutámico-N-il)carbonil]-L-lisil-N⁶-il}-8-oxooctanoil)-D-lisinato(3-))](¹⁷⁷Lu)lutecio
antineoplásico

C₆₃H₈₉I¹⁷⁷LuN₁₁O₂₃

2447131-70-4

**luxetpinibum**

luxetpinib

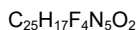
N-{3-fluoro-4-[7-(4-methyl-1H-imidazol-2-yl)-1-oxo-2,3-dihydro-1H-isoindol-4-yl]phenyl}-N'-(2,4,6-trifluorophenyl)urea
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

luxetpinib

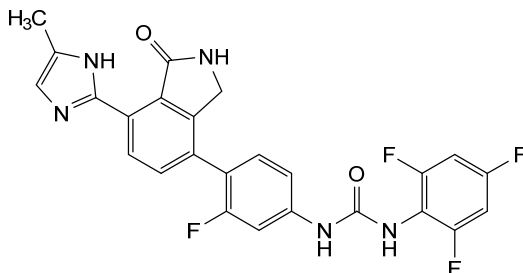
N-{3-fluoro-4-[7-(4-méthyl-1H-imidazol-2-yl)-1-oxo-2,3-dihydro-1H-isoindol-4-yl]phényl}-N'-(2,4,6-trifluorophényl)urée
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

luxetpinib

N-{3-fluoro-4-[7-(4-metil-1H-imidazol-2-il)-1-oxo-2,3-dihidro-1H-isoindol-4-il]fenil}-N'-(2,4,6-trifluorofenil)urea
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico



1616428-23-9

**manfidokimabum #**

manfidokimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL4R (interleukin 4 receptor, IL4RA, IL-4RA, CD124)], humanized monoclonal antibody; gamma4 heavy chain humanized (1-443) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%) L123>S (111), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (117-214), hinge 1-12 S10>P (224) (215-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (117-443)], (130-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (83.2%) -IGKJ4*01 (81.8%) K123>N (103), V124>L (104), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (222-222'':225-225'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator

manfidokimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL4R (récepteur de l'interleukine 4, IL4RA, IL-4RA, CD124)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma4 humanisée (1-443) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%) L123>S (111), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (117-214), charnière 1-12 S10>P (224) (215-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (117-443)], (130-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (83.2%) -IGKJ4*01 (81.8%) K123>N (103), V124>L (104), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (222-222'':225-225'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur

manfidokimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL4R (receptor de la interleukina 4, IL4RA, IL-4RA, CD124)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma4 humanizada (1-443) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%) L123>S (111), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (117-214), bisagra 1-12 S10>P (224) (215-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (117-443)], (130-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (83.2%) -IGKJ4*01 (81.8%) K123>N (103), V124>L (104), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (222-222'':225-225'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
inmunomodulador

2428381-56-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VVKPGASVKV SKRTSGYTFT EYTIHWVRQA PGQSLEWIGG 50
INPNNGGTVY NQKFQGVKTL TVDKSTSTAY MELSSLSRSED TAVYYCARVR 100
RGM DYWGQGT SVTVSSASTK GPSVFFLAPC SRSTSESTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVVTVPSS SLGKTITCTN 200
VDHKPSNTKV DKRVESKYGP PCPPCPAPEF LGGPSVFLFP PKPKDTLMIS 250
RTPEVTCVVV DVSQEDPEVQ FNWYVDGVEV HNAKTKPREE QFNSTYRVVS 300
VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKGLPSSIEK TISKAKGQPR EPQVYTLPPS 350
QEEMTKNQVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN GQPENNYKTT FVPLDSGGSF 400
FLYSRLTVDK SRWQEGNVFS CSVMHEALHN HYTKSLSLG LGK 443

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCRASQDVT TAVAWYQQKPK GKAPKLLIYS 50
ASYRYTGVPS RFGSGSGGTD FTLTISSVQP EDLATYYCQQ HYSAPWTFGG 100
GTNLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22°-96' 143°-199' 257°-317' 363°-421'
22°-96" 143°-199" 257°-317" 363°-421"
Intra-L (C23-C104) 23°-88' 134°-194'
23°-88" 134°-194"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 130°-214' 130°-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 222°-222" 225°-225"

N-terminal glutaminylation cyclization / Cyclisation du glutaminylation N-terminal / Ciclación del glutaminylation N-terminal
H VH Q1 > pyroglutamylation (pE, 5-oxoprolyl); 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84,4:293,293"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:443,443"

marnetegragenum autotemcelum #
marnetegragene autotemcel

autologous CD34+ hematopoietic cells obtained from mobilised peripheral blood, transduced with a self-inactivating, non-replicating lentiviral vector expressing human integrin $\beta 2$ (ITGB2, CD18) under the control of a cathepsin G (CatG)/c-Fes chimeric promoter; the construct is flanked by 5' and 3' long terminal repeats (LTRs) and also contains a ψ packaging signal, a Rev response element (RRE), a central polypurine tract (cPPT) sequence and the Woodchuck hepatitis virus post-transcriptional regulatory element (WPRE). The vector is pseudotyped with the envelope glycoprotein (G) of vesicular stomatitis virus (VSV). The CD34+ cell population was enriched using immunomagnetic microbeads, and the cells cultured in bags coated with a fragment of recombinant human fibronectin with medium containing stem cell factor (SCF), FMS-related tyrosine kinase 3 ligand (Flt-3L), thrombopoietin (TPO), and interleukin 3 (IL-3). Myeloid differentiated cells generated from the transduced CD34+ cells bind soluble intercellular adhesion molecule-1 (sICAM-1) upon activation.
cell-based gene therapy (leukocyte adhesion deficiency)

marnétéragène autotemcel

cellules hématopoïétiques CD34+ autologues obtenues à partir de sang périphérique mobilisé, transduites avec un vecteur lentiviral auto-inactivant et non répliquant exprimant l'intégrine $\beta 2$ humaine (ITGB2, CD18) sous le contrôle du promoteur chimérique de la cathepsine G (CatG)/c-Fes; la construction est flanquée de longues répétitions terminales (LTRs) en 5' et 3' et contient également un signal d'encapsulation ψ , un élément de réponse Rev (RRE), une séquence du tractus de polypurine central (cPPT) et

l'élément régulateur post-transcriptionnel du virus de l'hépatite de Woodchuck (WPRE). Le vecteur est pseudotypé avec la glycoprotéine de l'enveloppe (G) du virus de la stomatite vésiculaire (VSV). La population de cellules CD34+ a été enrichie à l'aide de microbilles immunomagnétiques, et les cellules ont été cultivées dans des sacs recouverts d'un fragment de fibronectine humaine recombinante avec un milieu contenant du facteur de cellules souches (SCF), du ligand de la tyrosine kinase 3 lié au FMS (Flt-3L), de la thrombopoïétine (TPO) et de l'interleukine 3 (IL-3). Les cellules myéloïdes différenciées générées à partir des cellules CD34+ transduites lient la molécule 1 d'adhésion intercellulaire soluble (sICAM-1) lors de l'activation.

thérapie génique à base de cellules (déficit d'adhérence leucocytaire)

marnetegrágén autotemcel

células hematopoyéticas CD34+ autólogas obtenidas a partir de células movilizadas de sangre periférica, transducidas con un vector lentiviral auto-inactivante, no replicativo, que expresa la integrina humana $\beta 2$ (ITGB2, CD18) bajo el control de un promotor quimérico de cathepsina G (CatG)/c-Fes; el constructo está flanqueado por repeticiones terminales largas (LTRs) en 5' y 3' y también contiene una señal de empaquetamiento ψ , un elemento de respuesta Rev (RRE), un tracto de poli-purina central (cPPT) y el elemento regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE). El vector está pseudotipado con la glicoproteína (G) de la envuelta del virus de la estomatitis vesicular (VSV). La población de células CD34+ se enriqueció usando microbolas inmunomagnéticas, y las células se cultivaron en bolsas forradas con un fragmento de la fibronectina humana recombinante en medio de cultivo con factor de células madre (SCF), ligando de tirosina quinasa 3 tipo FMS (Flt-3L), trombopoietina (TPO), y interleukina 3 (IL-3). Las células mieloides diferenciadas que se generan a partir de las células CD34+ transducidas son capaces de unirse a la molécula de adhesión intercelular 1 soluble (sICAM-1) tras su activación.

terapia génica basada en células (deficiencia de adhesión leucocitaria)

mazolevimabum #
mazolevimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[rabies lyssavirus (rabies virus, RABV) spike glycoprotein G], monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-450) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-48*03 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%) L123>M (115), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens*IGHG1*01 (100%), G1m17.1 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus*IGKV1-99*01 (92.0%) -IGKJ1*02 (90.0%) L124>V (109)/*Homo sapiens*IGKV2D-29*02 (88.0%) -IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102)) (1'-112') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-DG44 cell line, glycoform alfa
antiviral

- mazorelvimab immunoglobuline G1-kappa, anti-[glycoprotéine spike G du lyssavirus de la rage (virus de la rage, RABV)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*03 (85.7%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%) L123>M (115), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17.1 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV1-99*01 (92.0%) -IGKJ1*02 (90.0%) L124>V (109)/*Homo sapiens* IGKV2D-29*02 (88.0%) -IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102)) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa *antiviral*
- mazorelvimab inmunoglobulina G1-kappa, anti-[glicoproteína spike G del lyssavirus de la rabia (virus de la rabia, RABV)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*03 (85.7%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%) L123>M (115), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17.1 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV1-99*01 (92.0%) -IGKJ1*02 (90.0%) L124>V (109)/*Homo sapiens* IGKV2D-29*02 (88.0%) -IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102)) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa *antiviral*

2419087-89-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

EVLVESGGG LVQPGGSLIL SCAASGFTFS GFAMSWVRQA PGKGLEWVAT 50
ISSGGTYYTS PDSVMGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAD TAVYYCARRL 100
RRNYYSMDYV GQGTMTVTSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
KICNVNHNKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTHCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
YDTLMISRTP EVTCVVDVVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSRDE LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LSDGGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DIVMTQSPLS LPVTGPGEAS ISCKSTKSLN NSDGFTYLDW YLQKPGQSPQ 50
LLIYLVSNRF SGVPRDFSGS GSGTDFTLKI SRVEADVG VYCFQSNYLP 100
FTFGGGTKVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDYSL SSSLTSLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
 22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199"
 23'''-93''' 139'''-199'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-219' 223"-219"

Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 450, 450"

melredableukinum alfa #

melredableukin alfa

human immunoglobulin G1 non-binding variant (heavy chain 1-444, L^{232>A}, L^{233>A}, P^{327>G}) fused at the C-terminus of the heavy chain via peptidyl linker⁴⁴⁵GGGGSGGGSGGGGS⁴⁵⁹ to human interleukin 2 (1-33, 460-592 in the current sequence) variant (T^{3>A}⁴⁶², N^{88>D}⁵⁴⁷, C^{125>A}⁵⁸⁴), dimer, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa;

human non-binding immunoglobulin G1 kappa (IgG1-κ) fused via a peptide linker to a mutated human interleukin 2 (IL2 mutein): fusion protein combining a gamma1 heavy chain (1-444) [*Homo sapiens* IGHV3-23*01; *Homo sapiens* IGHJ4*01; *Homo sapiens* IGHG1*01; VH: 1-115; CH1: 116-213; hinge: 214-228; CH2: 229-338 (L^{232>A}, L^{233>A}, P^{327>G}); CH3: 339-443; CHS: 444-444 (K445del)]; CDR Kabat H1: SYAMS (31-35); CDR Kabat H2: AISGSGGSTYYADSVKG (50-66); CDR Kabat H3: GSGFDY (99-104)], a (G₄S)₃ peptide linker (445-459), and *Homo sapiens* interleukin 2 (460-592) [T^{3>A}, N^{88>D}⁵⁴⁷, A^{125>C}⁵⁸⁴]-variant, (218-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215') [*Homo sapiens* IGKV3-20*01; *Homo sapiens* IGKJ1*01; *Homo sapiens* IGKC*01; VL: 1-108; CL: 109-215; CDR Kabat L1: RASQSVSSSYLA (24-35); CDR Kabat L2: GASSRAT (51-57); CDR Kabat L3: QQYGSSPLT (90-98)]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa

immunomodulator

melrédableukine alfa

variant non liant de l'immunoglobuline G1 humaine (chaîne lourde 1-444, L^{232>A}, L^{233>A}, P^{327>G}) fusionné à l'extrémité C-terminale de la chaîne lourde, via une liaison peptidique⁴⁴⁵GGGGSGGGSGGGGS⁴⁵⁹, au variant (T^{3>A}⁴⁶², N^{88>D}⁵⁴⁷, C^{125>A}⁵⁸⁴) de l'interleukine 2 humaine (1-33, 460-592 dans la séquence actuelle), dimère, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa;

immunoglobuline G1 kappa (IgG1-κ) non liante humaine, fusionnée via une liaison peptidique à une interleukine 2 humaine mutée (IL2 mutéine): protéine de fusion combinant une chaîne lourde gamma1 (1-444) [*Homo sapiens* IGHV3-23*01; *Homo sapiens* IGHJ4*01; *Homo sapiens* IGHG1*01; VH: 1-115; CH1: 116-213; charnière: 214-228; CH2: 229-338 (L^{232>A}, L^{233>A}, P^{327>G}); CH3: 339-443; CHS: 444-444 (K445del)]; CDR Kabat H1: SYAMS (31-35); CDR Kabat H2: AISGSGGSTYYADSVKG (50-66); CDR Kabat H3: GSGFDY (99-104)], une liaison peptidique (G₄S)₃ (445-459) et le variant [T^{3>A}, N^{88>D}⁵⁴⁷, A^{125>C}⁵⁸⁴] de l'interleukine 2 d'*Homo sapiens* (460-592), (218-215')-disulfure avec une chaîne légère kappa (1'-215') [*Homo sapiens* IGKV3-20*01; *Homo sapiens* IGKJ1*01; *Homo sapiens* IGKC*01; VL: 1-108; CL: 109-215; CDR Kabat L1: RASQSVSSSYLA (24-35); CDR Kabat L2: GASSRAT (51-57); CDR Kabat L3: QQYGSSPLT (90-98)]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa

immunomodulateur

melredableukina alfa

variante no vinculante de inmunoglobulina humana G1 (cadena pesada 1-444, L^{232>A}, L^{233>A}, P^{327>G}) fusionada a la terminal C de la cadena pesada, a través de un enlace peptidil 445GGGGSGGGSGGGGS⁴⁵⁹, a la interleukina humana 2 (1-33, 460-592 en la secuencia actual) variante (T^{3>A}⁴⁶², N^{88>D}⁵⁴⁷, C^{125>A}⁵⁸⁴), dímero, producida en células ováricas de hámster chino (CHO), glicoforma alfa; inmunoglobulina G1 kappa (IgG1-κ) no ligante humana, fusionada a través de un péptido de unión a una interleukina 2 humana mutada (IL2 muteína): proteína de fusión que combina una cadena pesada gamma1 (1-444) [*Homo sapiens* IGHV3-23*01; *Homo sapiens* IGHJ4*01; *Homo sapiens* IGHG1*01; VH: 1-115; CH1: 116-213; bisagra: 214-228; CH2: 229-338 (L^{232>A}, L^{233>A}, P^{327>G}), CH3: 339-443; CHS: 444-444 (K445del); CDR Kabat H1: SYAMS (31-35); CDR Kabat H2: AISGSGGSTYYADSVKG (50-66); CDR Kabat H3: GSGFDY (99-104)], un péptido de unión (G₄S)₃ (445-459) y la variante [T^{3>A}, N^{88>D}⁵⁴⁷, A^{125>C}⁵⁸⁴] de interleukina 2 de *Homo sapiens* (460-592), (218-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-215') [*Homo sapiens* IGKV3-20*01; *Homo sapiens* IGKJ1*01; *Homo sapiens* IGKC*01; VL: 1-108; CL: 109-215; CDR Kabat L1: RASQSVSSSYLA (24-35); CDR Kabat L2: GASSRAT (51-57); CDR Kabat L3: QQYGSSPLT (90-98)]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en células ováricas de hámster chino (CHO), glicoforma alfa *inmunomodulador*

2056881-92-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYAMSWVRQA PGKLEWVSA	50
ISGSGGSTYY ADSVKGRTI SRDNSKNTLY LQMSLRAED TAVYYCAKGS	100
GFYVWGQGTI VTVSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL GCLVKDYFPE	150
PVTYSWNSGA LTSQGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVTVTPSSS LGTQTYICNV	200
NHKPSNTHKVD KKVEPKSCDK THTCPPCFAP PAAGG PSVFL FPPKPDITLM	250
ISRTPEVTCV VVDVSHDEPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQYNSTYRV	300
VSIVTLVHQD WINGKEYKCK VSNKALGPI EKTISKAKGQ PREPQVYTLF	350
PSRDELTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG	400
SFFLYSKLTV DKSRWQQGNV FSCSVMEHAL HNHQYTKSL SLP GGGGSG	450
GGGGGGGSA FA SSSTTKTQ LQLEHLLDL QMLINGINNY KNPKLTMLT	500
FKFYMFKKAT ELKHLQCLEE ELKPLEEVLN LAQSKNFHLR FRLIS D INV	550
IVLELKGSET TFMCEYADET ATIVEFLNRW IT AQ SIIST LT	592

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SSYLAWYQQK PGQAPRLIY	50
GASSRATGIP DRFSGSGSGT DFTLTISRLE PEDFAVYYCQ QYGSPLTFG	100
QGTKEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNNF YPREAKVQWK	150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSSLT TLSKADYERK KYACEVTHQ	200
GLSSPVTKSF NRGEK	215

Mutation sites / Sites de mutation / Posiciones de mutación

IgG1: L232>**A**, L233>**A**, P327>**G**; IL2: T462>**A**, N547>**D**, C584>**A**
 IgG1: L232>**A**, L233>**A**, P327>**G**; IL2: T462>**A**, N547>**D**, C584>**A**

Peptide linker / Peptide liant / Péptido de unión

445 **GGGGSGGGSGGGGS** 459 (1-15)

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H	IgG1: 22-96	142-198	259-319	365-423	IL2: 517-564
	IgG1: 22"-96"	142"-198"	259"-319"	365"-423"	IL2: 517"-564"
Intra-L	23'-89'	135'-195'			
	23"-89"	135"-195"			
Inter-H-L	218-215'	218"-215"			
Inter-H-H	224-224"	227-227"			

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación

H CH2 N84.4: N295, N295"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

mezigdomidum

mezigdomide

(8³S)-1²-fluoro-7¹,8²,8⁶-trioxo-7¹,7³-dihydro-6-oxa-7(4,2)-
isoindola-2(1,4)-piperazina-8(3)-piperidina-1(1),4(1,4)-
dibenzenaotaphane-1⁴-carbonitrile
antineoplastic

mézigdomide

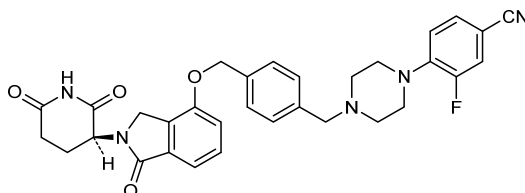
(8³S)-1²-fluoro-7¹,8²,8⁶-trioxo-7¹,7³-dihydro-6-oxa-7(4,2)-
isoindola-2(1,4)-pipérazina-8(3)-pipéridina-1(1),4(1,4)-
dibenzénaotaphane-1⁴-carbonitrile
antinéoplasique

mezigdomida

(8³S)-1²-fluoro-7¹,8²,8⁶-trioxo-7¹,7³-dihidro-6-oxa-7(4,2)-
isoindola-2(1,4)-piperazina-8(3)-piperidina-1(1),4(1,4)-
dibencenaotafano-1⁴-carbonitrilo
antineoplásico

C₃₂H₃₀FN₅O₄

2259648-80-9

**mivorilanerum**

mivorilaner

3-[(5S)-5-(3,5-dichloro-4-fluorophenyl)-5-(trifluoromethyl)-4,5-
dihydro-1,2-oxazol-3-yl]-N-{2-[(2,2-difluoroethyl)amino]-2-
oxoethyl}-5,6-dihydro-4H-cyclopenta[c]thiophene-1-
carboxamide
antiparasitic (veterinary use)

mivorilaner

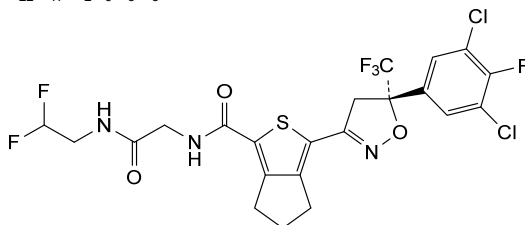
3-[(5S)-5-(3,5-dichloro-4-fluorophényl)-5-(trifluorométhyl)-4,5-
dihydro-1,2-oxazol-3-yl]-N-{2-[(2,2-difluoroéthyl)amino]-2-
oxoéthyl}-5,6-dihydro-4H-cyclopenta[c]thiophène-1-
carboxamide
antiparasitaire (usage vétérinaire)

mivorilaner

3-[(5S)-5-(3,5-dicloro-4-fluorofenil)-5-(trifluorometil)-4,5-
dihidro-1,2-oxazol-3-il]-N-{2-[(2,2-difluoroetil)amino]-2-oxoetil}-
5,6-dihidro-4H-ciclopenta[c]tiofeno-1-carboxamida
antiparasitario (uso veterinario)

C₂₂H₁₇Cl₂F₆N₃O₃S

1414642-93-5



morponidazolium

morponidazole

rac-(2*R*)-1-(2-methyl-5-nitro-1*H*-imidazol-1-yl)-3-(morpholin-4-yl)propan-2-ol
antibacterial

morponidazole

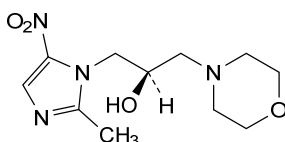
rac-(2*R*)-1-(2-méthyl-5-nitro-1*H*-imidazol-1-yl)-3-(morpholin-4-yl)propan-2-ol
antibactérien

morponidazol

rac-(2*R*)-1-(2-metil-5-nitro-1*H*-imidazol-1-il)-3-(morfolin-4-il)propan-2-ol
antibacteriano

C₁₁H₁₈N₄O₄

92478-27-8



and enantiomer
et énantiomère
y enantiómero

motacabtagenium lurevgedleucelum #

motacabtagene lurevgedleucel

allogeneic T cells obtained from peripheral blood by leukapheresis, genetically modified by CRISPR/Cas9 (clustered regularly interspaced short palindromic repeats/CRISPR-associated protein 9) mediated gene editing consisting of two guide RNAs (gRNAs) introduced transiently as CAS9-gRNA ribonucleoprotein (RNP) complex for the targeted disruption of the T cell receptor alpha chain constant (TRAC) and $\beta 2$ microglobulin (B2M) loci and the insertion of an anti-B cell maturation antigen (BCMA) CAR transgene into the TRAC locus via an adeno-associated virus serotype 6 (AAV6) vector. The CAR is composed of a humanized single-chain variable fragment (scFv) targeting BCMA, followed by a CD8 hinge and transmembrane region, a 4-1BB (CD137) co-stimulatory domain and a CD3 ζ signalling domain. Expression of the CAR is driven by the elongation factor, EF-1 α , promoter and is terminated by a synthetic poly A sequence. The BCMA expression cassette is flanked by two TRAC homology arms guiding the expression cassette to the TRAC locus. The T cells are cultured in the presence of growth medium containing interleukin 2 (IL-2) and 7 (IL-7) and are $\geq 30\%$ CAR+ T cells, $\leq 0.4\%$ TCR+ and $\leq 30\%$ B2M+.

cell-based gene therapy (antineoplastic)

motacabtagène lurévgedleucel

lymphocytes T allogéniques obtenus à partir de sang périphérique par leucaphérèse, génétiquement modifiés par édition génique médiée par CRISPR/Cas9 (courtes répétitions palindromiques groupées et régulièrement espacées / protéine 9 associée à CRISPR), consistant en deux guides ARN (ARNg) introduits transitoirement sous forme de complexe ribonucléoprotéique CAS9-ARNg pour la rupture ciblée des loci de la partie constante de la chaîne alpha du récepteur des lymphocytes T (TRAC) et de la $\beta 2$ microglobuline (B2M), et l'insertion d'un transgène CAR de l'antigène de maturation des cellules B (BCMA)

dans le locus TRAC via un vecteur du virus adéno-associé de sérotype 6 (AAV6). Le CAR est composé d'un fragment variable à chaîne unique (scFv) humanisé ciblant BCMA, suivi d'une charnière CD8 et d'une région transmembranaire, d'un domaine costimulateur 4-1BB (CD137) et d'un domaine de signalisation CD3 ζ . L'expression du CAR est dirigée par le promoteur du facteur d'élongation EF-1 α et terminée par une séquence poly A synthétique. La cassette d'expression BCMA est flanquée de deux bras d'homologie TRAC guidant la cassette d'expression vers le locus TRAC. Les lymphocytes T sont cultivés en présence de milieu de croissance contenant de l'interleukine 2 (IL-2) et 7 (IL-7) et sont $\geq 30\%$ des lymphocytes CAR+ T, $\leq 0,4\%$ TCR+ et $\leq 30\%$ B2M+. *thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)*

motacabtagén lurevgedleucel

linfocitos T alogénicos obtenidos de sangre periférica mediante leucaféresis, modificados genéticamente por edición génica mediada por CRISPR/Cas9 (repeticiones palindrómicas cortas agrupadas y espaciadas regularmente/proteína asociada a CRISPR 9) que consta de dos ARNs guía (ARNg) introducidos de forma transitoria como un complejo de ribonucleoproteína (RNP) de Cas9-ARNg para la ruptura dirigida de los loci de la cadena constante alfa del receptor del linfocito T (TRAC) y de la $\beta 2$ microglobulina (B2M) y la inserción del transgen para un receptor de antígeno quimérico (CAR) anti-antígeno de maduración de linfocitos B (BCMA) en el locus TRAC por medio de un vector de virus adenoasociado de serotipo 6 (AAV6). El CAR está compuesto por un fragmento de cadena variable sencilla (scFV) humanizado dirigido a BCMA, seguido de una región bisagra y transmembrana de CD8, un dominio coestimulador de 4-1BB (CD137) y un dominio de señalización de CD3 ζ . La expresión del CAR está dirigida por el promotor del factor de elongación EF-1 α y terminada por una secuencia polyA sintética. El casete de expresión de BCMA está flanqueado por dos brazos homólogos de TRAC que guían el casete de expresión al locus TRAC. Los linfocitos T se cultivan en presencia de medio de crecimiento que contiene interleukina 2 (IL-2) y 7 (IL-7) y son $\geq 30\%$ linfocitos T CAR+, $\leq 0,4\%$ TCR+ y $\leq 30\%$ B2M+. *terapia génica basada en células (antineoplásico)*

movronersenum
movronersen

all-P-ambo-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioadenylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidine
alpha synuclein synthesis reducer

mozafancogène autotemcel

cellules CD34+ autologues obtenues à partir de sang périphérique mobilisé, transduites avec un vecteur lentiviral auto-inactivant exprimant le groupe A de complémentation de l'anémie de Fanconi (FANCA) humaine sous le contrôle du promoteur de la phosphoglycérate kinase (PGK) humaine; la construction est flanquée de longues répétitions terminales (LTRs) en 5' et 3' et contient également un signal d'encapsulation ψ , un élément de réponse Rev (RRE), une séquence du tractus de polypurine central (cPPT) et l'élément régulateur post-transcriptionnel du virus de l'hépatite de Woodchuck (WPRE). Le vecteur est pseudotypé avec la glycoprotéine de l'enveloppe (G) du virus de la stomatite vésiculaire (VSV). La population de cellules CD34+ a été enrichie à l'aide de microbilles immunomagnétiques, et les cellules ont été cultivées dans des sacs recouverts d'un fragment de fibronectine humaine recombinante en présence de milieu contenant du facteur de cellules souches (SCF), du ligand de la tyrosine kinase 3 lié au FMS (Flt-3L), de la thrombopoïétine (TPO), de l'interleukine 3 (IL-3)) et d'*etanercept*, un inhibiteur du TNF- α . Les cellules myéloïdes différenciées générées à partir des cellules CD34+ transduites sont capables de former des colonies en présence de *mitomycine* (mitomycine-C, (MMC).

thérapie génique à base de cellules (anémie de Fanconi)

mozafancogén autotemcel

células CD34+ autólogas obtenidas a partir de células movilizadas de sangre periférica, transducidas con un vector lentiviral auto-inactivante que expresa la anemia de Fanconi, grupo de complementación A (FANCA) humana, bajo el control de un promotor de la fosfoglicerato quinasa (PGH) humana; el constructo está flanqueado por repeticiones terminales largas (LTRs) en 5' y 3' y también contiene una señal de empaquetamiento ψ , un elemento de respuesta Rev (RRE), un tracto de poli-purina central (cPPT) y el elemento regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE). El vector está seudotipado con la glicoproteína (G) de la envuelta del virus de la estomatitis vesicular (VSV). La población de células CD34+ se enriqueció usando microbolas inmunomagnéticas, y las células se cultivaron en bolsas forradas con un fragmento de la fibronectina humana recombinante en medio de cultivo con factor de células madre (SCF), ligando de tirosina quinasa 3 tipo FMS (Flt-3L), trombopoyetina (TPO), interleukina 3 (IL-3) y el inhibidor de TNF- α *etanercept*. Las células mieloides diferenciadas que se generan a partir de las células CD34+ transducidas son capaces de formar colonias en presencia de *mitomicina* (mitomicina C, MMC).

terapia génica basada en células (la anemia de Fanconi)

mupadolimabum #**mupadolimab**

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* NT5E (5'-nucleotidase ecto, 5' nucleotidase, 5'-NT, NT5, CD73)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain humanized (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*06 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1, G1v36 CH2 N84.4>Q (CH1 K120 (219) (123-220), hinge 1-15 (221-235), CH2 N84.4>Q (302) (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-218')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (76.6%) -IGKJ1*01 (91.7%), CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101)) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (231-231":234-234")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-K1SV cell line lacking the glutamine synthetase gene (GS-KO), glycoform alfa immunostimulant

mupadolimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* NT5E (5' ecto nucléotidase, 5' nucleotidase, 5'-NT, NT5, CD73)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma1 humanisée (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*06 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1, G1v36 CH2 N84.4>Q (CH1 K120 (219) (123-220), charnière 1-15 (221-235), CH2 N84.4>Q (302) (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (76.6%) -IGKJ1*01 (91.7%), CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101)) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (231-231":234-234")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1SV ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa immunostimulant

mupadolimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* NT5E (5' ecto nucleotidasa, 5' nucleotidasa, 5'-NT, NT5, CD73)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 humanizada (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*06 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1, G1v36 CH2 N84.4>Q (CH1 K120 (219) (123-220), bisagra 1-15 (221-235), CH2 N84.4>Q (302) (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (76.6%) -IGKJ1*01 (91.7%), CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101)) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (o231-231":234-234")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1SV en ausencia del gen glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa immunoestimulante

2451856-97-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VEKPGASVKV SCKASGYTFT SYWITWVRQA PGQGLEWMGD 50
IYFGSGNTNY NEKEKTRVTI TADKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCAREG 100
GLTTEDYALD YMGGCTLVTV SSASTKGPSV FPLAPSSKST SGCTAALGCL 150
VKDYFFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFFPAVLQ SSGLYSLSSV VTFPSSSLGT 200
QTYICNVNHHK FSNTKVDKKV EPKSCDKTHT CPPCPAPELL GGPSVFLFFP 250
KFKDTLMISR TFEVTCVVVD VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NARTKPREEQ 300
YQSTYRVVSV LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KALPAPIEKT ISKARGQPRE 350
PQVYTLPPSR DELTKNQVSL TCLVKGFPYS DIAVEWESNG QPENNYKTFP 400
PVLDSGDSFF LYSKLTVDKS RWQQGNVFSC SVMHEALHNN YTQKSLSLSP 450
GK 452

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASKNVS TSGYSYMHVY QQKPGQAPRL 50
LIYLASNLDES GIPPRFSGSG YGTDFTLTIN NIESEDARYY FCQHSRELFP 100
TFGQGTKEVI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLS STLTLISKADY EKHKYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC 218

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"
22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"
Intra-L (C23-C104) 23"-92" 138"-198"
23"-92" 138"-198"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 225"-218" 225"-218"
Inter-H-H (h 11, h 14) 231"-231" 234"-234"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutamínilo N-terminal
H VH Q1 > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl); 1, 1"

N-glycosylation sites / sites de N-glycosylation / posición de N-glicosilación
L VL N28: 28", 28"

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 452, 452"

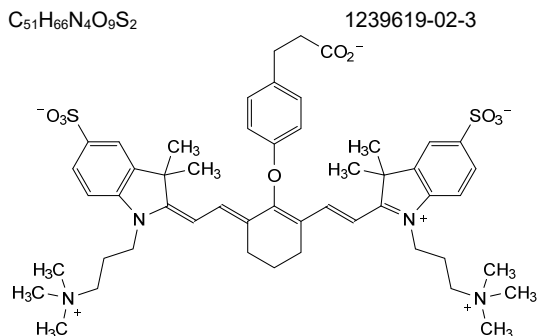
nafimestrocelum
nafimestrocel

allogeneic multilineage differentiating stress-enduring (Muse) cells derived from bone marrow of healthy human donors. The cells are expanded by adherent culture under hypoxic conditions to enrich for stage-specific embryonic antigen-3 (SSEA-3) positive cells. The substance contains Muse cells (≥ 50%) that are double positive for CD105 and the embryonic stem cell marker SSEA-3 and mesenchymal stromal cells (CD105+; <50%). Cells are negative for monocyte marker CD14, B cell marker CD19, hematopoietic stem cell marker CD34, leukocyte marker CD45, and human leukocyte antigen (HLA) DR. Cells have pluripotency, secrete fibroblast growth factor (FGF), hepatocyte growth factor (HGF) and vascular endothelial growth factor (VEGF), and produce antifibrotic/fibrolytic factors (matrix metalloproteinases).
cell therapy (cardiovascular)

nafimestrocel

cellules allogéniques résistantes au stress à différenciation par multilignage (Muse) dérivées de la moelle osseuse de donneurs humains sains. Les cellules sont amplifiées par culture adhérente dans des conditions hypoxiques pour enrichir les cellules positives pour l'antigène 3 embryonnaire stade spécifique (SSEA-3). La substance contient des cellules Muse (≥ 50 %) qui sont doublement positives pour CD105 et le marqueur de cellules souches embryonnaires SSEA-3 et des cellules stromales mésenchymateuses (CD105+; <50 %). Les cellules sont négatives pour le

	marqueur de monocyte CD14, le marqueur de cellule B CD19, le marqueur de cellule souche hématopoïétique CD34, le marqueur de leucocyte CD45, et l'antigène leucocytaire humain (HLA) DR. Les cellules sont pluripotentes, sécrètent le facteur de croissance des fibroblastes (FGF), le facteur de croissance des hépatocytes (HGF) et le facteur de croissance de l'endothélium vasculaire (VEGF), et produisent des facteurs antifibrotiques/fibrolytiques (métalloprotéases matricielles). <i>thérapie cellulaire (cardiovasculaire)</i>
nafimestrocel	células alogénicas multilínea resistentes al estrés (Muse) derivadas de médula ósea de donantes sanos. Las células se expanden mediante cultivo adherente en condiciones de hipoxia para enriquecer las células positivas para el antígeno específico de estado embrionario 3 (SSEA-3). La sustancia contiene células Muse (≥50%) que son doble positivas para CD105 y el marcador de células madre embrionarias SSEA-3 y células mesenquimales estromales (CD105+; <50%). Las células son negativas para el marcador de monocitos CD14, el marcador de linfocitos B CD19, el marcador de células madre hematopoyéticas CD34, el marcador leucocitario CD45 y para el antígeno leucocitario humano (HLA) DR. Las células tienen pluripotencia, secretan factor de crecimiento de fibroblastos (FGF), factor de crecimiento de hepatocitos (HGF) y factor de crecimiento del endotelio vascular (VEGF), y producen factores antifibróticos/fibrolíticos (metaloproteinasas de matriz). <i>terapia celular (cardiovascular)</i>
nizaracianinum nizaracianine	3-[4-(((6E)-6-[(2E)-2-{3,3-dimethyl-5-sulfonato-1-[3-(trimethylazaniumyl)propyl]-1,3-dihydro-2H-indol-2-ylidene)ethylidene]-2-[(1E)-2-{3,3-dimethyl-5-sulfonato-1-[3-(trimethylazaniumyl)propyl]-3H-indol-1-ium-2-yl)ethen-1-yl]cyclohex-1-en-1-yl}oxy)phenyl]propanoate <i>diagnostic imaging agent</i>
nizaracianine	3-[4-(((6E)-6-[(2E)-2-{3,3-diméthyl-5-sulfonato-1-[3-(triméthylazaniumyl)propyl]-1,3-dihydro-2H-indol-2-ylidène)éthylidène]-2-[(1E)-2-{3,3-diméthyl-5-sulfonato-1-[3-(triméthylazaniumyl)propyl]-3H-indol-1-ium-2-yl)éthén-1-yl]cyclohex-1-én-1-yl}oxy)phényl]propanoate <i>agent de diagnostic</i>
nizaracianina	3-[4-(((6E)-6-[(2E)-2-{3,3-dimetil-5-sulfonato-1-[3-(trimetilazanioil)propil]-1,3-dihidro-2H-indol-2-ilideno)etilideno]-2-[(1E)-2-{3,3-dimetil-5-sulfonato-1-[3-(trimetilazanioil)propil]-3H-indol-1-io-2-il]eten-1-il]ciclohex-1-en-1-il}oxi)fenil]propanoato <i>agente de diagnóstico</i>

**nofazinlimabum #**

nofazinlimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], humanized monoclonal antibody; gamma4 heavy chain humanized (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*08 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%) L123>M (110), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (116-213), hinge 1-12 S10>P (223) (214-225), CH2 (226-335), CH3 (336-440), CHS (441-442))] (116-442)], (129-219')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (91.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102))] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]]; dimer (221-221'':224-224'')-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO) cell line derived from CHO-K1, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

nofazinlimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma4 humanisée (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*08 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%) L123>M (110), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (116-213), charnière 1-12 S10>P (223) (214-225), CH2 (226-335), CH3 (336-440), CHS (441-442))] (116-442)], (129-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (91.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102))] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]]; dimère (221-221'':224-224'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

nofazinlimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma4 humanizada (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*08 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%) L123>M (110), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104))] (1-115)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (116-213), bisagra 1-12 S10>P (223) (214-225), CH2 (226-335), CH3 (336-440), CHS (441-442)) (116-442)], (129-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (91.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102))] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (221-221":224-224")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa *immunomodulador, antineoplásico*

2377845-98-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGFTFT TYYISWVRQA PGQGLEYLEGY 50
INMGSGGTNY NEKFGRVTI TADKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCAIIG 100
YFDYWGQGTMY VTVSSASTKG PSVFPLAPCS RSTSESTAAL GCLVKDYFPE 150
PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTPSSS LGTKYTCNV 200
DHKPSNTKVD KRVESKYGPP CPPCPAPEFL GGPSVFLFPP KPKDTLMISR 250
TPEVTCVVVD VSQEDPEVQF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ FNSTYRVVSV 300
LTVLHQDWLN GKEYCKVSN KGLPSSIEKT ISKAKGPPE PQVYTLPPSQ 350
EEMTKNQVSL TCVLKGFPYS DIAVEWESNG QPENNYKTFP PVLDSGGSFF 400
LYSRLTVDKS RWQEGNVFSC SVMHEALHNH YTKQSLSLSL GK 442

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DVVMTQSPLS LPVTLGQPAS ISCRSSQSLL DSDGGTYLYW FQQRPGQSPR 50
RLIYLVSTLG SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YYCMQLTHWP 100
YTFGGQGTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 142-198 256-316 362-420
22"-96" 142"-198" 256"-316" 362"-420"
Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'
23"'-93"' 139"'-199"
Inter-H-L (h 10-CL 126) 129-219' 129"-219"
Inter-H-H (h 8, h 11) 221-221" 224-224"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
H VH Q1> pyroglutamy (pE, 5-oxoprolyl): 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 292, 292"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 441, 441"

obefazimodum
obefazimod

8-chloro-*N*-[4-(trifluoromethoxy)phenyl]quinolin-2-amine
immunomodulator

obéfazimod

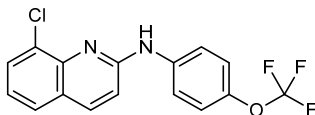
8-chloro-*N*-[4-(trifluorométhoxy)phényl]quinoléin-2-amine
immunomodulateur

obefazimod

8-cloro-*N*-[4-(trifluorometoxi)fenil]quinolein-2-amina
immunomodulador

C₁₆H₁₀ClF₃N₂O

1258453-75-6

**ocedurenonum**

ocedurenone

2-chloro-4-[(3S,3aR)-3-cyclopentyl-7-(4-hydroxypiperidine-1-carbonyl)-3,3a,4,5-tetrahydro-2H-pyrazolo[3,4-f]quinolin-2-yl]benzonitrile
non-steroidal mineralocorticoid receptors antagonist

océdurénone

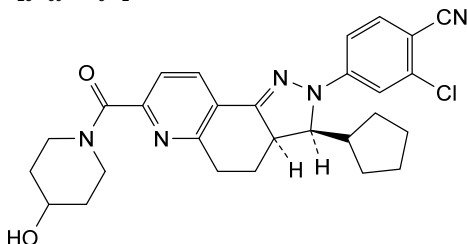
2-chloro-4-[(3S,3aR)-3-cyclopentyl-7-(4-hydroxypipéridine-1-carbonyl)-3,3a,4,5-tétrahydro-2H-pyrazolo[3,4-f]quinoléin-2-yl]benzonitrile
antagoniste non-stéroïdien des récepteurs des minéralocorticoïdes

ocedurenona

4-[(3S,3aR)-3-ciclopentil-7-(4-hidroxi-piperidina-1-carbonil)-3,3a,4,5-tetrahydro-2H-pirazolo[3,4-f]quinolein-2-il]-2-clorobenzonitrilo
antagonista no esteroide de los receptores de los mineralocorticoides

C₂₈H₃₀ClN₅O₂

1359969-24-6

**odatroltidum**

odatroltide

N²-[(3S)-6,7-dihydroxy-1,1-dimethyl-1,2,3,4-tetrahydroisoquinoline-3-carbonyl]-N⁶-(L-prolyl-L-alanyl-L-lysine)-L-lysine;
 4,5-dihydroxy-N,2-(propane-2,2-diyl)-L-phenylalanyl-N⁶-(L-prolyl-L-alanyl-L-lysine)-L-lysine
anti-ischemic

odatroltide

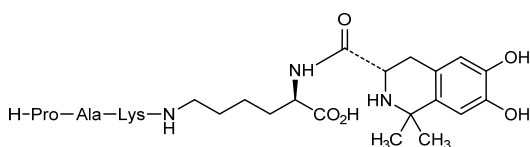
N²-[(3S)-6,7-dihydroxy-1,1-diméthyl-1,2,3,4-tétrahydroisoquinoléine-3-carbonyl]-N⁶-(L-prolyl-L-alanyl-L-lysine)-L-lysine;
 4,5-dihydroxy-N,2-(propane-2,2-diyl)-L-phénylalanyl-N⁶-(L-prolyl-L-alanyl-L-lysine)-L-lysine
anti-ischémique

odatroltida

N²-[(3S)-6,7-dihidroxi-1,1-dimetil-1,2,3,4-tetrahydroisoquinoleina-3-carbonil]-N⁶-(L-prolil-L-alanil-L-lisil)-L-lisina;
 4,5-dihidroxi-N,2-(propano-2,2-diil)-L-fenilalanil-N⁶-(L-prolil-L-alanil-L-lisil)-L-lisina
anti-ischémica

C₃₂H₅₁N₇O₈

1639303-73-3



olezarsenum
olezarsen

*all-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis[3-({6-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]hex-yl)amino)-3-oxopropoxy]methyl)-1-hydroxy-1,10,14,21-tetraoxo-2,18-dioxo-9,15,22-triaza-1λ⁵-phosphaoctacosan-1-yl)-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioguanlylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanlylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanlylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyluridine
*antihyperlipidaemic**

olezarsen

*tout-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis[3-({6-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]hexyl)amino)-3-oxopropoxy]méthyl)-1-hydroxy-1,10,14,21-tétraoxo-2,18-dioxa-9,15,22-triaza-1λ⁵-phosphaoctacosan-1-yl)-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioguanlylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanlylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanlylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridine
*antihyperlipidémiant**

olezarsén

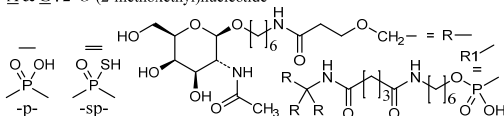
todo-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]-16,16-bis[{3-({6-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]hex-il)amino}-3-oxopropoxi]metil}-1-hidroxi-1,10,14,21-tetraoxo-2,18-dioxa-9,15,22-triaza-1λ⁵-fosfoactacosa-1-il)-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioguanilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-P-tiocitidilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-P-tiouridilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-P-tiouridilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioadenilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)uridina antihiperlipémico

C₂₉₆H₄₃₉N₇₁O₁₅₄P₂₀S₁₉

2097587-83-0

(3'-5') R1 - $\overline{\text{A}} = \overline{\text{G}} = \overline{\text{C}} = \overline{\text{U}} = \text{d}(\text{C} = \text{T} = \text{G} = \text{T} = \text{C} = \text{A} = \text{G} = \text{C} =) \overline{\text{U}} = \overline{\text{U}} = \overline{\text{A}} = \overline{\text{U}}$ Legend:

A, G & T : 2'-deoxynucleotide C : 2'-deoxy-5-methylcytidyl

 $\overline{\text{C}}$ & $\overline{\text{U}}$: 2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylnucleotide $\overline{\text{A}}$ & $\overline{\text{G}}$: 2'-O-(2-methoxyethyl)nucleotide

omilancorum

omilancor

*1¹H,7¹H-1,7(2)-bis(benzimidazola)-2,6(2,6)-dipiridina-4(1,4)-piperazinaheptaphane-3,5-dione
lanthionine synthetase C-like 2 (LANCL2) agonist*

omilancor

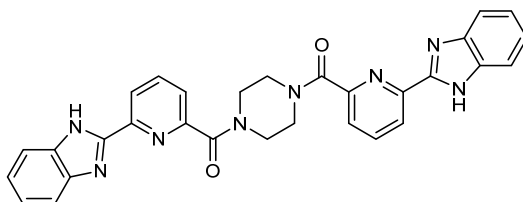
*1¹H,7¹H-1,7(2)-bis(benzimidazola)-2,6(2,6)-dipiridina-4(1,4)-pipérazinaheptaphane-3,5-dione
agoniste de la lanthionine-synthétase de type C 2 (LANCL2)*

omilancor

*1¹H,7¹H-1,7(2)-bis(benzimidazola)-2,6(2,6)-dipiridina-4(1,4)-piperazinaheptafano-3,5-diona
agonista de la sintetasa de la lantionina similar a C 2 (LANCL2)*

C₃₀H₂₄N₈O₂

1912399-75-7



omzotioromum

omzotirome

3-{4-[(7-hydroxy-6-methyl-2,3-dihydro-1*H*-inden-4-yl)methyl]-3,5-dimethyl-1*H*-pyrazol-1-yl}propanoic acid
antihyperlipidaemic

omzotirome

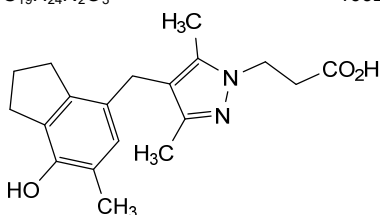
acide 3-{4-[(7-hydroxy-6-méthyl-2,3-dihydro-1*H*-indén-4-yl)méthyl]-3,5-diméthyl-1*H*-pyrazol-1-yl}propanoïque
antihyperlipidémiant

omzotiroma

ácido 3-{4-[(7-hidroxi-6-metil-2,3-dihidro-1*H*-inden-4-il)metil]-3,5-dimetil-1*H*-pirazol-1-il}propanoico
antihiperlipémico

C₁₉H₂₄N₂O₃

1092551-88-6

**onternabezum**

onternabez

(+)-{[(1*S*,4*S*,5*S*)-4-[2,6-dimethoxy-4-(2-methyloctan-2-yl)phenyl]-6,6-dimethylbicyclo[3.1.1]hept-2-en-2-yl}methanol
cannabinoid 2 (CB2) receptor agonist

onternabez

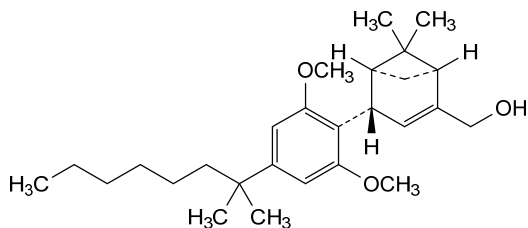
(+)-{[(1*S*,4*S*,5*S*)-4-[2,6-diméthoxy-4-(2-méthyloctan-2-yl)phényl]-6,6-diméthylbicyclo[3.1.1]hept-2-én-2-yl}méthanol
agoniste des récepteurs 2 aux cannabinoïdes (CB2)

onternabez

(+)-{[(1*S*,4*S*,5*S*)-6,6-dimetil-4-[4-(2-metiloctan-2-il)-2,6-dimetoxifenil]bicio[3.1.1]hept-2-en-2-il}metanol
agonista del receptor 2 de cannabinoïdes (CB2)

C₂₇H₄₂O₃

256934-39-1

**orenetidum**

orenetide

L-threonyl-L-lysyl-L-prolyl-L-arginyl-L-proline
GABA_A receptor antagonist

orénétide	L-thréonil-L-lysyl-L-prolyl-L-arginyl-L-proline <i>antagoniste du récepteur GABA_A</i>
orenetida	L-treonil-L-lisil-L-prolil-L-arginil-L-prolina <i>antagonista del receptor GABA_A</i>
	$C_{26}H_{47}N_9O_7$ 1124168-43-9 H—Thr—Lys—Pro—Arg—Pro—OH
ormutivimabum #	
ormutivimab	immunoglobulin G1-lambda2, anti-[rabies lyssavirus (rabies virus, RABV) surface glycoprotein 4 (gp4) epitope I], <i>Homo sapiens</i> monoclonal antibody; gamma1 heavy chain <i>Homo sapiens</i> (1-457) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-69*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ5*02 (100%), CDR-IMGT [8.8.20] (26-33.51-58.97-116)) (1-127) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 S3>L (134), R120 (224) (128-225), hinge 1-15 (226-240), CH2 (241-350), CH3 E12 (366), M14 (368) (351-455), CHS (456-457)) (128-457)], (230-217')-disulfide with lambda2 light chain <i>Homo sapiens</i> (1'-218') [V-LAMBDA (<i>Homo sapiens</i> IGLV2-11*01 (94.9%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [9.3.12] (26-34.52-54.91-102)) (1'-112') - <i>Homo sapiens</i> IGLC2*01 (100%) (113'-218')]; dimer (236-236":239-239")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1 cell line, glycoform alfa <i>antiviral</i>
ormutivimab	immunoglobuline G1-lambda2, anti-[építoto I de la glycoprotéine 4 de surface (gp4) du lyssavirus de la rage (virus de la rage, RABV)], anticorps monoclonal <i>Homo sapiens</i> ; chaîne lourde gamma1 <i>Homo sapiens</i> (1-457) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-69*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ5*02 (100%), CDR-IMGT [8.8.20] (26-33.51-58.97-116)) (1-127) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 S3>L (134), R120 (224) (128-225), charnière 1-15 (226-240), CH2 (241-350), CH3 E12 (366), M14 (368) (351-455), CHS (456-457)) (128-457)], (230-217')-disulfure avec la chaîne légère lambda2 <i>Homo sapiens</i> (1'-218') [V-LAMBDA (<i>Homo sapiens</i> IGLV2-11*01 (94.9%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [9.3.12] (26-34.52-54.91-102)) (1'-112') - <i>Homo sapiens</i> IGLC2*01 (100%) (113'-218')]; dimère (236-236":239-239")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa <i>antiviral</i>
ormutivimab	immunoglobulina G1-lambda2, anti-[epítoto I de la glicoproteína 4 de superficie (gp4) del lyssavirus de la rabia (virus de la rabia, RABV)], anticuerpo monoclonal <i>Homo sapiens</i> ; cadena pesada gamma1 <i>Homo sapiens</i> (1-457) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-69*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ5*02 (100%), CDR-IMGT [8.8.20] (26-33.51-58.97-116)) (1-127) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 S3>L (134), R120 (224) (128-225), bisagra 1-15 (226-240), CH2 (241-350), CH3 E12 (366), M14 (368) (351-455), CHS (456-457)) (128-457)], (230-217')-disulfuro

con la cadena ligera lambda2 *Homo sapiens* (1'-218') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-11*01 (94.9%) - IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [9.3.12] (26-34.52-54.91-102)) (1'-112') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (113'-218')]; dímero (236-236":239-239")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa *antiviral*

2449086-91-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SKASGGTFN RYTVNWMVROA PGQGLEWMGG 50
IIPITGNTANY AQRFGRLTI TADESTSTAY MELSSLRSDD TAVYFCAREN 100
LDNSGTYYYF SGWFDPMGQG TLTVSSAST KGPLVFPLAP SSKSTSGGTA 150
ALGCLVKDYF PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVPS 200
SSLGTQTYIC NVNHKPSNTK VDKRVEPKSC DKHTCPCPC APELLGGPSV 250
FLFPPKPKDT LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKENWYD GVEVHNAKTK 300
PREEQYNSTY RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA FIEKTSKAK 350
GQPREPOVYT LPFSREEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQFENN 400
YKTTTPPVLD DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVMH EALHNHYTQKS 450
LSLSFGK 457

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
QSALTQPRSV SGSPGQSVTI SCTGTSSDIG GYNFVSWYQQ HPGKAPKIMI 50
YDATKRPSGV PDRFSGSKSG NTASLTISGL QAEDEADYYC CSYAGDYTPG 100
VVFGGTKLT VLQGPKAAPS VTLFPPSSEE LQANKATLVC LISDFYFGAV 150
TVAWKADSSP VKAGVETTFP SKQSNKYAA SSYLSLTPEQ WKSHRSYSQC 200
VTHEGSTVEK TVAPTECS 218

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 154-210 271-331 377-435
22"-96" 154"-210" 271"-331" 377"-435"
Intra-L (C23-C104) 22'-90' 140'-199'
22'''-90''' 140'''-199'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 230-217' 230"-217"
Inter-H-H (h 11, h 14) 236-236" 239-239"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
H VH Q1> pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl): 1, 1"
L VL Q1> pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl): 1', 1'''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84, 4: 307, 307"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 457, 457"

patidistrogenum bexoparvovecum #
patidistrogene bexoparvovec

recombinant self-complementary (dimeric) non-replicating adeno-associated virus serotype rh.74 (AAVrh74) vector encoding codon-optimized human alpha-sarcoglycan (hSGCA), under the control of a triple E box muscle creatine kinase (tMCK) promoter/enhancer, followed by a chimeric intron,) composed of the 5' donor site from the human beta-globin gene and the branchpoint and 3' splice acceptor site from the IgG heavy chain variable region, and terminated by a small synthetic polyadenylation (polyA) signal sequence, flanked by adeno-associated virus 2 (AAV2) inverted terminal repeats (ITRs). *gene therapy (muscular dystrophy)*

patidistrogène bexoparvovec

vecteur recombinant auto-complémentaire (dimère) non répliquant du virus adéno-associé de sérotype rh.74 (AAVrh74) codant l'alpha-sarcoglycane humaine (hSGCA) aux codons optimisés, sous le contrôle d'un promoteur/amplificateur de la créatine kinase

	musculaire à triple boîte E (tMCK), suivi d'un intron chimérique, composé du site donneur en 5' du gène de la bêta-globine humaine et du site accepteur d'épissage 3' et du point de branchement de la région variable de la chaîne lourde de l'IgG, et terminé par une petite séquence signal synthétique de polyadénylation (polyA), flanquée de répétitions terminales inversées (ITRs) du virus adéno-associé 2 (AAV2). <i>thérapie génique (dystrophie musculaire)</i>
patidistrogén bexoparavec	vector de virus adenoasociado recombinante del serotipo rh.74 (AAVrh74), autocomplementario (dimérico), no replicativo, que codifica para el sarcoglicano alfa humano (hSGCA) con codones optimizados, bajo el control de un promotor/potenciador con un triple elemento E-box de la creatina quinasa de músculo (tMCK), seguido de un intron quimérico, compuesto por el sitio donante 5' del gen de la b-globina humana y la bifurcación y el sitio aceptor 3' de la región variable de la cadena pesada de la IgG, y terminado por una pequeña secuencia señal de poliadenilación (polyA) sintética, flanqueado por las repeticiones terminales invertidas (ITRs) del virus adenoasociado 2 (AAV2). <i>terapia génica (distrofia muscular)</i>
	2376210-48-7
pegipanerminum # pegipanermin	human tumor necrosis factor (TNF, TNF-alfa, tumor necrosis factor ligand superfamily member 2) soluble fragment (77-233, 1-157 in the current sequence) variant (V⁷⁷>M¹, R¹⁰⁷>C³¹, C¹⁴⁵>V⁶⁹, Y¹⁶³>H⁸⁷, C¹⁷⁷>A¹⁰¹, A²²¹>R¹⁴⁵), pegylated at Cys31 with monomethoxy-polyethylene glycol (mPEG, MW ~10 kDa, n ~225), non-glycosylated, produced in <i>Escherichia coli</i>; human tumor necrosis factor (TNF, TNF-α, TNFA, tumor necrosis factor ligand superfamily member 2, TNFSF2, cachectin) (77-233)-peptide (TNF soluble form, sTNF, 1-157) [V¹>M, R³¹>C, C⁶⁹>V, Y⁸⁷>H, C¹⁰¹>A, A¹⁴⁵>R]-mutant, non-glycosylated, produced in <i>Escherichia coli</i>, conjugated at Cys31 with an S-{1-[3-({3-[α-methylpoly(oxyethylene)-ω-oxy]propyl}amino)-3-oxopropyl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl} group <i>anti-inflammatory, immunomodulator</i>
péguipanermine	variant (77-233, 1-157 dans la séquence actuelle) du fragment soluble du facteur de nécrose tumorale humain (TNF, TNF-alfa, membre 2 de la superfamille des ligands du facteur de nécrose tumorale) (V⁷⁷>M¹, R¹⁰⁷>C³¹, C¹⁴⁵>V⁶⁹, Y¹⁶³>H⁸⁷, C¹⁷⁷>A¹⁰¹, A²²¹>R¹⁴⁵), pégylé sur Cys31 avec du monométhoxy-polyéthylène glycol (mPEG, MW ~10 kDa, n ~225), non glycosylé, produit par <i>Escherichia coli</i>; facteur de nécrose tumorale humaine (TNF, TNF-α, TNFA, membre 2 de la superfamille des ligands du facteur de nécrose tumorale, TNFSF2, cachectine), peptide 77-233 (forme soluble du TNF, sTNF, 1-157), mutant [V¹>M, R³¹>C, C⁶⁹>V, Y⁸⁷>H, C¹⁰¹>A, A¹⁴⁵>R], non glycosylé, produit par <i>Escherichia coli</i>, conjugué sur Cys31 à un groupe S-{1-[3-({3-[α-méthylpoly(oxyéthylène)-ω-oxy]propyl}amino)-3-oxopropyl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle} <i>anti-inflammatoire, immunomodulateur</i>

pegipanermina

factor de necrosis tumoral humano (TNF, TNF- α , miembro 2 de la superfamilia de los ligandos del factor de necrosis tumoral), fragmento soluble (77-233, 1-157 en la secuencia actual) variante (V⁷⁷>M¹, R¹⁰⁷>C³; C¹⁴⁵>V⁶⁹, Y¹⁶³>H⁸⁷, C¹⁷⁷>A¹⁰¹, A²²¹>R¹⁴⁵), péptido en Cis31 con monometoxi-poli-etileno glicol (mPEG, MW ~10 kDa, n ~225), no glicosilado, producido por *Escherichia coli*;

factor de necrosis tumoral humano (FNT, TNF, TNF- α , TNFA, miembro 2 de la superfamilia de los ligandos del factor de necrosis tumoral, TNFSF2, caquectina), péptido 77-233 (forma soluble del TNF, sTNF, 1-157), mutante [V¹>M, R³¹>C, C⁶⁹>V, Y⁸⁷>H, C¹⁰¹>A, A¹⁴⁵>R], no glicosilado, producido por *Escherichia coli*, conjugado en Cis31 con un grupo S-[1-[3-({3-[α -metilpoli(oxi-etileno)- ω -oxil]propil]amino)-3-oxopropil]-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo} antiinflamatorio. inmunomodulador

2489785-77-3

Sequence / Séquence / Secuencia

MSRSSRTPSD	KPVAHVWVNP	QAEQGLQWLN	CRANALLANG	VELRDNQLVV	50
PSEGLYLIYS	QVLFKGGQVP	STHVLHTHTI	SRTAVSHQTK	VNLLSAIKSP	100
AQRETPEGAE	AKPWYEPILY	GGVFQLEKGD	RLSAEINRNP	YLDFRRESGQV	150
YFGIILAL					157

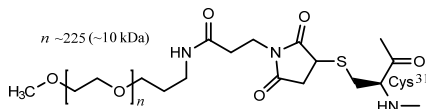
Mutation / Mutation / Mutación

V1>**M**, R31>**C**, C69>**V**, Y87>**H**, C101>**A**, A145>**R**

Post-translational modifications

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación
none / aucune / ninguna

Pegylation site / Site de pegylation / Posición de pegilación



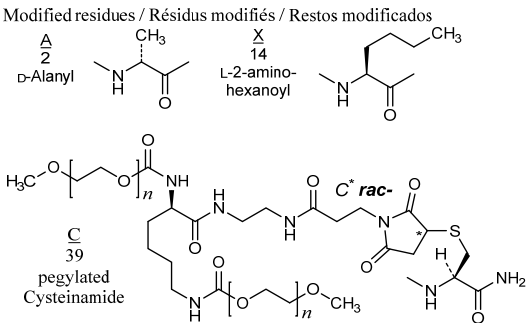
pegloxenatidum
pegloxenatide

exendin-4 (*exenatide*), [Gly²>D-Ala, Met¹⁴>Ahx, Asn²⁸>Gln, Ser³⁹>Cys]-modified, synthetic, conjugated at Cys³⁹ via a thioether linker with two O-methylpoly(ethylene glycol) chains: L-histidyl-D-alanyl-L- α -glutamylglycyl-L-threonyl-L-phenylalanyl-L-threonyl-L-seryl-L- α -aspartyl-L-leucyl-L-seryl-L-lysyl-L-glutaminy-L-2-aminohehexanoyl-L- α -glutamyl-L- α -glutamyl-L- α -glutamyl-L-alanyl-L-valyl-L-arginyl-L-leucyl-L-phenylalanyl-L-isoleucyl-L- α -glutamyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-lysyl-L-glutaminyglycylglycyl-L-prolyl-L-seryl-L-serylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl-S-[*(3R)*]-1-[3]-[(2-*N*²-bis[ω -methoxypoly(oxyethylene)- α -carbonyl]-L-lysylamido)ethyl]amino]-3-oxopropyl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl]-L-cysteinamide
glucagon-like peptide-1 receptor agonist, hypoglycaemic

pégloxénatide	exendine-4 (<i>exénatide</i>) [Gly²>D-Ala, Mét¹⁴>Ahx, Asn²⁸>Gln, Sér³⁹>Cys]-modifiée, synthétique, conjuguée en Cys³⁹ via un lieu thioéther avec deux chaînes de O-méthylpoly(éthylène glycol): L-histidyl-D-alanyl-L-α-glutamylglycyl-L-thréonyl-L-phénylalanil-L-thréonyl-L-séryl-L-α-aspartyl-L-leucyl-L-séryl-L-lysyl-L-glutaminy-L-2-aminohexanoyl-L-α-glutamyl-L-α-glutamyl-L-α-glutamyl-L-alanyl-L-valyl-L-arginyl-L-leucyl-L-phénylalanil-L-isoleucyl-L-α-glutamyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-lysyl-L-glutaminyglycylglycyl-L-prolyl-L-séryl-L-sérylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl-S-[(3<i>RS</i>)-1-{3-[(2-{<i>N</i>²,<i>N</i>⁶-bis[ω-méthoxypoly(oxyéthylène)-α-carbonyl]-L-lysinaido)éthyl)amino]-3-oxopropyl}-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl]-L-cystéinamide <i>agoniste du récepteur au peptide-1 d'action type glucagon, hypoglycémiant</i>
pegloxenatida	exendina-4 (<i>exenatida</i>) [Gly²>D-Ala, Mét¹⁴>Ahx, Asn²⁸>Gln, Sér³⁹>Cys]-modificada, sintética, conjugada en Cys³⁹ mediante un conector tioéter con dos cadenas de O-metilpoli(etileno glicol): L-histidil-D-alanil-L-α-glutamilglicil-L-treonil-L-fenilalanil-L-treonil-L-seril-L-α-aspartil-L-leucil-L-seril-L-lisil-L-glutaminil-L-2-aminohexanoil-L-α-glutamil-L-α-glutamil-L-α-glutamil-L-alanil-L-valil-L-arginil-L-leucil-L-fenilalanil-L-isoleucil-L-α-glutamil-L-triptofil-L-leucil-L-lisil-L-glutaminilglicilglicil-L-prolil-L-seril-L-serilglicil-L-alanil-L-prolil-L-prolil-L-prolil-S-[(3<i>RS</i>)-1-{3-[(2-{<i>N</i>²,<i>N</i>⁶-bis[ω-metoxipoli(oxietileno)-α-carbonil]-L-lisinaido)etil)amino]-3-oxopropil}-2,5-dioxopirrolidin-3-il]-L-cisteinamida <i>agonista del receptor del péptido-1 de acción tipo glucagón, hipoglucemiante</i>

C₂₀₆H₃₁₇N₅₅O₆₇S·(C₂H₄O)_{2n} 2420483-82-3

Sequence / Séquence / Secuencia
HAEGTFTSDL SKQXEEEA VR LFIEWLKQGG PSSGAPPPC 39



pegmolesatidum

pegmolesatide

$N^{6,22}, N^{6,22'}-[((N^2, N^6\text{-bis}[\omega\text{-methoxypoly(oxyethylene)-}\alpha\text{-carbonyl]}\text{-L-lysyl-}\beta\text{-alanyl})\text{azanediy})\text{bis}(1\text{-oxoethane-2, 1-diyl}))\text{bis}[S^6, S^{15}\text{-cyclo}(N\text{-acetylglycylglycyl-L-threonyl-L-tyrosyl-L-seryl-L-cysteinyl-L-histidyl-L-phenylalanylglycyl-L-alanyl-L-leucyl-L-threonyl-L-tryptophyl-L-valyl-L-cysteinyl-L-arginyl-L-prolyl-L-glutaminyl-L-arginylglycyl-}\beta\text{-alanyl-L-lysineamide})]$
antianaemic

pegmolésatide

$N^{6,22}, N^{6,22'}-[((N^2, N^6\text{-bis}[\omega\text{-méthoxypoly(oxyéthylène)-}\alpha\text{-carbonyl]}\text{-L-lysyl-}\beta\text{-alanyl})\text{azanediy})\text{bis}(1\text{-oxoéthane-2, 1-diyl}))\text{bis}[S^6, S^{15}\text{-cyclo}(N\text{-acétylglycylglycyl-L-thréonyl-L-tyrosyl-L-seryl-L-cystéinyl-L-histidyl-L-phénylalanylglycyl-L-alanyl-L-leucyl-L-thréonyl-L-tryptophyl-L-valyl-L-cystéinyl-L-arginyl-L-prolyl-L-glutaminyl-L-arginylglycyl-}\beta\text{-alanyl-L-lysineamide})]$
antianémique

pegmolesatida

$N^{6,22}, N^{6,22'}-[((N^2, N^6\text{-bis}[\omega\text{-metoxipoli(oxietileno)-}\alpha\text{-carbonil]}\text{-L-lisil-}\beta\text{-alanil})\text{azanodil})\text{bis}(1\text{-oxoetano-2, 1-diil}))\text{bis}[S^6, S^{15}\text{-ciclo}(N\text{-acetilglicilglicil-L-treonil-L-tirosil-L-seril-L-cisteinil-L-histidil-L-fenilalanilglicil-L-alanil-L-leucil-L-treonil-L-triptofil-L-valil-L-cisteinil-L-arginil-L-prolil-L-glutaminil-L-arginilglicil-}\beta\text{-alanil-L-lisinamida})]$
antianémico

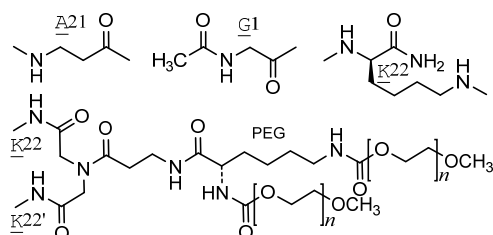
C₂₃₁H₃₄₄N₇₂O₆₄S₄·(C₂H₄O)_{2n}

2420483-81-2

Sequences / séquences / secuencias

GGTYSCHFGA LTWVCRPERG AK 22
 GGTYSCHFGA LTWVCRPERG AK 22'
 PEG

Modified residues / résidus modifiés / restos modificados

**pegsitacianinum**

pegsitacianine

$\alpha\text{-bromo-}\omega\text{-}\{2\text{-methyl-1-[}\alpha\text{-methylpoly(oxyethylene)-}\omega\text{-oxy-1-oxopropan-2-yl)}\text{poly}\{[2\text{-(dibutylamino)ethyl methacrylate-co-(2-acetamidoethyl methacrylate)-co-(2-[6-}\{[(2E)\text{-2-}\{[(2E, 4E, 6E)\text{-7-[1, 1-dimethyl-3-(4-sulfonatobutyl)-1H-benzo[e]indol-3-ium-2-yl]}]\text{hepta-2, 4, 6-trienylidene)-1, 1-dimethyl-1, 2-dihydro-3H-benzo[e]indol-3-yl]}]\text{hexanamido}]\text{ethyl methacrylate)}\text{ (~0.97:0.02:0.01)}\}$
diagnostic imaging agent

pegsitacianine

α -bromo- ω -{2-méthyl-1-[α -méthylpoly(oxyéthylène)- ω -oxy]-1-oxopropan-2-yl}poly{[méthacrylate de 2-(dibutylamino)éthyle]-co-(méthacrylate de 2-acétamidoéthyle)-co-(méthacrylate de 2-{6-[(2E)-2-{(2E,4E,6E)-7-[1,1-diméthyl-3-(4-sulfonatobutyl)-1H-benzo[e]indol-3-ium-2-yl]hepta-2,4,6-triénylidène}-1,1-diméthyl-1,2-dihydro-3H-benzo[e]indol-3-yl]hexanamido}éthyle) (~0,97:0,02:0,01}}

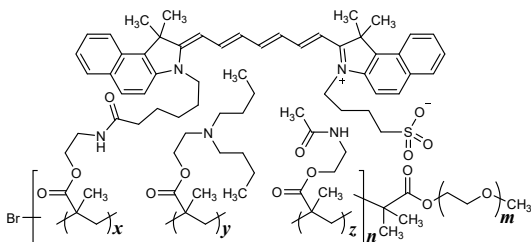
agent de diagnostique

pegsitacianina

α -bromo- ω -{2-metil-1-[α -metilpoli(oxietileno)- ω -oxi]-1-oxopropan-2-il}poli{[metacrilato de 2-(dibutilamino)etilo]-co-(metacrilato de 2-acetamidoetilo)-co-(metacrilato de 2-{6-[(2E)-2-{(2E,4E,6E)-7-[1,1-dimetil-3-(4-sulfonatobutil)-1H-benzo[e]indol-3-io-2-il]hepta-2,4,6-trienilideno}-1,1-dimetil-1,2-dihidro-3H-benzo[e]indol-3-il]hexanamido}etilo) (~0,97:0,02:0,01}}

agente de diagnóstico

$[(C_{14}H_{27}NO_2)_x(C_8H_{13}NO_3)_y(C_{51}H_{59}N_3O_6S)_z]_m(C_2H_4O)_nC_5H_9BrO_2$ 2396651-85-5



Peg : m ~ 113 (5 kDa) Ratio : y : z : x : 0.97 : 0.02 : 0.01

pirtobrutinibum

pirtobrutinib

5-amino-3-{4-[(5-fluoro-2-methoxybenzamido)méthyl]phényl}-1-[(2S)-1,1,1-trifluoropropan-2-yl]-1H-pyrazole-4-carboxamide

Bruton's tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

pirtobrutinib

5-amino-3-{4-[(5-fluoro-2-méthoxybenzamido)méthyl]phényl}-1-[(2S)-1,1,1-trifluoropropan-2-yl]-1H-pyrazole-4-carboxamide

inhibiteur de la tyrosine kinase de Bruton, antinéoplasique

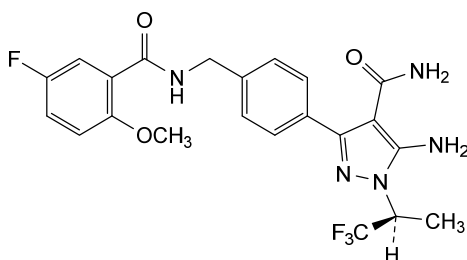
pirtobrutinib

5-amino-3-{4-[(5-fluoro-2-metoxibenzamido)metil]fenil}-1-[(2S)-1,1,1-trifluoropropan-2-il]-1H-pirazol-4-carboxamida

inhibidor de la tirosina kinasa de Bruton, antineoplásico

C₂₂H₂₁F₄N₅O₃

2101700-15-4

**pivekimabum #**

pivekimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL3RA (interleukin 3 receptor subunit alpha, interleukin 3 receptor, alpha (low affinity), CD123)], monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) - *Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362), S122>C (446) (345-449), CHS K2>del (450)) (122-450)], (224-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV14-111*01 (83.2%) -IGKJ2*03 (83.3%) S120>Q (100), L124>V (104)/*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (82.1%) -IGKJ2*01 (91.7%) L124>V (104), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1 cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

pivékimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL3RA (sous-unité alpha du récepteur de l'interleukine 3, récepteur alpha (faible affinité) de l'interleukine 3, CD123)], anticorps monoclonal;
chaîne lourde gamma1 (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) - *Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362), S122>C (446) (345-449), CHS K2>del (450)) (122-450)], (224-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV14-111*01 (83.2%) -IGKJ2*03 (83.3%) S120>Q (100), L124>V (104)/*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (82.1%) -IGKJ2*01 (91.7%) L124>V (104), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

pivekimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL3RA (subunidad alfa del receptor de la interleukina 3, receptor alfa (baja afinidad) de la interleukina 3, CD123)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-450) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) - *Homo sapiens*IGHG1*01, G1m17.1 (CH1 K120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362), S122>C (446) (345-449), CHS K2>del (450)) (122-450)], (224-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV14-111*01 (83.2%) -IGKJ2*03 (83.3%) S120>Q (100), L124>V (104)/*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (82.1%) -IGKJ2*01 (91.7%) L124>V (104), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa *immunomodulador, antineoplásico*

2234335-84-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYFT SSIMHWVRQA PGQGLEWIGY 50
IKPYNDGTKY NEKFKGRATL TSDRSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCAREG 100
GNDYYDTMDY WQGOCTLVTVS SASTKGPSVF FLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150
KDYFPEPVTY SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TYPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVDKKVE PKSCDKHTC PRCPAPELLG GPSVFLFPFK 250
FKDTLMISRT FEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSRD ELTKNQVSLT CLVKGIFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTPP 400
VLDSDGSFFL YSKLTVDKSR WQGNVFCSS VMHEALHNHY TQKSCLCLSPG 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIQMTQSPFS LSASVGDRTV ITCRASQDIN SYLSWFQQKP GKAPKTLIYR 50
VNRLVDGVPS RFGSGSGND YLTITSLQP EDFATYYCLQ YDAFPYTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIAPP SDEQLKSGTA SVVCLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGE 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 265-325 371-429
22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"
Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194"
23'''-88''' 134'''-194'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 224-214' 224"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 230-230" 233-233"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutamínilo N-terminal
H VH Q1 > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl): 1, 1"
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:301, 301"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados.

pivekimabum sunirinum #
pivekimab sunirine

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL3RA (interleukin 3 receptor subunit alpha, interleukin 3 receptor, alpha (low affinity), CD123)], monoclonal antibody, conjugated with sulfonated DGN549-C, a cytotoxic indolobenzodiazepine dimer bonded to a protease-cleavable maleimidoethylamino-adipyl-Ala-Ala linker;

	gamma1 heavy chain (1-450) [VH (<i>Homo sapiens</i>IGHV1-46*01 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -<i>Homo sapiens</i>IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362), S122>C (446) (345-449), CHS K2>del (450)) (122-450)], (224-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (<i>Mus musculus</i>IGKV14-111*01 (83.2%) -IGKJ2*03 (83.3%) S120>Q (100), L124>V (104)/<i>Homo sapiens</i>IGKV1-16*01 (82.1%) -IGKJ2*01 (91.7%) L124>V (104), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i>IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1 cell line, glycoform alfa; conjugated at the sulfur atoms of Cys⁴⁴⁶ and Cys^{446'} with approximately two (3Ξ)-1-[2-(6-(((2S)-1-(((2S)-1-[3-(((12S,12aS)-8-methoxy-6-oxo-12-sulfo-11,12,12a,13-tetrahydro-6H-indolo[2,1-c][1,4]benzodiazepin-9-yl]oxy)methyl)-5-(((12aS)-8-methoxy-6-oxo-11,12,12a,13-tetrahydro-6H-indolo[2,1-c][1,4]benzodiazepin-9-yl]oxy)methyl)anilino]-1-oxopropan-2-yl)amino)-1-oxopropan-2-yl]amino)-6-oxohexanamido)ethyl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl (<i>sunirine</i>) groups <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
pivékimab sunirine	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> IL3RA (sous-unité alpha du récepteur de l'interleukine 3, récepteur alpha (faible affinité) de l'interleukine 3, CD123)], anticorps monoclonal, conjugué au DGN549-C sulfonaté, qui est un dimère d'indolobenzodiazépine cytotoxique lié à un linker maléimidoéthylamino-adipyl-Ala-Ala clivable par protéases; chaîne lourde gamma1 (1-450) [VH (<i>Homo sapiens</i>IGHV1-46*01 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -<i>Homo sapiens</i>IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362), S122>C (446) (345-449), CHS K2>del (450)) (122-450)], (224-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (<i>Mus musculus</i>IGKV14-111*01 (83.2%) -IGKJ2*03 (83.3%) S120>Q (100), L124>V (104)/<i>Homo sapiens</i>IGKV1-16*01 (82.1%) -IGKJ2*01 (91.7%) L124>V (104), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i>IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa; conjugué aux atomes de soufre de Cys⁴⁴⁶ et Cys^{446'} avec environ deux groupes (3Ξ)-1-[2-(6-(((2S)-1-(((2S)-1-[3-(((12S,12aS)-8-méthoxy-6-oxo-12-sulfo-11,12,12a,13-tétrahydro-6H-indolo[2,1-c][1,4]benzodiazépin-9-yl]oxy)méthyl)-5-(((12aS)-8-méthoxy-6-oxo-11,12,12a,13-tétrahydro-6H-indolo[2,1-c][1,4]benzodiazépin-9-yl]oxy)méthyl)anilino]-1-oxopropan-2-yl)amino)-1-oxopropan-2-yl]amino)-6-oxohexanamido)éthyl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle (<i>sunirine</i>) <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
pivekimab sunirina	immunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> IL3RA (subunidad alfa del receptor de la interleukina 3, receptor alfa (baja afinidad) de la interleukina 3, CD123)], anticuerpo monoclonal, conjugado con DGN549-C sulfonado, que es un dímero de indolobenzodiazepina citotóxico unido a un enlace maleimidoetilamino-adipil-Ala-Ala escindible por proteasas;

cadena pesada gamma1 (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (80.6%) -IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (218) (122-219), bisagra1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362), S122>C (446) (345-449), CHS K2>del (450)) (122-450)], (224-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV14-111*01 (83.2%) -IGKJ2*03 (83.3%) S120>Q (100), L124>V (104)/*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (82.1%) -IGKJ2*01 (91.7%) L124>V (104), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro; producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa; conjugado en los átomos de azufre de Cys⁴⁴⁶ y Cys⁴⁴⁶ con aproximadamente dos grupos (3Ξ)-1-[2-(6-(((2S)-1-(((2S)-1-[3-(((12S,12aS)-8-metoxi-6-oxo-12-sulfo-11,12,12a,13-tetrahidro-6H-indolo[2,1-c][1,4]benzodiazepin-9-il)oxi)metil)-5-(((12aS)-8-metoxi-6-oxo-11,12,12a,13-tetrahidro-6H-indolo[2,1-c][1,4]benzodiazepin-9-il)oxi)metil)anilino]-1-oxopropan-2-il)amino)-1-oxopropan-2-il]amino)-6-oxohexanamido)etil]-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo (*sunirina*)
inmunomodulador, antineoplásico

2417174-95-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYIFT SSIMHWVROA PGQGLEWIGY 50
IKPYNDGTKY NEKFKGRATL TSDRSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCAREG 100
GNDYYDTMDY WQCGTLTVTS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAAALGCLV 150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPVAVLS SGLYSLSSV VTPSSSSIGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVDKKVE PKSCDKTHTC PPCPAPELLG GBSVFLFPFK 250
PKDTLMISRT FEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDLNLG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQFPREP 350
QVYTLPPSRD ELTKNQVSLT CLVKGFPYSD IAVWEWSNGQ PENNYKTTFP 400
VLSDSGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFCSS VMHEALHNHY TQKSLCLSPG 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

EQMTQSPSS LSASVGRDVT ITCRASQDIN SYLSWFQQKP GKAPKTLIYR 50
VNRLVDGVPS RFSGSGSGND YTLTISLQF EDFATYYCLQ YDAFPYTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNEY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSPN RGECC 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 265-325 371-429

22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"

Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134"-194"

23"-88"" 134""-194""

Inter-H-L (h 5-CL 126) 224-214' 224"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 230-230" 233-233"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutamínico N-terminal

H VH Q1> pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl): 1, 1"

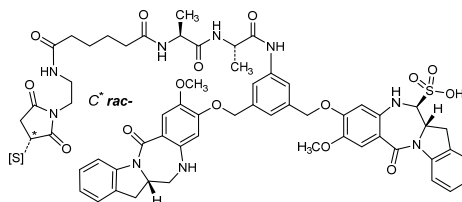
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 301, 301"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

Conjugation sites / Sites de conjugaison / Posiciones de conjugación

~1.5-2.1 sunirine groups/mAb at the S atoms of Cys C446, C446"/~1.5-2.1 sunirine groups/mAb sur l'atome S de Cys C446, C446"/~1.5-2.1 grupos sunirina/mAb sobre el átomo S de Cys C446, C446":



11789---pixofisiranum
pixofisiran

cytidyl-(3'→5')-cytidyl-(3'→5')-cytidyl-(3'→5')-adenyl-(3'→5')-adenyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-cytidyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-adenyl-(3'→5')-cytidyl-(3'→5')-cytidyl-(3'→5')-adenyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-cytidyl-(3'→5')-cytidyl-(3'→5')-adenyl-(3'→5')-adenyl-(3'→5')-cytidyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-cytidyl-(3'→5')-uridine, duplex with guanylyl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-uridylyl-(5'→3')-uridylyl-(5'→3')-cytidyl-(5'→3')-cytidyl-(5'→3')-cytidyl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-adenyl-(5'→3')-uridylyl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-uridylyl-(5'→3')-adenyl-(5'→3')-cytidyl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-uridylyl-(5'→3')-uridylyl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-adenyl-(5'→3')-adenyl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-adenosine
transforming growth factor beta-1 (TGFB1) synthesis reducer, antineoplastic

pixofisiran

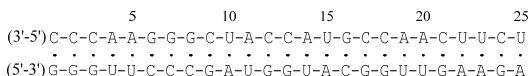
cytidyl-(3'→5')-cytidyl-(3'→5')-cytidyl-(3'→5')-adényl-(3'→5')-adényl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-cytidyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-adényl-(3'→5')-cytidyl-(3'→5')-cytidyl-(3'→5')-adényl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-cytidyl-(3'→5')-cytidyl-(3'→5')-adényl-(3'→5')-adényl-(3'→5')-cytidyl-(3'→5')-cytidyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-cytidyl-(3'→5')-uridine, duplex avec guanylyl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-uridylyl-(5'→3')-uridylyl-(5'→3')-cytidyl-(5'→3')-cytidyl-(5'→3')-cytidyl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-adényl-(5'→3')-uridylyl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-uridylyl-(5'→3')-adényl-(5'→3')-cytidyl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-uridylyl-(5'→3')-uridylyl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-adényl-(5'→3')-adényl-(5'→3')-guanylyl-(5'→3')-adénosine
réducteur de la synthèse du facteur de croissance transformant bêta-1 (TGFB1), antinéoplasique

pixofisirán

citidilil-(3'→5')-citidilil-(3'→5')-citidilil-(3'→5')-adenilil-(3'→5')-adenilil-(3'→5')-guanilil-(3'→5')-guanilil-(3'→5')-guanilil-(3'→5')-citidilil-(3'→5')-uridilil-(3'→5')-adenilil-(3'→5')-citidilil-(3'→5')-citidilil-(3'→5')-adenilil-(3'→5')-uridilil-(3'→5')-guanilil-(3'→5')-citidilil-(3'→5')-citidilil-(3'→5')-adenilil-(3'→5')-adenilil-(3'→5')-citidilil-(3'→5')-uridilil-(3'→5')-uridilil-(3'→5')-citidilil-(3'→5')-uridina, duplex con guanilil-(5'→3')-guanilil-(5'→3')-guanilil-(5'→3')-uridilil-(5'→3')-uridilil-(5'→3')-citidilil-(5'→3')-citidilil-(5'→3')-citidilil-(5'→3')-guanilil-(5'→3')-adenilil-(5'→3')-uridilil-(5'→3')-guanilil-(5'→3')-guanilil-(5'→3')-uridilil-(5'→3')-adenilil-(5'→3')-citidilil-(5'→3')-guanilil-(5'→3')-guanilil-(5'→3')-uridilil-(5'→3')-uridilil-(5'→3')-guanilil-(5'→3')-adenilil-(5'→3')-adenilil-(5'→3')-guanilil-(5'→3')-adenosina
reductor de la síntesis del factor de crecimiento transformante beta-1 (TGFB1), antineoplásico

C₄₇₅H₅₉₁N₁₈₉O₃₄₆P₄₈

1152798-48-5

**pruxelutamidum**

pruxelutamide

1²-fluoro-2⁴,2⁴-dimethyl-2⁵-oxo-2²-sulfanylidene-1³-
(trifluoromethyl)-3(5,2)-pyridina-7(2)-[1,3]oxazola-
2(1,3)-imidazolidina-1(1)-benzenaheptaphane-1⁴-
carbonitrile

antiandrogen, antineoplastic

pruxélutamide

1²-fluoro-2⁴,2⁴-diméthyl-2⁵-oxo-2²-sulfanylidène-1³-
(trifluorométhyl)-3(5,2)-pyridina-7(2)-[1,3]oxazola-
2(1,3)-imidazolidina-1(1)-benzénaheptaphane-1⁴-
carbonitrile

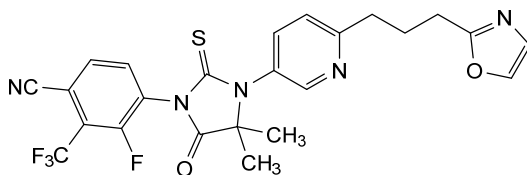
antiandrogène, antinéoplasique

pruxelutamida

1²-fluoro-2⁴,2⁴-dimetil-2⁵-oxo-2²-sulfanilideno-1³-
(trifluorometil)-3(5,2)-piridina-7(2)-[1,3]oxazola-2(1,3)-
imidazolidina-1(1)-benzenaheptafano-1⁴-carbonitrilo

*antiandrógeno, antineoplásico*C₂₄H₁₉F₄N₅O₂S

1398046-21-3

**pulocimabum #**

pulocimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* KDR
(kinase insert domain receptor, vascular endothelial
growth factor receptor 2, VEGFR2, VEGF-R2, FLK1,
CD309)], monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-446) [VH (*Homo sapiens*
IGHV3-21*01 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%),
CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -
Homo sapiens IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1
K120 (213) (117-214), hinge 1-15 (215-229), CH2
(230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS
(445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfide with kappa
light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-
12*01 (84.2%) -IGKJ4*01 (90.9%) E125>D (105),
CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -
Homo sapiens IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153),
V101 (191) (108'-214')]; dimer (225-225':228-228')-
bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary
(CHO) cells, glycoform alfa
angiogenesis inhibitor, antineoplastic

pulocimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* KDR
(kinase insert domain receptor, vascular endothelial
growth factor receptor 2, VEGFR2, VEGF-R2, FLK1,
CD309)], monoclonal antibody;

pulocimab

chaîne lourde gamma1 (1-446) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-21*01 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens*IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (213) (117-214), charnière 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-12*01 (84.2%) -IGKJ4*01 (90.9%) E125>D (105), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa inhibiteur de l'angiogénèse, antinéoplasique

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* KDR (receptor con dominio insert kinasa, receptor 2 del factor de crecimiento endotelial vascular, VEGFR2, VEGF-R2, FLK1, CD309)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-446) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-21*01 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens*IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (213) (117-214), bisagra 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-12*01 (84.2%) -IGKJ4*01 (90.9%) E125>D (105), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa inhibidor de la angiogénesis, antineoplásico

2428381-49-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EQVLQSGGG LVKPGGSLRL SCAASGTFSS SYSMNWVRQA PGKLEWVSS 50
ISSSSSIYYI ADSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TAVYYCARVT 100
DAFDIQGGQT MVTVSSASTK GPSVFPLAPS SKTSGGTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVTVTPSS SLGTQTYICN 200
VNHKPSNTKV DKKVEPKSCD KHTCPPCPA PELLGGGPSVF LFFPKPKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVSHEDF EVKFNWYVDG VEVHNAKTRP REEQYNSTYR 300
VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNKALPAP IEKTISKAKG QRPFPQVYTL 350
PFSRDELTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTFPVLDS D 400
GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMEHA LHNHYTQKSL SLSPGK 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS VSASIGDRVT ITCRASGLD NLWGWYQQKP GKAPKLLIYD 50
ASNLDTGVPS RFSGSGSGTY FTLTISLQA EDFAVYFCQQ AKAFPTPGG 100
GTRVDIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNEY PREAKVQWQV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYERKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 143-199 260-320 366-424
22"-96" 143"-199" 260"-320" 366"-424"
Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 219-214' 219"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 225-225" 228-228"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 296, 296'
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 446, 446'

quisovalimabum #

quisovalimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFSF14 (tumor necrosis factor (TNF) superfamily member 14, LIGHT, HVEM-L, CD258)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;

gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-34*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.16] (26-33.51-57.96-111)) (1-122)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v3 CH2 E1.2 (CH1 (123-220), hinge 1-12 S10>P (230) (221-232), CH2 L1.2>E (237) (233-342), CH3 (343-447), CHS K>del (448)) (123-448)], (136-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-13*02 (97.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1SV cell line, glycoform alfa
anti-inflammatory, immunomodulator

quisovalimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFSF14 (membre 14 de la superfamille des ligands du facteur de nécrose tumorale, LIGHT, HVEM-L, CD258)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde gamma4 *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-34*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.16] (26-33.51-57.96-111)) (1-122)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v3 CH2 E1.2 (CH1 (123-220), charnière 1-12 S10>P (230) (221-232), CH2 L1.2>E (237) (233-342), CH3 (343-447), CHS K>del (448)) (123-448)], (136-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-13*02 (97.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1SV, glycoforme alfa
anti-inflammatoire, immunomodulateur

quisovalimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFSF14 (miembro 14 de la superfamilia de los ligandos del factor de necrosis tumoral, LIGHT, HVEM-L, CD258)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada gamma4 *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-34*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.16] (26-33.51-57.96-111)) (1-122)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v3 CH2 E1.2 (CH1 (123-220), bisagra 1-12 S10>P (230) (221-232), CH2 L1.2>E (237) (233-342), CH3 (343-447), CHS K>del (448)) (123-448)], (136-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-13*02 (97.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1SV, forma glicosilada alfa
antiinflamatorio, inmunomodulador

2427667-03-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLQQWGGG LLKPSETLSL TCAVYGGGFS GYNWHWIRQP PGKGLEWIGE 50
ITHSGSTNYN PSLKSRVTIS VDTSKNQFSL KLSSTVTAAD AVYYCVREIA 100
VAGTGYYGMD VWQGTITVTV SSASTKGPSV FFLAPCSRST SESTAALGCL 150
VKDYFFPEVTV VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTVFSSSLGT 200
KTYTCNVNDRV PSNTKVDKRV ESKYGPCCPP CRAPEFEGGP SVFLFPPKPK 250
DTLWISRTPE VTCVVVDVSQ EDPEVQENWY VDGVEVHNAK TKPREEQFNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKGL PSSIEKTISK ARGQPREPQV 350
YTLPPSQEEM TKNQVSLTCL VKGFPYSDIA VEWESNGQPE NNYKTTPEVL 400
DSDGSEFFLYS RLTVDKSRWQ EGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSLG 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
AIQLTQSPSS LSASVGRVIT ITCRASQGIN SAFAWYQQKP GKAPKLLIYD 50
ASSLESQVPS RFGSGSGGTD FTLTISLQIP EDFATYYCQQ FNSYPLTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYERHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGECC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-95 149-205 263-323 369-427
22"-95" 149"-205" 263"-323" 369"-427"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 136-214' 136"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 228-228" 231-231"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
H VH QI > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolil): 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 299, 299"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

rebemadlinum
rebemadlin

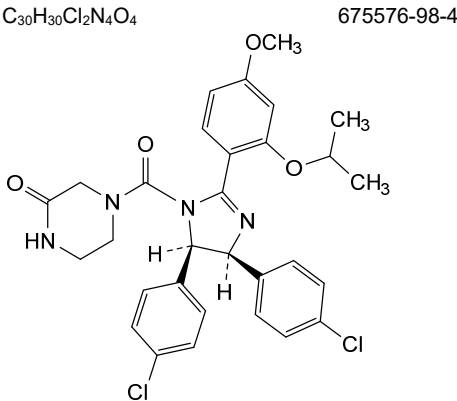
4-[(4*S*,5*R*)-4,5-bis(4-chlorophenyl)-2-{4-methoxy-2-[(propan-2-yl)oxy]phenyl}-4,5-dihydro-1*H*-imidazole-1-carbonyl]piperazin-2-one
E3 ubiquitin-protein ligase Mdm2 (Hdm2) inhibitor

rébémadline

4-[(4*S*,5*R*)-4,5-bis(4-chlorophényl)-2-{4-méthoxy-2-[(propan-2-yl)oxy]phényl}-4,5-dihydro-1*H*-imidazole-1-carbonyl]pipérazin-2-one
inhibiteur de l'ubiquitine-protéine ligase E3 Mdm2 (Hdm2)

rebemadlina

4-[(4*S*,5*R*)-4,5-bis(4-clorofenil)-2-{4-metoxi-2-[(propan-2-il)oxi]fenil}-4,5-dihidro-1*H*-imidazol-1-carbonil]piperazin-2-ona
inhibidor de ubiquitina-proteína ligasa E3 Mdm2 (Hdm2)



rencofilstatum

rencofilstat

6-[(2*S*,3*R*,4*R*)-10-acetamido-3-hydroxy-4-methyl-2-(methylamino)decanoic acid]-8-(*N*-methyl-*D*-alanine)cyclosporin A;
 1,11-anhydro[L-alanyl-*D*-alanyl-*N*-methyl-L-leucyl-*N*-methyl-L-leucyl-*N*-methyl-L-valyl-(3*R*,4*R*)-10-acetamido-3-hydroxy-*N*,4-dimethyl-L-2-aminodecanoyl-L-2-aminobutanoyl-*N*-methyl-*D*-alanyl-*N*-methyl-L-leucyl-L-valyl-*N*-methyl-L-leucine]
cyclophilin inhibitor

rencofilstat

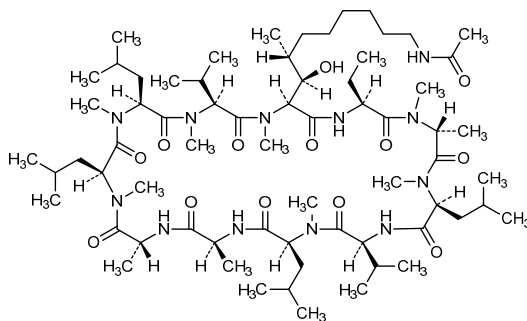
6-[acide (2*S*,3*R*,4*R*)-10-acétamido-3-hydroxy-4-méthyl-2-(méthylamino)décanoïque]-8-(*N*-méthyl-*D*-alanine)cyclosporin A;
 1,11-anhydro[L-alanyl-*D*-alanyl-*N*-méthyl-L-leucyl-*N*-méthyl-L-leucyl-*N*-méthyl-L-valyl-(3*R*,4*R*)-10-acétamido-3-hydroxy-*N*,4-diméthyl-L-2-aminodécanoyl-L-2-aminobutanoyl-*N*-méthyl-*D*-alanyl-*N*-méthyl-L-leucyl-L-valyl-*N*-méthyl-L-leucine]
inhibiteur de la cyclophiline

rencofilstat

6-[ácido (2*S*,3*R*,4*R*)-10-acetamido-3-hidroxi-4-metil-2-(metilamino)decanoico]-8-(*N*-metil-*D*-alanina)ciclosporina A;
 1,11-anhidro[L-alanil-*D*-alanil-*N*-metil-L-leucil-*N*-metil-L-leucil-*N*-metil-L-valil-(3*R*,4*R*)-10-acetamido-3-hidroxi-*N*,4-dimetil-L-2-aminodecanoil-L-2-aminobutanil-*N*-metil-*D*-alanil-*N*-metil-L-leucil-L-valil-*N*-metil-L-leucina]
inhibidor de la ciclofilina

 $C_{67}H_{122}N_{12}O_{13}$

1383420-08-3

**riletamotidum**

riletamotide

telomerase reverse transcriptase (human TERT, hTERT, EC:2.7.7.49) (651-665)-peptide;
 L-alanyl-L-α-glutamyl-L-arginyl-L-leucyl-L-threonyl-L-seryl-L-arginyl-L-valyl-L-lysyl-L-alanyl-L-leucyl-L-phenylalanyl-L-seryl-L-valyl-L-leucine
immunological agent for active immunization

rilétamotide

(651-665)-peptide de la transcriptase inverse de la télomérase (TERT humaine, hTERT, EC:2.7.7.49) ;
 L-alanyl-L-α-glutamyl-L-arginyl-L-leucyl-L-thréonyl-L-séryl-L-arginyl-L-valyl-L-lysyl-L-alanyl-L-leucyl-L-phénylalanyl-L-séryl-L-valyl-L-leucine
agent immunologique d'immunisation active

riletamotida

(651-665)-péptido de la telomerasa transcriptasa inversa (TERT humana, hTERT, EC:2.7.7.49); L-alanil-L- α -glutamil-L-arginil-L-leucil-L-treonil-L-seril-L-arginil-L-valil-L-lisil-L-alanil-L-leucil-L-fenilalanil-L-seril-L-valil-L-leucina
agente inmunológico para inmunización activa

C₇₆H₁₃₂N₂₂O₂₁

524061-04-9

AERLTSRVKA LFSVL 15

rimteravimabum #

rimteravimab

immunoglobulin gamma1 VH-h-CH2-CH3 dimer, anti-[receptor binding domain (RBD) of the spike (S) glycoprotein of severe acute respiratory syndrome coronavirus (SARS-CoV) / severe acute respiratory syndrome coronavirus 2 (SARS-CoV-2) / bat SARS-like (bat) coronavirus WIV1 (bat SL-CoV-WIV1)], monoclonal antibody, bivalent; gamma1 VH-h-CH2-CH3 chain (1-361) [VH Vicpac/Homsap (*Vicugna pacos* IGHV3-3*01 R50 (45) (93.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.18] (26-33.51-58.97-114)) (1-125)] -10 mer bis(tetraglycyl-seryl) linker (126-135) -[*Homo sapiens* IGHG1*01 h-CH2-CH3, G1m17, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (hinge 6-15 (136-145), CH2 L1.3>A (149), L1.2>A (150) (146-255), CH3 D12 (271), L14 (273) (256-360), CHS K>del (361)) (136-361)], dimer (141-141":144-144")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-DG44 cell line, glycoform alfa
antiviral

rimtéravimab

immunoglobuline gamma1 VH-h-CH2-CH3 dimère, anti-[domaine de liaison au récepteur (RBD) de la glycoprotéine spike (S) de coronavirus du syndrome respiratoire aigu sévère (SARS-CoV)] / coronavirus 2 du syndrome respiratoire aigu sévère (SARS-CoV-2) / coronavirus WIV1 (chauve-souris) du bat SARS-like (bat SL-CoV-WIV1)], anticorps monoclonal, bivalent; gamma1 VH-h-CH2-CH3 chaîne (1-361) [VH Vicpac/Homsap (*Vicugna pacos* IGHV3-3*01 R50 (45) (93.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.18] (26-33.51-58.97-114)) (1-125)] -10 mer bis(tétraglycyl-séryl) linker (126-135) -[*Homo sapiens* IGHG1*01 h-CH2-CH3, G1m17, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (charnière 6-15 (136-145), CH2 L1.3>A (149), L1.2>A (150) (146-255), CH3 D12 (271), L14 (273) (256-360), CHS K>del (361)) (136-361)], dimère (141-141":144-144")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa
antiviral

rinteravimab

immunoglobulina gamma1 VH-h-CH2-CH3 dímero, anti-[dominio de unión al receptor (RBD) de la glicoproteína spike (S) de coronavirus del síndrome respiratorio agudo severo (SARS-CoV)] / coronavirus 2 del síndrome respiratorio agudo severo (SARS-CoV-2) / coronavirus WIV1 (murciélago) del bat SARS-like (bat SL-CoV-WIV1)], anticuerpo monoclonal, bivalente; gamma1 VH-h-CH2-CH3 cadena (1-361) [VH Vicpac/Homsap (*Vicugna pacos* IGHV3-3*01 R50 (45) (93.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.18] (26-33.51-58.97-114)) (1-125)] -10 mer bis(tetraglicil-seril) linker (126-135) -[*Homo sapiens* IGHG1*01 h-CH2-CH3, G1m17, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (bisagra 6-15 (136-145), CH2 L1.3>A (149), L1.2>A (150) (146-255), CH3 D12 (271), L14 (273) (256-360), CHS K>del (361)) (136-361)], dímero (141-141":144-144")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa
antiviral

2540797-21-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
DVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGRFTS EYAMGWFRQA PGKREFVAT 50
ISWVGATYY TDSVKGRTI SRDIAKNTVY LQMNSLRPED TAVYYCAAAG 100
LGTVSEWDY DYDYWGQGLT VTVSSGGGGS GGGGSDRTHT CPCCPAPEAA 150
GGPSVFLFPP KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH 200
NAKTKPREEQ YNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KALPAIEKT 250
ISKAKGQPRE PQVYTLPPSR DELTKNQVSL TCVKGFPYS DIAVEWESNG 300
QPENNYKTTT PVLDSGDSFF LYSKLTVDKS RWQGNVFSC SVMHEALHNNH 350
YTQKSLSLSP G 361

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-V (C23-C104) 22-96
22"-96"
Intra-C (C23-C104) 176-236 282-340
176"-236" 282"-340"
Inter-H-H (h 11, h 14) 141-141" 144-144"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4; 212, 212"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados.

rocatinlimabum #
rocatinlimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF4 (tumor necrosis factor receptor (TNFR) superfamily member 4, OX40, CD134)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-5*02 (94.0%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [10.7.9] (26-35.53-59.98-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (214) (118-215), hinge 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (98.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.8] (27-33.51-53.90-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator

rocatinlimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF4 (membre 4 de la superfamille des récepteurs du facteur de nécrose tumorale (TNFR), OX40, CD134)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;

chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-5*02 (94.0%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [10.7.9] (26-35.53-59.98-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (214) (118-215), charnière 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (98.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.8] (27-33.51-53.90-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa immunomodulateur

rocatinlimab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF4 (miembro 4 de la superfamilia de los receptores del factor de necrosis tumoral (TNFR), OX40, CD134)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-5*02 (94.0%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [10.7.9] (26-35.53-59.98-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (214) (118-215), bisagra 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (98.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.8] (27-33.51-53.90-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa immunomodulador

2431972-52-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
QITLKESGPT LVKPKQTLTL TCTFSGFSLT TSGMGVGMIR QPPGKALEWL 50
AVIYWDHDLQ YPSLKSRLT ITKDTSKNQV VLTMTNMDPV DTATYYCAHR 100
RGAFQHWGGQ TLVTVSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPV SSGTQTYIC 200
NVNHKPSKNT VDKKVEPKSC DKTHTCPPCP APELLGGPVS FLFPKPKDT 250
LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNARTK PREEQYNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTSKAK GQPREPQVYT 350
LPFSRDELTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQFENN YKTTFPVLDS 400
DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVNHE ALHNHYTQKS LSLSPGK 447
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SSYLAWYQQK PGQAPRLLIY 50
GASSRATGIP DRFSGSGSGT DFTLTISRLE PEDFAVYYCQ QYDSSLTFGG 100
GTRKVEIKRTV AAPSVFIAPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQMKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTILT LSKADYERHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-97" 144"-200" 261"-321" 367"-425"
22"-97" 144"-200" 261"-321" 367"-425"

Intra-L (C23-C104) 23"-89" 134"-194"
23"-89" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 220-214' 220"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 226-226" 229-229"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutamínilo N-terminal

H VH Q1 > pyroglutamy (pE, 5-oxoprolyl): 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 297, 297"

Afucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes afucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos afucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 447, 447"

romlusevimabum #

romlusevimab

immunoglobulin G1-lambda2, anti-[severe acute respiratory syndrome coronavirus 2 (SARS-CoV-2) spike (S) glycoprotein, receptor binding domain (RBD)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV7-4-1*02 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens*IGHG1*01, G1m17,1, G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 M15.1>Y (254), S16>T (256), T18>E (258) (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-213')-disulfide with lambda2 light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens*IGLV3-21*01 (97.9%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.11] (26-31.49-51.88-98)) (1'-108') -*Homo sapiens*IGLC2*01 (100%) (109'-214')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1 cell line, glycoform alfa
antiviral

romlusevimab

immunoglobuline G1-lambda2, anti-[domaine de liaison au récepteur (RBD) de la glycoprotéine spike (S) du coronavirus 2 du syndrome respiratoire aigu sévère (SARS-CoV-2)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
 chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV7-4-1*02 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens*IGHG1*01, G1m17,1, G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (216) (120-217), 1-15 (218-232), CH2 M15.1>Y (254), S16>T (256), T18>E (258) (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-213')-disulfure avec la chaîne légère lambda2 *Homo sapiens* (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens*IGLV3-21*01 (97.9%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.11] (26-31.49-51.88-98)) (1'-108') -*Homo sapiens*IGLC2*01 (100%) (109'-214')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
antiviral

romlusevimab

immunoglobulina G1-lambda2, anti-[dominio de unión al receptor (RBD) de la glicoproteína spike (S) del coronavirus 2 del síndrome respiratorio agudo severo (SARS-CoV-2)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
 cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV7-4-1*02 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens*IGHG1*01, G1m17,1, G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (216) (120-217), 1-15 (218-232), CH2 M15.1>Y (254), S16>T (256), T18>E (258) (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-213')-disulfuro con la cadena ligera lambda2 *Homo sapiens* (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens*IGLV3-21*01 (97.9%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.11] (26-31.49-51.88-98)) (1'-108') -*Homo sapiens*IGLC2*01 (100%) (109'-214')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
antiviral

2509447-08-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGSE LKPGASVKV SKKASGYTFT TYVMNVRQA PGQGLEWMGN 50
INTNTGNPTY AQGFTGRFVF SLDTSVSTAS LQISLKAED TAVYCSSEI 100
TTLGMDVWG QGTTVTYSSA STKGPSVFPAL APSSKSTSGG TAAIGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPAVLQSSG LYSLSSTVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHCTCP CPAPPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLYITREPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREQYNS 300
TYRVSVSLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSRDEL TRNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVN HEALHNYHTQ KSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
SYVLTPPSPV SVAPGKTARI TCGGNIGSK SVHWYQQKPG QAPVLVIYYD 50
SDRPSGIPER FSGSNSGNTA TLITSGVEAG DEADYYCQVW DSISDHRVFG 100
GGTKLTVLGQ PKAAPSVTLF PPSSEELQAN KATLVCLISD FYPGAVTVAV 150
KADSSPVKAG VETTTSPSKQS NNKYAASSYL SLTPEQWKSH RSYSCQVTHE 200
GSTVEKTVAP TECS 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427
22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427"
Intra-L (C23-C104) 22'-87' 136'-195'
22"-87" 136"-195"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-213' 222"-213"
Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutamilo N-terminal
H VH Q1 > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl): 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 299, 299"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycans de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenariarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 449, 449"

ropsacitinibum
ropsacitinib

(1*r*,3*r*)-3-(cyanomethyl)-3-{4-[6-(1-methyl-1*H*-pyrazol-4-yl)pyrazolo[1,5-*a*]pyrazin-4-yl]-1*H*-pyrazol-1-yl}cyclobutane-1-carbonitrile
Janus kinase inhibitor

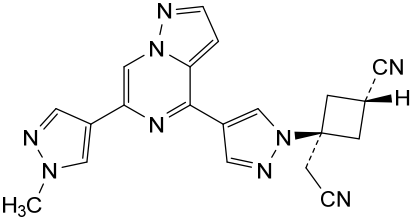
ropsacitinib

(1*r*,3*r*)-3-(cyanométhyl)-3-{4-[6-(1-méthyl-1*H*-pyrazol-4-yl)pyrazolo[1,5-*a*]pyrazin-4-yl]-1*H*-pyrazol-1-yl}cyclobutane-1-carbonitrile
inhibiteur de la kinase de Janus

ropsacitinib

(1*r*,3*r*)-3-(cianometil)-3-{4-[6-(1-metil-1*H*-pirazol-4-il)pirazolo[1,5-*a*]pirazin-4-il]-1*H*-pirazol-1-il}ciclobutano-1-carbonitrilo
inhibidor de la kinasa de Janus

C₂₀H₁₇N₉ 2127109-84-4



rovanersenum

rovanersen

(P^3S)-2'-O-methyl-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidyl-(3'→5')-2'-O-methyladenyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-O-methyl-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-deoxy-*P*-thioadenyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-deoxy-*P*-thioadenyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-deoxy-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-deoxy-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-deoxy-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-deoxy-*P*-thioadenyl-(3'→5')-(P^3R)-2'-deoxy-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-deoxy-*P*-thioadenyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-deoxy-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-methyladenyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidyl-(3'→5')-2'-O-methyluridyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-O-methyl-*P*-thiouridyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidine
abnormal huntingtin synthesis reducer

rovanersen

(P^3S)-2'-O-méthyl-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidyl-(3'→5')-2'-O-méthyladényl-(3'→5')-(P^3S)-2'-O-méthyl-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-désoxy-*P*-thioadényl-(3'→5')-(P^3S)-2'-désoxy-*P*-thioadényl-(3'→5')-(P^3S)-2'-désoxy-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-désoxy-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-désoxy-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-désoxy-*P*-thioadényl-(3'→5')-(P^3R)-2'-désoxy-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-désoxy-*P*-thioadényl-(3'→5')-(P^3S)-2'-désoxy-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-méthyladényl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridyl-(3'→5')-(P^3S)-2'-O-méthyl-*P*-thiouridyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidine
réducteur de la synthèse de huntingtine anormale

rovanersén

(P^3S)-2'-O-metil-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-(P^3S)-2'-O-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-(P^3S)-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-(P^3S)-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-(P^3S)-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-(P^3S)-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-(P^3S)-2'-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-(P^3S)-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-(P^3R)-2'-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-(P^3S)-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-(P^3S)-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-(P^3S)-2'-O-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidina
reductor de la síntesis de huntingtina anormal

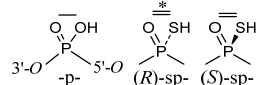
C₂₀₂H₂₅₉N₈₂O₁₁₁P₁₉S₁₃

2072901-32-5

(3'→5') G=C-C-A-C=d(A=A=G=G=G=C=A=C^{*}A=G)=A-C-U-U=CLegend:

X : 2'-O-methylnucleotide

X : 2'-deoxynucleotide



rucosopasemum manganesum

rucosopasem manganese

(PBPY-7-11-2344'3')-di(propanoato-κO)[(1¹S,1²S,7¹S,7²S)-2,6,8,11-tetraaza-4(2,6)-pyridina-1,7(1,2)-dicyclohexanacycloundecaphane-κ⁵N²,N^{1,4},N⁶,N⁸,N¹¹]manganese
superoxide dismutase (SOD) mimetic

rucosopasem manganèse

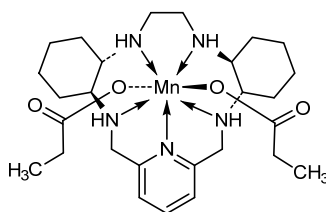
(PBPY-7-11-2344'3')-di(propanoato-κO)[(1¹S,1²S,7¹S,7²S)-2,6,8,11-tétraaza-4(2,6)-pyridina-1,7(1,2)-dicyclohexanacycloundécaphane-κ⁵N²,N^{1,4},N⁶,N⁸,N¹¹]manganèse
mimétique de la superoxyde-dismutase (SOD)

rucosopasem manganeso

(PBPY-7-11-2344'3')-di(propanoato-κO)[(1¹S,1²S,7¹S,7²S)-2,6,8,11-tetraaza-4(2,6)-piridina-1,7(1,2)-diciiclohexanacicloundecafano-κ⁵N²,N^{1,4},N⁶,N⁸,N¹¹]manganeso
mimético de la superóxido dismutasa (SOD)

C₂₇H₄₅MnN₅O₄

2248030-85-3

**rugonersenum**

rugonersen

all-P-ambo-5-methyl-2'-O,4'-C-methylene-P-thiouridylyl-(3'→5')-5-methyl-2'-O,4'-C-methylene-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-methylene-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-methylene-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-5-methyl-2'-O,4'-C-methylene-P-thiouridylyl-(3'→5')-5-methyl-2'-O,4'-C-methylenecytidine
reduction of ubiquitin-protein ligase E3A (UBE3A) silencing

rugonersen

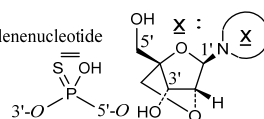
tout-P-ambo-5-méthyl-2'-O,4'-C-méthylène-P-thiouridylyl-(3'→5')-5-méthyl-2'-O,4'-C-méthylène-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-méthylène-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-méthylène-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-5-méthyl-2'-O,4'-C-méthylène-P-thiouridylyl-(3'→5')-5-méthyl-2'-O,4'-C-méthylène-P-thiocytidylyl-(3'→5')-5-méthyl-2'-O,4'-C-méthylénecytidine
réducteur du silençage de l'expression de l'ubiquitine-protéine ligase E3A (UBE3A)

rugonersén

todo-P-ambo-5-metil-2'-O,4'-C-metileno-P-tiouridilil-(3'→5')-5-metil-2'-O,4'-C-metileno-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-metileno-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-metileno-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tiocitidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tiocitidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-5-metil-2'-O,4'-C-metileno-P-tiouridilil-(3'→5')-5-metil-2'-O,4'-C-metileno-P-tiocitidilil-(3'→5')-5-metil-2'-O,4'-C-metilenocitidina
reductor del silenciamiento de la ubiquitina-proteína
ligasa E3A (UBE3A)

C₂₀₄H₂₅₄N₆₃O₁₀₉P₁₉S₁₉

2591587-57-2

(3'-5') $\underline{\text{U}}=\underline{\text{U}}=\underline{\text{A}}=\underline{\text{C}}=\underline{\text{A}}=\underline{\text{C}}=\underline{\text{T}}=\underline{\text{T}}=\underline{\text{A}}=\underline{\text{A}}=\underline{\text{T}}=\underline{\text{T}}=\underline{\text{A}}=\underline{\text{C}}=\underline{\text{T}}=\underline{\text{U}}=\underline{\text{C}}=\underline{\text{C}}=\underline{\text{C}}$ Legend: $\underline{\text{C}}$ & $\underline{\text{U}}$: 5-methyl-2'-O,4'-C-methylenenucleotide $\underline{\text{A}}$: 2'-O,4'-C-methyleneadenylide A , C & T : 2'-deoxynucleotide

rulonilimabum #

rulonilimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD1, PD-1, CD279)], monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain (1-448) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV5-9-2*01 (95.9%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (83.3%) S123>L (113)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (82.7%) -(IGHD) - IGHJ3*01 (90.9%) M123>L (113), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, G1v29 CH2 A84.4, G1v42 CH2 Q14, CH3 L107 (CH1 R120>K (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 T14>Q (251), N84.4>A (298) (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359), M107>L (429) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-218')-disulfide with kappa light chain (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-2*01 (92.9%) -IGKJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (67.7%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (108), CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101)) (1'-111') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)/dhFr- cell line lacking the enzyme dihydrofolate reductase (DHFR), non-glycosylated
immunomodulator, antineoplastic

rulonilimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD1, PD-1, CD279)], anticorps monoclonal;

chaîne lourde gamma1 (1-448) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV5-9-2*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (83.3%) S123>L (113)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (90.9%) M123>L (113), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, G1v29 CH2 A84.4, G1v42 CH2 Q14, CH3 L107 (CH1 R120>K (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 T14>Q (251), N84.4>A (298) (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359), M107>L (429) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-2*01 (92.9%) -IGKJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (67.7%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (108), CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101)) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218'')]; dimère (227-227'':230-230'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO/dhFr- ne présentant pas l'enzyme dihydrofolate réductase (DHFR), non-glycosylé
immunomodulateur, antinéoplasique

rulonilimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD1, PD-1, CD279)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-448) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV5-9-2*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (83.3%) S123>L (113)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (90.9%) M123>L (113), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, G1v29 CH2 A84.4, G1v42 CH2 Q14, CH3 L107 (CH1 R120>K (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 T14>Q (251), N84.4>A (298) (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359), M107>L (429) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-2*01 (92.9%) -IGKJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (67.7%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (108), CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101)) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218'')]; dímero (227-227'':230-230'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO/dhFr- en ausencia de la enzima dihidrofolato reductasa (DHFR), no glicosilado
immunomodulador, antineoplásico

2417124-95-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS SYGMSWVRQT PEKRLWVAT 50
ISGGGRDITYY PDSVGRFTI SRDNAKNNLY LQMSLSRSED TALYICARQK 100
DTSWFVHWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKHTCTCPP PAPPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
QLMISRTPPV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGEVHNAKT KPREQYAST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPSPREEMT KNOVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPVLD 400
SDGSFPLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVLH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVLTQSPAT LAVSPGERAT ISCRASESVD DYGISFMNWF QQKPGQPKKL 50
LIYVASNQGS GVPARFSGSG SGTDTFLNIH PMEEDDTAMY FCQQSKEVPW 100
TFGGGTGLEI KRTVAAPSVE IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLS STLTLKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC 218

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104) 23"-92" 138"-198"
23"-92" 138"-198"
Inter-H-L (h5-CL 126) 221-218" 221"-218"
Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

No N-glycosylation sites / pas de site de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación
CH2 N84.4>A (G1v29): 298, 298"

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 448, 448"

rusfertidum

rusfertide

S⁶, S¹⁶-cyclo[N-(3-methylbutanoyl)-L-α-aspartyl-L-threonyl-L-histidyl-L-phenylalanyl-L-prolyl-L-cysteinyl-L-isoleucyl-N⁶-(N-hexadecanoyl-L-γ-glutamyl)-L-lysyl-L-phenylalanyl-L-α-glutamyl-L-prolyl-L-arginyl-L-seryl-L-lysylglycyl-L-cysteinyl-L-lysineamide]
hepcidin mimetic

rusfertide

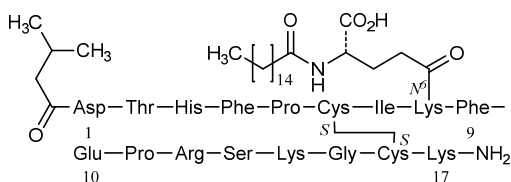
S⁶, S¹⁶-cyclo[N-(3-méthylbutanoyl)-L-α-aspartyl-L-thréonyl-L-histidyl-L-phénylalanyl-L-prolyl-L-cystéinyl-L-isoleucyl-N⁶-(N-hexadécanoyl-L-γ-glutamyl)-L-lysyl-L-phénylalanyl-L-α-glutamyl-L-prolyl-L-arginyl-L-séryl-L-lysylglycyl-L-cystéinyl-L-lysineamide]
mimétique de l'hepcidine

rusfertida

S⁶, S¹⁶-ciclo[N-(3-metilbutanoil)-L-α-aspartil-L-treonil-L-histidil-L-fenilalanil-L-prolil-L-cisteinil-L-isoleucil-N⁶-(N-hexadecanoil-L-γ-glutamil)-L-lisil-L-fenilalanil-L-α-glutamil-L-prolil-L-arginil-L-seril-L-lisilglicil-L-cisteinil-L-lisinamida]
mimético de la hepcidina

C₁₁₄H₁₈₁N₂₇O₂₈S₂

1628323-80-7

**ruzinuradum**

ruzinurad

1-[(6-bromoquinolin-4-yl)sulfanyl]cyclobutane-1-carboxylic acid
urate transporter inhibitor

ruzinurad

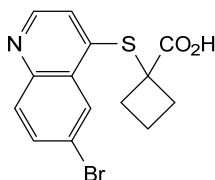
acide 1-[(6-bromoquinoléine-4-yl)sulfanyl]cyclobutane-1-carboxylique
inhibiteur du transporteur de l'urate

ruzinurad

ácido 1-[(6-bromoquinoleína-4-il)sulfanil]ciclobutano-1-carboxílico
inhibidor del transportador del urato

C₁₄H₁₂BrNO₂S

1638327-48-6

**sabizabulinum**

sabizabulin

[2-(1H-indol-3-yl)-1H-imidazol-4-yl](3,4,5-trimethoxyphenyl)methanone
tubulin polymerization inhibitor, antineoplastic

sabizabuline

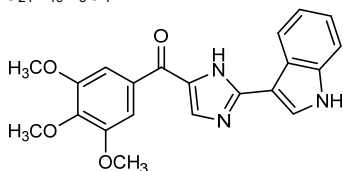
[2-(1*H*-indol-3-yl)-1*H*-imidazol-4-yl](3,4,5-triméthoxyphényl)méthanone
inhibiteur de la polymérisation de la tubuline, antinéoplasique

sabizabulina

[2-(1*H*-indol-3-il)-1*H*-imidazol-4-il](3,4,5-trimetoxyfenil)metanona
inhibidor de la polimerización de la tubulina, antineoplásico

C₂₁H₁₉N₃O₄

1332881-26-1

**sebetralstatum**

sebetralstat

N-[(3-fluoro-4-methoxypyridin-2-yl)methyl]-3-(methoxymethyl)-1-({4-[(2-oxopyridin-1(2*H*)-yl)methyl]phenyl)methyl}-1*H*-pyrazole-4-carboxamide
kallikrein inhibitor

sébétralstat

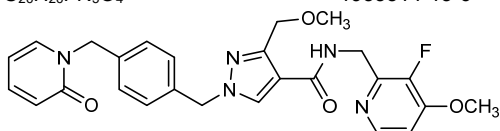
N-[(3-fluoro-4-méthoxypyridin-2-yl)méthyl]-3-(méthoxyméthyl)-1-({4-[(2-oxopyridin-1(2*H*)-yl)méthyl]phényl)méthyl}-1*H*-pyrazole-4-carboxamide
inhibiteur de la kallicroïne

sebetralstat

N-[(3-fluoro-4-metoxipiridin-2-il)metil]-3-(metoximetil)-1-({4-[(2-oxopiridin-1(2*H*)-il)metil]fenil)metil}-1*H*-pirazol-4-carboxamida
inhibidor de la calicreína

C₂₆H₂₆FN₅O₄

1933514-13-6

**selnoflastum**

selnoflast

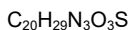
1-ethyl-*N*-[(1,2,3,5,6,7-hexahydro-*s*-indacen-4-yl)carbamoyl]piperidine-4-sulfonamide
non-steroidal anti-inflammatory

selnoflast

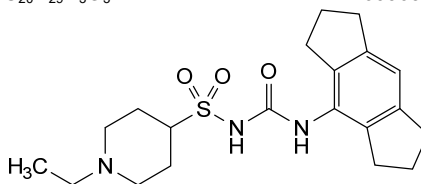
1-éthyl-*N*-[(1,2,3,5,6,7-hexahydro-*s*-indacén-4-yl)carbamoyl]pipéridine-4-sulfonamide
anti-inflammatoire non-stéroïdien

selnoflast

1-etil-*N*-[(1,2,3,5,6,7-hexahidro-*s*-indacen-4-il)carbamoil]piperidina-4-sulfonamida
antiinflamatorio no esteroide



2260969-36-4



simridarlimabum #
simridarlimab

immunoglobulin (G1_L-kappa)_VH-VH-h-CH2-CH3, anti-[*Homo sapiens* CD47 (leukocyte surface antigen CD47, integrin associated protein, IAP, MER6, OA3)] and anti-[*Homo sapiens* CD274 (programmed cell death 1 ligand 1, B7H1, B7-H1, PDL1, PD-L1, PDCD1L1, B7 homolog 1)], *Homo sapiens* and humanized monoclonal antibody, bispecific; gamma1 heavy chain *Homo sapiens* anti-CD47 (1-444) [VH anti-CD47 (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (97.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.9] (26-33.51-57.96-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2, G1v32 CH3 W22 (CH1 K120 (212) (116-213), hinge 1-15 (214-228), CH2 L1.3>A (232), L1.2>A (233) (229-338), CH3 S10>C (352), D12 (354), L14 (356), T22>W (364) (339-443), CHS K2>del (444)) (116-444)], (218-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* anti-CD47 (1'-214') [V-KAPPA anti-CD47 (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; gamma1 VH-VH-h-CH2-CH3 chain humanized anti-CD274 (1"-510") [VH anti-CD274 (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.2%) - (IGHD) -IGHJ5*02 (100%), CDR-IMGT [8.7.26] (26-33.51-57.96-121)) (1"-132")]] -20 mer tetrakis(tetraglycyl-seryl) linker (133"-152") -[VH anti-CD274 (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.2%) - (IGHD) -IGHJ5*02 (100%), CDR-IMGT [8.7.26] (178-185.203-209.248-273)) (153"-284") -*Homo sapiens* IGHG1*01 h-CH2-CH3, G1m17, G1v14 CH2 A1.3, A1.2, G1v33 S22, A24, V86 (hinge 1-10 (285"-294"), CH2 L1.3>A (298), L1.2>A (299) (295"-404"), CH3 Y5>C (413), D12 (420), L14 (422), T22>S (430), L24>A (432), Y86>V (471) (405"-509"), CHS K2>del (510")) (285"-510")]], dimer (224-290":227-293":352-413")-trisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-K1SV cell line lacking the glutamine synthetase gene (GS-KO), glycoform alfa *immunomodulator, antineoplastic*

simridarlimab

immunoglobuline (G1_L-kappa)_VH-VH-h-CH2-CH3, anti-[*Homo sapiens* CD47 (antigène de surface CD47 de leucocyte, protéine associée à l'intégrine, IAP, MER6, OA3)] et anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligand 1 de mort programmée, B7H1, B7-H1, PDL1, PD-L1, PDCD1L1, homologue 1 de B7)], anticorps monoclonal *Homo sapiens* et humanisé, bispécifique; chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* anti-CD47 (1-444) [VH anti-CD47 (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (97.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.9] (26-33.51-57.96-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2, G1v32 CH3 W22 (CH1 K120 (212) (116-213), charnière 1-15 (214-228), CH2 L1.3>A (232), L1.2>A (233) (229-338), CH3 S10>C (352), D12 (354), L14 (356), T22>W (364) (339-443), CHS K2>del (444)) (116-444)], (218-214')-disulfure avec la

chaîne légère kappa *Homo sapiens* anti-CD47 (1'-214') [V-KAPPA anti-CD47 (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (96.8%) - IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 gamma1 VH-VH-h-CH2-CH3 chaîne humanisée anti-CD274 (1"-510") [VH anti-CD274 (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.2%) - (IGHD) -IGHJ5*02 (100%), CDR-IMGT [8.7.26] (26-33.51-57.96-121)) (1"-132'')] -20-mer tétrakis(tétraglycyl-séryl) linker (133"-152'') [VH anti-CD274 (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.2%) - (IGHD) -IGHJ5*02 (100%), CDR-IMGT [8.7.26] (178-185.203-209.248-273)) (153"-284'')] -*Homo sapiens* IGHG1*01 h-CH2-CH3, G1m17 CH3 D12, L14, G1v14 CH2 A1.3, A1.2, G1v33 S22, A24, V86 (charnière 1-10 (285"-294''), CH2 L1.3>A (298), L1.2>A (299) (295"-404''), CH3 Y5>C (413), D12 (420), L14 (422), T22>S (430), L24>A (432), Y86>V (471) (405"-509''), CHS K2>del (510'')) (285"-510'')], dimère (224-290'':227-293'':352-413'')-trisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1SV ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

simridarlimab

immunoglobulina (G1_L-kappa)_VH-VH-h-CH2-CH3, anti-[*Homo sapiens* CD47 (antígeno de superficie CD47 de leucocito, proteína asociada a la integrina, IAP, MER6, OA3)] y anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligando 1 de muerte programada, B7H1, B7-H1, PDL1, PD-L1, PDCD1L1, homólogo 1 de B7)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens* y humanizado, biespecífico; cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* anti-CD47 (1-444) [VH anti-CD47 (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (97.9%) - (IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.9] (26-33.51-57.96-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2, G1v32 CH3 W22 (CH1 K120 (212) (116-213), bisagra 1-15 (214-228), CH2 L1.3>A (232), L1.2>A (233) (229-338), CH3 S10>C (352), D12 (354), L14 (356), T22>W (364) (339-443), CHS K2>del (444)) (116-444)], (218-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* anti-CD47 (1'-214') [V-KAPPA anti-CD47 (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (96.8%) - IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 gamma1 VH-VH-h-CH2-CH3 cadena humanizada anti-CD274 (1"-510'') [VH anti-CD274 (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.2%) - (IGHD) -IGHJ5*02 (100%), CDR-IMGT [8.7.26] (26-33.51-57.96-121)) (1"-132'')] -20-mer tetrakis(tetráglicil-seril) linker (133"-152'') [VH anti-CD274 (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.2%) - (IGHD) -IGHJ5*02 (100%), CDR-IMGT [8.7.26] (178-185.203-209.248-273)) (153"-284'')] -*Homo sapiens* IGHG1*01 h-CH2-CH3, G1m17 CH3 D12, L14, G1v14 CH2 A1.3, A1.2, G1v33 S22, A24, V86 (bisagra 1-10 (285"-294''), CH2 L1.3>A (298), L1.2>A (299) (295"-404''), CH3 Y5>C (413), D12 (420), L14 (422), T22>S (430), L24>A (432), Y86>V (471) (405"-509''), CHS K2>del (510'')) (285"-510'')], dímero (224-290'':227-293'':352-413'')-trisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1SV en ausencia del gen glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2378862-90-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-CD47)
QVQLQESGPG LVKPSSETLSL TCTVSGSGSIE HYWYNSWIRQP PGKGLEWIGY 50
IYYSGSTNYN PSLKSRVTIS VDTSKNQFSL KLSSTVTAADT AVYYCARGKT 100
GSAAGQGQTL VTVYSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL GCLVKDYFPE 150
PVTVSWSNGA LITSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVPSSS LGTQTYICNV 200
NHKPSNTKVD KKVEPKSCDK THTCPFCFAP EAAGGSPSVFL FPFKPKDTLM 250
ISRTPEVTCV VVDVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQYNSTYRV 300
VSVLTVLHQD WLNQKEYCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ PREPQVYTL 350
PCRDELTKNQ VSLWCLKVGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
SFFLYSKLTV DKSRWQQGNV FSCSVMEAL NNHYTQKSL LSPG 444

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-CD47)
DIQMTQSPSS VSASVGDRTV ITCRASGGIS RMLAWYQKQP GKAPKLLIYA 50
ASSLQSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISLQPD EDFATYVCQQ TVSFPIITFGG 100
GKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSLT LT LSKADYEKHK YACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (VH-VH-h-CH2-CH3, anti-CD274)
QVQLQESGGG LVQPGGSLRL SCAASAYTIS RNSMGWFRQA PGKLEGVAA 50
IESDGSSTYS DSVKGRFTIS LDNSKNTLYL EMNSLRAEDT AVYYCAAPKV 100
GLGPRITALGH LAFMTLPALN YWQGTLLTV SSGGGSGSGG GSGGGSGGG 150
GSQVQLQESG GGLVQPGGSL RLSCAASAYT ISRNSMGWFR QAPKGLEGV 200
AAIESDGSSTYS YDSVKGRFT ISLDNSKNTL YLEMNSLRAE DTAVYYCAAP 250
KVG LGPRITAL GH LAFMTLPALN YWQGTLLTV TVSSDKTHTC PFCPAPAEAG 300
GPSVFLFPFK PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN 350
AKTKPREEQY NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIETKI 400
SKAKGQPREP QVCTLPESRD ELTKNQVSL SCAVKGFYPSD TAVEWESNGQ 450
PENNYKTTFF VLDSDGSFFL VSKLTVDKSR WQQGNVFSCS VMHEALNNHY 500
TQKSLSLSPG 510

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-95 142-198 259-319 365-423
22°-95° 174°-247° 325°-385° 431°-489°
Intra-L (C23-C104) 23°-88° 134°-194°
Inter-H-L (h 5-CL 126) 218-214°
Inter-H-H (h 11, h 14, CH3 C10-C5) 224-290° 227-293° 352-413°

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
H VH Q1> pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl): 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2N84.4; 295, 361"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados.

simu**filam**
simu**filam**

1-benzyl-8-methyl-1,4,8-triazaspiro[4.5]decan-2-one
filamin A altered conformations binder

simu**filam**

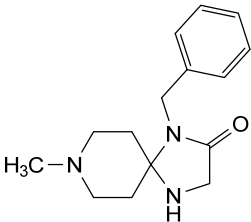
1-benzyl-8-méthyl-1,4,8-triazaspiro[4.5]décan-2-one
ligand des conformations modifiées de la filamine A

simu**filam**

1-bencil-8-metil-1,4,8-triazaspiro[4.5]decan-2-ona
ligando de los conformaciones modificadas de filamina A

C₁₅H₂₁N₃O

1224591-33-6



sirexatamabum #

sirexatamab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* DKK1 (dickkopf WNT signaling pathway inhibitor 1, SK, DKK-1)], humanized monoclonal antibody;
 gamma4 heavy chain humanized (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (92.9%) M123>T (114), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (120-217), hinge 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 F1.3>A (233), L1.2>A (234) (230-339), CH3 (340-444), CHS K2>del (445)) (120-445)], (133-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (84.2%) -IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-derived cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

sirexatamab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* DKK1 (dickkopf WNT inhibiteur de voie de signalisation 1, SK, DKK-1)], anticorps monoclonal humanisé;
 chaîne lourde gamma4 humanisée (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (92.9%) M123>T (114), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (120-217), charnière 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 F1.3>A (233), L1.2>A (234) (230-339), CH3 (340-444), CHS K2>del (445)) (120-445)], (133-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (84.2%) -IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produite dans une lignée cellulaire dérivée des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

sirexatamab

immunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* DKK1 (dickkopf WNT inhibidor de vía de señalización 1, SK, DKK-1)], anticuerpo monoclonal humanizado;
 cadena pesada gamma4 humanizada (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (92.9%) M123>T (114), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (120-217), bisagra 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 F1.3>A (233), L1.2>A (234) (230-339), CH3 (340-444), CHS K2>del (445)) (120-445)], (133-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (84.2%) -IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido en una línea celular derivada de las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2414962-49-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYTMSWVRQA PGKGLEWVAT 50
ISGGGFGTTY PDSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TAVYYCARPG 100
YNNYYFDIWG QGTTVTVSSA STKGPSVFPL APCSRSTSES TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TTPAVLQSSG LYSLSSTVTV PSSSLGTRKY 200
TCNVDHKFSN TKVDKRVESK YGPPCPPCPA PEAAGGFSVF LFPPKPKDTL 250
MISRTEPVT C VVVDVQSDEP EVQFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQFNSTYR 300
VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNGKLEPS IEKTISKAKG QPREPQVYTL 350
PPSQEEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTTPVLDSD 400
GSFFLYSLRT VDKSRWQEGN VFSCSVMEHA LHNHYTQKSL SLSLG 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCHASDSIS NSLHWYQQKP GQAPRLLIYY 50
ARQSIQGIPA RFGSGSGSTD FTLTISSELP EDFAVYYCQ SESWPLHFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIIPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22°-96" 146°-202" 260°-320" 366°-424"
22°-96" 146°-202" 260°-320" 366°-424"
Intra-L (C23-C104) 23°-88" 134°-194"
23°-88" 134°-194"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 133°-214" 133°-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 225°-225" 228°-228"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 296, 296"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

sirpigenastatum
sirpigenastat

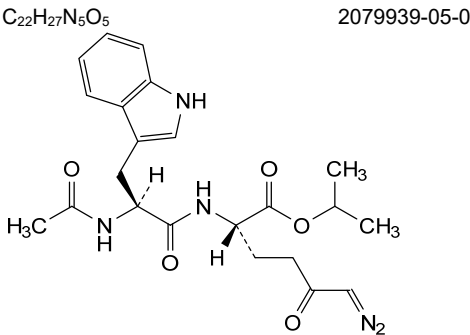
propan-2-yl *N*-acetyl-L-tryptophyl-(2*S*)-2-amino-6-diazo-5-oxohexanoate
glutaminase inhibitor

sirpiglénastat

N-acétyl-L-tryptophyl-(2*S*)-2-amino-6-diazo-5-oxohexanoate de propan-2-yle
inhibiteur de la glutaminase

sirpigenastat

N-acetil-L-triptofil-(2*S*)-2-amino-6-diazo-5-oxohexanoato de propan-2-ilo
inhibidor de la glutaminasa



sitocabnagenum loxiveleucelum #
sitocabnagene loxiveleucel

allogeneic natural killer (NK) cells derived from umbilical cord blood, transduced with a Moloney murine leukaemia virus (MMLV)-based retroviral vector encoding inducible caspase-9 comprising human caspase-9 fused to a human FK506 binding protein variant (FKBP-F36V), a chimeric antigen receptor

(CAR) targeting CD19 fused to CD28 and CD3 zeta signalling domains, and secretable human interleukin 15 (IL-15), linked together by T2A and E2A self-cleaving peptide sequences, respectively, under the control of the 5' long terminal repeat (LTR) MMLV promoter; the construct is flanked by 5' and 3' LTRs and contains an MMLV ψ packaging signal and partial *pol* gene. The vector is pseudotyped with the envelope glycoprotein of gibbon ape leukaemia virus (GaLV). The cord blood mononuclear cells are treated with antibody-coated magnetic beads against CD19, CD3 and CD14 to remove B cells, T cells, and monocytes. The purified NK cells are then activated using an irradiated antigen presenting cell line (APC) in the presence of growth medium containing IL-2. Further depletion of residual CD3+ T cell may be performed using antibody-coated magnetic beads. The substance contains >80% NK cells (CD45+CD3-CD56+), of which with >21% are CAR positive, and secrete IL-15.

cell-based gene therapy (antineoplastic)

sitocabnagène loxivéleucel

cellules tueuses naturelles (NK) allogéniques dérivées du sang de cordon ombilical, transduites avec un vecteur rétroviral basé sur le virus de la leucémie murine de Moloney (MMLV) codant une caspase-9 inducible comprenant une caspase-9 humaine fusionnée à une variante de la protéine de liaison au FK506 humain (FKBP-F36V), un récepteur antigénique chimérique (CAR) ciblant le CD19 fusionné à des domaines de signalisation CD28 et CD3 zêta, et de l'interleukine 15 (IL-15) humaine sécrétable, liés ensemble par des séquences peptidiques auto-sécables T2A et E2A, respectivement, sous le contrôle du promoteur MMLV à répétition terminale longue (LTR) en 5'; la construction est flanquée de LTRs en 5' et 3', et contient un signal d'encapsulation MMLV ψ et un gène *pol* partiel. Le vecteur est pseudotypé avec la glycoprotéine d'enveloppe du virus de la leucémie du singe gibbon (GaLV). Les cellules mononucléaires du sang de cordon sont traitées avec des billes magnétiques recouvertes d'anticorps contre CD19, CD3 et CD14 pour enlever les cellules B, les lymphocytes T et les monocytes. Les cellules NK purifiées sont ensuite activées en utilisant une lignée de cellules présentatrices d'antigènes (APC) irradiées, en présence de milieu de croissance contenant de l'IL-2. Une déplétion supplémentaire des lymphocytes T CD3+ résiduels peut être effectuée en utilisant des billes magnétiques recouvertes d'anticorps. La substance contient >80% de cellules NK (CD45+CD3-CD56+), dont >21% sont CAR positives, et sécrètent IL-15.

thérapie génique à base de cellules (antineoplasique)

sitocabnagén loxiveleucel

células natural killer (NK) alogénicas derivadas de sangre de cordón umbilical, transducidas con un vector retroviral basado en el virus de la leucemia de Moloney murino (MMLV) que codifica para la caspasa-9 inducible que consta de caspasa-9 humana

fusionada a una variante de la proteína de unión a FK506 humana (FKBP-F36V), un receptor de antígenos quimérico (CAR) dirigido a CD19 fusionado a dominios de señalización de CD28 y CD3ζ y para interleukina 15 (IL-15) humana que se puede secretar, ligados entre ellos por secuencias de los péptidos auto-escindibles T2A y E2A, respectivamente, bajo el control del promotor de la repetición terminal larga (LTR) en 5' de MMLV; el constructo está flanqueado por LTRs en 5' y 3' y contiene una señal de empaquetamiento ψ de MMLV y un gen *pol* parcial. El vector está pseudotipado con la glicoproteína de la envuelta del virus de la leucemia del mono gibbon (GaLV). Las células mononucleares de sangre del cordón se tratan con bolas magnéticas forradas de anticuerpos contra CD19, CD3 y CD14 para eliminar linfocitos B, linfocitos T y monocitos. Las células NK purificadas se activan después usando una línea de células presentadoras de antígeno (APC) irradiada en presencia de medio de crecimiento que contiene IL-2. Se puede hacer una depleción adicional de linfocitos T CD3+ residuales usando bolas magnéticas forradas de anticuerpo. La sustancia contiene >80% de células NK (CD45+CD3-CD56+), de las cuales >21% son CAR positivas, y secretan IL-15.

terapia génica basada en células (antineoplásico)

socazolimabum #
socazolimab

immunoglobulin G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* CD274 (programmed cell death 1 ligand 1, B7H1, B7-H1, PDL1, PD-L1, PDCD1L1, B7 homolog 1)], monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-69*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (94.7%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) - *Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfide with lambda2 light chain (1'-215') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-23*02 (90.8%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [9.3.10] (26-34.52-54.90-99)) (1'-109') - *Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (110'-215')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-K1SV cell line lacking the glutamine synthetase gene (GSKO), glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

socazolimab

immunoglobuline G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligand 1 de mort programmée, B7H1, B7-H1, PDL1, PD-L1, PDCD1L1, homologue 1 de B7)], anticorps monoclonal;

socazolimab

chaîne lourde gamma1 (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (94.7%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfure avec la chaîne légère lambda2 (1'-215') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-23*02 (90.8%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [9.3.10] (26-34.52-54.90-99)) (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (110'-215')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1SV ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GSKO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

inmunoglobulina G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligando 1 de muerte programada, B7H1, B7-H1, PDL1, PD-L1, PDCD1L1, homólogo 1 de B7)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (94.7%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfuro con la cadena ligera lambda2 (1'-215') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-23*02 (90.8%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [9.3.10] (26-34.52-54.90-99)) (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (110'-215')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1SV en ausencia del gen glutamina sintetasa (GSKO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2305043-30-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGAE VKKPGSSVKV SCKASGGTFS SYAISWVRQA PGQGLEWMGG 50
IPIEFCTANY AQKFGQGRVTI TADESTSTAY MELSSLRSED TAVYYCARAP 100
YYYYYMDVWG QGTTVTVSSA STKGPSVFEL APSSKSTSGG TAALGLVKLD 150
YFPPEVTVSW NSGALTSGVH TFPVAVLQSSG LYSLSVVTVT PSSSLGTQTY 200
ICNVNHPKPN TKVDKKVEEK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVELFPPPKK 250
DTLMISRTEPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIETISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSRDEL TRNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTFPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
QSALTQPASV SGLGQSVTI SCTGSSSDVG SYNLVSWYQK HPGKAPNIMI 50
YDVSKRSGVS NRFSGSKSGN TASLTISGLQ AEDEADYYCS SYTGISTVVF 100
GGGKTLTVLG QPKAAPSVTL FPPSSEELQA NKATLVCLIS DFYPGAVTVA 150
WKADSSPVKA GVETTPPSKQ SNNKYAASSY LSLTPEQWKS HRSYSCQVTH 200
EGSTVEKTVK PTECS 215
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427
22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427"

Intra-L (C23-C104) 22'-89' 137'-196'
22"-89" 137"-196"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-214' 222"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del

glutaminilo N-terminal

L VL Q1 > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl): 1', 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 449, 449"

sotevtamabum #
sotevtamab

immunoglobulin G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLU (clusterin, complement lysis inhibitor, CLI, sulfated glycoprotein 2, SGP-2, SP-40, testosterone-repressed prostate message 2, TRPM-2, apolipoprotein J, APOJ, KUB1)], humanized monoclonal antibody;
gamma2 heavy chain humanized (1-443) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (100%), G2m.. CH2 V45.1 (CH1 (118-215), hinge 1-12 (216-227), CH2 V45.1 (278) (228-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (118-443)], (131-219')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (91.9%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [12.3.8] (27-38.56-58.95-102)) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (219-219":220-220":223-223":226-226")-tetrakisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO) cell line derived from CHO-K1, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

sotévtamab

immunoglobuline G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLU (clustérine, inhibiteur de lyse du complément, CLI, glycoprotéine sulfatée 2, SGP-2, SP-40, message prostatique 2 réprimé par la testostérone, TRPM-2, apolipoprotéine J, APOJ, KUB1)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma2 humanisée (1-443) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (100%), G2m.. CH2 V45.1 (CH1 (118-215), 1-12 (216-227), CH2 V45.1 (278) (228-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (118-443)], (131-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (91.9%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [12.3.8] (27-38.56-58.95-102)) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (219-219":220-220":223-223":226-226")-tétrakisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

sotevtamab

immunoglobulina G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLU (clusterina, inhibidor de lisis del complemento, CLI, glicoproteína sulfatada 2, SGP-2, SP-40, mensaje prostático 2 reprimido por la testosterona, TRPM-2, apolipoproteína J, APOJ, KUB1)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada gamma2 humanizada (1-443) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (100%), G2m.. CH2 V45.1 (CH1 (118-215), 1-12 (216-227), CH2 V45.1 (278) (228-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (118-443)], (131-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (91.9%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [12.3.8] (27-38.56-58.95-102)) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (219-219":220-220":223-223":226-226")-tetraakisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2411526-47-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE	KKKATKTVIK	SGSGKNGIK	DIYMHWRQSA	PGKGLWEMRG	50
IPVADPNTYRK	DPKFGGRVTI	TADTSDTNTI	MLLSLRSD	TAVVYCAKAR	100
DTAMDYWGNS	TLTVSSGSTA	PKGVSVFLAP	CRSTSESTA	ALGLCKVDKQ	150
PEPVTVSWSN	GALTSVGHTF	PAGLQSSGLY	LLSSSVTVTS	SNFGCTQYTC	200
NVDHKPNTSK	VDKTVERKKC	VECPVCPDVF	VAGPSVLETF	PKPKDILTVS	250
RTPEFTCTCV	VDKDEPEVQ	FVWVQDGVV	HNAKTKFRE	QFNSTFRVLS	300
QVQLVQSGAE	KKKATKTVIK	SGSGKNGIK	DIYMHWRQSA	PGKGLWEMRG	350
IPVADPNTYRK	DPKFGGRVTI	TADTSDTNTI	MLLSLRSD	TAVVYCAKAR	400
DTAMDYWGNS	TLTVSSGSTA	PKGVSVFLAP	CRSTSESTA	ALGLCKVDKQ	450
PEPVTVSWSN	GALTSVGHTF	PAGLQSSGLY	LLSSSVTVTS	SNFGCTQYTC	500
NVDHKPNTSK	VDKTVERKKC	VECPVCPDVF	VAGPSVLETF	PKPKDILTVS	550
RTPEFTCTCV	VDKDEPEVQ	FVWVQDGVV	HNAKTKFRE	QFNSTFRVLS	600
QVQLVQSGAE	KKKATKTVIK	SGSGKNGIK	DIYMHWRQSA	PGKGLWEMRG	650
IPVADPNTYRK	DPKFGGRVTI	TADTSDTNTI	MLLSLRSD	TAVVYCAKAR	700
DTAMDYWGNS	TLTVSSGSTA	PKGVSVFLAP	CRSTSESTA	ALGLCKVDKQ	750
PEPVTVSWSN	GALTSVGHTF	PAGLQSSGLY	LLSSSVTVTS	SNFGCTQYTC	800
NVDHKPNTSK	VDKTVERKKC	VECPVCPDVF	VAGPSVLETF	PKPKDILTVS	850
RTPEFTCTCV	VDKDEPEVQ	FVWVQDGVV	HNAKTKFRE	QFNSTFRVLS	900
QVQLVQSGAE	KKKATKTVIK	SGSGKNGIK	DIYMHWRQSA	PGKGLWEMRG	950
IPVADPNTYRK	DPKFGGRVTI	TADTSDTNTI	MLLSLRSD	TAVVYCAKAR	1000

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

High chain	Chain length	Chain length	
DIVMTQSPFDS	LAVSLGERAT	INCKSSQSL	NSRTRKNYLA WYQQKPGQPP 50
KLLIYWASTR	ESGVPDFRFG	SGSGTDFTLT	ISSLQAEDVA VYICKQSYNL 100
WTFQGGTKLE	QLRTRAAPS	FIFPPSDEQL	KSGTASVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ	SGNSQESVTE	QDSKDSSTYS	LSSTLTLSKAD YEKHHKYVACE 200
THVHGLSPV	TKSFNRGEC		219

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104)	22-96	144-200	257-317	363-421
	22"-96"	144"-200"	257"-317"	363"-421"

Intra-L (C23-C104)	23'-94'	139'-199'
	23'''-94'''	39'''-199'''

	25-94	99-199
Inter-H-I. (CH1-10-CL-126)	131-219'	131"-219"

Inter-H-E (CH 10-CE 126)	191-219	191-219		
Inter-H-H (h 4, h 5, h 8, h 11)	219-219"	220-220"	223-223"	226-226"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutamínilo N-terminal

H VH Q1> pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl): 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 293, 293"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 443, 443"

sotuletinibum

sotuletinib

4-[[2-[(1*R*,2*R*)-2-hydroxycyclohexyl]amino]-1,3-benzothiazol-6-yl]oxy]-*N*-methylpyridine-2-carboxamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

sotulétinib

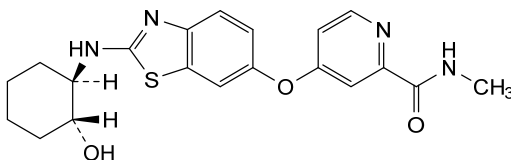
4-[[2-[[[(1*R*,2*R*)-2-hydroxycyclohexyl]amino}-1,3-benzothiazol-6-yl]oxy]-*N*-méthylpyridine-2-carboxamide
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

sotuletinib

4-[[2-[(1*R*,2*R*)-2-hidroxiciclohexil]amino]-1,3-benzotiazol-6-il]oxi]-*N*-metilpiridina-2-carboxamida
inhibidor de la tirosina kinasa. antineoplásico

$$\text{C}_{20}\text{H}_{22}\text{N}_4\text{O}_3\text{S}$$

953769-46-5



sovilnesibum

sovilnesib

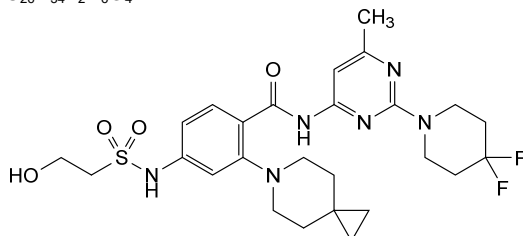
2-(6-azaspiro[2.5]octan-6-yl)-N-[2-(4,4-difluoropiperidin-1-yl)-6-methylpyrimidin-4-yl]-4-(2-hydroxyethane-1-sulfonamido)benzamide
kinesin-like protein KIF18A inhibitor, antineoplastic

sovilnésib 2-(6-azaspiro[2.5]octan-6-yl)-N-[2-(4,4-difluoropipéridin-1-yl)-6-méthylpyrimidin-4-yl]-4-(2-hydroxyéthane-1-sulfonamido)benzamide
inhibiteur de la protéine de type kinésine KIF18A, antinéoplasique

sovilnesib 2-(6-azaspiro[2.5]octan-6-il)-N-[2-(4,4-difluoropiperidin-1-il)-6-méthylpyrimidin-4-il]-4-(2-hydroxiétano-1-sulfonamido)benzamida
inhibidor de la proteína similar a la kinesina KIF18A, antineoplásico

C₂₆H₃₄F₂N₆O₄S

2410796-79-9

**suciraslimabum #**

suciraslimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD22 (sialic acid binding Ig-like lectin 2, SIGLEC2, SIGLEC-2, B-lymphocyte cell adhesion molecule, BL-CAM, Leu-14)], chimeric monoclonal antibody; gamma1 heavy chain chimeric (1-453) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV5-12-1*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (79.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%), CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112)) (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (220) (124-221), hinge 1-15 (222-236), CH2 (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-214')-disulfide with kappa light chain chimeric (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV10-96*01 (96.8%) -IGKJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (73.7%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (104), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (232-232":235-235")-bisdisulfide, produced in SP2/0-Ag14 murine myeloma cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

suciraslimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD22 (Ig-like lectine 2 liant l'acide sialique, SIGLEC2, SIGLEC-2, molécule d'adhésion cellulaire du lymphocyte B, BL-CAM, Leu-14)], anticorps monoclonal chimérique; chaîne lourde gamma1 chimérique (1-453) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV5-12-1*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (79.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%), CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112)) (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (220) (124-221), charnière 1-15 (222-236), CH2 (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa chimérique (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV10-96*01 (96.8%) -IGKJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (73.7%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (104), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (232-232":235-235")-bisdisulfure, produite dans la lignée cellulaire de myélome murin SP2/0-Ag14, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

suciraslimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD22 (Ig-like lectina 2 fijando el ácido siálico, SIGLEC2, SIGLEC-2, molécula de adhesión celular del linfocito B, BL-CAM, Leu-14)], anticuerpo monoclonal quimérico; cadena pesada gamma1 quimérica (1-453) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV5-12-1*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (79.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%), CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112)) (1-123) - *Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (220) (124-221), bisagra 1-15 (222-236), CH2 (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa quimérica (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV10-96*01 (96.8%) -IGKJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (73.7%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (104), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (232-232":235-235")-bisdisulfuro, producido en la línea celular de mieloma murino SP2/0-Ag14, forma glicosilada alfa *inmunomodulador, antineoplásico*

2415439-63-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLQESGGG LVKPGGSLKL SCAASGFAFS IYDMSWVRQT PEKRLIEWVAY 50
ISSGGGTTTYY PDTVKGRFTI SRDIAKNTLY LQMSLSKSED TAMYVCARHS 100
GYGSGYGVLE AYWGQCTILVT VSSASTKGPS VFPLAPSSKS TSGGTAALGC 150
LVKDYFFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFPFAVL QSSGLYSLSV VVTVPSSSLG 200
TQTYICNVNH KFSNTKVDKR VEPKSCDKTH TCPPCPAPEL LGGSPSVFLFP 250
FKPKDTLMIS RTPETVCTVVV DVSHEDEPKV FNWYVDGVEV HNAKTKFREE 300
QYNSTYRVVS VLTIVLHQDWL NGKEYKCKVS NKALPAPIEK TISKAKGQPR 350
EPQVYTLPPS REEMTKNQVS LTCLVKGFPY SDIAVEWESN GQPENNYKTT 400
PVLDSGDSF FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSVMHEALHN HYTKSLSLS 450
PGK 453

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQLTQTSS LSASLGDRVT ISCRASQDIS NYLNNWYQKPF DGTVKLLIYY 50
TSILHSGVPS RFGSGSGSTD YSLTISNLEQ EDFATYFCQQ GNTLPWTFGG 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSSTLT LSKADYERKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGE 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 150-206 267-327 373-431
22"-96" 150"-206" 267"-327" 373"-431"
Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194'
23"'-88"' 134"'-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 226-214' 226"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 232-232" 235-235"

N-terminal glutaminy cyclization / Cyclisation du glutaminy N-terminal / Ciclación del glutaminylo N-terminal
H VH Q1 > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl): 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 303, 303"
Fucosylated complex bi-antennary SP2/0-type glycans / glycanes de type SP2/0 bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo SP2/0 biantenarijos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 453, 453"

sucunamostatium
sucunamostat

N-[[[(3S)-6-[[4-(carbamimidoylamino)benzoyl]oxy]-2,3-dihydro-1-benzofuran-3-yl]acetyl]-L-aspartic acid
enteropeptidase inhibitor

sucunamostat

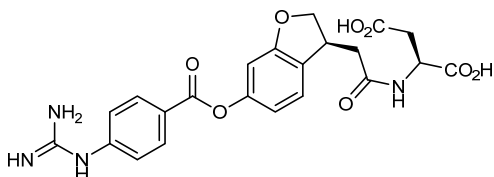
acide *N*-{[(3*S*)-6-{[4-(carbamimidoylamino)benzoyl]oxy}-2,3-dihydro-1-benzofuran-3-yl]acétyle}-L-aspartique
inhibiteur de l'entéropeptidase

sucunamostat

ácido *N*-{[(3*S*)-6-{[4-(carbamimidoylamino)benzoil]oxi}-2,3-dihidro-1-benzofuran-3-il]acetil}-L-aspártico
inhibidor de la enteropeptidasa

C₂₂H₂₂N₄O₈

1802888-04-5

**sunvozertinibum**

sunvozertinib

N-{5-({4-[5-chloro-4-fluoro-2-(2-hydroxypropan-2-yl)anilino]pyrimidin-2-yl}amino)-2-[(3*R*)-3-(dimethylamino)pyrrolidin-1-yl]-4-methoxyphenyl}prop-2-enamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

sunvozertinib

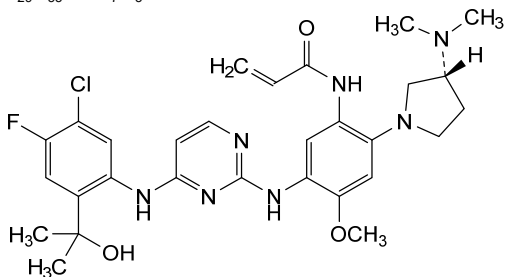
N-{5-({4-[5-chloro-4-fluoro-2-(2-hydroxypropan-2-yl)anilino]pyrimidin-2-yl}amino)-2-[(3*R*)-3-(diméthylamino)pyrrolidin-1-yl]-4-méthoxyphényl}prop-2-énamide
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

sunvozertinib

N-{5-({4-[5-cloro-4-fluoro-2-(2-hidroxiopropan-2-il)anilino]pirimidin-2-il}amino)-2-[(3*R*)-3-(dimetilamino)pirrolidin-1-il]-4-metoxifenil}prop-2-enamida
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₂₉H₃₅ClFN₇O₃

2370013-12-8



tagitanlimabum #

tagitanlimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD274 (programmed cell death 1 ligand 1, B7H1, B7-H1, PDL1, PD-L1, PDCD1L1, B7 homolog 1)], humanized monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain humanized (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*08 (81.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.7.14] (26-33.51-57.96-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17.1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 L1.3>A (237), L1.2>A (238), G1>A (240) (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV6-21*02 (86.3%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (229-229'':232-232'')-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-DG44 cell line, glycoform alfa
immunomodulator

tagitanlimab

immunoglobuline G1-kappa anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligand 1 de mort programmée, B7H1, B7-H1, PDL1, PD-L1, PDCD1L1, B7 homolog 1)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma1 humanisée (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*08 (81.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.7.14] (26-33.51-57.96-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17.1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 L1.3>A (237), L1.2>A (238), G1>A (240) (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV6-21*02 (86.3%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (229-229'':232-232'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa
immunomodulateur

tagitanlimab

inmunoglobulina G1-kappa anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligando 1 de muerte programada, B7H1, B7-H1, PDL1, PD-L1, PDCD1L1, B7 homolog 1)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada gamma1 humanizada (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*08 (81.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.7.14] (26-33.51-57.96-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17.1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 L1.3>A (237), L1.2>A (238), G1>A (240) (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV6-21*02 (86.3%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];

dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa *immunomodulador*

2417649-97-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLQESGPG LVKPSSETLSI TCTVSGFSLN NYDISWIRQP PGKGLEWLGV 50
IWTGGATNYN FALKSRLTIS RDNSKNQVSL KMSSVTAADT AVYYCVRDSN 100
YRYDEFTYWN GQGTIVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPTVTS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKVEP KSCDKHTCP PCPAPEAAGA PSVFLPPKP 250
KDTLMISRTF EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLRHQLNLRK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSRDE LTKNQVSLTCL LVKGFPYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LDSGGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVLTQSPDT LSVTPKEKVT LTCRASQSIG TNIHWFQKRP GQSPKLLIKY 50
ASESISGVPS RFGSGSGSTD FTLTINSVEA EDAATYYCQQ SNSWPYTFGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSEVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-95 147-203 264-324 370-428
22"-95" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134'-194'
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214' 223"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
H VH Q1 > pyroglutamy (pE, 5-oxoprolyl): 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHSK2: 450, 450"

tamgiblimabum #
tamgiblimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* TIGIT (T-cell immunoreceptor with Ig domain and ITIM, V-set Ig member 9, VSIG9, V-set and transmembrane member 3, VSTM3)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (123-220), hinge 1-12 S10>P (230) (221-232), CH2 F1.3>A (236), L1.2>A (237) (233-342), CH3 (343-447), CHS K2>del (448)) (123-448)], (136-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (95.8%) -IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-K1SV cell line lacking the glutamine synthetase gene (GSKO), glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

tamgiblimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* TIGIT (immunorécepteur des lymphocytes T avec domaine Ig et ITIM, membre 9 de l'Ig V-set, VSIG9, membre 3 de l'Ig V-set et région transmembranaire, VSTM3)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde gamma4 *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens*

IGHV1-46*01 (95.9%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (123-220), charnière 1-12 S10>P (230) (221-232), CH2 F1.3>A (236), L1.2>A (237) (233-342), CH3 (343-447), CHS K2>del (448)) (123-448)], (136-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (95.8%) -IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1SV ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GSKO), glycoforme alfa immunomodulateur, antinéoplasique

tamgiblimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* TIGIT (immunoreceptor de los linfocitos T con dominio Ig e ITIM, miembro 9 de la Ig V-set, VSIG9, miembro 3 de la Ig V-set y región transmembrana, VSTM3)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma4 *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (95.9%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (123-220), bisagra 1-12 S10>P (230) (221-232), CH2 F1.3>A (236), L1.2>A (237) (233-342), CH3 (343-447), CHS K2>del (448)) (123-448)], (136-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (95.8%) -IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1SV en ausencia del gen glutamina sintetasa (GSKO), forma glicosilada alfa immunomodulador, antineoplásico

2411914-36-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVLVQSGAE VKKPGASVKV SCRASGYTFT EYMHWVRQA PGQGLEWMI 50
ISPSAGSTKY AQKFQGRVTM TRDTSTSTVY MELSSLRSD TAVYYCARDH 100
DIRLAGRLAD YWGQGLTLTVT SSASTKGPSV FPLAPCSRST SESTAALGCL 150
VKDYFPEPVT VSMNSGALTS GVHTFFAVLQ SGLYLSLVV VTPVSSSLGT 200
KTYTCNVDHK PSNTKVDKRV ESKYGFPCPP CPAEAAGGF SVLEFPKPK 250
DTLMISRTPF VTCVVVDVSQ EDPEVQFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQFNS 300
TYRVVSLTV LHQDNLNGKE YKCKVSNKGL PSSIEKTSK AKQPPEPQV 350
YTLPPSQEEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQFE NNYKTTTPVL 400
DSDGSFFLYS RLTVDKSRWQ EGNVFSCSVN HEALHNHYTQ KSLSLSLG 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS VSASVGDRTV ITCRASQGIS SWLAWYQKPK GKAPKLLISA 50
ASSLQSGVPS RFGSGSGGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ AVILPITFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNPFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSLT LT LSKADYKHKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205 263-323 369-427
22"-96" 149"-205" 263"-323" 369"-427"

Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194'
23"-88"" 134""-194""

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 136-214' 136"-214"

Inter-H-H (h 8, h 11) 228-228" 231-231"

N-terminal glutaminy cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutamínilo N-terminal

H VH Q1> pyroglutamy (pE, 5-oxoprolyl): 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennares complejos fucosilados.

tapderimotidum

tapderimotide

telomerase reverse transcriptase (human TERT, hTERT, EC:2.7.7.49) (691-705)-peptide;
L-arginyl-L-threonyl-L-phenylalanyl-L-valyl-L-leucyl-L-
arginyl-L-valyl-L-arginyl-L-alanyl-L-glutaminy-L- α -aspartyl-L-
prolyl-L-prolyl-L-prolyl-L-glutamic acid
immunological agent for active immunization

tapdérimotide

(691-705)-peptide de la transcriptase inverse de la
télomérase (TERT humaine, hTERT, EC:2.7.7.49) ;
acide L-arginyl-L-thréonyl-L-phénylalanil-L-valyl-L-leucyl-L-
arginyl-L-valyl-L-arginyl-L-alanyl-L-glutaminy-L- α -aspartyl-L-
prolyl-L-prolyl-L-prolyl-L-glutamique
agent immunologique d'immunisation active

tapderimotida

(691-705)-péptido de la telomerasa transcriptasa inversa
(TERT humana, hTERT, EC:2.7.7.49);
ácido L-arginil-L-treonil-L-fenilalanil-L-valil-L-leucil-L-arginil-
L-valil-L-arginil-L-alanil-L-glutaminil-L- α -aspartil-L-prolil-L-
prolil-L-prolil-L-glutámico
agente inmunológico para inmunización activa

C₇₉H₁₂₉N₂₅O₂₂

1221082-45-6

RTFVLRVRAQ DPPPE 15

tarcocimabum #

tarcocimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* VEGFA
(vascular endothelial growth factor A, VEGF-A, VEGF)],
humanized monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain humanized (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*02 (75.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%),
CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112)) (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, G1v14 CH2
A1.3, A1.2 (CH1 R120>K (220) (124-221), hinge 1-15 (222-
236), CH2 L13.>A (240), L1.2>A (241), G1>A (243) (237-
346), CH3 E12 (362), M14 (364), L123>C (449) (347-451),
CHS (452-453)) (124-453)], (226-214')-disulfide with kappa
light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*
IGKV1-16*01 (87.4%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9]
(27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01
(100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer
(232-232":235-235")-bisdisulfide, produced in Chinese
hamster ovary (CHO)-K1SV cell line lacking the glutamine
synthetase gene (GS-KO), glycoform alfa
angiogenesis inhibitor

tarcocimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* VEGFA
(facteur de croissance A de l'endothélium vasculaire, VEGF-
A, VEGF)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma1 humanisée (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*02 (75.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%),
CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112)) (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, G1v14 CH2
A1.3, A1.2 (CH1 R120>K (220) (124-221), charnière 1-15
(222-236), CH2 L13.>A (240), L1.2>A (241), G1>A (243)
(237-346), CH3 E12 (362), M14 (364), L123>C (449) (347-
451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-214')-disulfure avec

la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (87.4%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (232-232":235-235")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1SV ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa
inhibiteur de l'angiogénèse

tarcocimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* VEGFA (factor de crecimiento A del endotelio vascular, VEGF-A, VEGF)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 humanizada (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*02 (75.8%) -IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112)) (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 R120>K (220) (124-221), bisagra 1-15 (222-236), CH2 L13>A (240), L1.2>A (241), G1>A (243) (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364), L123>C (449) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (87.4%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (232-232":235-235")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1SV en ausencia del gen glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa
inhibidor de la angiogénesis

2408661-40-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGYDFT HYGMNWVRQA PGKGLEWVGW 50
INTYTGEPY AADFKRRFTF SLDTSKSTAY LQMNSLRAED TAVYCAKYP 100
YYGTGSHWYF DVWGQGTLLV VSSASTKGPS VFPLAPSSKS TSGGTAALGC 150
LVKDYFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYSLS VVTVPSSLG 200
TQTYICNVNH KPSNTKVDKK VEPKSCDKTH TCPPCPAPEA AGAPSVFLFP 250
PKPKDTLMIS RTPETVTCVVV DVSHEDPEVK FNNYVDGVEV HNAKTKPRE 300
QYNSTYRVVVS VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKALPAPIEK TISKAKGQPR 350
EPQVYTLPPS REEMTKNQVS LTCLVKGFPY SDIAVEWESN GQFENNYKTT 400
PFVLDSDGSF FLYSKLTVDK SRWQGNVFS CSVMHEALHN HTQKSLSCS 450
PGK 453
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQLTQSPSS LSASVGRVIT ITCSASQDIS NYLWNYYQQPK GKAPKVLIIYF 50
TSSLHSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ YSTVPWTFGQ 100
GTRKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNFEY PREAKVQWVK 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSLT LSKADYERKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGECL 214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 150-206 267-327 373-431
22"-96" 150"-206" 267"-327" 373"-431"

Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134"-194"
23'"-88'" 134'"-194'"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 226-214' 226"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 232-232" 235-235"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4; 303, 303"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 453, 453"

tecaginlimabum #

tecaginlimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40 (tumor necrosis factor receptor superfamily member 5, TNFRSF5, p50)] and anti-[*Homo sapiens* TNFRSF9 (tumor necrosis factor receptor (TNFR) superfamily member 9, 4-1BB, T cell antigen ILA, CD137)], humanized monoclonal antibody, bispecific; gamma1 heavy chain humanized anti-CD40 (1-451) [VH anti-CD40 (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (85.7%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1, G1v41 CH2 F1.3, E1.2 (CH1 R120 (219) (123-220), hinge 1-15 (221-235), CH2 L1.3>F (239), L1.2>E (240), D27>A (270) (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363), F85.1>L (410) (346-450), CHS K>del (451)) (123-451)], (225-214')-disulfide with kappa light chain humanized anti-CD40 (1'-214') [V-KAPPA anti-CD40 (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (88.4%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; gamma1 heavy chain humanized anti-TNFRSF9 (1"-446") [VH anti-TNFRSF9 (*Homo sapiens* IGHV3-49*04 (86.0%) - (IGHD) -IGHJ2*01 (92.9%) R120>Q (109), CDR-IMGT [8.7.11] (26-33.51-57.96-106)) (1"-117") - *Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1, G1v41 CH2 F1.3, E1.2 (CH1 R120 (214) (118"-215"), hinge 1-15 (216"-230"), CH2 L1.3>F (234), L1.2>E (235), D27>A (265) (231"-340"), CH3 E12 (356), M14 (358), K88>R (409) (341"-445"), CHS K>del (446)) (118"-446")], (220"-217''')-disulfide with kappa light chain humanized anti-TNFRSF9 (1'''-217''') [V-KAPPA anti-TNFRSF9 (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (85.7%) -IGKJ1*01 (90.0%) Q120>G (103), CDR-IMGT [6.3.12] (27-32.50-52.89-100)) (1'''-110''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (156), V101 (194) (111'''-217''')]; dimer (231-226":234-229")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa *immunomodulator, antineoplastic*

técatinlimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40 (membre 5 de la superfamille des récepteurs du TNF, TNFRSF5, p50)] et anti-[*Homo sapiens* TNFRSF9 (membre 9 de la superfamille des récepteurs du facteur de nécrose tumorale, 4-1BB, antigène ILA de lymphocyte T, CD137)], anticorps monoclonal humanisé, bispécifique; chaîne lourde gamma1 humanisée anti-CD40 (1-451) [VH anti-CD40 (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (85.7%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1, G1v41 CH2 F1.3, E1.2 (CH1 R120 (219) (123-220), charnière 1-15 (221-235), CH2 L1.3>F (239), L1.2>E (240), D27>A (270) (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363), F85.1>L (410) (346-450), CHS K>del (451)) (123-451)], (225-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée anti-CD40 (1'-214') [V-KAPPA anti-CD40 (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (88.4%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];

tecaginlimab

chaîne lourde gamma1 humanisée anti-TNFRSF9 (1"-446") [VH anti-TNFRSF9 (*Homo sapiens*IGHV3-49*04 (86.0%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (92.9%) R120>Q (109), CDR-IMGT [8.7.11] (26-33.51-57.96-106)) (1"-117") - *Homo sapiens*IGHG1*03, G1m3, nG1m1, G1v41 CH2 F1.3, E1.2 (CH1 R120 (214) (118"-215"), charnière 1-15 (216"-230"), CH2 L1.3>F (234), L1.2>E (235), D27>A (265) (231"-340"), CH3 E12 (356), M14 (358), K88>R (409) (341"-445"), CHS K>del (446)) (118"-446")], (220"-217'")-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée anti-TNFRSF9 (1'"-217'") [V-KAPPA anti-TNFRSF9 (*Homo sapiens*IGKV1-33*01 (85.7%) -IGKJ1*01 (90.0%) Q120>G (103), CDR-IMGT [6.3.12] (27-32.50-52.89-100)) (1'"-110'") - *Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (156), V101 (194) (111'"-217'")]; dimère (231-226":234-229")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40 (miembro 5 de la superfamilia de los receptores del TNF, TNFRSF5, p50)] y anti-[*Homo sapiens* TNFRSF9 (miembro 9 de la superfamilia de los receptores del factor de necrosis tumoral, 4-1BB, antígeno ILA de linfocito T, CD137)], anticuerpo monoclonal humanizado, biespecífico;
cadena pesada gamma1 humanizada anti-CD40 (1-451) [VH anti-CD40 (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) - *Homo sapiens*IGHG1*03, G1m3, nG1m1, G1v41 CH2 F1.3, E1.2 (CH1 R120 (219) (123-220), bisagra 1-15 (221-235), CH2 L1.3>F (239), L1.2>E (240), D27>A (270) (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363), F85.1>L (410) (346-450), CHS K>del (451)) (123-451)], (225-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada anti-CD40 (1'-214') [V-KAPPA anti-CD40 (*Homo sapiens*IGKV1-33*01 (88.4%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') - *Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
cadena pesada gamma1 humanizada anti-TNFRSF9 (1"-446") [VH anti-TNFRSF9 (*Homo sapiens*IGHV3-49*04 (86.0%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (92.9%) R120>Q (109), CDR-IMGT [8.7.11] (26-33.51-57.96-106)) (1"-117") - *Homo sapiens*IGHG1*03, G1m3, nG1m1, G1v41 CH2 F1.3, E1.2 (CH1 R120 (214) (118"-215"), bisagra 1-15 (216"-230"), CH2 L1.3>F (234), L1.2>E (235), D27>A (265) (231"-340"), CH3 E12 (356), M14 (358), K88>R (409) (341"-445"), CHS K>del (446)) (118"-446")], (220"-217'")-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada anti-TNFRSF9 (1'"-217'") [V-KAPPA anti-TNFRSF9 (*Homo sapiens*IGKV1-33*01 (85.7%) -IGKJ1*01 (90.0%) Q120>G (103), CDR-IMGT [6.3.12] (27-32.50-52.89-100)) (1'"-110'") - *Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (156), V101 (194) (111'"-217'")]; dímero (231-226":234-229")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2253891-70-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-CD40)
EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCRTSGYTFT EYIMHWVRQA PGQGLEWMGG 50
IIPNNGGTSY NQKFGGRVTM TVDKSTSTGY MELSSLRSED TAVYYCTRRE 100
VYGRNYYALD YWQGQTLVTV SSASTKGPSV FPLAPSKST SGGTAALGCL 150
VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTPPSSSLGT 200
QTYICNVNHK PSNTKVKDKRV EPKSCDKTHT CPPCPAPEFE GGPSVFLFPF 250
KPKDTLMISR TPEVTCVVAV VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
YNSTYRVSVV LTVLHQDWLN GREYKCKVSN KALPAPIEKT ISKAKGQPRE 350
PQVYTLPPSR EEMTKNQVSL TCLVKGFYPS DIAVEWESG QPENNYKTFP 400
PVLDSGGSFL LYSKLTVDKS RWQQGNVFSC SVMHEALHNH YTKQSLSLSP 450
G 451

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-TNFRSF9)
EVQLVESGGG LVQPGRLRL SCTASGFSLN DYWMWVRQA PGKGLEWVG 50
IDVGGSLYYA ASVKGRFTIS RDDSKSIAYL QMNSLKTEDT AVYYCARGGL 100
TYGFDLWQGG TLTVSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTWSNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVTPS SSLGTQTYIC 200
NVNHKPSNTK VDKRVEPKSC DKHTTCPECP APEFEGGESV FLFPKPKDT 250
LMISRTPEVT CVVAVVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNAKT PREEQYNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT 350
LPFSREEMTK NQVSLTCLVK GFYFSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPVLDS 400
DGSFFLYSRL TVDKSRWQGG NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS LSLSPG 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-CD40)
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCASQGIN NYLNMWYQKF GKAVKLLIYY 50
TSSLHSGVPS RFSAGSGTD YFTTISLQP EDIATYYCQ YSNLPYTFGG 100
GTKVEIKRPT AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNFF PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYERKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSPN RGEQ 214

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-TNFRSF9)
DIVMTQSPSS LSASVGDRVT ITCQASEDIS SYLNMWYQKF GKAPKRLIYG 50
ASDLASGVPS RFSAGSGTD YFTTISLQP EDIATYYCHY YATISGLGVA 100
FGGGTKVELK RTVAAPSVFI FPPSDEQLKS GTASVCLLN NFYPREKAVQ 150
WKVDNALQSG NSQESVTEQD SKDSTYLSLS TLTLKSKADYE KHKVYACEVT 200
HQGLSSPVTK SFNRGEC 217

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205 266-326 372-430
22"-95" 144"-200" 261"-321" 367"-425"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134'-194'
23'''-88''' 137'''-197'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 225-214' 220"-217"
Inter-H-H (h 11, h 14) 231-226" 234-229"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:302,297"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

temuterkibum
temuterkib

1²,4⁶,4⁶-trimethyl-1²H-2-aza-4(2,5)-thieno[2,3-c]pyrrola-7(4)-
morpholina-3(2,4)-pyrimidina-1(3)-pyrazolaheptaphan-4⁴(4⁶H)-one
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

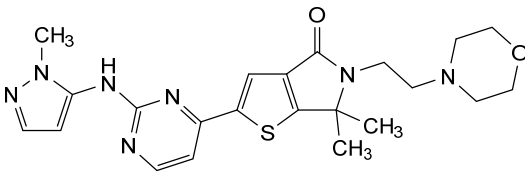
témuterkib

1²,4⁶,4⁶-triméthyl-1²H-2-aza-4(2,5)-thiéno[2,3-c]pyrrola-7(4)-
morpholina-3(2,4)-pyrimidina-1(3)-pyrazolaheptaphan-4⁴(4⁶H)-one
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

temuterkib

1²,4⁶,4⁶-trimetil-1²H-2-aza-4(2,5)-tieno[2,3-c]pirola-7(4)-morfolina-
3(2,4)-pirimidina-1(3)-pirazolaheptafan-4⁴(4⁶H)-ona
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₂₂H₂₇N₇O₂S 1951483-29-6



teropavimabum #

teropavimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[human immunodeficiency virus type 1 (HIV-1) gp120 envelope glycoprotein (HIV-1 gp120) CD4 binding site (CD4bs)], monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-452) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-2*02, insert D84.1, F84.2, D85.2, T85.1 (77-80), (62.7%) - (IGHD) -IGHJ3*01 (85.7%) Q120>S (115), M123>Q (118), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.101-112)) (1-123) -*Homo sapiens*IGHG1*01 G1m17,1, G1v24 CH3 L107, S114 (CH1 K120 (220) (124-221), hinge 1-15 (222-236), CH2 (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364), M107>L (434), N114>S (440) (347-451), CHS K2>del (452)) (124-452)], (226-206')-disulfide with kappa light chain (1'-206') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-33*01 (72.8%) -IGKJ5*01 (71.4%) E119>D (97), I120>L (98), CDR-IMGT [3.3.13] (26-28.46-48.85-97)) (1'-99') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (145), V101 (183) (100'-206')]; dimer (232-232''-235-235'')-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1SV cell line, glycoform alfa
antiviral

téropavimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[site de liaison au CD4 (CD4bs) de la protéine d'enveloppe gp120 du virus de l'immunodéficience humaine de type 1 (HIV-1) (HIV-1 gp120)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-452) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-2*02, insert D84.1, F84.2, D85.2, T85.1 (77-80), (62.7%) - (IGHD) -IGHJ3*01 (85.7%) Q120>S (115), M123>Q (118), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.101-112)) (1-123) -*Homo sapiens*IGHG1*01 G1m17,1, G1v24 CH3 L107, S114 (CH1 K120 (220) (124-221), charnière 1-15 (222-236), CH2 (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364), M107>L (434), N114>S (440) (347-451), CHS K2>del (452)) (124-452)], (226-206')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-206') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-33*01 (72.8%) -IGKJ5*01 (71.4%) E119>D (97), I120>L (98), CDR-IMGT [3.3.13] (26-28.46-48.85-97)) (1'-99') - *Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (145), V101 (183) (100'-206')]; dimère (232-232''-235-235'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1SV, glycoforme alfa
antiviral

teropavimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[lugar de unión al CD4 (CD4bs) de la proteína de envoltura gp120 del virus de la inmunodeficiencia humana de tipo 1 (HIV-1) (HIV-1 gp120)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-452) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-2*02, insert D84.1, F84.2, D85.2, T85.1 (77-80), (62.7%) - (IGHD) -IGHJ3*01 (85.7%) Q120>S (115), M123>Q (118), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.101-112)) (1-123) -*Homo sapiens*IGHG1*01 G1m17,1, G1v24 CH3 L107, S114 (CH1 K120 (220) (124-221), bisagra 1-15 (222-236), CH2 (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364), M107>L (434), N114>S (440) (347-451), CHS K2>del (452)) (124-452)], (226-206')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-206') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-33*01 (72.8%) -IGKJ5*01 (71.4%) E119>D (97), I120>L (98), CDR-IMGT [3.3.13] (26-28.46-48.85-97)) (1'-99') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (145), V101 (183)

(100'-206'')); dímero (232-232":235-235")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1SV, forma glicosilada alfa *antiviral*

2417213-72-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLLQSGAA VTKPGASVRV SCEASGYNIR DYFIHWRRA PGQGLQWVGW 50
INFKLTQSPNN FRQFQGRVSL TRHASWDFDT FSFYMDLKAAL RSDDTAVYFC 100
ARQRSDYWFDF DVWGSQTQVT VSSASTKGPS VFPLAPSSKS TSGGTAALGC 150
LVKDYFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFPVAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG 200
TQTYICNVNH KPSNTKVDKK VEPKSCDKTH TCPPCPAPEL LGGPSTVFLFP 250
PKPKDTLMIS RTPETVTCVVV DVSHEDPEVK FNWYVDGVEV HNAKTKPREE 300
QYNSTYRVVS VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKALPAPIEK TISKAKQQR 350
EPQVYTLPPS RDELTKNQVS LTCVKGFPY SDAVWEWESN GPENNYKTT 400
PPVLDSDGSF FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSVLHEALHS HYTKSLSLS 450
PG 452

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGDIVT ITCAQGYLN WYQRRGKAP KLLIYDGSKL 50
ERGVPSRFSG RRWQGEYNLT INNLQPEDIA TYFCQVYEFV VPGTRLDLKR 100
TVAAPSVFIF PPSDEQLKSG TASVVCLLNN FYPREAKVQW KVDNALQSGN 150
SQESVTEQDS KDSTYLSST LTLSKADYEK HKVYACEVTH QGLSSPVTKS 200
FNRGEC 206

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22"-100" 150"-206" 267"-327" 373"-431"
22"-100" 150"-206" 267"-327" 373"-431"
Intra-L (C23-C104) 23"-84" 126"-186"
23"-84" 126"-186"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 226"-206" 226"-206"
Inter-H-H (h 11, h 14) 232"-232" 235"-235"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
H VH Q1> pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl): 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
L VL N88: 68", 68"
H CH2 N84.4: 303, 303"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

timtraxanibum
timtraxanib

*N*²-acetyl-L-arginyl-L-leucyl-L-tyrosyl-L-glutamic acid
angiogenesis inhibitor

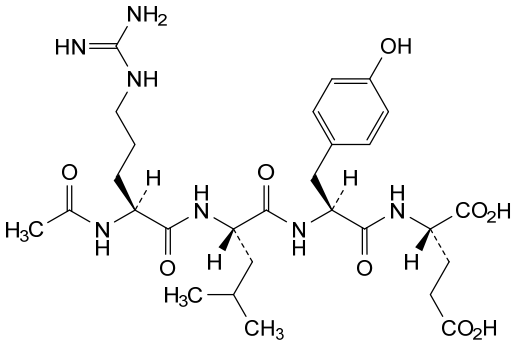
timtraxanib

acide *N*²-acétyl-L-arginyl-L-leucyl-L-tyrosyl-L-glutamique
inhibiteur de l'angiogénèse

timtraxanib

ácido *N*²-acetil-L-arginil-L-leucil-L-tirosil-L-glutámico
inhibidor de la angiogenesis

C₂₈H₄₃N₇O₉ 2412172-33-7



timuferminum

timufermin

L-methionyl human fibroblast growth factor 1 (FGF-1) variant (C¹⁶>S, A⁶⁶>C, C¹¹⁷>V), non-glycosylated, produced in *Escherichia coli*;
L-methionyl-[C¹⁶>S, A⁶⁶>C, C¹¹⁷>V]-human fibroblast growth factor 1 (FGF-1, FGF1, acidic fibroblast growth factor, aFGF, FGFA, endothelial cell growth factor, ECGF, heparin-binding growth factor 1, HBGF-1), cyclic (66-83)-disulfide, non-glycosylated, produced in *Escherichia coli*
fibroblast growth factor

timufermine

variant du facteur de croissance 1 des fibroblastes (FGF-1) humain L-méthionyl (C¹⁶>S, A⁶⁶>C, C¹¹⁷>V), non-glycosylé, produit par *Escherichia coli*; L-méthionyl-[C¹⁶>S, A⁶⁶>C, C¹¹⁷>V]-facteur de croissance des fibroblastes 1 humain (FCF-1, FCF1, facteur de croissance acide des fibroblastes, aFGF, FGFA, facteur de croissance des cellules endothéliales, ECGF, facteur de croissance liant l'héparine 1, HBGF-1), (66-83)-disulfure cyclique, non-glycosylé, produit par *Escherichia coli*
facteur de croissance des fibroblastes

timufermina

L-metionil factor de crecimiento de fibroblastos 1 humano (FGF-1) variante (C¹⁶>S, A⁶⁶>C, C¹¹⁷>V), no glicosilado, producido por *Escherichia coli*;
L-metionil-[C¹⁶>S, A⁶⁶>C, C¹¹⁷>V]-factor de crecimiento de fibroblastos 1 humano (FCF-1, FCF1, factor de crecimiento de fibroblastos ácido, aFGF, FGFA, factor de crecimiento de células endoteliales, ECGF, factor de crecimiento de unión a heparina 1, HBGF-1), (66-83)-disulfuro cíclico, no glicosilado, producido por *Escherichia coli*
factor de crecimiento de los fibroblastos

2248800-66-8

Sequence / Séquence / Secuencia

M	Sequence1	Sequence2	Sequence3	0		
	FNLPPGNYKK	PKLLYSNGG	HFLRLIPDGT	VDGTRDRSDQ	HIQLQLSAES	50
	KVEHYIKSTE	TQYICMDTD	GLLYSGQTPN	ECLFLERLE	ENHYNTYISK	100
	GHAENKNWVFG	LKKNGYKRG	PRTHYGOKAI	LFLPLPVSSD		140

Mutation sites / Sites de mutación / Posiciones de mutación

C16>S, A66>C, C117>V

Post-translational modifications

Disulfide bridge location / Position de pont disulfure / Posición de puente disulfuro
66-83

tizaterkibum

tizaterkib

(6R)-7-[(3,4-difluorophenyl)methyl]-6-(methoxymethyl)-2-[5-methyl-2-[(1-methyl-1*H*-pyrazol-5-yl)amino]pyrimidin-4-yl]-6,7-dihydroimidazo[1,2-*a*]pyrazin-8(5*H*)-one
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

tizaterkib

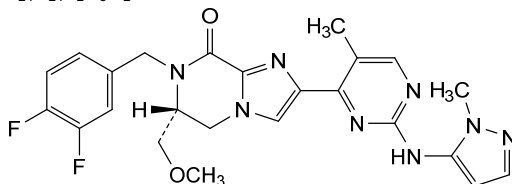
(6R)-7-[(3,4-difluorophényl)méthyl]-6-(méthoxyméthyl)-2-[5-méthyl-2-[(1-méthyl-1*H*-pyrazol-5-yl)amino]pyrimidin-4-yl]-6,7-dihydroimidazo[1,2-*a*]pyrazin-8(5*H*)-one
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

tizaterkib

(6*R*)-7-[(3,4-difluorophenyl)méthyl]-2-[5-méthyl-2-[(1-méthyl-1*H*-pirazol-5-yl)amino]pyrimidin-4-yl]-6-(métoxyméthyl)-6,7-dihydroimidazo[1,2-*a*]pirazin-8(5*H*)-one
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₂₄H₂₄F₂N₈O₂

2097416-76-5



trinbelimabum #

trinbelimab

immunoglobulin G1-lambda3, anti-[*Homo sapiens* RHD (Rhesus blood group D antigen, RhD, CD240D)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-460) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*06 (92.9%) -(IGHD) - IGHJ6*01 (88.9%) V124>I (126), CDR-IMGT [8.8.23] (26-33.51-58.97-119)) (1-130) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (227) (131-228), hinge 1-15 (229-243), CH2 (244-353), CH3 D12 (369), L14 (371) (354-458), CHS (459-460)) (131-460)], (233-215')-disulfide with lambda3 light chain *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-14*03 (94.9%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [9.3.10] (26-34.52-54.91-100)) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC3*03 (100%) (111'-216')]; dimer (239-239":242-242")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-DXB11 cell line, glycoform alfa
immunomodulator

trinbélimab

immunoglobuline G1-lambda3, anti-[*Homo sapiens* RHD (antigène groupe sanguin Rhésus D, RhD, CD240D)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-460) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*06 (92.9%) -(IGHD) - IGHJ6*01 (88.9%) V124>I (126), CDR-IMGT [8.8.23] (26-33.51-58.97-119)) (1-130) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (227) (131-228), charnière 1-15 (229-243), CH2 (244-353), CH3 D12 (369), L14 (371) (354-458), CHS (459-460)) (131-460)], (233-215')-disulfure avec la chaîne légère lambda3 *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-14*03 (94.9%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [9.3.10] (26-34.52-54.91-100)) (1'-110') - *Homo sapiens* IGLC3*03 (100%) (111'-216')]; dimère (239-239":242-242")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-DXB11, glycoforme alfa
immunomodulateur

trinbelimab

inmunoglobulina G1-lambda3, anti-[*Homo sapiens* RHD (antígeno grupo sanguíneo Rhésus D, RhD, CD240D)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-460) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*06 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (88.9%) V124>I (126), CDR-IMGT [8.8.23] (26-33.51-58.97-119)) (1-130) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (227) (131-228), bisagra 1-15 (229-243), CH2 (244-353), CH3 D12 (369), L14 (371) (354-458), CHS (459-460)) (131-460)], (233-215')-disulfuro con la cadena ligera lambda3 *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-14*03 (94.9%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [9.3.10] (26-34.52-54.91-100)) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC3*03 (100%) (111'-216')]; dímero (239-239":242-242")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-DXB11, forma glicosilada alfa *inmunomodulador*

2415078-44-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGGIFR TYAISWVRQA PGQGLEWMGG	50
IIPMFGTVNY AQKFQGRVTI SADKSTSTAY MELSLRLSED TAVVYCARPP	100
SGGCGGDCSR RGYYYAMDVW GQGTITVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG	150
GTAALGCLVK DYFPEPTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVT	200
VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG	250
PSVFLFPPKP KDTLMISRTPEVTGVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA	300
KTKPREEQYN STYRVSVLT VLHQDWLNGK EYCKKVSNKA LPAPIEKTIS	350
KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE LTKNQVSLTLC LVKGFPYSDI AVEWESNGQP	400
ENNYKTTFPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT	450
QKSLSLSPGK	460
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
QSALTQPASV SGSPGQSITI SCSGSSSDVG GYKYVSWYQQ HPGKAPQLMI	50
YDVNNRPSGV SNRFGSKSG NTASLTISGL QAEDADYYC SSYTSSSTRV	100
FGGGTKLTVL GQPKAAPSVT LFPPSSEELQ ANKATLVCLII SDFYPGAVTV	150
AWKADSSPVK AGVETTTFSK QSNNKYAASS YLSLTPEQWK SHKSYSCQVT	200
HEGSTVEKTV APTES	216

Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H (C23-C104)	22-96 157-213 274-334 380-438
	22"-96" 157"-213" 274"-334" 380"-438"
Intra-L (C23-C104)	22-90' 138'-197'
	22"-90" 138"-197"
Inter-H-L (h 5-CL 126)	233-215' 233"-215"
Inter-H-H (h 11, h 14)	239-239" 242-242"
N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyl N-terminal / Ciclación del glutamínilo N-terminal	
H VH Q1> pyroglutamyI (pE, 5-oxopropyl): I, I"	
L VL Q1> pyroglutamyI (pE, 5-oxopropyl): I', I'''	
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación	
H CH2N84.4; 310, 310"	
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados.	
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal	
H CHS K2: 460, 460"	

trotabresibum

trotabresib

4-[2-(cyclopropylmethoxy)-5-(methanesulfonyl)phenyl]-
2-methylisoquinolin-1(2*H*)-one
antineoplastic

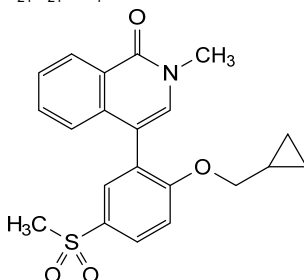
trotabrésib

4-[2-(cyclopropylméthoxy)-5-(méthanesulfonyl)phényl]-
2-méthylisoquinoléin-1(2*H*)-one
antinéoplasique

trotabresib

4-[2-(ciclopropilmetoxi)-5-(metanosulfonyl)fenil]-2-
metilisoquinolein-1(2*H*)-ona
antineoplásico $C_{21}H_{21}NO_4S$

1706738-98-8

**tunlametinibum**

tunlametinib

4-fluoro-5-(2-fluoro-4-iodoanilino)-*N*-(2-
hydroxyethoxy)-1,3-benzothiazole-6-carboxamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

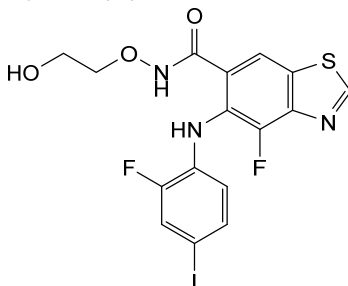
tunlamétinib

4-fluoro-5-(2-fluoro-4-iodoanilino)-*N*-(2-
hydroxyéthoxy)-1,3-benzothiazole-6-carboxamide
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

tunlametinib

4-fluoro-5-(2-fluoro-4-iodoanilino)-*N*-(2-hidroxi-
etoxi)-1,3-benzotiazol-6-carboxamida
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico $C_{16}H_{12}F_2IN_3O_3S$

1801756-06-8

**tuvonralimabum #**

tuvonralimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CTLA4
(cytotoxic T-lymphocyte associated protein 4, CTLA-4,
CD152)], monoclonal antibody;

	gamma1 heavy chain (1-448) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-33*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 K26>D (148), F81>C (171), V84>C (174), R120>K (215) (119-216), hinge 1-15 C5>G (221) (217-231), CH2 R17>K (256) (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359), D84.2>R (400), K88>E (410) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (171-162':174-160')-bisdisulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-20*01 (92.7%) -IGKJ3*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (97.2%), Km3 S20>K (131), A45.1 (153), Q79>C (160), S81>C (162), V101 (191) (108'-214')]; dimer (227-227'':230-230'')-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-S cell line, glycoform alfa <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
tuvonralimab	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> CTLA4 (protéine 4 associée aux lymphocytes T cytotoxiques, CTLA-4, CD152)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-448) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-33*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 K26>D (148), F81>C (171), V84>C (174), R120>K (215) (119-216), charnière 1-15 C5>G (221) (217-231), CH2 R17>K (256) (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359), D84.2>R (400), K88>E (410) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (171-162':174-160')-bis disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-20*01 (92.7%) -IGKJ3*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (97.2%), Km3 S20>K (131), A45.1 (153), Q79>C (160), S81>C (162), V101 (191) (108'-214')]; dimère (227-227'':230-230'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
tuvonralimab	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> CTLA4 (proteína 4 asociada a los linfocitos T citotóxicos, CTLA-4, CD152)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-448) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-33*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 K26>D (148), F81>C (171), V84>C (174), R120>K (215) (119-216), bisagra 1-15 C5>G (221) (217-231), CH2 R17>K (256) (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359), D84.2>R (400), K88>E (410) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (171-162':174-160')-bis disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-20*01 (92.7%) -IGKJ3*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (97.2%), Km3 S20>K (131), A45.1 (153), Q79>C (160), S81>C (162), V101 (191) (108'-214')]; dímero (227-227'':230-230'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-S, forma glicosilada alfa <i>immunomodulador, antineoplásico</i>

2417649-44-4

Heavy chain/ Chaîne lourde/ Cadena pesada
QVQLVESGGG VVERGSLRL SCASGTFPS SYGMHWVRQA PKGLEWVAV 50
TWYKFEKDY ADSAKGFTI SRDMSKNTLY LQMSLRAED TAVYYCARGG 100
LLGYFDYWGQ GTLVTVSSAS TKGFSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVDDY 150
FPEPVTWSNN SGALTSGVHT CPACLGSSGL YSLSSVTVTP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKFSMT KVKDKVEKFS GDKHTHCPCF PAPELLGGPS VFLFPKPKD 250
TLMISKTFFV TCVVVDVSHE DEEVKFMWV DGVENVNAKT KPREEQYNST 300
YRVSVLTVL HQDMLNGEY KCKVSNKALP AFIEKTLISA KGPREFQVY 350
TLFPRREMT KQVSVITCLV KQFYSDIAY EWESNGQPEN NYKTTFFPLR 400
SDGSFFLYSE LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALNNHYTQK SLSLSPGK 448

Light chain/ Chaîne légère/ Cadena ligera
EIVLTQSGPT LSLSPGERAT LSCRASQSN SYLAWYQKP QGAPRELIY 50
VSSRATGIPD RFGSGSGSTD FTLTISRLEP EDFAVYYCQ YGRYPTTFG 100
GTRVDIKRTV AAPSVFIEPP SDEGLKSGTA KVVCLLNPFY FREAKVQWKV 150
DMALQSGNSC ECVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYERHK VIACEVTHQ 200
LSSPVTKSFN RGES 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 171-162 171"-162" 174-160 174"-160"
Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
H V H Q1>pyroglutamy (pf, 5-oxoprollyl). 1, 1'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4; 298, 298"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 448, 448"

tuxobertinibum
tuxobertinib

N-[4²-chloro-3,7-dioxa-5-aza-6(4,7)-quinazolina-10(4)-morpholina-1(2)-pyridina-4(1,4)-benzenadecaphan-6⁶-yl]prop-2-enamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

tuxobertinib

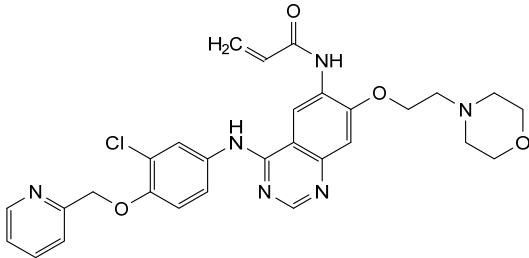
N-[4²-chloro-3,7-dioxa-5-aza-6(4,7)-quinazolina-10(4)-morpholina-1(2)-pyridina-4(1,4)-benzénadécaphan-6⁶-yl]prop-2-énamide
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

tuxobertinib

N-[4²-cloro-3,7-dioxa-5-aza-6(4,7)-quinazolina-10(4)-morfolina-1(2)-piridina-4(1,4)-bencenadecafan-6⁶-il]prop-2-enamida
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₂₉H₂₉ClN₆O₄

2414572-47-5



ubamatamabum #
ubamatamab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MUC16 (mucin 16, MUC-16, cancer antigen 125, CA125)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3e, CD3 epsilon)], monoclonal antibody, bispecific;

gamma4 heavy chain anti-MUC16 (1-443) [VH anti-MUC16 (*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (118-215), hinge 1-12 S10>P (225) (215-227), CH2 E1.4,F1.3>P1.3 (230), L1.2>V (231), G1.1>A (232) (228-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (118-443)], (131-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (97.9%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27-32.50-52.89-98)) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')];

gamma4 heavy chain anti-CD3E (1"-450") [VH anti-CD3E (*Homo sapiens* IGHV3-9*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (90.9%) L123>T (119), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113)) (1"-124")-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (125"-222"), hinge 1-12 S10>P (232) (223"-234"), CH2 E1.4,F1.3>P1.3 (237), L1.2>V (238), G1.1>A (239) (235"-343"), CH3 H115>R (438), Y116>F (439), L125>P (448) (344"-448"), CHS (449"-450")) (125"-450")], (138"-215'")-disulfide with kappa light chain (1'"-215'") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (97.8%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27-32.50-52.89-98)) (1'"-108'") -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'"-215'")];

dimer (224-230":227-233")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
antineoplastic

ubamatamab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MUC16 (mucine 16, MUC-16, antigène de cancer 125, CA125)] et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3e, CD3 epsilon)], anticorps monoclonal, bispécifique;

chaîne lourde gamma4 anti-MUC16 (1-443) [VH anti-MUC16 (*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (118-215), charnière 1-12 S10>P (225) (215-227), CH2 E1.4,F1.3>P1.3 (230), L1.2>V (231), G1.1>A (232) (228-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (118-443)], (131-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (97.9%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27-32.50-52.89-98)) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')];

chaîne lourde gamma4 anti-CD3E (1"-450") [VH anti-CD3E (*Homo sapiens* IGHV3-9*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (90.9%) L123>T (119), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113)) (1"-124")-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (125"-222"), charnière 1-12 S10>P (232) (223"-234"), CH2 E1.4,F1.3>P1.3 (237), L1.2>V (238), G1.1>A (239) (235"-343"), CH3 H115>R (438), Y116>F (439), L125>P (448) (344"-448"), CHS (449"-450")) (125"-450")], (138"-215'")-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'"-215'") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (97.8%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27-32.50-52.89-98)) (1'"-108'") -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'"-215'")];

dimère (224-230":227-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
antinéoplasique

ubamatamab

immunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MUC16 (mucina 16, MUC-16, antígeno de cáncer 125, CA125)] y anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3e, CD3 épsilon)], anticuerpo monoclonal, biespecífico;

cadena pesada gamma4 anti-MUC16 (1-443) [VH anti-MUC16 (*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1'-117') -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (118-215), bisagra 1-12 S10>P (225) (215-227), CH2 E1.4.F1.3>P1.3 (230), L1.2>V (231), G1.1>A (232) (228-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (118-443)], (131'-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (97.9%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27-32.50-52.89-98)) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; cadena pesada gamma4 anti-CD3E (1"-450") [VH anti-CD3E (*Homo sapiens* IGHV3-9*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (90.9%) L123>T (119), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113)) (1"-124") -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (125"-222")], bisagra 1-12 S10>P (232) (223"-234"), CH2 E1.4.F1.3>P1.3 (237), L1.2>V (238), G1.1>A (239) (235"-343"), CH3 H115>R (438), Y116>F (439), L125>P (448) (344"-448"), CHS (449"-450")) (125"-450")], (138"-215'")-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'"-215'") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (97.8%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27-32.50-52.89-98)) (1'"-108'") -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'"-215'")]; dímero (224-230":227-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa antineoplásico

2305629-50-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-MUC16)

```

QVQLVSGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS NYTMSWVRQA PGKLEWISY 50
ISGRGSTIFY ADSVKGRITI SRDNAKNSLF LQMNLSRAED TAVYFCVKDR 100
GGYSFYWGQG TLTVSSAST KGPSVFPLAP CSRSTSESTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWMNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVFPS SSLGKTKYTC 200
NVDHKPSNTK VDKRVESEYQ PFCPPCPAPP VAGPSVFLFP PKPKDTLMIS 250
RTEPVTCVVV DVSQEDPEVQ FNWYVDGVEV HNAKTKPRE QFNSTYRVVS 300
VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKGLPSSIEK TISKAKGQPR EPQVYTLPPS 350
QEEMTKNQVS LTCLVKGFPY SDIAVEWESN GQPENNYKTT PPVLDSDGSF 400
FLYSRLTVDK SRWQEGNVFS CSVMHEALHN HYTKSLSLS LGK 443

```

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-CD3E)

```

EVQLVSGGG LVQPGSLRL SCAASGFTFD DYSMHWRQA PGKLEWVSG 50
ISWNSGSKGY ADSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNLSRAED TALYYCAKYG 100
SGYKGFYHYG LDVWQGTTF TVSSASTKGP SVFPLAPCSR STSESTAALG 150
CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPFV LQSSGLYSLS SVTVTPSSSL 200
GKTYTCNV D HKPNTKVDK RVESEYQPPC PFCPPAPVAG PSVFLFPKPK 250
KDTLMISRTF EYTCVVVDVS QEDPEVQFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQFN 300
STYRVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNK G LPSSEIEKTI KARGQPREPQ 350
VYTLFESQEE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDT AVEWESNGQP ENNYKTTFPV 400
LSDSGSFFLY SRLTVDKSRW QEGNVFSCSV MHEALHNRT QKSLSLSPGK 450

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCRASQGIS TYLNWYQKPK GKAPKLLIYT 50
ASSLQSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ SYSTPPIITF 100
QGTRLEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNNF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYLSSTL TSLKADYEK KYVACEVTHQ 200
GLSSFVTKSF NRGE 215

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 144-200 257-317 363-421
 22"-96" 151"-207" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 135"-195"
 23'"-88'" 135'"-195'"

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 131-215' 138"-215"

Inter-H-H (h 8, h 11) 223-230" 226-233"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del

glutamínio N-terminal

H VH Q1> pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl): 1

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 293, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 443, 450"

ulenistamabum

ulenistamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PAUF (pancreatic adenocarcinoma up-regulated factor)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain humanized (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (116), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-219')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (91.9%) -IGKJ2*01 (91.7%) L124>V (109), CDR-IMGT [12.3.8] (27-38.56-58.95-102)) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 T1.3>S (114), A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1 cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

ulénistamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PAUF (facteur surexprimé de l'adénocarcinome pancréatique)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma1 humanisée (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (116), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (91.9%) -IGKJ2*01 (91.7%) L124>V (109), CDR-IMGT [12.3.8] (27-38.56-58.95-102)) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 T1.3>S (114), A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

ulenistamab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PAUF (factor sobreexpresado del adenocarcinoma pancreático)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 humanizada (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (116), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (91.9%) -IGKJ2*01 (91.7%) L124>V (109), CDR-IMGT [12.3.8] (27-38.56-58.95-102)) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 T1.3>S (114), A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2415259-90-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada		
QVQLVQSGAE	VKKPGASVKV	SCKASGFLNK DYYMHWVRQA PGQGLEWMGW 50
IDPENGNTNY	AQKFGQGRVTM	TRDTSISTAY MELSLRLSDD TAVYYCARRA 100
ITTATAWFAY	WGQGLTVTVS	SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150
KDYFPEPVTY	SWNSGALTSG	VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP	SNTKVDKKVE	PKSCDKTHTC PPCAPELLG GPSVFLFPFK 250
PKDTLMISRT	PEVTCVVVDV	SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL	TVLHQDWLNG	KEYCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQFPREP 350
QVYTLPPSRE	EMTKNQVSLT	CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTTP 400
VLDSDGSEFL	YSKLTVDKSR	WQQGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450
K 451		
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera		
DIVMTQSPDS	LAVSLGERAT	INCKSSQSLN NSRTRKNYLA WYQKPGQPP 50
KLLIYWASTR	ESGVPRDFSG	SGSGTDFTLT ISSLQAEQDA VVYCKQSYNL 100
YTFGQGTKVE	IKRSVAAPSV	FIFPPSDEQL KSGTASVCL LNNFYPREAK 150
VQMKNVDNAL	QSGNSQESVTE	QDSKDSITYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSPFV	TKSFNRGEC	219

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 265-325 371-429
22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"
Intra-L (C23-C104) 23"-94" 139"-199"
23"-94"" 139""-199""
Inter-H-L (h 5-CL 126) 224-219" 224"-219"
Inter-H-H (h 11, h 14) 230-230" 233-233"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
H VH Q1> pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl): 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 301, 301"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 451, 451"

upanovimabum #
upanovimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[severe acute respiratory syndrome coronavirus 2 (SARS-CoV-2) spike (S) glycoprotein, receptor binding domain (RBD)], monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-451) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV5-9-4*01 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (91.7%) A128>S (121)/*Homo sapiens* IGHV3-21*01 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110))] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17, 1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 L1.3>A (238), L1.2>A (239) (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-218')-disulfide with kappa light chain (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-2*01 (82.8%) -IGKJ2*03 (81.8%) S120>Q (104), L124>V (108)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (80.9%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101)) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-DG44 cell line, glycoform alfa
antiviral

upanovimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[domaine de liaison au récepteur (RBD) de la glycoprotéine spike (S) du coronavirus 2 du syndrome respiratoire aigu sévère (SARS-CoV-2)], anticorps monoclonal;

chaîne lourde gamma1 (1-451) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV5-9-4*01 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (91.7%) A128>S (121)/*Homo sapiens* IGHV3-21*01 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17.1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 L1.3>A (238), L1.2>A (239) (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-2*01 (82.8%) -IGKJ2*03 (81.8%) S120>Q (104), L124>V (108)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (80.9%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101)) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa
antiviral

upanovimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[dominio de unión al receptor (RBD) de la glicoproteína spike (S) del coronavirus 2 del síndrome respiratorio agudo severo (SARS-CoV-2)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma1 (1-451) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV5-9-4*01 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (91.7%) A128>S (121)/*Homo sapiens* IGHV3-21*01 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17.1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 L1.3>A (238), L1.2>A (239) (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-2*01 (82.8%) -IGKJ2*03 (81.8%) S120>Q (104), L124>V (108)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (80.9%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101)) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamster chino (CHO) línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa
antiviral

2500633-46-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

EVKLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS NYGMSWVRQA PGKRLWEVAE 50
ISSGGSTYY PDTVTRFTI SRDANKTLT LQMNLSRAED TAVYICARER 100
YDGGGCTVDY WQGTLLTVTS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSV VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TTPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVDKKVE PKSCDKTHTC PPCPAPEAAG GPSVFLFPPK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKT I SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSRD ELTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTTP 400
VLDSGGSFEL YSKLTVDKSR WQGNVFCSC VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450
K 451

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASESVD NYGISFMNWF QQKPGQAPRL 50
LIYAASNQGS GVPARFSGSG SGTDFSLTIS SLEPEDFAVY FCQQSQKEVP 100
TFGQGTQVEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLS STLTLSKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC 218

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 265-325 371-429
 22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"
 Intra-L (C23-C104) 23"-92" 138"-198"
 23""-92"" 138""-198""
 Inter-H-L (h 5-CL 126) 224-218" 224"-218"
 Inter-H-H (h 11, h 14) 230-230" 233-233"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
 H CH2 N84.4: 301, 301"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
 complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
 H CHS K2: 451, 451"

utreloxastatum

utreloxastat

2,3,5-trimethyl-6-nonylcyclohexa-2,5-diene-1,4-dione
15-lipoxygenase inhibitor

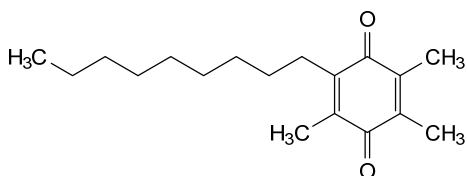
utréloxastat

2,3,5-triméthyl-6-nonylcyclohexa-2,5-diène-1,4-dione
inhibiteur de la 15-lipoxygénase

utreloxastat

2,3,5-trimetil-6-nonilciclohexa-2,5-dieno-1,4-diona
inhibidor de la 15-lipoxigenasa $C_{18}H_{28}O_2$

1213269-96-5

**vebreltinibum**

vebreltinib

6-(1-cyclopropyl-1*H*-pyrazol-4-yl)-3-[difluoro(6-fluoro-2-methyl-2*H*-indazol-5-yl)methyl][1,2,4]triazolo[4,3-*b*]pyridazine
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

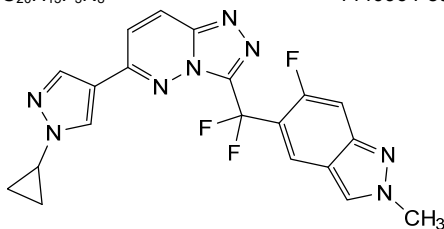
vebreltinib

6-(1-cyclopropyl-1*H*-pyrazol-4-yl)-3-[difluoro(6-fluoro-2-méthyl-2*H*-indazol-5-yl)méthyl][1,2,4]triazolo[4,3-*b*]pyridazine
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

vebreltinib

6-(1-ciclopropil-1*H*-pirazol-4-il)-3-[difluoro(6-fluoro-2-metil-2*H*-indazol-5-il)metil][1,2,4]triazolo[4,3-*b*]piridazina
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico $C_{20}H_{15}F_3N_8$

1440964-89-5

**vepafestininibum**

vepafestininib

4-amino-*N*-[4-(methoxymethyl)phenyl]-7-(1-methylcyclopropyl)-6-[3-(morpholin-4-yl)prop-1-yn-1-yl]-7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidine-5-carboxamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

vépafestininib

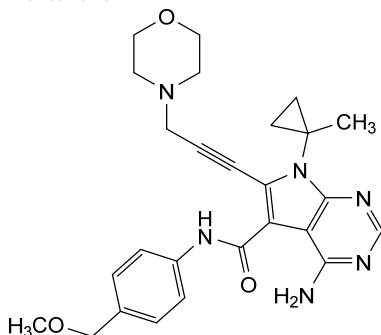
4-amino-*N*-[4-(méthoxyméthyl)phényl]-7-(1-méthylcyclopropyl)-6-[3-(morpholin-4-yl)prop-1-yn-1-yl]-7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidine-5-carboxamide
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

vepafestininib

4-amino-7-(1-metilciclopropil)-N-[4-(metoximetil)fenil]-
6-[3-(morfolin-4-il)prop-1-in-1-il]-7H-pirrol[2,3-
d]pirimidina-5-carboxamida
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₂₆H₃₀N₆O₃

2129515-96-2

**vepsitamabum #**

vepsitamab

immunoglobulin scFv-scFv-scFc, anti-[*Homo sapiens* MUC17 (mucin 17, cell surface associated)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3e, CD3 epsilon)], monoclonal antibody single chain, bispecific; IG single chain scFv-scFv-scFc, anti-MUC17 and anti-CD3E (1-984) [scFv-VH-V-LAMBDA anti-MUC17 (1-242) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-34*01 (91.8%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.7.14] (26-33.51-57.96-109)) (1-120) -15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (121-135) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-1*01 (93.7%) -IGLJ2*01 (90.9%) G120>C (234), CDR-IMGT [6.3.9] (161-166.184-186.223-231)) (136-242)] -5-mer tetraglycyl-seryl linker (243-247) - [scFv-VH-V-LAMBDA anti-CD3E (248-496) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%) - (IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)]/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87.0%) - (IGHD) -IGHJ5*01 (100%), CDR-IMGT [8.10.16] (274-280.298-307.346-361)) (248-372) -15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (373-387) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (413-421.439-441.478-486)) (388-496)] -4-mer tetraglycyl linker (497-500) -[scFc (h-CH2-CH3)-(h-CH2-CH3) (501-984) [*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1, G1v30 CH2 N84.4>G (hinge 6-15 (501-510), CH2 R83>C (572), N84.4>G (577), V85>C (582) (511-620), CH3 E12 (636), M14 (638) (621-725), CHS (726-727)) (501-727)] -30-mer hexakis(tetraglycyl-seryl) linker (728-757) -[*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1, G1v30 CH2 N84.4>G (hinge 6-15 (758-767), CH2 R83>C (829), N84.4>G (834), V85>C (839) (768-877), CH3 E12 (893), M14 (895) (878-982), CHS (983-984)) (758-984)]]], produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

vepsitamab

immunoglobuline scFv-scFv-scFc, anti-[*Homo sapiens* MUC17 (mucine 17, surface cellulaire associée)] et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3e, CD3 epsilon)], anticorps monoclonal à chaîne unique, bispécifique;
 IG à chaîne unique scFv-scFv-scFc, anti-MUC17 et anti-CD3E (1-984) [scFv-VH-V-LAMBDA anti-MUC17 (1-242) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-34*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.7.14] (26-33.51-57.96-109)) (1-120) -15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (121-135) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-1*01 (93.7%) -IGLJ2*01 (90.9%) G120>C (234), CDR-IMGT [6.3.9] (161-166.184-186.223-231)) (136-242)] -5-mer tétraglycyl-séryl linker (243-247) -[scFv-VH-V-LAMBDA anti-CD3E (248-496) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%), CDR-IMGT [8.10.16] (274-280.298-307.346-361)) (248-372) -15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (373-387) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (413-421.439-441.478-486)) (388-496)] -4-mer tétraglycyl linker (497-500) -[scFc (h-CH2-CH3)-(h-CH2-CH3) (501-984) [*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1, G1v30 CH2 N84.4>G (charnière 6-15 (501-510), CH2 R83>C (572), N84.4>G (577), V85>C (582) (511-620), CH3 E12 (636), M14 (638) (621-725), CHS (726-727)) (501-727)] -30-mer hexakis(tétraglycyl-séryl) linker (728-757) -[*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1, G1v30 CH2 N84.4>G (charnière 6-15 (758-767), CH2 R83>C (829), N84.4>G (834), V85>C (839) (768-877), CH3 E12 (893), M14 (895) (878-982), CHS (983-984)) (758-984)]], produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

vepsitamab

inmunoglobulina scFv-scFv-scFc, anti-[*Homo sapiens* MUC17 (mucina 17, superficie celular asociada)] y anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3e, CD3 épsilon)], anticuerpo monoclonal con cadena única, biespecífica;
 IG con cadena única scFv-scFv-scFc, anti-MUC17 y anti-CD3E (1-984) [scFv-VH-V-LAMBDA anti-MUC17 (1-242) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-34*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.7.14] (26-33.51-57.96-109)) (1-120) -15-mer tris(tetraglicil-seril) linker (121-135) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-1*01 (93.7%) -IGLJ2*01 (90.9%) G120>C (234), CDR-IMGT [6.3.9] (161-166.184-186.223-231)) (136-242)] -5-mer tetraglicil-seril linker (243-247) -[scFv-VH-V-LAMBDA anti-CD3E (248-496) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%), CDR-IMGT [8.10.16] (274-280.298-307.346-361)) (248-372) -15-mer tris(tetraglicil-seril) linker (373-387) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (413-421.439-441.478-486)) (388-496)] -4-mer tetraglicil linker (497-500) -[scFc (h-CH2-CH3)-(h-CH2-CH3) (501-984) [*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1, G1v30 CH2 N84.4>G (bisagra 6-15 (501-510), CH2 R83>C (572), N84.4>G (577), V85>C (582) (511-620), CH3 E12 (636), M14 (638) (621-725), CHS (726-727)) (501-727)] -30-mer hexakis(tetraglicil-seril) linker (728-757) -[*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1, G1v30 CH2 N84.4>G (bisagra 6-15 (758-767), CH2 R83>C (829), N84.4>G (834), V85>C (839) (768-877), CH3 E12 (893), M14 (895) (878-982), CHS (983-984)) (758-984)]], producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2413453-53-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada		
QVQLQQWGGAG	LLKPSETLSL	TCAVYGGSFSGYYWSWIRQPGKCLEWIGD 50
IDASGSKTYN	PSLKSRTVIS	LDTSKNQFSLKLSVTAADTAVYFCARKKY 100
STVWSYFDNW	GQCTLVTIVSS	GGGSGGGGSGGGSSSYELTQSSSVVPPG 150
QTASITCSGD	KLGDYASWY	QKQPGQSPVLVIYQDRKRPVGPVPERFSSGN 200
SGNTATLTIS	GTQAMDEADY	YCAWGSSTA VFGCTKLTVLSGGGSGEVQ 250
LVESGGGLVQ	PGGSLKLSCA	ASGFTFNKYAMNWRQAPGKGLEWVARIS 300
KYNNYATYYA	DSVKDRFTIS	RDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGN 350
FGNSYISYWA	YWGQGLTIVT	SSGGGSGGGSGGGGSGQTQVTPQEPSTVS 400
PGGTIVLTICG	SSTGAVTSGN	YPNWVQKQPGQAPRGLIGGTKFLAPGTTPAR 450
FGSLLGGKA	ALTLSGVQPE	DEAEYYCVLWYSNRWVFGGKTTLTVLGGGG 500
DKTHTCPFCP	APELLGGPSP	FLFPFKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED 550
PEVKFNWYVD	GVEVHNAKTK	PCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEYK 600
CKVSNKALPA	PIEKTISKAK	GQPREPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVK 650
GFYPSDIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQG 700
NVFSQSVMEH	ALHNHYTQKS	LSLSPGKGGSGSGGGSGGGSGGGSGGGG 750
GSGGGSGDKT	HTCPPCPAPE	LLGPGSVFLFPPKPKDTLIMISRTPEVTCVV 800
VDVSHEDPEV	KFNWYVDGVE	VHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDW 850
LNGKEYKCKV	SNKALPAPIE	KTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQV 900
SLTCLVKGFI	PSDIAVEWES	NGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVD 950
KSRWQQGNVF	SCSVMEALH	NHYTQKLSLSLSPGK 984

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-V (C23-C104) 22-95 157-222 269-345 409-477
Intra-C (C23-C104) 541-601 647-705 798-858 904-962
Intra-CH2* (C83-C85) 572-582 829-839
Inter-VH-VL* (C49-C120) 44-234
Inter-h11 (h 11 - h 11) 506-763
Inter-h14 (h 14 - h 14) 509-766
*engineered

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutamilo N-terminal
H VH Q1 > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl): 1

No N-glycosylation sites / pas de site de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación
CH2 N84.4>G: 577, 834
Aglycosylated / aglycosylé / aglucosilada

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 984

vesleteplirsenum
vesleteplirsén

all-P-ambo-2'-N-(N²-acetyl-L-arginyl-L-arginyl-L-arginyl-L-arginyl-L-arginyl-L-arginylglycyl)[2',3'-azanediy]-P,2',3'-trideoxy-P-(dimethylamino)-2',3'-seco[(2'-N→5')(CTCCAACATC AAGGAAGATG GCATTTCTAG) 5'-{P-[4-({2-[2-(2-hydroxyethoxy)ethoxy}ethoxy)carbonyl]piperazin-1-yl)-N,N-dimethylphosphonamidate} promotion of functional dystrophin synthesis

veslétéplirsén

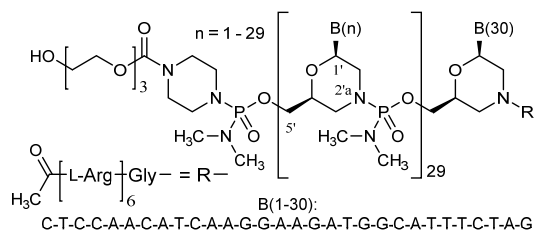
tout-P-ambo-5'-{P-[4-({2-[2-(2-hydroxyéthoxy)éthoxy}éthoxy)carbonyl]-pipérazin-1-yl]-N,N-diméthylphosphonamidate} de 2'-N-(N²-acétyl-L-arginyl-L-arginyl-L-arginyl-L-arginyl-L-arginyl-L-arginylglycyl)[2',3'-azanediy]-P,2',3'-tridésoxy-P-(diméthylamino)-2',3'-séco[(2'-N→5')(CTCCAACATC AAGGAAGATG GCATTTCTAG) stimulation de la synthèse de dystrophine fonctionnelle

vesleteplirsén

todo-P-ambo-5'-{P-[4-({2-[2-(2-hidroxietoxi)etoxi]etoxi}carbonil)piperazin-1-il]-N,N-dimetilfosfonamidato} de 2'-N-(N²-acetil-L-arginil-L-arginil-L-arginil-L-arginil-L-arginil-L-arginilglicil)[2',3'-azanodiil-P,2',3'-tridesoxi-P-(dimetilamino)-2',3'-seco[(2'-N→5')(CTCCAACATC AAGGAAGATG GCATTTCTAG) estimulación de la síntesis de distrofina funcional

C₄₀₄H₆₄₆N₂₀₂O₁₃₀P₃₀

2101570-09-4

**vibozilimodum**

vibozilimod

1-[(4-{5-[3-chloro-4-(2-methylpropyl)phenyl]-1,2,4-oxadiazol-3-yl}phenyl)methyl]-4-[(2-methoxyethoxy)methyl]piperidine-4-carboxylic acid
immunomodulator

vibozilimod

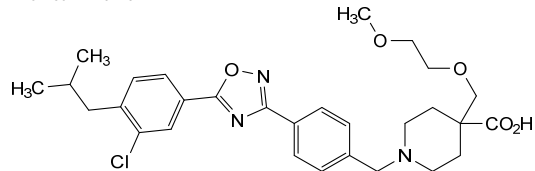
acide 1-[(4-{5-[3-chloro-4-(2-méthylpropyl)phényl]-1,2,4-oxadiazol-3-yl}phényl)méthyl]-4-[(2-méthoxyéthoxy)méthyl]pipéridine-4-carboxylique
immunomodulateur

vibozilimod

ácido 1-[(4-{5-[3-cloro-4-(2-metilpropil)fenil]-1,2,4-oxadiazol-3-il}fenil)metil]-4-[(2-metoxietoxi)metil]piperidina-4-carboxílico
inmunomodulador

C₂₉H₃₆ClN₃O₅

1403232-33-6

**vimdemerum**

vimdemer

poly[1-(1*H*-imidazol-1-yl)ethane-1,2-diyl];
poly(*N*-vinylimidazole)
polymer

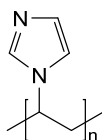
vimdèmère

poly[1-(1*H*-imidazol-1-yl)éthane-1,2-diyle];
poly(*N*-vinylimidazole)
polymère

vimdémero

poli[1-(1*H*-imidazol-1-il)etano-1,2-diilo];
poli(*N*-vinilimidazol)
polímero

$(C_5H_6N_2)_n$, 25232-42-2
 $n^- \approx 80-120$ ($M_r^- \approx 10-20$ kDa)

**vornorexantum**

vornorexant

(4²S)-1⁵-fluoro-6⁵-methyl-4(2,3)-[1,3]oxazinana-1(2)-
 pyridina-7(2)-[1,2,3]triazola-2(3,1)-pyrazola-6(1,2)-
 benzenaheptaphan-5-one
orexin receptor antagonist

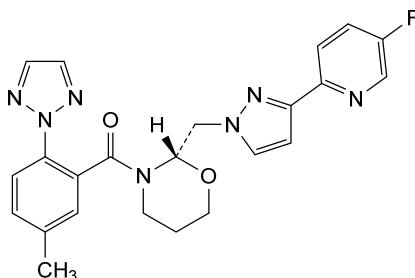
vornorexant

(4²S)-1⁵-fluoro-6⁵-méthyl-4(2,3)-[1,3]oxazinana-1(2)-
 pyridina-7(2)-[1,2,3]triazola-2(3,1)-pyrazola-6(1,2)-
 benzénaheptaphan-5-one
antagoniste du récepteur de l'orexine

vornorexant

(4²S)-1⁵-fluoro-6⁵-metil-4(2,3)-[1,3]oxazinana-1(2)-
 piridina-7(2)-[1,2,3]triazola-2(3,1)-pirazola-6(1,2)-
 bencenaheptafan-5-ona
antagonista del receptor de la orexina

$C_{23}H_{22}FN_7O_2$ 2265899-49-6

**voxalatamabum #**

voxalatamab

immunoglobulin G4-kappa/lambda2, anti-[*Homo sapiens* FOLH1 (folate hydrolase, prostate specific membrane antigen, PSMA)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3e, CD3 epsilon)], humanized, chimeric and *Homo sapiens* monoclonal antibody, bispecific; gamma4 heavy chain humanized anti-FOLH1 (1-451) [VH anti-FOLH1 (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (92.9%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113)) (1-124)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (125-222), hinge 1-12 S10>P (232) (223-234), CH2 F1.3>A (238), L1.2>A (239) (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (125-451)], (138-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* anti-FOLH1 (1'-214') [V-KAPPA anti-FOLH1 (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (100%) - IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];

gamma4 heavy chain chimeric anti-CD3E (1"-452") [VH anti-CD3E Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (89.8%) - (IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%) A128>S (125)/*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (88.0%) - (IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (120), CDR-IMGT [8.10.16] (26-33.51-60.99-114)) (1"-125")-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (126"-223"), hinge 1-12 S10>P (233) (224"-235"), CH2 F1.3>A (239), L1.2>A (240) (236"-345"), CH3 F85.1>L (410) (346"-450"), CHS (451"-452")) (126"-452")], (139"-214")-disulfide with lambda2 light chain humanized anti-CD3E (1""-215"" [V-LAMBDA anti-CD3E (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (81.9%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (26-34.52-54.91-99)), (1""-109"" -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (110""-215""); dimer (230-231":233-234")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

voxalatamab

immunoglobuline G4-kappa/lambda2, anti-[*Homo sapiens* FOLH1 (folate hydrolase, antigène membranaire spécifique de la prostate, PSMA)] et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3e, CD3 epsilon)], anticorps monoclonal humanisé, chimérique et *Homo sapiens*, bispécifique;
chaîne lourde gamma4 humanisée anti-FOLH1 (1-451) [VH anti-FOLH1 (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (92.9%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113)) (1-124)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (125-222), charnière 1-12 S10>P (232) (223-234), CH2 F1.3>A (238), L1.2>A (239) (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (125-451)], (138-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* anti-FOLH1 (1'-214') [V-KAPPA anti-FOLH1 (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; chaîne lourde gamma4 chimérique anti-CD3E (1"-452") [VH anti-CD3E Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (89.8%) - (IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%) A128>S (125)/*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (88.0%) - (IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (120), CDR-IMGT [8.10.16] (26-33.51-60.99-114)) (1"-125")-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (126"-223"), charnière 1-12 S10>P (233) (224"-235"), CH2 F1.3>A (239), L1.2>A (240) (236"-345"), CH3 F85.1>L (410) (346"-450"), CHS (451"-452")) (126"-452")], (139"-214")-disulfure avec la chaîne légère lambda2 humanisée anti-CD3E (1'-215') [V-LAMBDA anti-CD3E (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (81.9%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (26-34.52-54.91-99)) (1""-109"" -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (110""-215""); dimère (230-231":233-234")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

voxalatamab

inmunoglobulina G4-kappa/lambda2, anti-[*Homo sapiens* FOLH1 (folato hidrolasa, antígeno membranario específico de la próstata, PSMA)] y anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3e, CD3 épsilon)], anticuerpo monoclonal humanizado, quimérico y *Homo sapiens*, biespecífico;
cadena pesada gamma4 humanizada anti-FOLH1 (1-451) [VH anti-FOLH1 (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (92.9%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113)) (1-124)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (125-222), bisagra 1-12 S10>P (232) (223-234), CH2

F1.3>A (238), L1.2>A (239) (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (125-451)], (138-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* anti-FOLH1 (1'-214') [V-KAPPA anti-FOLH1 (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'')]; cadena pesada gamma4 quimérica anti-CD3E (1"-452'') [VH anti-CD3E Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (89.8%) - (IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%) A128>S (125)/*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (88.0%) - (IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (120), CDR-IMGT [8.10.16] (26-33.51-60.99-114)) (1"-125'')]-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (126"-223''), bisagra 1-12 S10>P (233) (224"-235''), CH2 F1.3>A (239), L1.2>A (240) (236"-345''), CH3 F85.1>L (410) (346"-450''), CHS (451"-452'')) (126"-452'')], (139"-214'')-disulfuro con la cadena ligera lambda2 humanizada anti-CD3E (1'-215') [V-LAMBDA anti-CD3E (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (81.9%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (26-34.52-54.91-99)) (1'"-109'') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (110'"-215'')]; dímero (230-231'':233-234'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa *immunomodulador, antineoplásico*

2411871-58-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-FOLH1)

```
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFK SDAMHWVRQA PGKGLEWVSE 50
ISGSGGYTNY ADSVKGREFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARD 100
YDSSLVYGDY FDYWGQGTLLV TVSSASTKGF SVFPLAPCSR STSESTAALG 150
CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSL SSVTVPSSSL 200
GKTKYTCNV D HKPSNTKVDK RVESKYGPPC PPCAPEAAG GPSVFLFPPK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SQEDPEVQFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQF 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK GLPSSIEKTI SKAKGPREF 350
QVYTLPPSEQ EMTKNQVSLT CLVKGFPYSD IAVEWESNGQ PENNYKTTFP 400
VLDSGDSFFL YSRITVDKSR WQEGNVFSCS VMHEALHNNH TQKSLSLSLG 450
K 451
```

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-CD3E)

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMHWVRQA PGKGLEWVAR 50
IRSKYNNYAT YYAASVKGRF TISRDSKNS LYLQMNSLKT EDTAVYYCAR 100
HGNFGNSYVS WEAYWGQGTLLV TVSSASTKGF PSVFLAPCSR RSTSESTAAL 150
GCLVKDYFPE PVTVSWNSGA LTSVHTFPAV VLQSSGLYSL SSVTVPSSSS 200
LGTKTYTCNV DHKPSNTKVD KRVESKYGPP CPPCAPEAA GGPSVFLFPP 250
KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSQEDPEVQF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
FNSTYRVVSV LTVLHQDWLNG KEKYCKVSN KGLPSSIEKT ISKAKGPREF 350
PQVYTLPPSQ EMTKNQVSL TCLVKGFPYS DIAVEWESNG QPENNYKTTFP 400
FVLDSGDSFL LYSKLTVDKS RWQEGNVFSC SVMHEALHNN YTQKSLSLSL 450
GK 452
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-FOLH1)

```
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SYLAWYQQKP GQAPRLLIYD 50
ASNRAIGIPA RFSGSGSGTD FTLTISLEP EDFAVYYCQ RSNWPLTFQG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNEY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-CD3E)

```
QTVVTEPESL TVSPGGTVTL TCRSSTGAVT TSNYANWVQK KPGQAPRGLI 50
GGTNKRAPGT PARFSGSLLG GKAALTLGVS QPEDEAEYCY ALWYSNLWVF 100
GGGTKLTVLG QPKAAPSVTL FPPSSEELQA NKATLVCLIS DFYPGAVTVA 150
WKADSSPVKA GVETTTFSKQ SNNKYAASSY LSLTPEQWKS HRSYSCQVTH 200
EGSTVEKTVK PTECS 215
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 151-207 265-325 371-429
22"-98" 152"-208" 266"-326" 372"-430"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
22'"-90'" 137'"-196'"

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 138-214" 139"-214"

Inter-H-H (h 8, h 11) 230-231" 233-234"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 301, 302"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

vusolimogenum oderparepvecum #

vusolimogene oderparepvec

recombinant oncolytic herpes simplex virus 1 (HSV1) based on strain RH018A, with ICP47 (US12) and ICP34.5 (RL1) genes deleted, expressing the US11 gene under the control of the ICP47 promoter, and encoding two copies of an expression cassette inserted in opposite orientation at the ICP34.5 gene deletion sites, comprising codon-optimized human granulocyte-macrophage colony-stimulating factor (hGM-CSF) and a fusogenic codon-optimized gibbon ape leukemia virus (GALV) glycoprotein lacking the R peptide (GALV-R). The hGM-CSF gene is under the control of a cytomegalovirus immediate-early (CMV IE) promoter/bovine growth hormone (BGH) polyadenylation sequence and the truncated GALV-R gene is under the control of a Rous sarcoma virus (RSV) promoter/simian virus 40 (SV40) polyadenylation sequence.

gene therapy (antineoplastic)

vusolimogène oderparepvec

virus de l'herpès simplex 1 (HSV1) oncolytique recombinant basé sur la souche RH018A, avec délétion des gènes ICP47 (US12) et ICP34.5 (RL1), exprimant le gène US11 sous le contrôle du promoteur ICP47, et codant deux copies d'une cassette d'expression insérée dans une orientation opposée aux sites de délétion du gène ICP34. 5, comprenant le facteur humain de stimulation des colonies de granulocytes-macrophages (hGM-CSF) aux codons optimisés et une glycoprotéine fusogène aux codons optimisés du virus de la leucémie de singe Gibbon (GALV) dépourvue du peptide R (GALV-R). Le gène hGM-CSF est sous le contrôle du promoteur précoce immédiat du cytomégalovirus (CMV IE)/séquence de polyadénylation de l'hormone de croissance bovine (BGH) et le gène tronqué GALV-R est sous le contrôle du promoteur du virus du sarcome de Rous (RSV)/séquence de polyadénylation du virus simien 40 (SV40).

thérapie génique (antinéoplasique)

vusolimogén oderparepvec

virus herpes simplex 1 (HSV1) recombinante, oncolítico, basado en la cepa RH018A, con los genes ICP47 (US12) e ICP34.5 (RL1) delecionados, que expresa el gen US11 bajo el control del promotor ICP47, y codifica para dos copias de un casete de expresión insertado en orientación opuesta en los sitios de deleción del gen ICP34.5, que contiene el factor estimulador de colonias de granulocitos-macrófagos humano (hGM-CSF) con codones optimizados y una glicoproteína fusogénica del virus de la leucemia de gibones (GALV) sin el péptido R (GALV-R) con codones optimizados. El gen hGM-CSF está bajo el control de un promotor inmediato-temprano del citomegalovirus (CMV IE)/secuencia de poliadenilación de la hormona de crecimiento bocina (BGH) y el gen truncado GALV-R está bajo el control de un promotor del virus del sarcoma de Rous (RSV)/secuencia de poliadenilación del virus simio 40 (SV40).

terapia génica (antineoplásico)

2305659-09-8

xeligekimabum #

xeligekimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukin 17A, IL-17A)], monoclonal antibody; gamma4 heavy chain (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.20] (26-33.51-58.97-116))] (1-127)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (128-225), hinge 1-12 S10>P (235) (226-237), CH2 (238-347), CH3 (348-452), CHS (453-454)) (128-454)], (141-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (89.1%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (233-233":236-236")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-S cell line, glycoform alfa
immunomodulator

xéligékímab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukine 17A, IL-17A)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma4 (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.20] (26-33.51-58.97-116))] (1-127)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (128-225), charnière 1-12 S10>P (235) (226-237), CH2 (238-347), CH3 (348-452), CHS (453-454)) (128-454)], (141-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (89.1%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (233-233":236-236")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa
immunomodulateur

xeligekimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukina 17A, IL-17A)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma4 (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.20] (26-33.51-58.97-116))] (1-127)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (128-225), bisagra 1-12 S10>P (235) (226-237), CH2 (238-347), CH3 (348-452), CHS (453-454)) (128-454)], (141-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (89.1%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (233-233":236-236")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-S, forma glicosilada alfa
immunomodulador

2382921-73-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGMSMS DYWMNWVRQA PGKGLEWVAA 50
INQDGDDEKYY VGSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRVED TAVVYCVRDY 100
YDLISDYIYH WYFIDLWGRG TLVTVSSAST KGPSVFPLAP CSRSTSESTA 150
ALGCLVKDYF PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVTPS 200
SSLGTTKTYTC NVDHKPSNTK VDKRVESKYG PPCPPCPAPE FLGGPSVFLF 250
PPKPKDITLMI SRTPEVTCVV VDVQSDEPVEV QFNWYVDGVE VHNAKTKPRE 300
EQFNSTYRVV SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV SNKGLPSSIE KTISKAGQP 350
REFQVYTLPP SQEEMTKNQV SLTCLVKGFEY PSDIAVEWES NGQPENNYKT 400
TPFVLDSGGS FFLYSRLTVD KSRWQEGNVF SCSVMHEALH NHYTQKLSL 450
SLGK 454

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQNVH NRLTWYQKP GKAPKLLIYG 50
ASNLESQVPS RFGSGSGSTD FTLTISSLQF EDFATYYCQQ YNGSPPTFGQ 100
GTRKVEIKRTV AAPSVFIIPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYERKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGECC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 154-210 268-328 374-432
22"-96" 154"-210" 268"-328" 374"-432"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 141-214' 141"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 233-233" 236-236"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2N84,4:304,304"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHSK2:454,454"

xeruborbactamum
xeruborbactam

(1*aR*,7*bS*)-5-fluoro-2-hydroxy-1,1*a*,2,7*b*-
tetrahydrocyclopropa[*c*][1,2]benzoxaborinine-4-
carboxylic acid
beta-lactamase inhibitor

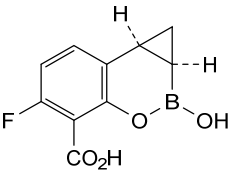
xéruborbactam

acide (1*aR*,7*bS*)-5-fluoro-2-hydroxy-1,1*a*,2,7*b*-
tétrahydrocyclopropa[*c*][1,2]benzoxaborinine-4-
carboxylique
inhibiteur de la bêta-lactamase

xeruborbactam

ácido (1*aR*,7*bS*)-5-fluoro-2-hidroxi-1,1*a*,2,7*b*-
tetrahidrociclopropa[*c*][1,2]benzoxaborinina-4-
carboxílico
inhibidor de la beta-lactamasa

C₁₀H₈BFO₄ 2170834-63-4



zalunfibanum
zalunfiban

2-amino-*N*-{5-[5-oxo-7-(piperazin-1-yl)-5*H*-
[1,3,4]thiadiazolo[3,2-*a*]pyrimidin-2-yl]pyridin-3-
yl}acetamide
integrin alpha-IIb/ beta-3 receptor antagonist

zalunfiban

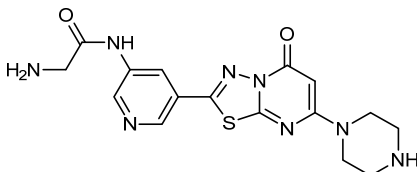
2-amino-*N*-{5-[5-oxo-7-(pipérazin-1-yl)-5*H*-
[1,3,4]thiadiazolo[3,2-*a*]pyrimidin-2-yl]pyridin-3-
yl}acétamide
antagoniste du récepteur de l'intégrine α -IIb/ β -3

zalunfiban

2-amino-*N*-{5-[5-oxo-7-(piperazin-1-il)-5*H*-
[1,3,4]thiadiazolo[3,2-*a*]pirimidin-2-il]piridin-3-il}acetamida
antagonista del receptor de la integrina α -IIb/ β -3

C₁₆H₁₈N₈O₂S

1448313-27-6



zamorovimabum #
zamorovimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[rabies lyssavirus
(rabies virus, RABV) spike glycoprotein G], humanized
monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain humanized (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01
(100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-
121) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1
K120 (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 (235-
344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-
451)) (122-451)], (224-214')-disulfide with kappa light
chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*
IGKV1-16*01 (86.3%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT
[6.3.9](27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens*
IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-
214')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced
in a Chinese hamster ovary (CHO)-DG44 cell line,
glycoform alfa
antiviral

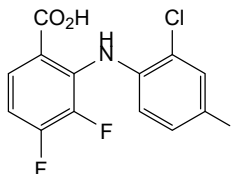
zamérovimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[glycoprotéine spike G
du lyssavirus de la rage (virus de la rage, RABV)],
anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma1 humanisée (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01
(100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-
121) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1
K120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2
(235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS
(450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfure avec la
chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA
(*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (86.3%) -IGKJ2*02
(100%), CDR-IMGT [6.3.9](27-32.50-52.89-97)) (1'-107')
-*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153),
V101 (191) (108'-214')]; dimère (230-230":233-233")-
bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de
hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-DG44,
glycoforme alfa
antiviral

zamerovimab	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[glicoproteína spike G del lyssavirus de la rabia (virus de la rabia, RABV)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 humanizada (1-451) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-3*01 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-16*01 (86.3%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [6.3.9](27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa <i>antiviral</i>
	2419087-87-7 Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SKKASGYSTF DYIMLWVRQA PGQRLEWIGD 50 IYPYYGSTSY NLKFKGKATL TVDTSASTAY MELSSLRSED TAVYYCARQG 100 GDGNYVLFEDY WGQGTTLVTVS SASTKGPSTF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150 KDYFPEPPTV SWNSGALTSG VHTFFAVLQS SGLYSLSVV TVPSSSLGTQ 200 TYICNVNHPK SNTKVDKQVE PKSCDKTHTC PPCPAPELLG GPSVFLFPPK 250 PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300 NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPKEKTI SKAKGQPREP 350 QYVTLPPSRD ELTKNQVSLT CLVKGFPYSD IAVEWESNGQ PENNYKTPPP 400 VLDSDGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450 K 451 Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera DIQMTQSPFS LSASVGDRTV ITCKASQNVG TTAVYQQQPK GKAPKALIYS 50 ASYRYSGVPS RFGSGSGTD FTLTISLQF EDFATYYCQQ YNSYPFTFGQ 100 GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSTLT LSKADYERKH VYACEVTHQG 200 LSSPVTKSFN RGEC 214 Post-translational modifications Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 265-325 371-429 22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429" Intra-L (C23-C104) 23-88 134"-194" 23"-88"" 134""-194"" Inter-H-L (h 5-CL 126) 224-214' 224"-214"" Inter-H-H (h 11, h14) 230-230" 233-233" N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal H VH Q1> pyroglutamyl (pE, S-oxoprolyl): 1, 1" N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación H CH2 N84.4:301, 301" Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados. C-terminal lysine clipping / Coupage de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal H CHSK2: 451, 451"
zapnometinibum	
zapnometinib	2-(2-chloro-4-iodoanilino)-3,4-difluorobenzoic acid <i>tyrosine kinase inhibitor</i>
zapnométinib	acide 2-(2-chloro-4-iodoanilino)-3,4-difluorobenzoïque <i>inhibiteur de la tyrosine kinase</i>
zapnometinib	ácido 2-(2-cloro-4-iodoanilino)-3,4-difluorobenzoico <i>inhibidor de la tirosina kinasa</i>



303175-44-2

**zastaprazanum**

zastaprazan

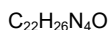
(azetidín-1-yl)(8-[[[(2,6-dimethylphenyl)méthyl]amino]-2,3-diméthylimidazo[1,2-a]pyridín-6-yl)méthanone
proton pump inhibitor

zastaprazan

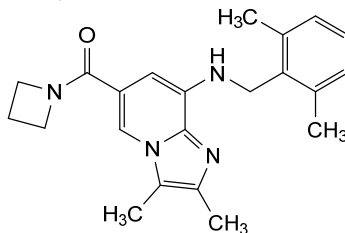
(azétidín-1-yl)(8-[[[(2,6-diméthylphényl)méthyl]amino]-2,3-diméthylimidazo[1,2-a]pyridín-6-yl)méthanone
inhibiteur de la pompe à protons

zastaprazán

(azetidín-1-il)(8-[[[(2,6-dimetilfenil)metil]amino]-2,3-dimetilimidazo[1,2-a]piridín-6-il)metanona
inhibidor de la bomba de protones



2133852-18-1

**zavacoricilantum**

zavacoricilant

{{(4aR,8aS)-1-(4-fluorophényl)-6-[2-(propan-2-yl)-2H-1,2,3-triazole-4-sulfonyl]-1,4,5,6,7,8,8a,9-octahydro-4aH-pyrazolo[3,4-g]isoquinolín-4a-yl}}(1,3-thiazol-4-yl)méthanone
glucocorticoid receptor antagonist

zavacoricilant

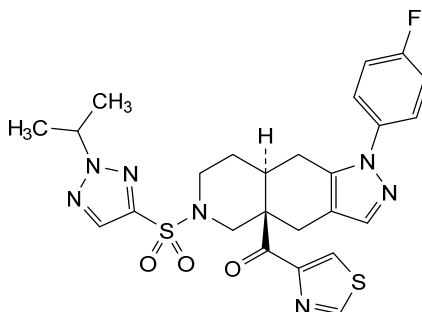
{{(4aR,8aS)-1-(4-fluorophényl)-6-[2-(propan-2-yl)-2H-1,2,3-triazole-4-sulfonyl]-1,4,5,6,7,8,8a,9-octahydro-4aH-pyrazolo[3,4-g]isoquinoléin-4a-yl}}(1,3-thiazol-4-yl)méthanone
antagoniste des récepteurs glucocorticoïdes

zavacoricilant

{{(4aR,8aS)-1-(4-fluorofenil)-6-[2-(propan-2-il)-2H-1,2,3-triazol-4-sulfonyl]-1,4,5,6,7,8,8a,9-octahidro-4aH-pirazolo[3,4-g]isoquinolein-4a-il}}(1,3-tiazol-4-il)metanona
antagonista de los receptores glucocorticoides

$C_{25}H_{26}FN_7O_3S_2$

1781245-13-3

**zectivimodum**

zectivimod

1-[(1-chloro-6-[[3-chloro-1-(propan-2-yl)-1H-indazol-5-yl]methoxy]-3,4-dihydronaphthalen-2-yl)methyl]piperidine-4-carboxylic acid
immunomodulator

zectivimod

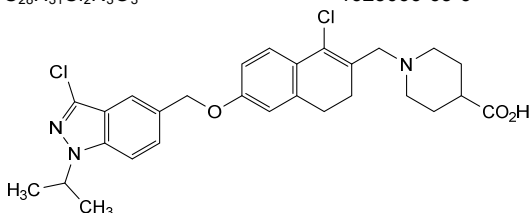
acide 1-[(1-chloro-6-[[3-chloro-1-(propan-2-yl)-1H-indazol-5-yl]méthoxy]-3,4-dihydronaphtalén-2-yl)méthyl]pipéridine-4-carboxylique
immunomodulateur

zectivimod

ácido 1-[(1-cloro-6-[[3-cloro-1-(propan-2-il)-1H-indazol-5-il]metoxi]-3,4-dihidronaftalen-2-il)metil]piperidina-4-carboxílico
immunomodulador

 $C_{28}H_{31}Cl_2N_3O_3$

1623066-63-6

**zedenoleucelum**

zedenoleucel

allogeneic multi-tumour associated antigen specific T lymphocytes prepared from peripheral blood mononuclear cells (PBMCs), collected by apheresis from human leukocyte antigen (HLA)-matched donors. The donor T cells are purified by depleting CD14+ and CD56+ cells, then co-cultured *ex vivo* with antigen presenting dendritic cells, derived from the same donor that have been exposed to a peptide mixture of four tumour associated antigens: preferentially expressed antigen in melanoma (PRAME), cancer/testis antigen 1 (LAGE2, NY-ESO-1), survivin (BIRC5) and Wilm's tumor protein (WT1). The cells are expanded in medium containing recombinant cytokines interleukin 6 (IL-6), 7 (IL-7), 12 (IL-12), and 15 (IL-15). Cells consist of a mixture of CD4+ and CD8+ T cells, that include effector memory (CD45RA-CD197-; on average 30%),

central memory (CD45RA-CD197+; on average 43%), naïve (CD45RA+CD197+; on average 22%) and terminally-differentiated effector memory (CD45RA+CD197-; on average 5%) T cells.
cell therapy (immunomodulator, antineoplastic)

zédénoleucel

lymphocytes T allogéniques spécifiques d'antigènes associés à des tumeurs multiples, préparés à partir de cellules mononucléaires du sang périphérique (PBMC), recueillies par aphérèse auprès de donneurs dont l'antigène leucocytaire humain (HLA) est identique. Les lymphocytes T des donneurs sont purifiés en éliminant les cellules CD14+ et CD56+, puis mis en co-culture *ex vivo* avec des cellules dendritiques présentatrices d'antigène, provenant du même donneur, qui ont été exposées à un mélange peptidique de quatre antigènes associés à des tumeurs: l'antigène exprimé préférentiellement dans le mélanome (PRAME), l'antigène 1 cancer/testicules (LAGE2, NY-ESO-1), la survivine (BIRC5) et la protéine de la tumeur de Wilm (WT1). Les cellules sont amplifiées dans un milieu contenant des cytokines recombinantes interleukine 6 (IL-6), 7 (IL-7), 12 (IL-12) et 15 (IL-15). Les cellules sont constituées d'un mélange de cellules T CD4+ et CD8+, qui comprennent des cellules T de la mémoire effectrice (CD45RA-CD197-; en moyenne 30%), de la mémoire centrale (CD45RA-CD197+; en moyenne 43%), naïves (CD45RA+CD197+; en moyenne 22%) et de la mémoire effectrice à différenciation terminale (CD45RA+CD197-; en moyenne 5%).
thérapie cellulaire (immunomodulateur, antinéoplasique)

zedenoleucel

linfocitos T alogénicos específicos de antígenos asociados a multi tumores, preparados a partir de células monucleares de sangre periférica, recogidos por aféresis de donantes con antígeno común leucocitario (HLA) compatible. Los linfocitos T de donantes se purifican mediante la depleción de células CD14+ y CD56+, después se co-cultivan *ex vivo* con células dendríticas presentadoras de antígeno, derivadas del mismo donante y que han sido expuestas a una mezcla de cuatro antígenos asociados a tumor: antígeno preferentemente expresado en melanoma (PRAME), antígeno 1 de cáncer/testículos (LAGE2, NY-ESO-1), survivina (BIRC5) y proteína del tumor de Wilm (WT1). Las células se expanden en medio que contiene las citoquinas recombinantes interleukina 6 (IL-6), 7 (IL-7), 12 (IL-12) y 15 (IL-15). Las células consisten en una mezcla de linfocitos T CD4+ y CD8+, que incluyen linfocitos T de memoria efectora (CD45RA-CD197-; 30% de media), de memoria central (CD45RA-CD197+; 43% de media), naif (CD45RA+CD197+; 22% de media) y de memoria efectora completamente diferenciados (CD45RA+CD197-; 5% de media).
terapia celular (immunomodulador, antineoplásico)

zegocractinum

zegocractin

N-[5-(6-chloro-2,2-difluoro-2*H*-1,3-benzodioxol-5-yl)pyrazin-2-yl]-2-fluoro-6-methylbenzamide
immunomodulator

zégocractine

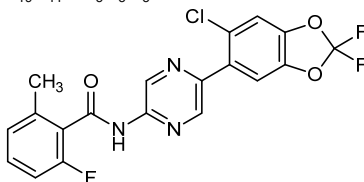
N-[5-(6-chloro-2,2-difluoro-2*H*-1,3-benzodioxol-5-yl)pyrazin-2-yl]-2-fluoro-6-méthylbenzamide
immunomodulateur

zegocractina

N-[5-(6-cloro-2,2-difluoro-2*H*-1,3-benzodioxol-5-il)pirazin-2-il]-2-fluoro-6-metilbenzamida
immunomodulador

C₁₉H₁₁ClF₃N₃O₃

1713240-67-5

**zenuzolacum**

zenuzolac

rac-[(5*R*)-3-phenyl-4,5-dihydro-1,2-oxazol-5-yl]acetic acid
anti-inflammatory

zénuzolac

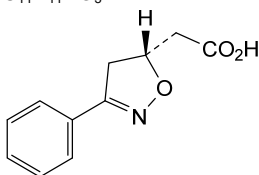
acide *rac*-[(5*R*)-3-phényl-4,5-dihydro-1,2-oxazol-5-yl]acétique
anti-inflammatoire

zenuzolac

ácido *rac*-[(5*R*)-3-fenil-4,5-dihidro-1,2-oxazol-5-il]acético
antiinflamatorio

C₁₁H₁₁NO₃

6501-72-0



and enantiomer
et énantiomère
y enantiómero

zetomipzomibum

zetomipzomib

N-[(morpholin-4-yl)acetyl]-L-alanyl-(β*R*)-*N*¹-[(2*S*)-3-(cyclopent-1-en-1-yl)-1-[(2*R*)-2-methyloxiran-2-yl]-1-oxopropan-2-yl]-β-hydroxy-O-methyl-L-tyrosinamide
proteasome inhibitor, immunomodulator

zétomipzomib

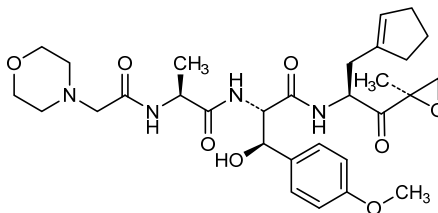
N-[(morpholin-4-yl)acétyle]-L-alanyl-(β*R*)-*N*¹-[(2*S*)-3-(cyclopent-1-én-1-yl)-1-[(2*R*)-2-méthyloxiran-2-yl]-1-oxopropan-2-yl]-β-hydroxy-O-méthyl-L-tyrosinamide
inhibiteur du protéasome, immunomodulateur

zetomipzomib

N-[(morfolin-4-il)acetil]-L-alanil-(β*R*)-*N*'-{(2*S*)-3-(ciclopent-1-en-1-il)-1-[(2*R*)-2-metiloxiran-2-il]-1-oxopropan-2-il}-β-hidroxi-*O*-metil-L-tirosinamida
inhibidor del proteasoma, inmunomodulador

C₃₀H₄₂N₄O₈

1629677-75-3



zevorcabtagenum autoleucelum #
zevorcabtagene autoleucel

autologous T cells obtained from peripheral blood mononuclear cells by leukapheresis, transduced with a self-inactivating, non-replicating lentiviral vector, encoding a chimeric antigen receptor (CAR) targeting B-cell maturation antigen (BCMA, TNFRSF17, CD269). The expressed transgene comprises the anti-BCMA single-chain variable fragment (scFv), a CD8α hinge and transmembrane (TM) domain, a 4-1BB costimulatory domain, a CD3ζ domain and is under control of the elongation factor 1 alpha (EF1α) promoter. The construct is flanked by 5' and 3' long terminal repeats (LTRs) and also contains a ψ packaging signal, a Rev response element (RRE), a central polypurine tract (cPPT) sequence and the Woodchuck hepatitis virus post-transcriptional regulatory element (WPRE). The T cells are cultured in the presence of growth medium containing IL-2 and activated using anti-CD3 and anti-CD28 antibodies. The cell suspension consists of T cells (>70%), natural killer (NK) cells and low numbers of non-T cells. Greater than 10% of the T cells express the CAR-BCMA transgene. The T cells secrete interferon gamma (IFN-γ) following co-culture with BCMA-expressing cells.

cell-based gene therapy (antineoplastic)

zévorcabtagène autoleucel

lymphocytes T autologues obtenus à partir de cellules mononucléaires de sang périphérique par leucaphérèse, transduits avec un vecteur lentiviral auto-inactivant et non répliquant, codant un récepteur antigénique chimérique (CAR) ciblant l'antigène de maturation des cellules B (BCMA, TNFRSF17, CD269). Le transgène exprimé comprend le fragment variable à chaîne unique (scFv) anti-BCMA, un domaine transmembranaire (TM) et charnière CD8α, un domaine costimulateur 4-1BB, un domaine CD3ζ et est sous le contrôle du promoteur du facteur d'élongation 1 alpha (EF1α). La construction est

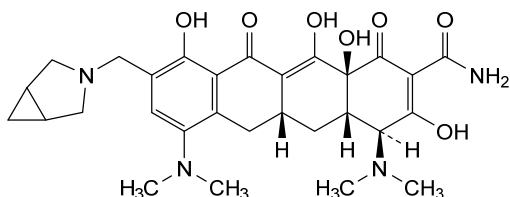
	flanquée de répétitions terminales longues (LTRs) en 5' et 3' et contient également un signal d'encapsidation ψ, un élément de réponse Rev (RRE), une séquence du tractus de polypurine central (cPPT) et l'élément régulateur post-transcriptionnel du virus de l'hépatite de Woodchuck (WPRE). Les lymphocytes T sont cultivés en présence de milieu de croissance contenant de l'IL-2 et activés à l'aide d'anticorps anti-CD3 et anti-CD28. La suspension cellulaire se compose de lymphocytes T (>70%), de cellules tueuses naturelles (NK) et d'un faible nombre de cellules non T. Plus de 10% des lymphocytes T expriment le transgène CAR-BCMA. Les lymphocytes T sécrètent de l'interféron gamma (IFN-γ) après co-culture avec des cellules exprimant le BCMA. <i>thérapie génique à base de cellules (antineoplasique)</i>
zevorcabtagén autoleucel	linfocitos T autólogos obtenidos a partir de células mononucleares de sangre periférica mediante leucaféresis, transducidos con un vector lentiviral auto inactivante, no replicativo, que codifica para un receptor de antígenos quimérico (CAR) dirigido al antígeno de maduración de linfocitos B (BCMA, TNFRSF17, CD269). El transgen expresado contiene el fragmento de cadena variable sencilla (scFV) anti-BCMA, un dominio bisagra y transmembrana de CD8α, un dominio coestimulador de 4-1BB, un dominio de CD3ζ y está bajo el control del promotor del factor de elongación 1 alfa (EF1α). El constructo está flanqueado por repeticiones terminales largas (LTRs) en 5' y 3' y también contiene una señal de empaquetamiento ψ, un elemento de respuesta Rev (RRE), un tracto de poli-purina central (cPPT) y un elemento regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE). Los linfocitos T se cultivan en presencia de medio de crecimiento que contiene IL-2 y se activan usando anticuerpos anti-CD3 y anti-CD28. La suspensión celular consiste en linfocitos T (>70%), células natural killer (NK) y bajas cantidades de células no-T. Más del 10% de los linfocitos T expresan el transgen CAR-BCMA. Los linfocitos T secretan interferón gamma (IFN-γ) tras co-cultivo con células que expresan BCMA. <i>terapia génica basada en células (antineoplásico)</i>
zifanocyclinum	
zifanocycline	(4S,4aS,5aR,12aS)-9-[(3-azabicyclo[3.1.0]hexan-3-yl)methyl]-4,7-bis(dimethylamino)-3,10,12,12a-tetrahydroxy-1,11-dioxo-1,4,4a,5,5a,6,11,12a-octahydrotetracene-2-carboxamide <i>tetracycline antibiotic</i>
zifanocycline	(4S,4aS,5aR,12aS)-9-[(3-azabicyclo[3.1.0]hexan-3-yl)méthyl]-4,7-bis(diméthylamino)-3,10,12,12a-tétrahydroxy-1,11-dioxo-1,4,4a,5,5a,6,11,12a-octahydrotétracène-2-carboxamide <i>antibiotique de la famille des tétracyclines</i>

zifanociclina

(4*S*,4*aS*,5*aR*,12*aS*)-9-[(3-azabicyclo[3.1.0]hexan-3-il)metil]-4,7-bis(dimetilamino)-3,10,12,12*a*-tetrahidroxi-1,11-dioxo-1,4,4*a*,5,5*a*,6,11,12*a*-octahidrotetraceno-2-carboxamida
antibiótico del grupo de las tetraciclinas

C₂₉H₃₆N₄O₇

1420294-56-9



ziftomenibum
 ziftomenib

(7*S*)-8⁴-(methanesulfonyl)-5⁴,7-dimethyl-1²-(methylamino)-1⁶-(2,2,2-trifluoroethyl)-2-aza-1(4)-thieno[2,3-*d*]pyrimidina-5(5,1)-indola-8(1)-piperazina-3(4,1)-piperidinaoctaphane-5²-carbonitrile
antineoplastic

ziftoménib

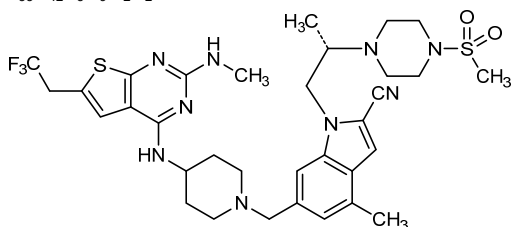
(7*S*)-8⁴-(méthanesulfonyl)-5⁴,7-diméthyl-1²-(méthylamino)-1⁶-(2,2,2-trifluoroéthyl)-2-aza-1(4)-thiéno[2,3-*d*]pyrimidina-5(5,1)-indola-8(1)-pipérazina-3(4,1)-pipéridinaoctaphane-5²-carbonitrile
antineoplasique

ziftomenib

(7*S*)-8⁴-(metanosulfonyl)-5⁴,7-dimetil-1²-(metilamino)-1⁶-(2,2,2-trifluoroetil)-2-aza-1(4)-tieno[2,3-*d*]pirimidina-5(5,1)-indola-8(1)-piperazina-3(4,1)-piperidinaoctafano-5²-carbonitrilo
antineoplásico

C₃₃H₄₂F₃N₉O₂S₂

2134675-36-6



zimlovisertibum
 zimlovisertib

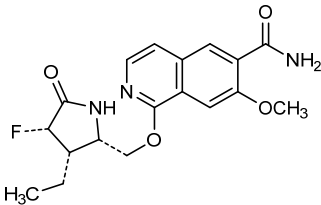
1-[[[(2*S*,3*S*,4*S*)-3-ethyl-4-fluoro-5-oxopyrrolidin-2-yl]methoxy]-7-methoxyisoquinoline-6-carboxamide
serine/ threonine kinase inhibitor

zimlovisertib

1-[[[(2*S*,3*S*,4*S*)-3-éthyl-4-fluoro-5-oxopyrrolidin-2-yl]méthoxy]-7-méthoxyisoquinoléine-6-carboxamide
inhibiteur de sérine/ thréonine kinase

zimloviseritib
1-[[[(2S,3S,4S)-3-etil-4-fluoro-5-oxopirrolidin-2-il]metoxi]-
7-metoxiisooquinoleína-6-carboxamida
inhibidor de serina/ treonina kinasa

C₁₈H₂₀FN₃O₄ 1817626-54-2



zinpentraxinum alfa #
zinpentraxin alfa

human serum amyloid P component (SAP, pentraxin-2),
non-covalent cyclic homopentamer, produced in Chinese
hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa;
serum amyloid P component (APCS, SAP, pentraxin 2,
pentraxin 2, PTX2, 9.5S α -1 glycoprotein), non-covalent
cyclic homopentamer, human, produced in Chinese
hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
serum amyloid P-component (SAP), antifibrotic

zinpentraxine alfa

composant P de l'amyloïde sérique humaine (SAP,
pentraxine-2), homopentamère cyclique non covalent,
produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois
(CHO), glycoforme alfa;
composant P de l'amyloïde sérique (APCS, SAP,
pentraxine 2, pentaxine 2, PTX2, glycoprotéine 9.5S α -1),
homopentamère cyclique non covalent, humain, produit
dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO),
glycoforme alfa
composant amyloïde P sérique (SAP), antifibrotique

zinpentraxina alfa

componente amiloide sérico P (SAP, pentraxina 2)
homopentámero cíclico no covalente, producido en
células ováricas de hámster chino (CHO), glicoforma alfa;
componente amiloide sérico P (APCS, SAP, pentraxina
2, pentaxina 2, PTX2, glicoproteína 9.5S α -1),
homopentámero cíclico no covalente, humano, producido
en células ováricas de hámster chino (CHO), glicoforma
alfa
componente P amiloide sérico (SAP), antifibrótico

1387453-03-3

Sequence / Séquence / Secuencia
HTDLSGKVEV FPRESVTDHV NLITPLEKPL QNFTLCFRAY SDSLRAYSLF 50
SYNTQGRDNE LLVYKERVGE YSLYIGRHKV TSKVIEKFPA PVHICVSWES 100
SSGIAEFWIN GTPLVKKGLR QGYFVEAQP KIVLGQEODSY GGFDRSQSF 150
VGEIGDLYMW DSVLPENIL SAYQGTPLPA NILDQALNY EIRGYVIKPK 200
LVVV 204

Supramolecular structure / Structure supramoléculaire / Estructura supramolecular
non-covalent cyclic pentamer / pentamère cyclique non covalent / pentámero cíclico no covalente

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
36-95, 36'-95', 36"-95", 36""-95""

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación
N32, N32', N32", N32""

zorevunersenum

zorevunersen

all-P-ambo-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidine
sodium channel protein type 1 subunit alpha (SCN1A) synthesis reducer

zorévunersen

tout-P-ambo-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidine
réducteur de la synthèse de la sous-unité alpha du canal sodique de type 1 (SCN1A)

zorevunersén

todo-P-ambo-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioguanilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-P-tiouridilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioguanilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioadenilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-P-tiouridilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioadenilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-P-tiouridilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)itidina
reductor de la síntesis de la subunidad alfa de la proteína del canale de sodio tipo 1 (SCN1A)

C₂₃₄H₃₃₄N₇₁O₁₂₄P₁₇S₁₇

2415330-04-8

5 10 15 18
 (3'→5') A=G=U=U=G=G=A=G=C=A=G=A=U=A=U=C

Legend:

A & G : 2'-O-(methoxyethyl)nucleotide

C & U : 2'-O-(methoxyethyl)-5-methylnucleotide



zunsemetinibum

zunsemetinib

(-)-(1*P*)-3-chloro-4-[(3,5-difluoropyridin-2-yl)methoxy]-2'-[2-(2-hydroxypropan-2-yl)pyrimidin-4-yl]-5',6-dimethyl-2*H*-[1,4'-bipyridin]-2-one
tyrosine kinase inhibitor

zunsémétinib

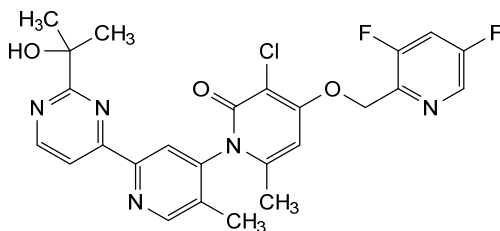
(-)-(1*P*)-3-chloro-4-[(3,5-difluoropyridin-2-yl)méthoxy]-2'-[2-(2-hydroxypropan-2-yl)pyrimidin-4-yl]-5',6-diméthyl-2*H*-[1,4'-bipyridin]-2-one
inhibiteur de tyrosine kinase

zunsemetinib

(-)-(1*P*)-3-cloro-4-[(3,5-difluoropiridin-2-il)metoxi]-2'-[2-(2-hidroxiopropan-2-il)pirimidin-4-il]-5',6-dimetil-2*H*-[1,4'-bipiridin]-2-ona
inhibidor de tirosina kinasa

C₂₅H₂₂ClF₂N₅O₃

1640282-42-3



Proposed International Nonproprietary Names: List 125 – COVID-19 (special edition)

Comments on, or formal objections to, the proposed names may be forwarded by any person to the INN Programme of the World Health Organization within one month of the date of their publication on *WHO INN Programme website*, i.e., for **List 125 – COVID-19 (special edition) of Proposed INN not later than 9 July 2021**, exceptionally for this special edition. Publication date: **09/06/2021**

Dénominations communes internationales proposées: Liste 125 - COVID-19 (édition spéciale)

Des observations ou des objections formelles à l'égard des dénominations proposées peuvent être adressées par toute personne au Programme des Dénominations communes internationales de l'Organisation mondiale de la Santé dans un délai d'un mois à compter de la date de leur publication sur le *site Internet du Programme des DCI de l'OMS*, c'est à dire pour la **Liste 125 - COVID-19 (édition spéciale) de DCI Proposées le 9 juillet 2021 au plus tard**, exceptionnellement pour cette édition spéciale.

Date de publication : **09/06/2021**

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas: Lista 125 - COVID-19 (edición especial)

Cualquier persona puede dirigir observaciones u objeciones respecto de las denominaciones propuestas, al Programa de Comunes Internacionales de la Organización Mundial de la Salud, en un plazo de un mes, contados desde la fecha de su publicación en el *sitio web del Programa de las DCI de la OMS*, es decir, para la **Lista 125 - COVID-19 (edición especial) de DCI Propuestas el 9 de julio de 2021 a más tardar**, excepcionalmente para esta edición especial. Fecha de publicación: **09/06/2021**

<i>Proposed INN</i> (Latin, English, French, Spanish)	<i>Chemical name or description: Action and use: Molecular formula, Chemical Abstracts Service (CAS) registry number: Graphic formula</i>
<i>DCI Proposée</i>	<i>Nom chimique ou description: Propriétés et indications: Formule brute, Numéro dans le registre du CAS: Formule développée</i>
<i>DCI Propuesta</i>	<i>Nombre químico o descripción: Acción y uso: Fórmula molecular, Número de registro del CAS: Fórmula desarrollada</i>

elasomeranum #
elasomeran

messenger RNA (mRNA), 5'-capped, encoding a full-length, codon-optimised pre-fusion stabilised conformation variant (K986P and V987P) of the SARS-CoV-2 (severe acute respiratory syndrome coronavirus 2; GenBank ID MN908947.3) spike (S) glycoprotein, further optimized by two additional stop codons, flanked by an artificial 5' untranslated region (UTR) and a 3' UTR derived from the human alpha globin gene (HBA1) and terminated by a 3' poly(A) tail; contains N¹-methylpseudouridine instead of uridine (*all-U>m1Ψ*).
immunological agent for active immunization (anti-SARS-CoV-2)

élasoméran	ARN messenger (ARNm), protégé par une coiffe en 5', codant la séquence entière d'un variant de la glycoprotéine de la spicule (S) du SARS-CoV-2 (coronavirus 2 du syndrome respiratoire aigu sévère ; GenBank ID MN908947.3) à la conformation stabilisée par pré-fusion (K986P et V987P) et aux codons optimisés, optimisation renforcée par l'ajout de deux codons stop, flanqué de régions artificielles non traduites (UTR) en 5' et 3' dérivées du gène de l'alpha-globine humaine (HBA1) et terminé par une queue poly(A) en 3'; contient de la N ¹ -méthylpseudouridine au lieu de l'uridine (<i>tout-U>m¹ψ</i>). <i>agent immunologique pour immunisation active (anti-SARS-CoV-2)</i>
elasomerán	ARN mensajero (ARNm), protegido en 5', que codifica para una variante estabilizada en conformación pre-fusión (K986P and V987P) de la glicoproteína de la espícula (S) del SARS-Cov-2 (coronavirus 2 del síndrome respiratorio agudo severo; GenBank ID MN908947.3) completa, con codones optimizados, con dos codones de terminación adicionales, flanqueado por una región 5' no traducida (UTR) artificial y una UTR en 3' derivada del gen de la globina alfa humana (HBA1) y terminado por una cola poly(A) en 3'; contiene N ¹ -metilpseudouridina en lugar de uridina (<i>all-U>m¹ψ</i>). <i>agente inmunológico para inmunización activa (anti-SARS-CoV-2)</i>

2430046-03-8

Electronic structure available on Mednet INN services: <https://extranet.who.int/soinn>
 # Structure électronique disponible sur les services Mednet DCI: <https://extranet.who.int/soinn>
 # Estructura electrónica disponible en los servicios Mednet DCI : <https://extranet.who.int/soinn>

**AMENDMENTS TO PREVIOUS LISTS
MODIFICATIONS APPORTÉES AUX LISTES ANTÉRIEURES
MODIFICACIONES A LAS LISTAS ANTERIORES**

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 4
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 4
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 4
(Chronicle of the World Health organization, Vol. 10, No. 1, January 1956)

p.29 androstanolonum

androstanolone *replace the chemical name by the following one*
 androstanolone *remplacer le nom chimique par le suivant*
 androstanolona *sustitúyase el nombre químico por el siguiente*

17β-hydroxy-5α-androstan-3-one

17β-hydroxy-5α-androstan-3-one

17β-hidroxi-5α-androstan-3-ona

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 11
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 11
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 11
(WHO Chronicle, Vol. 15, No. 8, August 1961)

p.316 oxymetholonum

oxymetholone *replace the chemical name by the following one*
 oxymétholone *remplacer le nom chimique par le suivant*
 oximetolona *sustitúyase el nombre químico por el siguiente*

17β-hydroxy-2-(hydroxymethylene)-17α-methyl-5α-androstan-3-one

17β-hydroxy-2-(hydroxyméthylène)-17α-méthyl-5α-androstan-3-one

17β-hidroxi-2-(hidroximetileno)-17α-metil-5α-androstan-3-ona

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 119
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 119
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 119
(WHO Drug Information, Vol. 32, No. 2, 2018)

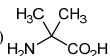
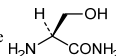
p.371 tirzepatidum

tirzepatide *replace the structure by the following one*
 tirzépatide *remplacer la structure par la suivante*
 tirzepatida *sustitúyase la estructura por la siguiente*

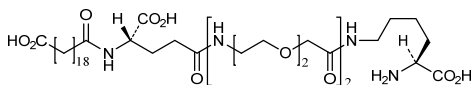
Sequence / Séquence / Secuencia

YXEGTFTSDY SI~~X~~LDKIAQ~~K~~ AFVQWLIAGG PSSGAPPPS S 39

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados

X (2, 13)  S (39) 
 2-methylalanine (Aib) L-serinamide

K (20): N⁶-{N-(hydrogen icosanedioyl)-
 γ-Glu-bis[iminobis(ethylenoxy)acetyl]}-Lysine



Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 121
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 121
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 121
(WHO Drug Information, Vol. 33, No. 2, 2019)

p.253 **betibeglogenum autotemcelum #**

betibeglogene autotemcel	<i>replace the description by the following one</i>
bétibéglogène autotemcel	<i>remplacer la description par la suivante</i>
betibeglogén autotemcel	<i>sustitúyase la descripción por la siguiente</i>

autologous CD34+ hematopoietic stem cells **obtained from mobilised peripheral blood of patients with beta-thalassemia**, transduced *ex vivo* with *betibeglogene darolentivec* (116)(78), a self-inactivating human immunodeficiency virus-1 (HIV-1)-derived lentiviral vector encoding a T87Q-mutated form of the human hemoglobin subunit beta (HBB, beta-globin) gene under the control of a human β -globin promoter and a 3' β -globin enhancer.

cellules souches hématopoïétiques CD34+ autologues **obtenues à partir de sang périphérique mobilisé de patients atteints de bêta-thalassémie**, transduites *ex vivo* avec le *bétibéglogène darolentivec* (116)(78), vecteur lentiviral auto-inactivant dérivé du virus de l'immunodéficience humaine-1 (HIV-1) codant pour une forme mutée (T87Q) du gène de la sous-unité bêta de l'hémoglobine humaine (HBB, bêta-globine) sous le contrôle d'un promoteur de la β -globine humaine et un activateur de la bêta-globine en position 3'.

células madre hematopoyéticas CD34+ autólogas **obtenidas a partir de sangre periférica mobilizada de pacientes con beta-talasemia**, transducidas *ex vivo* con *betibeglogén darolentivec* (116)(78), un vector lentiviral, auto-inactivante, derivado del virus de la inmunodeficiencia humana-1 (VIH-1) que codifica para una forma mutada T87Q del gen de la subunidad beta de la hemoglobina humana (HBB, beta-globina) bajo el control del promotor de la beta-globina humana y un potenciador de la beta-globina localizado en posición 3'.

p. 352 **veverimerum**

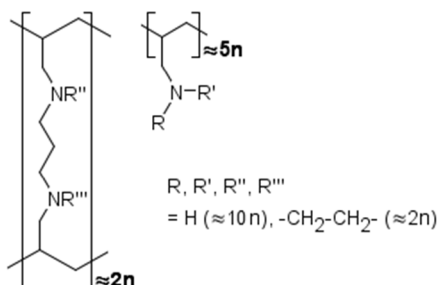
-353	veverimer	<i>replace the chemical name and the structure by the following ones</i>
	vévérimère	<i>remplacer le nom chimique et la structure par les suivants</i>
	veverímero	<i>sustitúyase el nombre químico y la estructura por los siguientes</i>

poly[N^1, N^3 -di(prop-2-en-1-yl)propane-1,3-diamine)-co-prop-2-en-1-amine], crosslinked with N, N' -ethane-1,2-diyl bridges (molar ratio $\approx 2:5:2$)

poly[N^1, N^3 -di(prop-2-én-1-yl)propane-1,3-diamine)-co-prop-2-én-1-amine], réticulé avec des ponts N, N' -éthane-1,2-diyle (rapport molaire $\approx 2:5:2$)

poli[N^1, N^3 -di(prop-2-en-1-il)propano-1,3-diamina)-co-prop-2-en-1-amina], reticulada con puentes N, N' -etano-1,2-diilo (cociente molar $\approx 2:5:2$)

$[(C_9H_{18}N_2) \approx_2 (C_3H_7N) \approx_5 (C_2H_2) \approx_2]_n$



p.371 **zagotenemabum #**
zagotenemab
zagoténemab
zagotenemab

replace the structure by the following one
remplacer la structure par la suivante
sustitúyase la estructura por la siguiente

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVDSGAE VKKPGESLKI SCKGSGVTFS NYWIEWVRQM PGKGLEMMGE 50
ILPGSDSIKY EKNFKGQVTI SADKSISTAY LQWSSLKASD TAMYCARRG 100
NYVDDWGQGT LVTVSSASTK GPSVFPLAPC SRSTSESTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVTVFPSS SLGKITYTCN 200
VDHKPSNTIKV DKRVESKYGP PCPPCPAPEA AGGPSVFLFP PKPKDTLMIS 250
RTPEVTCVVV DVSQEDPEVQ FNYWVGVEV HNAKTKPREE QPNSTYRVVS 300
VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKGLPSSIEK TISKAKGQPR EPQVYTLPPS 350
QREMTKNQVS LTCLVKGFYP SDIAEWESN GQPENNYKTT PPVLDSDGSF 400
FLYSRLTVDK SRWQEGNVFS CSVMEALHN HYTKSLSLG LG 442

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRSSQSLV HSNQNTYLHW YQKPGQAPR 50
LLIYKVDNRF SGIEDRFSGS GSGTDFTLTI SRLEPEDFAV YYCSQSTLVF 100
LTFGGGTKEV IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
VQWIKVDNALQ SGNQSQSVTE QDSKDSYSL STLTLLSKAD YEKHKVIACE 200
VTHQGLSSEFV TKSFNREGC 219

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22'-96' 143'-199' 257'-317' 363'-421'
22'-96' 143'-199' 257'-317' 363'-421'

Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'
23'-93' 139'-199'

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 130'-219' 130'-219'

Inter-H-H (h 8, h 11) 222'-222' 225'-225'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:
293, 293'

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de type CHO biantennaires complejos fucosilados

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 123

Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 123

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 123

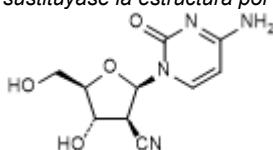
(WHO Drug Information, Vol. 34, No. 2, 2020)

p.368 **delete/supprimer/suprimase**
-369 **pavunalimabum #**
pavunalimab
pavunalimab
pavunalimab

insert/insérer/insertese
bavunalimabum #
bavunalimab
bavunalimab
bavunalimab

p.371 **radgocitabinum**
radgocitabine
radgocitabine
radgocitabina

replace the structure by the following one
remplacer la structure par la suivante
sustitúyase la estructura por la siguiente



p.416 **zanidatamabum zovodotinum #**-419 zanidatamab zovodotin *replace the description and the structure by the following ones*zanidatamab zovodotine *remplacer la description et la structure par les suivantes*
zanidatamab zovodotina *sustitúyase la descripción y la estructura por las siguientes*

immunoglobulin half-IG G1-kappa/scFv-h-CH2-CH3, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (epidermal growth factor receptor 2, receptor tyrosine protein kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], humanized monoclonal antibody, biparatopic (targeting two different non-overlapping epitopes on ERBB2, on extracellular domains 2 (ECD2) and 4 (ECD4) ~~respectively~~), conjugated to **a derivative of auristatin E**; gamma1 heavy chain, anti-ERBB2 extracellular domain 2 (ECD2), humanized (1-449) [VH humanized (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (78.8%) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT-[8.8.12] (27-34.52-59.98-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 T6>V (353), L7>Y (354), D12 (359), L14 (361), F85.1>A (408), Y86>V (410) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-215')-disulfide with kappa light chain, anti ERBB2 ECD2, humanized (1'-215') [V-KAPPA humanized (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (84.2%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (28-33.51-53.90-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; IG scFv-h-CH2-CH3 single chain, anti-ERBB2 extracellular domain 4 (ECD4), humanized (1"-481") [scFv V-kappa-VH anti-ERBB2 ECD4 (1'-248') [V-KAPPA humanized (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (28-33.51-53.90-98) (1'-108') -20-mer pentakis(diglycyl-seryl-glycyl) linker (109"-128") -VH humanized (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) -IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (154-161.179-186.225-237) (129"-248")]-dialanyl linker (249"-250") -*Homo sapiens* IGHG1*01 h-CH2-CH3, G1m1 (251"-481") [hinge 1-15, C5>S (255) (251-265), CH2 (266-375), CH3 T6>V (385), D12 (391), L14 (393), T22>L (401), K79>L (427), T81>W (429) (376-480), CHS K2>del (481)]]; dimer (229-261":232-264")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa, **conjugated, on an average of 2 to 3 cysteinyl, to an auristatin E derivative, via a cleavable 1-maleimido-3,6,9-trioxadodecan-12-oyl-valyl-citrullyl-p-aminobenzenesulfonyl linker**

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (récepteur 2 du facteur de croissance épidermique, récepteur tyrosine-protéine kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticorps monoclonal humanisé, biparatopique (ciblant deux épitopes différents non chevauchants sur ERBB2, ~~respectivement~~ sur les domaines extracellulaires 2 (ECD2) et 4 (ECD4)), conjugué à **un dérivé de l'auristatine E**; chaîne lourde gamma1 anti-ERBB2 domaine extracellulaire 2 (ECD2), humanisée (1-449) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (78.8%) -IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.12] (27-34.52-59.98-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234- 343), CH3 T6>V (353), L7>Y (354), D12 (359), L14 (361), F85.1>A (408), Y86>V (410) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa, anti ERBB2 ECD2,

humanisée (1'-215') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (84.2%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (28-33.51-53.90-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')];
 IG scFv-h-CH2-CH3 chaîne unique, anti-ERBB2 domaine extracellulaire 4 (ECD4), humanisée (1"-481") [scFv V-kappa-VH anti-ERBB2 ECD4 (1'-248') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) - IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (28-33.51-53.90-98) (1'-108') -20-mer pentakis(diglycyl-seryl-glycyl) linker (109"- 128") -VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) - (IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (154-161.179-186.225-237) (129"-248")]] -dialanyl linker (249"-250") - *Homo sapiens* IGHG1*01 h-CH2-CH3, G1m1 (251"-481") [charnière 1-15 C5>S (255) (251- 265), CH2 (266-375), CH3 T6>V (385), D12 (391), L14 (393), T22>L (401), K79>L (427), T81>W (429) (376-480), CHS K2>del (481)]];
 dimère (229-261":232- 264")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa; conjugué, sur 2 à 3 cystéinyl en moyenne, à **un dérivé de l'auristatine E**, via un linker clivable **1-maléimido-3,6,9-trioxadodécane-12-oyl-valyl-citrullil-p-aminobenzènesulfonyle**.

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (receptor 2 del factor de crecimiento epidérmico, receptor tirosina-proteína kinasa erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticuerpo monoclonal humanizado, biparatópico (dirigiendo dos epítomos diferentes no superpuestos sobre ERBB2, ~~respectivamente~~ sobre los dominios extracelulares 2 (ECD2) y 4 (ECD4)), conjugado **con un derivado de auristatina E**; cadena pesada gamma1 anti-ERBB2 dominio extracelular 2 (ECD2), humanizada (1-449) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (78.8%) - (IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.12] (27-34.52-59.98-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17.1 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234- 343), CH3 T6>V (353), L7>Y (354), D12 (359), L14 (361), F85.1>A (408), Y86>V (410) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa, anti ERBB2 ECD2, humanizada (1'-215') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (84.2%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (28-33.51-53.90-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')];
 IG scFv-h-CH2-CH3 cadena única, anti-ERBB2 dominio extracelular 4 (ECD4), humanizada (1"-481") [scFv V-kappa-VH anti-ERBB2 ECD4 (1'-248') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) - IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (28-33.51-53.90-98) (1'-108') -20-mer pentakis(diglicil-seril-glicil) linker (109"- 128") -VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) - (IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (154-161.179-186.225-237) (129"-248")]] -dialanil linker (249"-250") - *Homo sapiens* IGHG1*01 h-CH2-CH3, G1m1 (251"-481") [bisagra 1-15 C5>S (255) (251- 265), CH2 (266-375), CH3 T6>V (385), D12 (391), L14 (393), T22>L (401), K79>L (427), T81>W (429) (376-480), CHS K2>del (481)]];
 dímero (229-261":232- 264")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa; conjugado, sobre 2 a 3 restos cisteinilo en término medio, con **un derivado de auristatina E**, mediante un conector escindible **1-maleimido-3,6,9-trioxadodecane-12-oil-valil-citrullil-p-aminobencenesulfonilo**.

1. Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-ERBB2 ECD2)

GEVQLVESGG GLVQPGGSLR LSCAASGFTF ADYTMQWVRQ APGKGLEWVG 50
 DVNPNSSGSI YNQRFKGRFT FSVDRSKNTL YLQMNSLRAE DTAVYYCARN 100
 LGPSFYFDYW GQGTILVTSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
 DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSVVT VPSSSLGTQT 200
 YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
 KDTLMISRTP EVTCVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
 STYRVVSVLT VLVHQLNLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
 VYVYPPSRDE LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
 LDSGSGFALV SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 449

2. Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-ERBB2 ECD2)

GDIQMTQSPS SLSASVGRDV TITCKASQDV SIGVAWYQQK PGKAPKLLIY 50
 SASRYRTGVP SRFSGSGSGT DFTLTISLQ PEDFATYYCQ QYYIYPATFG 100
 QGKTVEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNNF YPREAKVQWK 150
 VDNALQSGNS QESYTEQDSK DSTYSLSSLT TLSKADYEKH KVYACEVTHQ 200
 GLSSPVTKSF NRGEK 215

3. Chain / Chaîne / Cadena: IG scFv-h-CH2-CH3 (anti-ERBB2 ECD4)

GDIQMTQSPS SLSASVGRDV TITCRASQDV NTAVAWYQQK PGKAPKLLIY 50
 SASFLYSGVP SRFSGSRSGT DFTLTISLQ PEDFATYYCQ QHYTTPPTFG 100
 QGKTVEIKGG SGGGSGGGSG GSGGGSGGEV QLVESGGGLV QPGGSLRLSC 150
 AASGFNIKDT YIHVVRQAPG KGLEWVARIY PTNGYTRYAD SVKGRFTISA 200
 DTSKNTAYLQ MNSLRAEDTA VYYCSRWGGD GFYAMDYWGQ GTLVTVSSAA 250
 EPKSSDKTHT CPPCPAPELL GGPSVFLFPP KPKDTLMISR TPEVTCVVVD 300
 VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ YNSTYRVVSV LTVLHQDWLN 350
 GKEYKCKVSN KALPAPIEKT ISKAKGQPRE PQVYVLPFSR DELTKNQVSL 400
 LCLVKGFPYS DIAVEWESNG QPENNYLTWP PVLDSGGSFF LYSKLTVDKS 450
 RWQQGNVFSC SVMHEALHNH YTQKSLSLSP G 481

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 23-97 147-203 264-324 370-428

Intra-L (C23-C104) 24'-89' 135'-195'

Intra-chain 3 24"-89" 150"-224" 296"-356" 402"-460"

Inter-H-L (h 5-CL 126)* 223-215'

Inter-H-chain 3 (h 11, h 14)* 229-261" 232-264"

*The inter-chain disulfide bridges are partially reduced, an average of 2 to 3 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker. * Les ponts disulfure inter-chaînes sont partiellement réduits, une moyenne de 2 à 3 cystéinyl étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

* Los puentes disulfuro inter-catenarios están parcialmente reducidos, una media de 2 a 3 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo a través de un enlace tioéter.

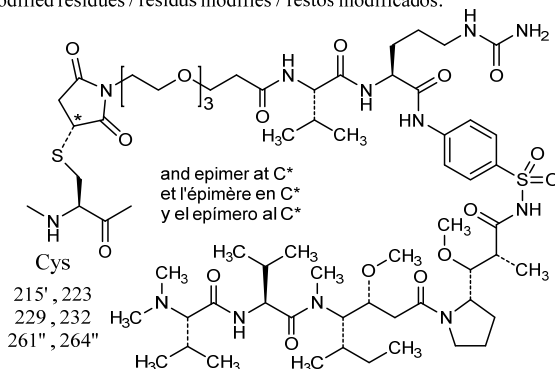
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 332"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados.

Modified residues / résidus modifiés / restos modificados:



Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 124

Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 124

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 124

(WHO Drug Information, Vol. 34, No. 4, 2020)

p.253 **sirelretigenum suboparvovecum #**

sirelretigene suboparvovec

replace the description by the following one

sirelrétigène suboparvovec

remplacer la description par la suivante

sirelretigén suboparvovec

sustitúyase la descripción por la siguiente

A non-replicating self-complementary adeno-associated virus serotype 8 (scAAV8) vector, encoding human cellular retinaldehyde-binding protein 4 (**CRALBP** ~~RLBP1~~).

A recombinant non-replicating self-complementary adeno-associated virus serotype 8 (scAAV8) vector, encoding human cellular retinaldehyde-binding protein 4 (**CRALBP** ~~RLBP1~~) under the control of the retinaldehyde-binding protein 1 promoter (pRLBP1) and **terminated with** SV40 poly adenylation (polyA) sequence. The vector genome is a head-to-head, self-complementary dimer, with the vector genome cassette located 5' of the mutated internal inverted terminal repeat (Δ -ITR) in a reverse complementary orientation and 3' of the Δ -ITR in a forward orientation.

Un vecteur du virus adéno-associé de sérotype 8 auto-complémentaire (scAAV8), non-répliquant, codant la protéine 4 cellulaire humaine liée au rétinaldéhyde (**CRALBP** ~~RLBP1~~).

Un vecteur du virus adéno-associé de sérotype 8 auto-complémentaire (scAAV8) recombinant, non-répliquant codant la protéine 4 cellulaire humaine liée au rétinaldéhyde (**CRALBP** ~~RLBP1~~) sous le contrôle du promoteur de la protéine 1 liée au rétinaldéhyde (pRLBP1) et **terminé par** ~~de~~ la séquence polyadénylée (polyA) SV40. Le génome du vecteur est un dimère en tête à tête, auto-complémentaire, avec la cassette génomique du vecteur localisée en 5' des répétitions terminales internes inversées mutées (Δ -ITR) en une orientation complémentaire inverse et en 3' de la Δ -ITR en une orientation en avant.

Un vector de virus adeno-asociado serotipo 8 auto complementario (scAAV8), no replicativo, que codifica para la proteína 4 de unión a retinaldehído celular (**CRALBP** ~~RLBP1~~) humana.

Un vector de virus adeno-asociado serotipo 8 auto complementario (scAAV8) recombinante, no replicativo, que codifica para la proteína de unión a retinaldehído celular 4 (**CRALBP** ~~RLBP1~~) humana bajo el control del promotor de la proteína de unión a retinaldehído 1 (pRLBP1) y **terminado por** la secuencia de poliadenilación (polyA) de SV40. El genoma del vector es un dímero cabeza con cabeza auto complementario, con el casete del genoma del vector localizado 5' de la repetición terminal invertida mutada (Δ -ITR) en una orientación complementaria reversa y 3' de (Δ -ITR) en orientación hacia delante.

Names for chemical modifications of INN (substituent groups, counterions, adduct partners, etc.):

Many pharmaceutical substances for which an International Nonproprietary Name (INN) has been established are used as modified derivatives (salts, esters, protein-drug conjugates, solvates, etc.). The chemical modification (including counterions) involved may be of complex nature and it is then inconvenient to use its systematic chemical name. Consequently, shorter nonproprietary names for such modifications have been devised, and these are recommended for creating modified International Nonproprietary Names (INNM).

Dénominations applicables aux modifications chimiques des DCI (groupes substituants, contre-ions, adduits, etc.) :

Certaines substances pour lesquelles une dénomination commune internationale proposée a été établie sont parfois utilisées comme dérivés modifiés (sels, esters, médicaments conjugués à des protéines, produits de solvation, etc.). Les modifications chimiques (incluant les contre-ions) sont alors quelques fois si complexes qu'il est malcommode de les désigner conformément à la nomenclature chimique systématique. Des dénominations communes abrégées ont donc été formées ou choisies pour certaines d'entre elles et il est suggéré de les employer pour créer les dénominations communes internationales modifiées (DCIM).

Denominaciones aplicables a modificaciones químicas de las DCI (grupos sustituyentes, contraiones, aductos, etc.):

Muchas sustancias farmacéuticas para las cuales hay establecidas una denominación común internacional (DCI) pueden usarse como derivados modificados (sales, ésteres, medicamentos conjugados con proteínas, solvatos, etc.). Las modificaciones químicas (incluidos los contraiones) implicadas pueden ser de naturaleza compleja y por tanto es inapropiado utilizar su nombre químico sistemático. Como consecuencia, se han diseñado denominaciones abreviadas para estas modificaciones y se recomiendan para la creación de Denominaciones Comunes Internacionales modificadas (DCIM).

bralpamidum

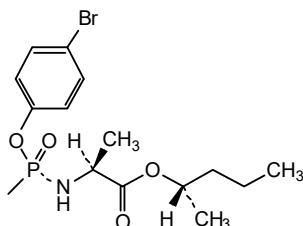
bralpamide

(S)-*P*-(4-bromophenyl) ester *P*-[(2*S*)-1-oxo-1-[(2*S*)-pentan-2-yl]oxy]propan-2-yl]amide

bralpamide

(S)-ester *P*-(4-bromophénylique) et *P*-[(2*S*)-1-oxo-1-[(2*S*)-pentan-2-yl]oxy]propan-2-yl]amide (de)

bralpamida

(S)-éster *P*-(4-bromofenílico) y *P*-[(2*S*)-1-oxo-1-[(2*S*)-pentan-2-il]oxi]propan-2-il]amida (de)-C₁₄H₂₀BrNO₂**ecteribulinum**

ecteribulin

(3*R*)-1-[(6*S*,9*S*)-1-amino-6-[(4-[[[(2*S*)-2-hydroxy-3-[(1²*S*,1³*R*,1⁴*R*,1⁵*R*,3²*R*,-3⁴*R*,3⁶*S*,6²*S*,6⁵*S*,9²*S*,9^{3a}*R*,9^{4a}*R*,9⁵*S*,9^{5a}*S*,9⁷*R*,9^{9a}*S*,9^{10a}*R*,9^{10b}*S*)-1⁴-methoxy-3⁴-methyl-3³,6³-bis(methylidene)-11-oxo-9-decahydro-9³*H*-9(2,7)-(2,5-epoxyfuro[2',3':4,5]furo[3,2-*b*]pyrano[2,3-*e*]pyrana)-3(2,6)-oxana-

1(2,3),6(2,5)-bis(oxolana)cyclododecaphan-1⁵-yl]propyl}carbamoil}oxy)méthyl}phényl}carbamoil]-1,8,11-trioxo-9-(propan-2-yl)-14,17-dioxa-2,7,10-triazanonadécan-19-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl

ectéribuline

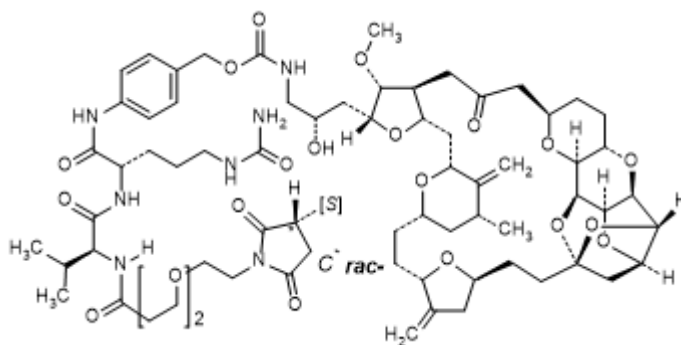
(3*RS*)-1-[(6*S*,9*S*)-1-amino-6-[(4-[[[(2*S*)-2-hydroxy-3-[(1²*S*,1³*S*,1⁴*R*,1⁵*R*,3²*R*,3⁴*R*,3⁶*S*,6²*S*,6⁵*S*,9²*S*,9^{3a}*R*,9^{4a}*R*,9⁵*S*,9^{5a}*S*,9⁷*R*,9^{9a}*S*,9^{10a}*R*,9^{10b}*S*)-1⁴-méthoxy-3⁴-méthyl-3³,6³-bis(méthylidène)-11-oxo-9-décahydro-9³*H*-9(2,7)-(2,5-époxyfuro[2',3':4,5]furo[3,2-*b*]pyrano[2,3-*e*]pyrana)-3(2,6)-oxana-1(2,3),6(2,5)-bis(oxolana)cyclododécaphan-1⁵-yl]propyl}carbamoil}oxy)méthyl}phényl}carbamoil]-1,8,11-trioxo-9-(propan-2-yl)-14,17-dioxa-2,7,10-triazanonadécan-19-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle

ecteribulina

(3*RS*)-1-[(6*S*,9*S*)-1-amino-6-[(4-[[[(2*S*)-2-hydroxy-3-[(1²*S*,1³*S*,1⁴*R*,1⁵*R*,3²*R*,3⁴*R*,3⁶*S*,6²*S*,6⁵*S*,9²*S*,9^{3a}*R*,9^{4a}*R*,9⁵*S*,9^{5a}*S*,9⁷*R*,9^{9a}*S*,9^{10a}*R*,9^{10b}*S*)-3⁴-méthyl-3³,6³-bis(méthylidène)-1⁴-méthoxy-11-oxo-9-décahydro-9³*H*-9(2,7)-(2,5-époxyfuro[2',3':4,5]furo[3,2-*b*]pyrano[2,3-*e*]pirana)-3(2,6)-oxana-1(2,3),6(2,5)-bis(oxolana)cyclododécaphan-1⁵-il]propyl}carbamoil}oxy)méthyl}phényl}carbamoil]-1,8,11-trioxo-9-(propan-2-yl)-14,17-dioxa-2,7,10-triazanonadécan-19-il]-2,5-dioxopyrrolidin-3-ilo

C₇₀H₁₀₀N₇O₂₁

2130869-18-8 (maleimide reagent)



etzadroxilum

etzadroxil

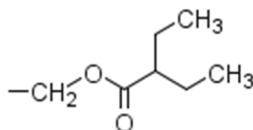
étzadroxil

etzadroxilo

[(2-ethylbutanoyl)oxy)methyl (ester)

[(2-éthylbutanoyl)oxy)méthyle (ester)

[(2-etilbutanoil)oxi]metilo (ester)

-C₇H₁₃O₂

guraxetanum

guraxetan

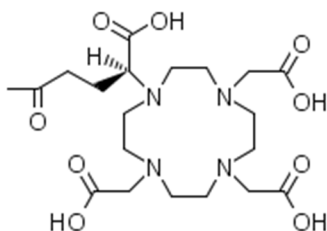
(4*S*)-4-carboxy-4-[4,7,10-tris(carboxyméthyl)-1,4,7,10-tétrazacyclododécan-1-yl]butanoil

guraxétan

(4*S*)-4-carboxy-4-[4,7,10-tris(carboxyméthyl)-1,4,7,10-tétrazacyclododécan-1-yl]butanoyle

guraxetán

(4S)-4-carboxi-4-[4,7,10-tris(carboximetil)-1,4,7,10-tetraazaciclododecan-1-il]butanoilo

 $-C_{19}H_{31}N_4O_9$ 

ANNEX 1

PROCEDURE FOR THE SELECTION OF RECOMMENDED INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES¹

The following procedure shall be followed by the World Health Organization (hereinafter also referred to as "WHO") in the selection of recommended international nonproprietary names for pharmaceutical substances, in accordance with resolution WHA3.11 of the World Health Assembly, and in the substitution of such names.

Article 1 - Proposals for recommended international nonproprietary names and proposals for substitution of such names shall be submitted to WHO on the form provided therefore. The consideration of such proposals shall be subject to the payment of an administrative fee designed only to cover the corresponding costs of the Secretariat of WHO ("the Secretariat"). The amount of this fee shall be determined by the Secretariat and may, from time to time, be adjusted.

Article 2 - Such proposals shall be submitted by the Secretariat to the members of the Expert Advisory Panel on the International Pharmacopoeia and Pharmaceutical Preparations designated for this purpose, such designated members hereinafter referred to as "the INN Expert Group", for consideration in accordance with the "General principles for guidance in devising International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances", annexed to this procedure². The name used by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical substance shall be accepted, unless there are compelling reasons to the contrary.

Article 3 - Subsequent to the examination provided for in article 2, the Secretariat shall give notice that a proposed international nonproprietary name is being considered.

a) Such notice shall be given by publication in *WHO Drug Information*³ and by letter to Member States and to national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States.

i) Notice shall also be sent to the person who submitted the proposal ("the original applicant") and other persons known to be concerned with a name under consideration.

b) Such notice shall:

i) set forth the name under consideration;

ii) identify the person who submitted the proposal for naming the substance, if so requested by such person;

iii) identify the substance for which a name is being considered;

iv) set forth the time within which comments and objections will be received and the person and place to whom they should be directed;

v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

c) In forwarding the notice, the Secretariat shall request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the proposed name during the period it is under consideration by WHO.

Article 4 - Comments on the proposed name may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

¹ See Annex 1 in WHO Technical Report Series, No. 581, 1975. The original text was adopted by the Executive Board in resolution EB15.R7 and amended in resolutions EB43.R9 and EB115.R4.

² See Annex 2.

³ Before 1987, lists of international nonproprietary names were published in the *Chronicle of the World Health Organization*.

Article 5 - A formal objection to a proposed name may be filed by any interested person within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

Such objection shall:

- i) identify the person objecting;
- ii) state his or her interest in the name;
- iii) set forth the reasons for his or her objection to the name proposed.

Article 6 - Where there is a formal objection under article 5, WHO may either reconsider the proposed name or use its good offices to attempt to obtain withdrawal of the objection. Without prejudice to the consideration by WHO of a substitute name or names, a name shall not be selected by WHO as a recommended international nonproprietary name while there exists a formal objection thereto filed under article 5 which has not been withdrawn.

Article 7 - Where no objection has been filed under article 5, or all objections previously filed have been withdrawn, the Secretariat shall give notice in accordance with subsection (a) of article 3 that the name has been selected by WHO as a recommended international nonproprietary name.

Article 8 - In forwarding a recommended international nonproprietary name to Member States under article 7, the Secretariat shall:

- a) request that it be recognized as the nonproprietary name for the substance; and
- b) request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the name and to prohibit registration of the name as a trademark or trade name.

Article 9

a) In the extraordinary circumstance that a previously recommended international nonproprietary name gives rise to errors in medication, prescription or distribution, or a demonstrable risk thereof, because of similarity with another name in pharmaceutical and/or prescription practices, and it appears that such errors or potential errors cannot readily be resolved through other interventions than a possible substitution of a previously recommended international nonproprietary name, or in the event that a previously recommended international nonproprietary name differs substantially from the nonproprietary name approved in a significant number of Member States, or in other such extraordinary circumstances that justify a substitution of a recommended international nonproprietary name, proposals to that effect may be filed by any interested person. Such proposals shall be submitted on the form provided therefore and shall:

- i) identify the person making the proposal;
- ii) state his or her interest in the proposed substitution; and
- iii) set forth the reasons for the proposal; and
- iv) describe, and provide documentary evidence regarding the other interventions undertaken in an effort to resolve the situation, and the reasons why these other interventions were inadequate.

Such proposals may include a proposal for a new substitute international nonproprietary name, devised in accordance with the General principles, which takes into account the pharmaceutical substance for which the new substitute international nonproprietary name is being proposed.

The Secretariat shall forward a copy of the proposal, for consideration in accordance with the procedure described in subsection (b) below, to the INN Expert Group and the original applicant or its successor (if different from the person bringing the proposal for substitution and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations).

In addition, the Secretariat shall request comments on the proposal from:

i) Member States and national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States (by including a notice to that effect in the letter referred to in article 3(a), and

ii) any other persons known to be concerned by the proposed substitution.

The request for comments shall:

i) state the recommended international nonproprietary name that is being proposed for substitution (and the proposed substitute name, if provided);

ii) identify the person who submitted the proposal for substitution (if so requested by such person);

iii) identify the substance to which the proposed substitution relates and reasons put forward for substitution;

iv) set forth the time within which comments will be received and the person and place to whom they should be directed; and

v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

Comments on the proposed substitution may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of the request for comments.

b) After the time period for comments referred to above has elapsed, the Secretariat shall forward any comments received to the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution. If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received, the INN Expert Group, the person bringing the proposal for substitution and the original applicant or its successor all agree that there is a need to substitute the previously recommended international nonproprietary name, the Secretariat shall submit the proposal for substitution to the INN Expert Group for further processing. Notwithstanding the foregoing, the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed for substitution.

In the event that a proposal for substitution shall be submitted to the INN Expert Group for further processing, the INN Expert Group will select a new international nonproprietary name in accordance with the General principles referred to in article 2 and the procedure set forth in articles 3 to 8 inclusive. The notices to be given by the Secretariat under article 3 and article 7, respectively, including to the original applicant or its successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), shall in such event indicate that the new name is a substitute for a previously recommended international nonproprietary name and that Member States may wish to make transitional arrangements in order to accommodate existing products that use the previously recommended international nonproprietary name on their label in accordance with national legislation.

If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received in accordance with the procedure described above, the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution do not agree that there are compelling reasons for substitution of a previously recommended international nonproprietary name, this name shall be retained (provided always that the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event that the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed to be substituted). In such an event, the Secretariat shall advise the person having proposed the substitution, as well as the original applicant or its

successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), Member States, national and regional pharmacopoeia commissions, other bodies designated by Member States, and any other persons known to be concerned by the proposed substitution that, despite a proposal for substitution, it has been decided to retain the previously recommended international nonproprietary name (with a description of the reason(s) why the proposal for substitution was not considered sufficiently compelling).

ANNEX 2

GENERAL PRINCIPLES FOR GUIDANCE IN DEVISING INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES¹

1. International Nonproprietary Names (INN) should be distinctive in sound and spelling. They should not be inconveniently long and should not be liable to confusion with names in common use.

2. The INN for a substance belonging to a group of pharmacologically related substances should, where appropriate, show this relationship. Names that are likely to convey to a patient an anatomical, physiological, pathological or therapeutic suggestion should be avoided.

These primary principles are to be implemented by using the following secondary principles:

3. In devising the INN of the first substance in a new pharmacological group, consideration should be given to the possibility of devising suitable INN for related substances, belonging to the new group.

4. In devising INN for acids, one-word names are preferred; their salts should be named without modifying the acid name, e.g. "oxacillin" and "oxacillin sodium", "ibufenac" and "ibufenac sodium".

5. INN for substances which are used as salts should in general apply to the active base or the active acid. Names for different salts or esters of the same active substance should differ only in respect of the name of the inactive acid or the inactive base.

For quaternary ammonium substances, the cation and anion should be named appropriately as separate components of a quaternary substance and not in the amine-salt style.

6. The use of an isolated letter or number should be avoided; hyphenated construction is also undesirable.

7. To facilitate the translation and pronunciation of INN, "f" should be used instead of "ph", "t" instead of "th", "e" instead of "ae" or "oe", and "i" instead of "y"; the use of the letters "h" and "k" should be avoided.

8. Provided that the names suggested are in accordance with these principles, names proposed by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical preparation, or names already officially in use in any country, should receive preferential consideration.

9. Group relationship in INN (see General principle 2) should if possible be shown by using a common stem. The following list contains examples of stems for groups of substances, particularly for new groups. There are many other stems in active use.² Where a stem is shown without any hyphens it may be used anywhere in the name.

¹ In its Twentieth report (WHO Technical Report Series, No. 581, 1975), the WHO Expert committee on Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances reviewed the general principles for devising, and the procedures for selecting, INN in the light of developments in pharmaceutical compounds in recent years. The most significant change has been the extension to the naming of synthetic chemical substances of the practice previously used for substances originating in or derived from natural products. This practice involves the use of a characteristic "stem" indicative of a common property of the members of a group. The reason for, and the implications of, the change are fully discussed.

The guiding principles were updated during the 13th consultation on nonproprietary names for pharmaceutical substances (Geneva, 27-29 April 1983) (PHARM S/NOM 928 13 May 1983, revised 18 August 1983).

² A more extensive listing of stems is contained in the working document WHO/EMP/RHT/TSN/2018.1 which is regularly updated and can be requested from the INN Programme, WHO, Geneva.

Latin	English	
-acum	-ac	anti-inflammatory agents, ibufenac derivatives
-adolum	-adol }	analgesics
-adol-	-adol-}	
-astum	-ast	antiasthmatic, antiallergic substances not acting primarily as antihistaminics
-astinum	-astine	antihistaminics
-azepamum	-azepam	diazepam derivatives
bol	bol	steroids, anabolic
-cain-	-cain-	class I antiarrhythmics, procainamide and lidocaine derivatives
-cainum	-caine	local anaesthetics
cef-	cef-	antibiotics, cephalosporanic acid derivatives
-cillinum	-cillin	antibiotics, 6-aminopenicillanic acid derivatives
-conazolum	-conazole	systemic antifungal agents, miconazole derivatives
cort	cort	corticosteroids, except prednisolone derivatives
-coxibum	-coxib	selective cyclo-oxygenase inhibitors
-entanum	-entan	endothelin receptor antagonists
gab	gab	gabamimetic agents
gado-	gado-	diagnostic agents, gadolinium derivatives
-gatrnum	-gattran	thrombin inhibitors, antithrombotic agents
gest	gest	steroids, progestogens
gli	gli	antihyperglycaemics
io-	io-	iodine-containing contrast media
-metacinum	-metacin	anti-inflammatory, indometacin derivatives
-mycinum	-mycin	antibiotics, produced by <i>Streptomyces</i> strains
-nidazolum	-nidazole	antiprotozoal substances, metronidazole derivatives
-ololum	-olol	β-adrenoreceptor antagonists
-oxacinum	-oxacin	antibacterial agents, nalidixic acid derivatives
-platinum	-platin	antineoplastic agents, platinum derivatives
-poetinum	-poetin	erythropoietin type blood factors
-pril(at)um	-pril(at)	angiotensin-converting enzyme inhibitors
-profenum	-profen	anti-inflammatory substances, ibuprofen derivatives
prost	prost	prostaglandins
-relinum	-relin	pituitary hormone release-stimulating peptides
-sartanum	-sartan	angiotensin II receptor antagonists, antihypertensive (non-peptidic)
-vaptanum	-vaptan	vasopressin receptor antagonists
vin-	vin- }	vinca-type alkaloids
-vin-	-vin-}	

ANNEXE 1

PROCEDURE A SUIVRE EN VUE DU CHOIX DE DENOMINATIONS COMMUNES INTERNATIONALES RECOMMANDEES POUR LES SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES¹

L'Organisation mondiale de la Santé (également désignée ci-après sous l'appellation « OMS ») observe la procédure exposée ci-dessous pour l'attribution de dénominations communes internationales recommandées pour les substances pharmaceutiques, conformément à la résolution WHA3.11 de l'Assemblée mondiale de la Santé, et pour le remplacement de telles dénominations.

Article 1 - Les propositions de dénominations communes internationales recommandées et les propositions de remplacement de telles dénominations sont soumises à l'OMS sur la formule prévue à cet effet. L'examen de telles propositions est soumis au paiement d'une taxe administrative destinée uniquement à couvrir les coûts correspondants assumés par le Secrétariat de l'OMS (« le Secrétariat »). Le montant de cette taxe est déterminé par le Secrétariat et peut être modifié de temps à autre.

¹ Voir annexe 1 dans OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975. Le texte original a été adopté par le Conseil exécutif dans sa résolution EB15.R7 et amendé dans ses résolutions EB43.R9 et EB115.R4.

Article 2 - Ces propositions sont soumises par le Secrétariat aux experts désignés à cette fin parmi les personnalités inscrites au Tableau d'experts de la Pharmacopée internationale et des Préparations pharmaceutiques, ci-après désignés sous l'appellation « le Groupe d'experts des DCI » ; elles sont examinées par les experts conformément aux « Directives générales pour la formation de dénominations communes internationales pour les substances pharmaceutiques » reproduites ci-après¹. La dénomination acceptée est la dénomination employée par la personne qui découvre ou qui, la première, fabrique et lance sur le marché une substance pharmaceutique, à moins que des raisons majeures n'obligent à s'écarter de cette règle.

Article 3 - Après l'examen prévu à l'article 2, le Secrétariat notifie qu'un projet de dénomination commune internationale est à l'étude.

a) Cette notification est faite par une insertion dans *WHO Drug Information*² et par l'envoi d'une lettre aux Etats Membres et aux commissions nationales et régionales de pharmacopée ou autres organismes désignés par les Etats Membres.

i) Notification est également faite à la personne qui a soumis la proposition (« le demandeur initial ») et à d'autres personnes portant à la dénomination mise à l'étude un intérêt notoire.

b) Cette notification contient les indications suivantes :

i) dénomination mise à l'étude;

ii) nom de l'auteur de la proposition tendant à attribuer une dénomination à la substance, si cette personne le demande ;

iii) définition de la substance dont la dénomination est mise à l'étude ;

iv) délai pendant lequel seront reçues les observations et les objections à l'égard de cette dénomination ; nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces observations et objections ;

v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

c) En envoyant cette notification, le Secrétariat demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur la dénomination proposée pendant la période au cours de laquelle cette dénomination est mise à l'étude par l'OMS.

Article 4 - Des observations sur la dénomination proposée peuvent être adressées à l'OMS par toute personne, dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

Article 5 - Toute personne intéressée peut formuler une objection formelle contre la dénomination proposée dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

Cette objection doit s'accompagner des indications suivantes :

i) nom de l'auteur de l'objection ;

ii) intérêt qu'il ou elle porte à la dénomination en cause ;

iii) raisons motivant l'objection contre la dénomination proposée.

Article 6 - Lorsqu'une objection formelle est formulée en vertu de l'article 5, l'OMS peut soit soumettre la dénomination proposée à un nouvel examen, soit intervenir pour tenter d'obtenir le retrait de l'objection. Sans préjudice de l'examen par l'OMS d'une ou de plusieurs appellations de

¹ Voir annexe 2.

² Avant 1987, les listes de dénominations communes internationales étaient publiées dans la *Chronique de l'Organisation mondiale de la Santé*.

remplacement, l'OMS n'adopte pas d'appellation comme dénomination commune internationale recommandée tant qu'une objection formelle présentée conformément à l'article 5 n'est pas levée.

Article 7 - Lorsqu'il n'est formulé aucune objection en vertu de l'article 5, ou que toutes les objections présentées ont été levées, le Secrétariat fait une notification conformément aux dispositions du paragraphe a) de l'article 3, en indiquant que la dénomination a été choisie par l'OMS en tant que dénomination commune internationale recommandée.

Article 8 - En communiquant aux Etats Membres, conformément à l'article 7, une dénomination commune internationale recommandée, le Secrétariat :

- a) demande que cette dénomination soit reconnue comme dénomination commune de la substance considérée ; et
- b) demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur cette dénomination et interdire le dépôt de cette dénomination comme marque ou appellation commerciale.

Article 9 -

a) Dans le cas exceptionnel où une dénomination commune internationale déjà recommandée donne lieu à des erreurs de médication, de prescription ou de distribution ou en comporte un risque démontrable, en raison d'une similitude avec une autre appellation dans la pratique pharmaceutique et/ou de prescription, et où il apparaît que ces erreurs ou ces risques d'erreur ne peuvent être facilement évités par d'autres interventions que le remplacement éventuel d'une dénomination commune internationale déjà recommandée, ou dans le cas où une dénomination commune internationale déjà recommandée diffère sensiblement de la dénomination commune approuvée dans un nombre important d'Etats Membres, ou dans d'autres circonstances exceptionnelles qui justifient le remplacement d'une dénomination commune internationale recommandée, toute personne intéressée peut formuler une proposition dans ce sens. Cette proposition est présentée sur la formule prévue à cet effet et doit s'accompagner des indications suivantes :

- i) nom de l'auteur de la proposition ;
- ii) intérêt qu'il ou elle porte au remplacement proposé ;
- iii) raisons motivant la proposition ; et
- iv) description, faits à l'appui, des autres interventions entreprises pour tenter de régler le problème et exposé des raisons pour lesquelles ces interventions ont échoué.

Les propositions peuvent comprendre une proposition de nouvelle dénomination commune internationale de remplacement, établie conformément aux Directives générales, compte tenu de la substance pharmaceutique pour laquelle la nouvelle dénomination commune internationale de remplacement est proposée.

Le Secrétariat transmet une copie de la proposition pour examen, conformément à la procédure exposée plus loin au paragraphe b), au Groupe d'experts des DCI et au demandeur initial ou à son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles).

De plus, le Secrétariat demande aux entités et personnes ci-après de formuler des observations sur la proposition :

- i) les Etats Membres et les commissions nationales et régionales de pharmacopée ou d'autres organismes désignés par les Etats Membres (en insérant une note à cet effet dans la lettre mentionnée à l'article 3.a), et
- ii) toutes autres personnes portant au remplacement proposé un intérêt notoire.

La demande d'observations contient les indications suivantes :

- i) dénomination commune internationale recommandée pour laquelle un remplacement est proposé (et la dénomination de remplacement proposée, si elle est fournie) ;
- ii) nom de l'auteur de la proposition de remplacement (si cette personne le demande) ;
- iii) définition de la substance faisant l'objet du remplacement proposé et raisons avancées pour le remplacement ;
- iv) délai pendant lequel seront reçus les commentaires et nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces commentaires ; et
- v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

Des observations sur la proposition de remplacement peuvent être communiquées par toute personne à l'OMS dans les quatre mois qui suivent la date de la demande d'observations.

b) Une fois échu le délai prévu ci-dessus pour la communication d'observations, le Secrétariat transmet les observations reçues au Groupe d'experts des DCI, au demandeur initial ou à son successeur et à l'auteur de la proposition de remplacement. Si, après avoir examiné la proposition de remplacement et les observations reçues, le Groupe d'experts des DCI, l'auteur de la proposition de remplacement et le demandeur initial ou son successeur reconnaissent tous qu'il est nécessaire de remplacer la dénomination commune internationale déjà recommandée, le Secrétariat soumet la proposition de remplacement au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite.

Nonobstant ce qui précède, le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer.

Dans le cas où une proposition de remplacement est soumise au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite, le Groupe choisit une nouvelle dénomination commune internationale conformément aux Directives générales mentionnées à l'article 2 et selon la procédure décrite dans les articles 3 à 8 inclus. La notification faite par le Secrétariat en vertu de l'article 3 et de l'article 7, respectivement, y compris au demandeur initial ou à son successeur (si ce n'est pas la même personne que celle qui a proposé le remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), doit dans un tel cas indiquer que la nouvelle dénomination remplace une dénomination commune internationale déjà recommandée et que les Etats Membres peuvent souhaiter prendre des mesures transitoires pour les produits existants qui utilisent la dénomination commune internationale déjà recommandée sur leur étiquette conformément à la législation nationale.

Si, après examen de la proposition de remplacement et des observations communiquées conformément à la procédure exposée plus haut, le Groupe d'experts des DCI, le demandeur initial ou son successeur et l'auteur de la proposition de remplacement ne s'accordent pas sur le fait qu'il y a des raisons impératives de remplacer une dénomination commune internationale déjà recommandée, cette dernière est conservée (étant entendu toujours que le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer). Dans un tel cas, le Secrétariat informe l'auteur de la proposition de remplacement, ainsi que le demandeur initial ou son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), les Etats Membres, les commissions nationales et régionales de pharmacopée, les autres organismes désignés par les Etats Membres et toutes autres personnes portant un intérêt notoire au remplacement proposé que, malgré une proposition de remplacement, il a été décidé de conserver la dénomination commune internationale déjà recommandée (avec une brève description de la ou des raisons pour lesquelles la proposition de remplacement n'a pas été jugée suffisamment impérative).

ANNEXE 2

**DIRECTIVES GENERALES POUR LA FORMATION DE
DENOMINATIONS COMMUNES INTERNATIONALES APPLICABLES
AUX SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES¹**

1. Les dénominations communes internationales (DCI) devront se distinguer les unes des autres par leur consonance et leur orthographe. Elles ne devront pas être d'une longueur excessive, ni prêter à confusion avec des appellations déjà couramment employées.
 2. La DCI de chaque substance devra, si possible, indiquer sa parenté pharmacologique. Les dénominations susceptibles d'évoquer pour les malades des considérations anatomiques, physiologiques, pathologiques ou thérapeutiques devront être évitées dans la mesure du possible.
- Outre ces deux principes fondamentaux, on respectera les principes secondaires suivants :*
3. Lorsqu'on formera la DCI de la première substance d'un nouveau groupe pharmacologique, on tiendra compte de la possibilité de former ultérieurement d'autres DCI appropriées pour les substances apparentées du même groupe.
 4. Pour former des DCI des acides, on utilisera de préférence un seul mot. Leurs sels devront être désignés par un terme qui ne modifie pas le nom de l'acide d'origine : par exemple « oxacilline » et « oxacilline sodique », « ibufénac » et « ibufénac sodique ».
 5. Les DCI pour les substances utilisées sous forme de sels devront en général s'appliquer à la base active (ou à l'acide actif). Les dénominations pour différents sels ou esters d'une même substance active ne différeront que par le nom de l'acide inactif (ou de la base inactive). En ce qui concerne les substances à base d'ammonium quaternaire, la dénomination s'appliquera de façon appropriée au cation et à l'anion en tant qu'éléments distincts d'une substance quaternaire. On évitera de choisir une désignation évoquant un sel aminé.
 6. On évitera d'ajouter une lettre ou un chiffre isolé ; en outre, on renoncera de préférence au trait d'union.
 7. Pour simplifier la traduction et la prononciation des DCI, la lettre « f » sera utilisée à la place de « ph », « t » à la place de « th », « e » à la place de « ae » ou « oe », et « i » à la place de « y » ; l'usage des lettres « h » et « k » sera aussi évité.
 8. On retiendra de préférence, pour autant qu'elles respectent les principes énoncés ici, les dénominations proposées par les personnes qui ont découvert ou qui, les premières, ont fabriqué et lancé sur le marché les préparations pharmaceutiques considérées, ou les dénominations déjà officiellement adoptées par un pays.
 9. La parenté entre substances d'un même groupe (voir Directive générale 2) sera si possible indiquée dans les DCI par l'emploi de segments-clés communs. La liste ci-après contient des exemples de segments-clés pour des groupes de substances, surtout pour des groupes récents. Il y a beaucoup d'autres segments-clés en utilisation active.² Les segments-clés indiqués sans trait d'union pourront être insérés n'importe où dans une dénomination.

¹ Dans son vingtième rapport (OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975), le Comité OMS d'experts des Dénominations communes pour les Substances pharmaceutiques a examiné les directives générales pour la formation des dénominations communes internationales et la procédure à suivre en vue de leur choix, compte tenu de l'évolution du secteur pharmaceutique au cours des dernières années. La modification la plus importante a été l'extension aux substances de synthèse de la pratique normalement suivie pour désigner les substances tirées ou dérivées de produits naturels. Cette pratique consiste à employer des syllabes communes ou groupes de syllabes communes (segments-clés) qui sont caractéristiques et indiquent une propriété commune aux membres du groupe des substances pour lequel ces segments-clés ont été retenus. Les raisons et les conséquences de cette modification ont fait l'objet de discussions approfondies.

Les directives ont été mises à jour lors de la treizième consultation sur les dénominations communes pour les substances pharmaceutiques (Genève, 27-29 avril 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 mai 1983, révision en date du 18 août 1983).

² Une liste plus complète de segments-clés est contenue dans le document de travail WHO/EMP/RHT/TSN/2018.1 qui est régulièrement mis à jour et qui peut être demandé auprès du programme des DCI, OMS, Genève

Latin	Français	
-acum	-ac	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibufénac analgésiques
-adolum	-adol	
-adol-	-adol-	
-astum	-ast	antiasthmatiques, antiallergiques n'agissant pas principalement en tant qu'antihistaminiques
-astinum	-astine	antihistaminiques
-azepamum	-azépam	substances du groupe du diazépam
bol	bol	stéroïdes anabolisants
-cain-	-caïn-	antiarythmiques de classe I, dérivés du procaïnamide et de la lidocaïne
-cainum	-caïne	anesthésiques locaux
cef-	céf-	antibiotiques, dérivés de l'acide céphalosporanique
-cillinum	-cilline	antibiotiques, dérivés de l'acide 6-aminopénicillanique
-conazolum	-conazole	agents antifongiques systémiques du groupe du miconazole
cort	cort	corticostéroïdes, autres que les dérivés de la prednisolone
-coxibum	-coxib	inhibiteurs sélectifs de la cyclo-oxygénase
-entanum	-entan	antagonistes du récepteur de l'endothéline
gab	gab	gabamimétiques
-gado-	-gado-	agents diagnostiques, dérivés du gadolinium
-gatranum	-gatran	antithrombines, antithrombotiques
gest	gest	stéroïdes progestogènes
gli	gli	antihyperglycémiants
io-	io-	produits de contraste iodés
-metacinum	-métacine	substances anti-inflammatoires du groupe de l'indométacine
-mycinum	-mycine	antibiotiques produits par des souches de <i>Streptomyces</i>
-nidazolum	-nidazole	substances antiprotozoaires du groupe du métronidazole
-ololum	-olol	antagonistes des récepteurs β -adrénergiques
-oxacinum	-oxacine	substances antibactériennes du groupe de l'acide nalidixique
-platinum	-platine	antinéoplasiques, dérivés du platine
-poetinum	-poétine	facteurs sanguins de type érythropoïétine
-pril(at)um	-pril(ate)	inhibiteurs de l'enzyme de conversion de l'angiotensine
-profenum	-profène	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibuprofène
prost	prost	prostaglandines
-relinum	-réline	peptides stimulant la libération d'hormones hypophysaires
-sartanum	-sartan	antagonistes d'un récepteur de l'angiotensine II, antihypertenseurs (non peptidiques)
-vaptanum	-vaptan	antagonistes du récepteur de la vasopressine
vin-	vin-	alcaloïdes du type vinca
-vin-	-vin-	

ANEXO 1

**PROCEDIMIENTO DE SELECCIÓN DE DENOMINACIONES
COMUNES INTERNACIONALES RECOMENDADAS PARA
SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS¹**

La Organización Mundial de la Salud (OMS) seguirá el procedimiento que se expone a continuación tanto para seleccionar denominaciones comunes internacionales recomendadas para las sustancias farmacéuticas, de conformidad con lo dispuesto en la resolución WHA3.11, como para sustituir esas denominaciones.

Artículo 1 - Las propuestas de denominaciones comunes internacionales recomendadas y las propuestas de sustitución de esas denominaciones se presentarán a la OMS en los formularios que se proporcionen a estos efectos. El estudio de estas propuestas estará sujeto al pago de una tasa destinada a sufragar los costos de administración que ello suponga para la Secretaría de la OMS («la Secretaría»). La Secretaría establecerá la cuantía de esa tasa y podrá ajustarla periódicamente.

Artículo 2 - Estas propuestas serán sometidas por la Secretaría a los miembros del Cuadro de Expertos en Farmacopea Internacional y Preparaciones Farmacéuticas encargados de su estudio, en adelante designados como «el Grupo de Expertos en DCI», para que las examinen de conformidad con los «Principios generales de orientación para formar denominaciones comunes internacionales para sustancias farmacéuticas», anexos a este procedimiento.² A menos que haya poderosas razones en contra, la denominación aceptada será la empleada por la persona que haya descubierto o fabricado y comercializado por primera vez esa sustancia farmacéutica.

Artículo 3 - Tras el examen al que se refiere el artículo 2, la Secretaría notificará que está en estudio un proyecto de denominación internacional.

a) Esa notificación se hará mediante una publicación en *Información Farmacéutica OMS*³ y el envío de una carta a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros.

i) La notificación será enviada también a la persona que haya presentado la propuesta («el solicitante inicial») y a otras personas que tengan un interés especial en una denominación objeto de estudio.

b) En esa notificación se incluirán los siguientes datos:

i) la denominación sometida a estudio;

ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de denominación de la sustancia, si lo pide esa persona;

iii) la identidad de la sustancia cuya denominación está en estudio;

iv) el plazo fijado para recibir observaciones y objeciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y

v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

¹ Véase el anexo 1 en OMS, Serie de Informes Técnicos, N° 581, 1975. El texto vigente fue adoptado por el Consejo Ejecutivo en su resolución EB15.R7 y modificado en las resoluciones EB43.R9 y EB115.R4..

² Véase el anexo 2.

³ Hasta 1987 las listas de DCI se publicaban en la *Crónica de la Organización Mundial de la Salud*.

c) Al enviar esa notificación, la Secretaría solicitará de los Estados Miembros la adopción de todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación propuesta, durante el periodo en que la OMS la tenga en estudio.

Artículo 4 - Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.

Artículo 5 - Toda persona interesada puede presentar una objeción formal a una denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.

Esa objeción deberá acompañarse de los siguientes datos:

- i) la identidad de la persona que formula la objeción;
- ii) las causas que motivan su interés por la denominación; y
- iii) las causas que motivan su objeción a la denominación propuesta.

Artículo 6 - Cuando se haya presentado una objeción formal en la forma prevista en el artículo 5, la OMS podrá reconsiderar el nombre propuesto o utilizar sus buenos oficios para intentar lograr que se retire la objeción. La OMS no seleccionará como denominación común internacional una denominación a la que se haya hecho una objeción formal, presentada según lo previsto en el artículo 5, que no haya sido retirada, todo ello sin perjuicio de que la Organización examine otra denominación o denominaciones sustitutivas.

Artículo 7 - Cuando no se haya formulado ninguna objeción en la forma prevista en el artículo 5, o cuando todas las objeciones presentadas hayan sido retiradas, la Secretaría notificará, conforme a lo dispuesto en el párrafo a) del artículo 3, que la denominación ha sido seleccionada por la OMS como denominación común internacional recomendada.

Artículo 8 - Al comunicar a los Estados Miembros una denominación común internacional, conforme a lo previsto en el artículo 7, la Secretaría:

a) solicitará que esta denominación sea reconocida como denominación común para la sustancia de que se trate; y

b) solicitará a los Estados Miembros que adopten todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación, y prohíban que sea registrada como marca de fábrica o como nombre comercial.

Artículo 9

a) En el caso excepcional de que, debido a su semejanza con otra denominación utilizada en las prácticas farmacéuticas y/o de prescripción, una denominación común internacional recomendada anteriormente ocasione errores de medicación, prescripción o distribución, o suponga un riesgo manifiesto de que esto ocurra, y parezca que tales errores o potenciales errores no sean fácilmente subsanables con otras medidas que no sean la posible sustitución de esa denominación común internacional recomendada anteriormente; en el caso de que una denominación común internacional recomendada anteriormente difiera considerablemente de la denominación común aprobada en un número importante de Estados Miembros, o en otras circunstancias excepcionales que justifiquen el cambio de una denominación común internacional recomendada, cualquier persona interesada puede presentar propuestas en este sentido. Esas propuestas se presentarán en los formularios que se proporcionen a estos efectos e incluirán los siguientes datos:

- i) la identidad de la persona que presenta la propuesta;
- ii) las causas que motivan su interés en la sustitución propuesta;
- iii) las causas que motivan la propuesta; y

iv) una descripción, acompañada de pruebas documentales, de las otras medidas que se hayan adoptado con el fin de resolver la situación y de los motivos por los cuales dichas medidas no han sido suficientes.

Entre esas propuestas podrá figurar una relativa a una nueva denominación común internacional sustitutiva, formulada con arreglo a los Principios generales y que tenga en cuenta la sustancia farmacéutica para la que se proponga la nueva denominación común internacional sustitutiva.

La Secretaría enviará al Grupo de Expertos en DCI y al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que sea una persona diferente de la que ha presentado la propuesta de sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales) una copia de la propuesta, para que sea examinada de conformidad con el procedimiento descrito en el párrafo *b) infra*.

Además, la Secretaría solicitará observaciones sobre la propuesta:

i) a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros (ello se hará incluyendo una notificación a tal efecto en la carta a la que se refiere el párrafo *a)* del artículo 3), y

ii) a cualquier persona que tenga un interés especial en la sustitución propuesta.

Al solicitar que se formulen estas observaciones se facilitarán los siguientes datos:

i) la denominación común internacional recomendada que se propone sustituir (y la denominación sustitutiva propuesta, si se ha facilitado);

ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de sustitución (si lo pide esa persona);

iii) la identidad de la sustancia a la que se refiere la sustitución propuesta y las razones para presentar la propuesta de sustitución;

iv) el plazo fijado para recibir observaciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y

v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la sustitución propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a la fecha en que se realizó la solicitud de observaciones.

b) Una vez agotado el mencionado plazo para la formulación de observaciones, la Secretaría enviará todos los comentarios recibidos al Grupo de Expertos en DCI, al solicitante inicial o a su sucesor, y a la persona que haya presentado la propuesta de sustitución. Si después de examinar la propuesta de sustitución y las observaciones recibidas, el Grupo de Expertos en DCI, la persona que haya presentado la propuesta de sustitución y el solicitante inicial, o su sucesor, están de acuerdo en la necesidad de sustituir la denominación común internacional recomendada anteriormente, la Secretaría remitirá la propuesta de sustitución al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite.

No obstante lo anterior, el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone.

En caso de que la propuesta de sustitución sea presentada al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite, este grupo seleccionará una nueva denominación común internacional de conformidad con los Principios generales a los que se refiere el artículo 2 y al procedimiento establecido en los artículos 3 a 8 inclusive. En ese caso, en las notificaciones que la Secretaría ha de enviar con arreglo a los artículos 3 y 7, respectivamente, incluida la notificación al solicitante

inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), se indicará que la nueva denominación sustituye a una denominación común internacional recomendada anteriormente y que los Estados Miembros podrán, si lo estiman oportuno, adoptar disposiciones transitorias aplicables a los productos existentes en cuya etiqueta se utilice, con arreglo a la legislación nacional, la denominación común internacional recomendada anteriormente que se haya sustituido.

En caso de que, después de haber estudiado la propuesta de sustitución y los comentarios recibidos de conformidad con el procedimiento descrito anteriormente, el Grupo de Expertos en DCI, el solicitante inicial o su sucesor y la persona que haya presentado la propuesta de sustitución no lleguen a un acuerdo sobre la existencia de razones poderosas para sustituir una denominación común internacional recomendada anteriormente, esta denominación se mantendrá (siempre en el entendimiento de que el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone). En ese caso, la Secretaría comunicará a la persona que haya propuesto la sustitución, así como al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), a los Estados Miembros, a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas o a otros organismos designados por los Estados Miembros y a cualquier otra persona que tenga interés en la sustitución propuesta, que, pese a la presentación de una propuesta de sustitución, se ha decidido mantener la denominación común internacional recomendada anteriormente (con una descripción de la o las razones por las que se ha considerado que la propuesta de sustitución no estaba respaldada por razones suficientemente poderosas).

ANEXO 2

PRINCIPIOS GENERALES DE ORIENTACIÓN PARA FORMAR DENOMINACIONES COMUNES INTERNACIONALES PARA SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS¹

1. Las denominaciones comunes internacionales (DCI) deberán diferenciarse tanto fonética como ortográficamente. No deberán ser incómodamente largas, ni dar lugar a confusión con denominaciones de uso común.

2. La DCI de una sustancia que pertenezca a un grupo de sustancias farmacológicamente emparentadas deberá mostrar apropiadamente este parentesco. Deberán evitarse las denominaciones que puedan tener connotaciones anatómicas, fisiológicas, patológicas o terapéuticas para el paciente.

Estos principios primarios se pondrán en práctica utilizando los siguientes principios secundarios:

3. Al idear la DCI de la primera sustancia de un nuevo grupo farmacológico, deberá tenerse en cuenta la posibilidad de poder formar DCI convenientes para las sustancias emparentadas que se agreguen al nuevo grupo.

4. Al idear DCI para ácidos, se preferirán las de una sola palabra; sus sales deberán denominarse sin modificar el nombre del ácido: p. ej. «oxacilina» y «oxacilina sódica», «ibufenaco» y «ibufenaco sódico».

¹ En su 20º informe (OMS, Serie de Informes Técnicos, N° 581, 1975), el Comité de Expertos de la OMS en Denominaciones Comunes para las Sustancias Farmacéuticas revisó los Principios generales para formar denominaciones comunes internacionales (DCI), y su procedimiento de selección, a la luz de las novedades registradas en los últimos años en materia de compuestos farmacéuticos. El cambio más importante había consistido en hacer extensivo a la denominación de sustancias químicas sintéticas el método utilizado hasta entonces para las sustancias originadas en productos naturales o derivadas de éstos. Dicho método conlleva la utilización de una «partícula» característica que indica una propiedad común a los miembros de un grupo. En el citado informe se examinan en detalle las razones y consecuencias de este cambio.

Los Principios generales de orientación se actualizaron durante la 13ª consulta sobre denominaciones comunes para sustancias farmacéuticas (Ginebra, 27 a 29 de abril de 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 de mayo de 1983, revisado el 18 de agosto de 1983).

5. Las DCI para las sustancias que se usan en forma de sal deberán en general aplicarse a la base activa o al ácido activo. Las denominaciones para diferentes sales o ésteres de la misma sustancia activa solamente deberán diferir en el nombre del ácido o de la base inactivos. En los compuestos de amonio cuaternario, el catión y el anión deberán denominarse adecuadamente por separado, como componentes independientes de una sustancia cuaternaria y no como sales de una amina.

6. Deberá evitarse el empleo de letras o números aislados; también es indeseable el empleo de guiones.

7. Para facilitar la traducción y la pronunciación, se emplearán de preferencia las letras «f» en lugar de «ph», «t» en lugar de «th», «e» en lugar de «ae» u «oe», e «i» en lugar de «y»; se deberá evitar el empleo de las letras «h» y «k».

8. Siempre que las denominaciones propuestas estén de acuerdo con estos principios, recibirán una consideración preferente las denominaciones propuestas por la persona que haya descubierto las sustancias, o que fabrique y comercialice por primera vez una sustancia farmacéutica, así como las denominaciones ya adoptadas oficialmente en cualquier país.

9. El parentesco entre sustancias del mismo grupo se pondrá de manifiesto en las DCI (véase el Principio 2) utilizando una partícula común. En la lista que figura a continuación se indican ejemplos de partículas para grupos de sustancias, en particular para grupos nuevos. Existen muchas otras partículas que se usan habitualmente.¹ Cuando una partícula aparece sin guión alguno, puede utilizarse en cualquier lugar de la palabra.

Latin	Español	
-acum	-aco	antiinflamatorios derivados del ibufenaco
-adolum	-adol)	analgésicos
-adol-	-adol-)	
-astum	-ast	antiasmáticos, sustancias antialérgicas cuya acción principal no es la antihistamínica
-astinum	-astina	antihistamínicos
-azepamum	-azepam	derivados del diazepam
bol	bol	esteroides anabolizantes
-cain-	-caína-	antiarrítmicos de clase I, derivados de procainamida y lidocaína
-cainum	-caína-	anestésicos locales
cef-	cef-	antibióticos, derivados del ácido cefalosporánico
-cillinum	-cilina	antibióticos derivados del ácido 6-aminopenicilánico
-conazolum	-conazol	antifúngicos sistémicos derivados del miconazol
cort	cort	corticosteroides, excepto derivados de prednisolona
-coxibum	-coxib	inhibidores selectivos de ciclooxigenasa
-entanum	-entán	antagonistas del receptor de endotelina
gab	gab	gabamiméticos
gado-	gado-	agentes para diagnóstico derivados de gadolinio
-gartranum	-gastrán	inhibidores de la trombina antitrombóticos
gest	gest	esteroides progestágenos
gli	gli	hipoglucemiantes, antihiper glucémicos
io-	io-	medios de contraste iodados
-metacinum	-metacina	antiinflamatorios derivados de indometacina
-mycinum	-micina	antibióticos producidos por cepas de <i>Streptomyces</i>
-nidazolum	-nidazol	antiprotozoarios derivados de metronidazol
-ololum	-olol	antagonistas de receptores β -adrenérgicos

¹ En el documento de trabajo WHO/EMP/RHT/TSN/2018.1, que se actualiza periódicamente y puede solicitarse al Programa sobre Denominaciones Comunes Internacionales, OMS, Ginebra, figura una lista más amplia de partículas.

<i>-oxacinum</i>	<i>-oxacino</i>	antibacterianos derivados del ácido nalidíxico
<i>-platinum</i>	<i>-platino</i>	antineoplásicos derivados del platino
<i>-poetinum</i>	<i>-poetina</i>	factores sanguíneos similares a la eritropoyetina
<i>-pril(at)um</i>	<i>-pril(at)</i>	inhibidores de la enzima convertora de la angiotensina
<i>-profenum</i>	<i>-profeno</i>	antiinflamatorios derivados del ibuprofeno
<i>prost</i>	<i>prost</i>	prostaglandinas
<i>-relinum</i>	<i>-relina</i>	péptidos estimulantes de la liberación de hormonas hipofisarias
<i>-sartanum</i>	<i>-sartán</i>	antihipertensivos (no peptídicos) antagonistas del receptor de angiotensina II
<i>-vaptanum</i>	<i>-vaptán</i>	antagonistas del receptor de vasopresina
<i>vin-</i>	<i>vin-</i>)	alcaloides de la vinca
<i>-vin-</i>	<i>-vin-</i>)	